

Correlation between deregulated IAP transcripts and proximal genes

Deregulated genes neighbouring deregulated IAPs					
		% of deregulated genes			
E16 VZ		16			
E16 full cortex		19			
P5		33			
E16 RNAseq		P5 RNAseq			
Gene name	IAP	Gene name	IAP	Gene name	IAP
Ccrn4l	,i.s	2010005H15Rik	,d.as	Mnd1	,i.s
Sectm1a	,i.as	Cypt12	,d.as	Mrgprx2	,i.s
Mnd1	,i.s	Hcst	,d.as	Slc20a2	,i.s
Trpc6	,i.s	Klhl33	,d.as	Trpc6	,i.s
Slc47a1	,u.as	Mypn	,d.as	Zfp69	,i.s
Kcnh1	,u.s	Trim34a	,d.as	Cep112	,i.s,u.s
Hamp2	,u.s	Ulbp1	,d.as	Mitf	,i.s,u.s
1700017N19Rik	,u.s	Cldn11	,d.s	Casq1	,u.as
Ddr2	,u.as	D630041G03Rik	,d.s	Ddr2	,u.as
Cep112	,i.s,u.s	Ecel1	,d.s	Eif2s3y	,u.as
Tfpi	,u.as	Fam160a1	,d.s	Foxd1	,u.as
Slc20a2	,i.s	Olfr498	,d.s	Slc47a1	,u.as
Efcab6	,i.as,u.as	Psmb8	,d.s	Tfpi	,u.as
Pnpt1	,u.s	Scel	,d.s	1700017N19Rik	,u.s
Ulbp1	,d.as	Tap1	,d.s	1700080O16Rik	,u.s
Zfp69	,i.s	Tap2	,d.s	Arhgef18	,u.s
Capn11	,i.as	Apoh	,i.as	BC035044	,u.s
Ecel1	,d.s	Capn11	,i.as	Dhrs3	,u.s
Gramd1c	,u.s	Cped1	,i.as	E330017A01Rik	,u.s
Casq1	,u.as	Enpp1	,i.as	Gramd1c	,u.s
Olfr194	,u.s	F13a1	,i.as	Gsdma3	,u.s
Fam160a1	,d.s	Mageb18	,i.as	H2-Ab1	,u.s
Arhgef18	,u.s	Mei4	,i.as	H2-Q4	,u.s
		Sectm1a	,i.as	Hamp2	,u.s
		Efcab6	,i.as,u.as	Ikzf2	,u.s
		A330049N07Rik	,i.s	Kcnh1	,u.s
		Ccrn4l	,i.s	Olfr1054	,u.s
		Cdh19	,i.s	Olfr193	,u.s
		Itgbl1	,i.s	Olfr194	,u.s
		Mmp1b	,i.s	Olfr43	,u.s
				Pnpt1	,u.s