

	gse33561	gse52512	gse52509	gse17737	GSE55127	gse18344
1100001G20RIK				3.58	2.49	3.77
2210407C18RIK					3.55	
4933430I17RIK				2.34	2.83	
ACOXL				-1.58		-3.07
ACP5				2.7	2	2.19
ACTN2						-2.03
ADAM8		1.66		2.21	2.67	3.5
ADH7		1.94			2.61	2.84
AGR2		-2.6				
AHRR		8.95		2.63	5.48	3.36
AIF1				2.19	1.63	2.03
AKR1B8	1.71	2.17	1.82	1.98	2.94	4.05
ALDH3A1		3.38			4.14	6.3
AOC3				-1.64	-1.69	-2.22
ARG2				1.83	2	2.66
ARNT2					3.01	
ARNTL					-2.29	
ARTN		2.57			1.67	
ASGR1		-1.77	-2.01	-2.51	-2.13	-1.9
ATP6V0D2		1.82		3.45	2.72	3.48
AVPR1A			-1.82		-3.14	
BASP1				2.1	1.91	2.67
BEX2				-2.06		-1.96
BIRC5				2.02	1.99	2.44
BMP8A				1.66	2.54	
BST1			1.47	2.1		1.53
C1QA			1.72	2.46		2.51
C1QB			2.02	2.84	1.95	2.89
C3AR1				3.39	2.97	3.56
CBR3	1.57	2.43	1.5		1.91	1.93
CCL17				2.09	2	
CCL2				2.47		
CCL22				2.4		2.3
CCL3		2.42	4.48	7.47	3.51	7.63
CCL4					2.39	
CCL6	1.85	1.89	3.52	3.24	2.03	3.94
CCL7				2.78		
CCL9			2.66	3.73	3.94	4.46
CCR1				2.04		2.49
CD14				2.27	2.34	3.15
CD177				5.59	3.12	17.25
CD200R1		1.59		2.54	2.7	2.16
CD33			1.68	2.22	1.78	2.34
CD68	2.05	1.89	3.36	3.86	3.45	4.08
CD84	1.48	1.63	2.04	2.37	1.95	2.15
CD86			1.57	2.39	2.01	2.21
CEACAM10					2.01	
CH25H			3.93	4.47	6.58	5.33
CHI3L1	1.97			2.02		3.82

CHI3L3			2	1.81	2.99	2.24
CHL1					2.1	
CIDEC				-2.03		-2.77
CKMT2						-2.04
CLCA3		-19.03				
CLEC4N		1.86	3.03	3.38	2.64	5.05
CLEC5A			2.21	4.05	3.35	4.01
COTL1				1.75	2.11	1.76
COX7A1						-2.12
COX8B						-2.43
CREG2				2.13	2.44	
CSF2				3	1.94	2.47
CSF2RB2			2.04	2.41	2.27	2.69
CST8				-2.64		-2.06
CTSD		1.5	1.85	2.49	2.48	2.25
CTSK	2.36	2.45	4.84	6.3	4.42	4.49
CTSS			1.87	1.72	2.14	1.8
CTSZ			1.78	2.29	1.9	1.99
CXCL1		3.03	3.38	4.94	4.1	6.21
CXCL13				2.47		
CXCL2				4.35		4.94
CXCL5	4.3	4.77	3.61	7.22	5.23	25.08
CXCL9				2.56	2.23	
CYBA			1.62	2.18	1.79	1.91
CYP1A1		6.64				23.1
CYP1B1	3.18	13.07	3.28	3.07	7.95	6.66
DBP	3.51		3.01		2.3	
DDX3Y		16.07				
DNAJB1	-2.13					-1.42
DNAJC5B		-2.21			-1.77	
DUSP13					3.14	
EAR5		1.69	1.53	2.03		
EIF2S3Y		31.12				
EMR1			1.98	2.42	2.15	2.67
ENTPD8		-3.7		-1.58	-1.8	
ESCO2					2.16	
FABP1		-1.7		-2.99		-2.67
FABP5				2.12	1.59	1.75
FCER1G			1.56	1.91	1.94	2.33
FCER2A			1.49	1.71	1.44	2.24
FCGR2B				1.89	2.22	2.54
FCGR3		1.49	2.17	2.91	2.23	2.99
GCLC		1.5	1.44	1.51	1.78	2.06
GCLM		1.55			1.73	2
GDF10				-1.63	-1.49	-2.05
GDF15		2.6	3.48	2.57	2.28	2.29
GDF3					3.47	
GGT1		2.03		1.34	1.77	1.55
GM129				-1.52		-2.1
GP2					4.38	3.15

GPNMB	2.24	2.57	4.34	6.01	6.45	4.63
GPR34				2.12	2.17	3.33
GPX2						2.31
GRPR					2.74	
GYPA		2.21			2.03	
GYS2		-2.07			-1.95	
HAL					3.84	4.12
HAMP						-3.01
HAVCR2			1.82	2.3	2.31	2.59
HBA-A1	-2.76					
HECW2				-1.45	-1.45	-2.02
HMOX1		1.58	1.63	1.76	1.65	2.15
HSPA1A	-4.93					-3.09
HSPB1	-2.5			-1.46	-1.42	-1.6
IFITM1						2.01
IGF1			2.08	2.37	1.59	1.52
IGFBP3					-1.95	-2.32
IGFBP6	-1.41	-1.37	-1.48	-1.89	-1.47	-2.13
IGJ				2.12		2.24
IL12B					2.47	
IL1F9						2.17
IL1R2				2.62	2.81	3.04
IL1RN		1.8	1.79	3.26	2.62	3.6
IL7R				1.81	1.45	2.18
ITGAM				1.65	1.55	2.28
ITGAX		1.51	1.88	2.68	2.06	2.51
ITGB2		1.47	1.83	2.4	2.11	2.27
ITIH4			2.03	3.01		2.99
IYD				-1.75	-2.18	
KLF15				-1.64		-2.75
KLF4	-1.69				-1.61	-2.01
KLK1B11					2.03	
KRT36		2.01			1.85	
LAMA1		2.91		1.67	2.02	2.32
LCN2	3.39		3.18	5.01	4.38	6.22
LGALS3	1.51	1.7	1.97	2.42	2.93	2.52
LHFPL2	1.56	1.59	2.56	2.89	2.96	2.47
LIPF		2.09	2.07	2.69	3.13	2.24
LMOD2						-2.1
LRAT				-1.65		-2.65
LRG1				2.62		3.09
LRP12		1.63	2.32	2.89	2.44	2.56
LY6F					2.89	
LY6I				9.1		9.75
LY75		1.52	1.58	1.93	1.97	2.21
LYZL4					2.06	
MAFB		1.36	1.4	1.68	2.02	1.82
MALT1				1.88	1.52	2.01
MARCO		2.27	2.7	3.62	3.22	3.67
MCOLN3		1.67	2.31	2.23	1.87	1.67

MMP12	3.44	3.16	8.83	18.37	13.45	26.29
MMP13				2.05	2.09	3.33
MMP8				2.18	2.2	3.26
MREG			2.26	3.31	2.15	3.36
MS4A6D			2.25	2.29	2.27	2.66
MS4A7	1.68	1.62	2.39	2.9	3.65	3.09
MSR1				3.23	3.64	3.1
MYH6						-2.5
MYL1						-2.49
MYL7						-2.31
MYO5A	1.46	1.61	1.7	2.76	2.25	2.33
MYOZ2						-2.08
NCF4				1.76	1.91	2.17
NFKBIE				1.96	1.51	2.24
NOXO1			2	3.3	2.75	3.01
NPPA						-5.52
NPY			2.82	2.83	2.07	
NQO1		4.03		1.88	3.78	7.44
NR1D1						-3
OLR1				2.5	2.16	2.93
ORM1			4.18	8.84	4.84	11.11
ORM2	3.19		3.62	8.03	5.15	8.24
P2RY13			1.5	1.8	1.66	2.1
P2RY6			1.48	1.76	1.65	2.06
PER1						-2.14
PGAM2						-2.01
PGLYRP1						2.22
PIGR				2.91		4.63
PIWIL2					2.56	
PLA1A		2.03		1.77	2.13	2.1
PLA2G7	1.59	1.52	1.56	2.1	1.87	2.73
PLD3		1.46	1.97	2.32	1.95	2.07
PLEK		1.49	1.64	2.12	1.8	2.06
PLN						-2.4
PROZ				1.93	2.04	
PTGIR	1.53	1.54	1.85	2.46	1.95	3.07
PYGM						-2.19
RETNLA	3.45					4.2
RGS1			2.43	4.21	4.45	4.7
RGS16					2.33	
RNF128		1.44		2.03	1.91	2.77
RPTN		-2.24			-2.48	
S100A8						2.26
SAA1				2.98	4.36	2.97
SAA2					2.63	
SAA3	5.67		7.21	21.63	13.45	32.89
SAA4					2.51	
SAMSN1				1.66		2.03
SCGB3A1	2.69					2.2
SERPINA3M		2.13		1.51		1.89

SERPINA3N			1.75	2.16	1.74	4.12
SERPINB5					2.7	
SLAMF7				2.01		
SLC11A1		1.44	1.82	2.04	1.78	2.39
SLC13A3					2.88	
SLC15A3		1.43	1.67	2.01	1.7	2.17
SLC16A6				2.25	2.12	2.01
SLC26A4			3.1	7.14	3.08	8.04
SLC38A5						-2.29
SLC39A4	1.46	1.38	1.59	1.52	1.62	2.17
SLC5A1				2.11	1.46	1.93
SLC7A10				-1.43		-2.3
SLC7A11	2.2	4.52	2.64	2.58	4.84	5.43
SLFN4						2.08
SLPI				2.17	1.69	1.73
SMPX						-2.47
SPON2			-2.21		-2	
SPP1			3.17	2.57	4.25	2.71
TCAP						-2.22
TIMP1				2.56	1.73	2.82
TLR2			1.63	1.82	1.88	2.31
TMC5				1.88	3.11	2.27
TNFRSF23				1.54	2	
TNFRSF9				2.4	2.06	2.33
TNNI3						-2.58
TREM2	1.92	1.77	3.45	2.22	4.02	2.05
TRIM29				1.58	2.34	
TYROBP	1.51		1.58	1.74	1.73	2.02
UPK3B				-1.45	-1.49	-2.09
UTY		2.43				
VNN1				3.93	5.31	6.79
VNN3				2.96	2.56	2.99
XIST		-20.76				
ZMYND15			1.76	2.14	1.6	2.7
ZRANB3	1.89	2.06	3.98	5.27	4.96	4.69