

SUPPLEMENTAL MATERIAL

Data S1. Supplemental Methods

Clinical relevance of the CAND-HRV indices

Cardiac autonomic nervous dysfunction-heart rate variability, CAND-HRV indices	Clinical relevance
Rényi entropy of the histogram with order (alpha) 4 (Rényi4)	Entropy is a measure of complexity or unpredictability of a time series. ⁸⁶ Rényi entropy generalizes the Shannon entropy and includes the Shannon entropy ($\alpha = 1$) as a special case. ⁶ Rényi4 is Rényi entropy with a weighting coefficient of $\alpha=4$. ⁶ Rényi entropy is a marker for regularity and predictability of HRV. ⁸⁷ Rényi4 quantifies the complexity, diversity, uncertainty or randomness of a system, time series. ^{9, 38} It evenly considers both linear and nonlinear variability ⁹ and it is generally higher in healthy individuals as compared to those with cardiac abnormalities. ³⁸
Total power of the density spectra (TP)	TP is the variance of normal-to-normal (NN) or beat to beat (RR) intervals over the temporal segment. ⁶⁹ It is influenced by the autonomic regulation. ⁸⁸ Sympathetic activation and its resulting tachycardia is usually accompanied by a marked reduction in TP, while the reverse occurs during vagal activation. ⁶⁹ Therefore, TP also captures parasympathetic activities. ⁷⁸
Standard deviation of word sequence (SDWS)	SDWS measures the variability of the time series depending on a word sequence. ⁸⁸ It indicates the degree of complexity in the heart rate time series. ⁸⁸ It reflects cardiac variability. ^{88, 89}
Standard deviation of the short-term normal-to-normal interval variability (SDSA)	SDSA measures the level short-term variability of heart rate (HR). ⁸⁹ It also reflects cardiac variability. ^{88, 89} It is dependent on other time-domain measures and insensitive to nonlinear characteristics. ⁹⁰ It measures of both parasympathetic and sympathetic activity. ⁷⁸ Decreased SDSA is observed in individuals with dilated cardiomyopathy. ⁸⁹
Compression entropy (CE)	CE quantifies the extent to which the data from heartbeat time series can be compressed, i.e. repetitive sequences occur. ⁹⁰ It reflects the complexity in HR time series. ⁵⁶ Reduced short-term fluctuations of HRV result in an increased compression. ⁹⁰ It is more sensitive to nonlinear than linear variability. ⁹ It indicates cardiac parasympathetic modulation ⁵³ and its reduction appears to reflect a change in sympathetic/parasympathetic HR control. ⁹⁰

Variable selection methods.

We employed three multivariable modelling with unbiased variable selection methods, partial least squares (MUVR-PLS), random forest (MUVR-RF), and elastic net (MUVR-EN) regression.^{28, 29} In each of the inner training models, variables were ranked by variable importance of projection for MUVR-PLS and mean decrease in accuracy for MUVR-RF. For each method, we fitted 20 repeated 10-fold cross-validated models and retained 80% of the predictor variables per iteration (inner model). Variable ranks were averaged across the 200 inner models. For the MUVR-EN, variables were ranked by the proportion of times they had a non-zero regression coefficients (β) across the 200 inner models. Variables that had non-zero beta coefficients more frequently were ranked as more important. For each inner model, the MUVR algorithm returns three different consensus models, minimal-optimal (strongest predictors), “mid” and all-relevant (strongest and entirely redundant predictors). We chose predictor variables from the “mid” consensus model, which is a trade-off between the minimal-optimal and the all-relevant models. Predictor variables shared by all the three methods, MUVR-PLS, MUVR-RF, and MUVR-EN were considered as robust predictor variables. Since glucose tolerance status is central to this investigation, the inclusion of any glucose tolerance group in the robust predictor variables has a relaxed criterion of selection by only MUVR-RF, owing to the ability of RF to uncover complex and important interactions between variables.³⁰

For the S4-FF4 study sample, all observations per individual were co-sampled into the same cross-validations segments. This helps account for the non-independence of individual data and reduce the likelihood of overfitting.

Multiple testing correction

In validating the robust predictors in the held-out datasets, we accounted for multiple testing by computing permuted-based p -values (P_{perm}). Permutation-based procedures for multiple testing correction have higher statistical power when compared to Bonferroni and false discovery rate (FDR) corrections.³¹ Unlike Bonferroni and FDR corrections, permutation tests do not use individual association scores based on family-wise corrections, but estimate statistical significance directly from the data being analyzed.³¹ Besides, irregularities of the observed data are maintained in permuted datasets.³¹

Bias analysis

For all proteomics biomarkers that were significantly associated with any cardiac autonomic nervous dysfunction (CAND)-HRV(heart rate variability) index in the “best” performing models, we assessed the robustness of their estimated regression coefficients from the S4 validation set and S4-FF4 testing set. We estimated two measures, robustness of inference to replacement (RIR) and impact threshold of a confounding variable (ITCV) needed to invalidate our inference.³² The RIR estimates the percentage of the effect estimates that would need to be biased and the number of observations with nonzero effects that would need to be replaced with zero effects. ITCV estimates the minimum correlation that an omitted (unmeasured) covariate would need to have with the predictor and outcome to invalidate the inference.

Independence assumption and bivariable associations

We checked whether the independence assumption between pairs of the three (cardiovascular (CVD) II, CVDIII, and Inflammation) sets of proteomics biomarkers is violated, by estimating bias corrected distance correlation. In addition, we estimated the linear relation among individual proteomics biomarkers as well as the individual HRV indices using Spearman’s pairwise correlation, r and we considered statistically significant $|r| \geq 0.7$ as strong correlations (multicollinearity).⁹¹ We also estimated the bivariable associations of categorical covariates with proteomics biomarkers and CAND-HRV indices.

Handling of missingness

There were missing values for alcohol consumption, smoking status, physical activity, systolic and diastolic blood pressure, hemoglobin A1c, known T2D duration, high-density lipoprotein cholesterol, low-density lipoprotein cholesterol, triglyceride, C-reactive protein, adiponectin, albumin, fibrinogen, serum amyloid A, diuretics, beta-blockers, angiotensin-converting enzyme (ACE) inhibitors, angiotensin antagonists, calcium antagonists, glucose-lowering drugs, statins, non-steroidal anti-inflammatory drugs (NSAIDs) in the S4 study sample as well as educational attainment, alcohol consumption, physical activity, systolic and diastolic blood pressure, high-density lipoprotein cholesterol, low-density lipoprotein cholesterol, triglyceride, C-reactive protein, adiponectin, albumin, fibrinogen, serum amyloid A in the S4-FF4 study sample. The proportions of missingness were low, 0.1-1.93% and 0.25-1.47% in S4 and S4-FF4, respectively. Missingness in covariates were single-value imputed using the non-parametric multivariate imputation (by the chained random forest).

Statistical power analysis

The estimated power of generalized linear model of S4 training set with sample size, n of 490, 270 predictor variables (233 proteomics biomarkers and 37 covariates), assumed coefficient of determination (R^2) of 40%, and Bonferroni-corrected type I error rate (false-positive rate) of 0.01 (0.05/5) for the five HRV indices was approximately 100%. The power of the generalized linear model of the S4 validation ($n = 246$) and testing ($n = 246$) datasets with assumed R^2 of 20% and Bonferroni-corrected type I error rate of 0.01, and 22 significant predictor variables from the initial 270, based on the 8% proportion of significant proteins reported in another neuropathy,⁹² was approximately 100%. The R^2 of 40% and 20% were hypothesized R^2 used in a proteomics power calculation.⁹³

Due to the complicated nature of estimating power of linear mixed models and repeated measures,⁸³ we used the same power of generalized linear model for the S4-FF4 study samples. With the sample sizes of the S4-FF4 training ($n = 325$) and testing ($n = 82$) datasets, and Bonferroni-corrected type I error rate of 0.01 (0.05/5) for the five CAND-HRV indices, the power of the training and testing datasets were 63% and 35%, respectively. Repeated measures typically have higher statistical power than cross-sectional designs,⁸⁴ hence the power of the partitioned S4-FF4 datasets is expected to be substantially higher than these estimates. Overall, these estimates of the partitioned datasets suggest that they have sufficient statistical power to detect meaningful associations and produce reliable estimates.

Supplemental results

Bias analysis of the S4 study sample

To invalidate the inference of C-C motif chemokine 23 (CCL23) and Rényi entropy of the histogram with order (alpha) 4 (Rényi4), 3.4% of β would have to be due to bias, 8 nonzero effect observations would have to be replaced with zero effect observations, and an unmeasured covariate needs a minimum correlation of 0.01. For peptidoglycan recognition protein 1 (PGLYRP1) and Rényi4, 32.1% of β would have to be due to bias, 79 nonzero effect observations would have to be replaced with zero effect observations, and an unmeasured covariate needs a minimum correlation of -0.07. For fibroblast growth factor 21 (FGF21) and Rényi4, 41.1% of β would have to be due to bias, 101 nonzero effect observations would have to be replaced with zero effect observations, and an unmeasured covariate needs a minimum correlation of -0.1. For TNF-related activation-induced cytokine (TRANCE) and compression entropy (CE), 13.8% of β would have to be due to bias, 34 nonzero effect observations would have to be replaced with zero effect observations, and an unmeasured covariate needs a minimum correlation of -0.02. For growth/differentiation factor 15 (GDF15) and CE, 50.7% of β would have to be due to bias, 125 nonzero effect observations would have to be replaced with zero effect observations, and an unmeasured covariate needs a minimum correlation of -0.14.

Direction dependence analysis of the S4 study sample

The direction dependence analysis (DDA) shows that the null hypothesis of homoscedasticity and independence was retained in both the putatively correct and in the reverse cause-effect relations between CCL23 and Rényi4, between FGF21 and Rényi4, between TRANCE and CE, and between GDF15 and CE. However, the null hypothesis of homoscedasticity was retained, but independence was violated in the putatively correct and in the reverse cause-effect relations between PGLYRP1 and Rényi4 (Table S3). These results suggest that the reverse causal order, the influence of these HRV indices on these proteomics biomarkers cannot be excluded with certainty.

Bias analysis of the S4-FF4 study sample

To invalidate the inference of interleukin-6 receptor subunit alpha (IL6RA) and total power of the density spectra (TP), 31.2% of β would have to be due to bias, 26 nonzero effect observations would have to be replaced with zero effect observations, and an unmeasured covariate needs a minimum correlation of 0.12. For macrophage colony-stimulating factor 1 (CSF1) and TP, 11.3% of β would have to be due to bias, 9 nonzero effect observations would have to be replaced with zero effect observations, and an unmeasured covariate needs a minimum correlation of -0.03. For myoglobin and standard deviation of the short-term normal-to-normal interval variability (SDSA), 26.4% of β would have to be due to bias, 22 nonzero effect observations would have to be replaced with zero effect observations, and an unmeasured covariate needs a minimum correlation of 0.1. For agouti-related protein (AGRP) and SDSA, 19.8% of β would have to be due to bias, 16 nonzero effect observations would have to be replaced with zero effect observations, and an unmeasured covariate needs a minimum correlation of -0.07. For gastrotropin and CE, 40.7% of β would have to be due to bias, 33 nonzero effect observations would have to be replaced with zero effect observations, and an unmeasured covariate needs a minimum correlation of 0.18. For AGRP and CE, 24.4% of β would have to be due to bias, 20 nonzero effect observations would have to be replaced with zero effect observations, and an unmeasured covariate needs a minimum correlation of -0.09. These results suggest that the association between CSF1 and TP is the least robust to bias, while the association between gastrotropin and CE is the most robust to bias.

Table S1: Summary of proteomics biomarkers

		Overall (n = 1389)	S4 study sample (n = 982)	S4-FF4 study sample (n = 407)	P *
Bone morphogenetic protein 6	BMP6	5.10 (0.57)	5.13 (0.59)	5.03 (0.52)	0.005
Angiopoietin-1	ANGPT1	9.63 (1.03)	9.62 (1.05)	9.68 (0.97)	0.315
Adrenomedullin	ADM	6.86 (0.47)	6.92 (0.48)	6.71 (0.43)	< 0.001
CD40 ligand	CD40L	6.51 (1.49)	6.51 (1.50)	6.51 (1.46)	0.996
Placenta growth factor	PGF	7.68 (0.37)	7.72 (0.39)	7.58 (0.31)	< 0.001
A disintegrin and metalloproteinase with thrombospondin motifs 13	ADAMTS13	6.29 (0.13)	6.29 (0.12)	6.31 (0.14)	0.014
Brother of CDO	BOC	4.27 (0.30)	4.28 (0.30)	4.23 (0.30)	0.004
Interleukin-4 receptor subunit alpha	IL4RA	2.29 (0.35)	2.31 (0.35)	2.25 (0.32)	0.002
Proto-oncogene tyrosine-protein kinase Src	SRC	8.24 (0.81)	8.24 (0.80)	8.26 (0.82)	0.723
Interleukin-1 receptor antagonist protein	IL1RA	5.10 (0.77)	5.15 (0.79)	4.97 (0.71)	< 0.001
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A	TNFRSF10A	3.77 (0.43)	3.81 (0.42)	3.68 (0.45)	< 0.001
Serine/threonine-protein kinase 4	STK4	6.21 (0.98)	6.21 (0.96)	6.22 (1.02)	0.835
Alpha-L-iduronidase	IDUA	6.41 (0.47)	6.43 (0.48)	6.36 (0.46)	0.006
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A	TNFRSF11A	5.90 (0.47)	5.95 (0.50)	5.79 (0.38)	< 0.001
Proteinase-activated receptor 1	PAR1	9.42 (0.63)	9.44 (0.60)	9.36 (0.69)	0.028
TNF-related apoptosis-inducing ligand receptor 2	TRAILR2	5.67 (0.44)	5.72 (0.47)	5.54 (0.31)	< 0.001
Serine protease 27	PRSS27	8.92 (0.45)	8.93 (0.45)	8.90 (0.45)	0.255
Angiopoietin-1 receptor	TIE2	8.14 (0.25)	8.15 (0.25)	8.12 (0.25)	0.058
Tissue factor	TF	5.53 (0.32)	5.55 (0.32)	5.49 (0.31)	< 0.001
Interleukin-1 receptor-like 2	IL1RL2	5.06 (0.47)	5.09 (0.47)	5.00 (0.44)	< 0.001
Platelet-derived growth factor subunit B	PDGFB	10.63 (1.07)	10.61 (1.10)	10.68 (1.00)	0.284
Interleukin-27	IL27	6.15 (0.38)	6.18 (0.38)	6.09 (0.36)	< 0.001
Interleukin-17D	IL17D	2.50 (0.38)	2.52 (0.39)	2.47 (0.36)	0.036
Lectin-like oxidized LDL receptor 1	LOX1	6.58 (0.74)	6.63 (0.75)	6.46 (0.70)	< 0.001
Galectin-9	GAL9	8.87 (0.37)	8.90 (0.37)	8.79 (0.37)	< 0.001
Gastric intrinsic factor	GIF	7.95 (1.03)	7.94 (1.05)	7.96 (0.96)	0.732
Stem cell factor	SCF	8.87 (0.45)	8.86 (0.47)	8.88 (0.40)	0.481
Interleukin-18	IL18	8.24 (0.66)	8.27 (0.69)	8.14 (0.59)	< 0.001
Polymeric immunoglobulin receptor	PLGR	6.86 (0.15)	6.87 (0.15)	6.83 (0.13)	< 0.001
Receptor for advanced glycosylation end products	RAGE	13.54 (0.44)	13.54 (0.45)	13.54 (0.42)	0.932
Superoxide dismutase [Mn], mitochondrial	SOD2	10.09 (0.10)	10.09 (0.10)	10.10 (0.09)	0.022
Chymotrypsin C	CTRC	9.63 (0.78)	9.60 (0.82)	9.69 (0.67)	0.053
Fibroblast growth factor-23	FGF23	3.86 (0.56)	3.89 (0.59)	3.79 (0.50)	0.006
Spondin-2	SPON2	8.66 (0.25)	8.67 (0.26)	8.63 (0.25)	0.002
Growth hormone	GH	8.08 (2.08)	8.08 (2.03)	8.09 (2.21)	0.917
Follistatin	FS	11.87 (0.41)	11.90 (0.41)	11.82 (0.40)	0.003
Lactoylglutathione lyase	GLO1	6.88 (1.15)	6.88 (1.14)	6.88 (1.16)	0.998
SLAM family member 5	CD84	5.30 (0.55)	5.31 (0.55)	5.30 (0.54)	0.762
Serpin A12	SERPINA12	2.74 (1.08)	2.73 (1.05)	2.75 (1.13)	0.783
Renin	REN	6.85 (0.84)	6.92 (0.86)	6.67 (0.75)	< 0.001
2,4-dienoyl-CoA reductase, mitochondrial	DECR1	8.74 (1.46)	8.75 (1.45)	8.71 (1.48)	0.658
Tyrosine-protein kinase Mer	MERTK	6.07 (0.41)	6.09 (0.41)	6.03 (0.41)	0.015
Kidney Injury Molecule	KIM1	7.28 (0.81)	7.38 (0.83)	7.05 (0.70)	< 0.001
Thrombospondin-2	THBS2	6.37 (0.20)	6.38 (0.20)	6.34 (0.19)	0.003
Thrombomodulin	TM	10.66 (0.31)	10.69 (0.32)	10.60 (0.27)	< 0.001
V-set and immunoglobulin domain-containing protein 2	VSIG2	4.85 (0.53)	4.89 (0.55)	4.77 (0.47)	< 0.001
Protein AMBP	AMBP	8.12 (0.21)	8.13 (0.22)	8.07 (0.19)	< 0.001
Prolargin	PRELP	8.58 (0.26)	8.60 (0.28)	8.54 (0.20)	< 0.001
Heme oxygenase 1	HO1	11.53 (0.39)	11.55 (0.39)	11.49 (0.37)	0.005
Lymphotoxin	XCL1	4.87 (0.58)	4.89 (0.59)	4.83 (0.56)	0.056
Pro-interleukin-16	IL16	7.84 (1.21)	7.87 (1.21)	7.77 (1.20)	0.148
Sortilin	SORT1	9.13 (0.34)	9.14 (0.35)	9.10 (0.34)	0.041
Carcinoembryonic antigen-related cell adhesion molecule 8	CEACAM8	4.23 (0.71)	4.28 (0.72)	4.12 (0.65)	< 0.001
Pentraxin-related protein 3	PTX3	4.68 (0.44)	4.71 (0.44)	4.61 (0.43)	< 0.001

P-selectin glycoprotein ligand 1	PSGL1	4.82 (0.36)	4.83 (0.37)	4.82 (0.34)	0.726
C-C motif chemokine 17	CCL17	8.52 (1.13)	8.55 (1.13)	8.45 (1.14)	0.15
Matrix metalloproteinase-7	MMP7	10.06 (0.70)	10.10 (0.70)	9.95 (0.70)	< 0.001
Low affinity immunoglobulin gamma					
Fc region receptor II-b	IGGFC	3.64 (0.91)	3.68 (0.92)	3.54 (0.88)	0.011
Melusin	ITGB1BP2	7.40 (1.62)	7.41 (1.61)	7.35 (1.63)	0.53
Decorin	DCN	5.12 (0.28)	5.14 (0.29)	5.06 (0.26)	< 0.001
Dickkopf-related protein 1	DKK1	9.02 (0.79)	9.03 (0.80)	9.01 (0.77)	0.766
Lipoprotein lipase	LPL	9.51 (0.50)	9.51 (0.51)	9.52 (0.46)	0.666
Prostasin	PRSS8	8.86 (0.38)	8.89 (0.38)	8.77 (0.38)	< 0.001
Agouti-related protein	AGRP	5.04 (0.47)	5.07 (0.49)	4.97 (0.43)	< 0.001
Proheparin-binding EGF-like growth					
factor	HBEGF	6.38 (0.67)	6.38 (0.68)	6.36 (0.64)	0.548
Growth/differentiation factor 2	GDF2	8.89 (0.55)	8.87 (0.56)	8.92 (0.54)	0.106
Fatty acid-binding protein, intestinal	FABP2	9.15 (0.73)	9.16 (0.73)	9.11 (0.72)	0.222
Thrombopoietin	THPO	3.42 (0.46)	3.43 (0.47)	3.40 (0.42)	0.185
Macrophage receptor MARCO	MARCO	6.07 (0.20)	6.07 (0.20)	6.06 (0.19)	0.176
Gastrotropin	GT	1.76 (0.62)	1.78 (0.65)	1.70 (0.54)	0.028
Matrix metalloproteinase-12	MMP12	6.88 (0.70)	6.95 (0.71)	6.69 (0.62)	< 0.001
Angiotensin-converting enzyme 2	ACE2	4.22 (0.70)	4.26 (0.70)	4.12 (0.70)	< 0.001
Programmed cell death 1 ligand 2	PDL2	2.92 (0.38)	2.94 (0.38)	2.88 (0.37)	0.007
Cathepsin L1	CTSL1	6.94 (0.32)	6.97 (0.32)	6.87 (0.30)	< 0.001
Osteoclast-associated					
immunoglobulin-like receptor	HOSCAR	10.76 (0.23)	10.77 (0.23)	10.73 (0.23)	0.002
Tumor necrosis factor receptor					
superfamily member 13B	TNFRSF13B	10.14 (0.39)	10.15 (0.41)	10.09 (0.33)	0.006
Protein-glutamine gamma-					
glutamyltransferase 2	TGM2	8.91 (0.50)	8.94 (0.51)	8.85 (0.47)	0.003
Leptin	LEP	7.57 (1.20)	7.60 (1.21)	7.49 (1.19)	0.15
Carbonic anhydrase-5A,	CA5A	2.28 (0.95)	2.32 (0.97)	2.19 (0.88)	0.026
Heat shock 27 kDa protein	HSP27	10.30 (0.33)	10.30 (0.33)	10.31 (0.33)	0.462
T-cell surface glycoprotein CD4	CD4	5.36 (0.51)	5.39 (0.52)	5.29 (0.49)	< 0.001
NF-kappa-B essential modulator	NEMO	8.06 (1.29)	8.06 (1.27)	8.04 (1.32)	0.798
Vascular endothelial growth factor D	VEGFD	8.14 (0.42)	8.15 (0.43)	8.13 (0.38)	0.559
Poly [ADP-ribose] polymerase 1	PARP1	5.67 (2.01)	5.72 (2.02)	5.55 (1.98)	0.164
Hydroxyacid oxidase 1	HAOX1	5.36 (1.41)	5.37 (1.38)	5.31 (1.47)	0.457
Tumor necrosis factor receptor					
superfamily member 14	TNFRSF14	4.98 (0.56)	5.02 (0.57)	4.89 (0.51)	< 0.001
Low-density lipoprotein receptor	LDL_RC	4.32 (0.56)	4.34 (0.57)	4.28 (0.52)	0.065
Integrin beta-2	ITGB2	6.16 (1.02)	6.19 (1.06)	6.07 (0.91)	0.044
Interleukin-17 receptor A	IL17RA	4.14 (0.69)	4.16 (0.71)	4.08 (0.64)	0.053
Tumor necrosis factor receptor 2	TNFR2	5.92 (0.43)	5.96 (0.45)	5.82 (0.36)	< 0.001
Matrix metalloproteinase-9	MMP9	4.84 (0.81)	4.87 (0.81)	4.77 (0.82)	0.031
Ephrin type-B receptor 4	EPHB4	5.44 (0.34)	5.47 (0.35)	5.38 (0.29)	< 0.001
Interleukin-2 receptor subunit alpha	IL2RA	3.37 (0.45)	3.41 (0.47)	3.26 (0.40)	< 0.001
CD166 antigen	ALCAM	7.10 (0.30)	7.11 (0.31)	7.07 (0.28)	0.012
P-selectin	SELP	10.77 (0.94)	10.79 (0.95)	10.72 (0.93)	0.175
Cystatin-B	CSTB	4.40 (0.74)	4.45 (0.74)	4.28 (0.71)	< 0.001
Scavenger receptor cysteine-rich type					
1 protein M130	CD163	7.95 (0.56)	7.98 (0.56)	7.87 (0.53)	< 0.001
Granulins	GRN	5.23 (0.33)	5.25 (0.34)	5.19 (0.32)	0.003
N-terminal prohormone brain					
natriuretic peptide	NT-proBNP	3.45 (1.12)	3.60 (1.18)	3.10 (0.88)	< 0.001
Perlecan	PLC	7.89 (0.33)	7.92 (0.34)	7.81 (0.28)	< 0.001
Lymphotoxin-beta receptor	LTBR	3.62 (0.43)	3.66 (0.45)	3.53 (0.35)	< 0.001
Neurogenic locus notch homolog					
protein 3	NOTCH3	5.03 (0.42)	5.06 (0.43)	4.94 (0.39)	< 0.001
Metalloproteinase inhibitor 4	TIMP4	3.22 (0.53)	3.27 (0.56)	3.11 (0.43)	< 0.001
Contactin-1	CNTN1	4.42 (0.39)	4.43 (0.39)	4.41 (0.37)	0.467
Cadherin-5	CDH5	4.31 (0.39)	4.33 (0.39)	4.27 (0.38)	0.008
Trem-like transcript 2 protein	TLT2	5.22 (0.47)	5.23 (0.48)	5.17 (0.43)	0.033
Fatty acid-binding protein 4	FABP4	5.37 (0.78)	5.43 (0.81)	5.24 (0.67)	< 0.001
Tissue factor pathway inhibitor	TFPI	8.46 (0.39)	8.46 (0.40)	8.44 (0.38)	0.293
Plasminogen activator inhibitor 1	PAI	6.45 (0.88)	6.46 (0.88)	6.43 (0.90)	0.658
C-C motif chemokine 24	CCL24	4.81 (0.92)	4.79 (0.92)	4.85 (0.94)	0.343
Transferrin receptor protein 1	TR	5.72 (0.56)	5.73 (0.57)	5.70 (0.52)	0.395
Tumor necrosis factor receptor					
superfamily member 10C	TNFRSF10C	6.51 (0.53)	6.54 (0.53)	6.43 (0.52)	< 0.001
Growth/differentiation factor 15	GDF15	5.25 (0.56)	5.32 (0.57)	5.06 (0.47)	< 0.001
E-selectin	SELE	11.85 (0.60)	11.88 (0.60)	11.79 (0.58)	0.01

Protein delta homolog 1	DLK1	5.88 (0.64)	5.92 (0.66)	5.79 (0.60)	< 0.001
Myeloperoxidase	MPO	3.73 (0.79)	3.75 (0.80)	3.67 (0.75)	0.061
C-X-C motif chemokine 16	CXCL16	4.86 (0.32)	4.88 (0.33)	4.82 (0.31)	0.002
Interleukin-6 receptor subunit alpha	IL6RA	11.72 (0.39)	11.73 (0.40)	11.69 (0.37)	0.079
Resistin	RETN	5.96 (0.56)	5.99 (0.57)	5.89 (0.54)	0.002
Insulin-like growth factor-binding protein 1	IGFBP1	5.27 (1.02)	5.27 (1.04)	5.26 (0.98)	0.936
Chitotriosidase-1	CHIT1	5.20 (1.47)	5.22 (1.51)	5.15 (1.39)	0.447
Tartrate-resistant acid phosphatase type 5	TRAP	3.39 (0.40)	3.40 (0.42)	3.35 (0.37)	0.02
Platelet glycoprotein VI	GP6	2.99 (0.99)	3.00 (1.00)	2.97 (0.97)	0.65
Pulmonary surfactant-associated protein D	PSPD	3.09 (0.73)	3.12 (0.74)	3.00 (0.71)	0.005
Epithelial cell adhesion molecule	EPCAM	5.14 (1.04)	5.11 (1.02)	5.21 (1.08)	0.089
Aminopeptidase N	APN	4.81 (0.33)	4.83 (0.33)	4.78 (0.32)	0.024
Tyrosine-protein kinase receptor UFO	AXL	8.78 (0.37)	8.80 (0.38)	8.72 (0.35)	< 0.001
Interleukin-1 receptor type 1	IL1RT1	6.33 (0.31)	6.35 (0.32)	6.28 (0.28)	< 0.001
Matrix metalloproteinase-2	MMP2	3.82 (0.38)	3.85 (0.38)	3.75 (0.35)	< 0.001
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 6	FAS	5.84 (0.49)	5.87 (0.49)	5.77 (0.48)	< 0.001
Myoglobin	MB	7.53 (0.58)	7.57 (0.61)	7.45 (0.49)	< 0.001
Tumor necrosis factor ligand superfamily member 13B	TNFSF13B	6.92 (0.40)	6.94 (0.41)	6.87 (0.39)	0.002
Proprotein convertase subtilisin/kexin type 9	PCSK9	3.38 (0.39)	3.40 (0.39)	3.35 (0.37)	0.024
Urokinase plasminogen activator surface receptor	UPAR	5.38 (0.71)	5.44 (0.73)	5.26 (0.63)	< 0.001
Osteopontin	OPN	7.18 (0.53)	7.23 (0.55)	7.06 (0.45)	< 0.001
Peptidoglycan recognition protein 1	PGLYRP1	6.85 (0.47)	6.87 (0.49)	6.81 (0.43)	0.019
Carboxypeptidase A1	CPA1	5.63 (0.71)	5.63 (0.74)	5.63 (0.64)	0.925
Junctional adhesion molecule A	JAMA	6.21 (1.22)	6.23 (1.22)	6.16 (1.22)	0.302
Galectin-4	GAL4	3.70 (0.51)	3.74 (0.51)	3.62 (0.51)	< 0.001
Interleukin-1 receptor type 2	IL1RT2	5.55 (0.36)	5.56 (0.36)	5.54 (0.35)	0.438
Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type substrate 1	SHPS1	3.53 (0.51)	3.56 (0.52)	3.47 (0.46)	0.002
C-C motif chemokine 15	CCL15	6.64 (0.52)	6.66 (0.52)	6.59 (0.53)	0.022
Caspase-3	CASP3	7.54 (1.45)	7.56 (1.45)	7.49 (1.46)	0.456
Carboxypeptidase B	CPB1	5.51 (0.68)	5.52 (0.71)	5.50 (0.63)	0.635
Chitinase-3-like protein 1	CHI3L1	3.96 (0.97)	4.07 (0.98)	3.69 (0.90)	< 0.001
ST2 protein	ST2	4.14 (0.57)	4.19 (0.57)	4.02 (0.56)	< 0.001
Tissue-type plasminogen activator	TPA	6.46 (0.90)	6.52 (0.89)	6.31 (0.91)	< 0.001
Secretoglobin family 3A member 2	SCGB3A2	2.11 (0.87)	2.11 (0.87)	2.10 (0.86)	0.904
Epidermal growth factor receptor	EGFR	2.97 (0.22)	2.96 (0.23)	2.98 (0.22)	0.114
Insulin-like growth factor-binding protein 7	IGFBP7	7.39 (0.40)	7.43 (0.41)	7.29 (0.34)	< 0.001
Complement component C1q receptor	CD93	10.61 (0.36)	10.64 (0.37)	10.54 (0.33)	< 0.001
Interleukin-18-binding protein	IL18BP	6.16 (0.38)	6.19 (0.38)	6.07 (0.35)	< 0.001
Collagen alpha-1(I) chain	COL1A1	2.80 (0.41)	2.82 (0.41)	2.75 (0.39)	0.007
Paraoxonase 3	PON3	6.07 (0.69)	6.03 (0.70)	6.16 (0.63)	0.002
Cathepsin Z	CTSZ	5.44 (0.45)	5.48 (0.46)	5.36 (0.40)	< 0.001
Matrix metalloproteinase-3	MMP3	7.46 (0.72)	7.51 (0.74)	7.34 (0.65)	< 0.001
Retinoic acid receptor responder protein 2	RARRES2	11.26 (0.35)	11.29 (0.35)	11.20 (0.34)	< 0.001
Intercellular adhesion molecule 2	ICAM2	4.94 (0.42)	4.95 (0.42)	4.91 (0.42)	0.088
Kallikrein-6	KLK6	2.18 (0.37)	2.18 (0.38)	2.17 (0.35)	0.697
Platelet-derived growth factor subunit A	PDGFA	4.05 (1.03)	4.05 (1.05)	4.05 (0.97)	0.91
Tumor necrosis factor receptor 1	TNFR1	6.45 (0.43)	6.50 (0.45)	6.34 (0.34)	< 0.001
Insulin-like growth factor-binding protein 2	IGFBP2	7.39 (0.71)	7.43 (0.72)	7.28 (0.69)	< 0.001
von Willebrand factor	VWF	7.52 (0.71)	7.56 (0.72)	7.41 (0.67)	< 0.001
Platelet endothelial cell adhesion molecule	PECAM1	5.62 (0.87)	5.64 (0.88)	5.57 (0.86)	0.184
Matrix extracellular phosphoglycoprotein	MEPE	5.34 (0.46)	5.35 (0.47)	5.32 (0.43)	0.269
C-C motif chemokine 16	CCL16	6.17 (0.58)	6.20 (0.59)	6.08 (0.55)	< 0.001
Interleukin-8	IL8	5.41 (0.78)	5.46 (0.79)	5.28 (0.74)	< 0.001
Vascular endothelial growth factor A	VEGFA	10.53 (0.44)	10.55 (0.45)	10.46 (0.41)	< 0.001
T-cell surface glycoprotein CD8 alpha chain	CD8A	9.91 (0.68)	9.93 (0.68)	9.86 (0.67)	0.075

Monocyte chemotactic protein 3	MCP3	1.90 (0.61)	1.95 (0.62)	1.77 (0.54)	< 0.001
CUB domain-containing protein 1	CDCP1	3.70 (0.67)	3.76 (0.67)	3.55 (0.65)	< 0.001
Natural killer cell receptor 2B4	CD244	7.47 (0.59)	7.48 (0.59)	7.44 (0.58)	0.327
Interleukin-7	IL7	3.37 (0.78)	3.35 (0.76)	3.43 (0.80)	0.076
Osteoprotegerin	OPG	10.03 (0.36)	10.07 (0.37)	9.95 (0.33)	< 0.001
Latency-associated peptide					
transforming growth factor beta-1	LAP_TGFB1	8.02 (0.58)	8.05 (0.58)	7.97 (0.58)	0.022
Urokinase-type plasminogen activator	UPA	9.96 (0.33)	9.97 (0.34)	9.92 (0.31)	0.006
Interleukin-6	IL6	2.79 (0.87)	2.87 (0.86)	2.60 (0.85)	< 0.001
Monocyte chemotactic protein 1	MCP1	11.55 (0.51)	11.58 (0.52)	11.48 (0.49)	0.001
C-X-C motif chemokine 11	CXCL11	7.37 (1.23)	7.40 (1.23)	7.29 (1.23)	0.13
Axin-1	AXIN1	6.26 (1.62)	6.27 (1.61)	6.23 (1.66)	0.644
TNF-related apoptosis-inducing	TRAIL	8.09 (0.30)	8.09 (0.30)	8.06 (0.29)	0.097
C-X-C motif chemokine 9	CXCL9	7.17 (0.77)	7.24 (0.76)	7.01 (0.75)	< 0.001
Cystatin D	CST5	5.42 (0.52)	5.45 (0.54)	5.36 (0.47)	0.003
Oncostatin-M	OSM	3.50 (0.85)	3.53 (0.83)	3.42 (0.89)	0.026
C-X-C motif chemokine 1	CXCL1	9.29 (1.19)	9.29 (1.18)	9.30 (1.23)	0.86
C-C motif chemokine 4	CCL4	6.15 (0.72)	6.16 (0.72)	6.12 (0.72)	0.389
T cell surface glycoprotein CD6 isoform	CD6	6.30 (0.97)	6.32 (0.98)	6.25 (0.93)	0.241
Transforming growth factor alpha	TGFA	2.93 (0.41)	2.95 (0.41)	2.88 (0.42)	0.002
Monocyte chemotactic protein 4	MCP4	12.59 (1.07)	12.61 (1.06)	12.56 (1.09)	0.486
Eotaxin	CCL11	6.49 (0.58)	6.52 (0.59)	6.42 (0.54)	0.005
Tumor necrosis factor ligand superfamily member 14	TNFSF14	5.05 (1.03)	5.08 (1.04)	4.97 (0.99)	0.072
Matrix metalloproteinase-1	MMP1	11.39 (1.26)	11.41 (1.29)	11.34 (1.17)	0.321
Leukemia inhibitory factor receptor	LIFR	3.85 (0.31)	3.87 (0.31)	3.79 (0.29)	< 0.001
Fibroblast growth factor 21	FGF21	5.84 (1.14)	5.90 (1.14)	5.69 (1.11)	0.002
C-C motif chemokine 19	CCL19	7.58 (1.27)	7.64 (1.31)	7.42 (1.17)	0.003
Interleukin-15 receptor subunit alpha	IL15RA	1.24 (0.34)	1.27 (0.35)	1.17 (0.30)	< 0.001
Interleukin-10 receptor subunit beta	IL10RB	5.85 (0.33)	5.88 (0.33)	5.79 (0.29)	< 0.001
Interleukin-18 receptor 1	IL18R1	8.44 (0.41)	8.47 (0.42)	8.38 (0.40)	< 0.001
Programmed cell death 1 ligand 1	PDL1	7.24 (0.47)	7.27 (0.48)	7.17 (0.43)	< 0.001
C-X-C motif chemokine 5	CXCL5	11.15 (1.47)	11.14 (1.49)	11.16 (1.42)	0.8
TNF-related activation-induced cytokine	TRANCE	4.56 (0.57)	4.58 (0.57)	4.51 (0.57)	0.036
Hepatocyte growth factor	HGF	8.90 (0.45)	8.95 (0.45)	8.79 (0.44)	< 0.001
Interleukin-12 subunit beta	IL12B	5.48 (0.68)	5.51 (0.70)	5.43 (0.64)	0.075
Matrix metalloproteinase-10	MMP10	8.45 (0.61)	8.47 (0.61)	8.40 (0.60)	0.075
Interleukin-10	IL10	3.38 (0.66)	3.42 (0.68)	3.29 (0.58)	< 0.001
Tumor necrosis factor	TNF	2.81 (0.54)	2.84 (0.54)	2.75 (0.52)	0.008
C-C motif chemokine 23	CCL23	9.21 (0.55)	9.24 (0.57)	9.14 (0.52)	0.002
T-cell surface glycoprotein CD5	CD5	5.72 (0.80)	5.75 (0.81)	5.66 (0.76)	0.068
C-C motif chemokine 3	CCL3	5.03 (0.61)	5.07 (0.62)	4.92 (0.57)	< 0.001
Fms-related tyrosine kinase 3 ligand	FLT3L	9.28 (0.41)	9.30 (0.41)	9.23 (0.41)	0.005
C-X-C motif chemokine 6	CXCL6	8.25 (1.02)	8.25 (1.02)	8.24 (1.05)	0.879
C-X-C motif chemokine 10	CXCL10	8.95 (0.96)	9.00 (0.95)	8.82 (0.97)	0.002
Eukaryotic translation initiation factor 4E-binding protein 1	4EBP1	9.22 (1.19)	9.25 (1.18)	9.13 (1.21)	0.086
SIR2-like protein 2	SIRT2	6.37 (1.72)	6.38 (1.70)	6.33 (1.76)	0.58
C-C motif chemokine 28	CCL28	2.15 (0.39)	2.17 (0.40)	2.10 (0.36)	0.003
Delta and Notch-like epidermal growth factor-related receptor	DNER	9.26 (0.25)	9.26 (0.25)	9.27 (0.24)	0.218
Protein S100-A12	ENRAGE	2.22 (0.86)	2.27 (0.89)	2.10 (0.76)	< 0.001
CD40L receptor	CD40	12.16 (0.63)	12.18 (0.63)	12.12 (0.64)	0.141
Interferon gamma	IFNG	6.83 (0.96)	6.85 (0.95)	6.77 (0.96)	0.157
Fibroblast growth factor-19	FGF19	7.77 (0.93)	7.78 (0.94)	7.74 (0.90)	0.472
Monocyte chemotactic protein 2	MCP2	8.56 (0.74)	8.57 (0.74)	8.54 (0.72)	0.586
Caspase-8	CASP8	2.69 (0.97)	2.73 (0.99)	2.58 (0.91)	0.012
C-C motif chemokine 25	CCL25	5.94 (0.56)	5.98 (0.56)	5.84 (0.53)	< 0.001
Fractalkine	CX3CL1	5.74 (0.42)	5.77 (0.43)	5.67 (0.38)	< 0.001
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 9	TNFRSF9	7.24 (0.47)	7.28 (0.48)	7.13 (0.41)	< 0.001
Neurotrophin-3	NT3	2.24 (0.43)	2.26 (0.45)	2.20 (0.38)	0.04
Tumor necrosis factor (Ligand) superfamily, member 12	TWEAK	9.05 (0.32)	9.05 (0.33)	9.05 (0.32)	0.931
C-C motif chemokine 20	CCL20	4.37 (1.21)	4.43 (1.21)	4.24 (1.19)	0.01
Sulfotransferase 1A1	ST1A1	3.99 (1.13)	4.00 (1.13)	3.98 (1.14)	0.809
STAM-binding protein	STAMBP	7.60 (1.55)	7.62 (1.54)	7.56 (1.57)	0.542
Adenosine Deaminase	ADA	6.33 (0.75)	6.34 (0.77)	6.29 (0.71)	0.195

TNF-beta	TNFB	4.68 (0.47)	4.68 (0.47)	4.67 (0.46)	0.722
Macrophage colony-stimulating factor 1	CSF1	10.05 (0.23)	10.07 (0.23)	10.01 (0.23)	< 0.001

Values are Protein expression (NPX) shown as mean (standard deviation)

**P* for comparison is obtained from t-test

Table S2: Summary of HRV indices

		Overall (n = 1389)	S4 study sample (n = 982)	S4-FF4 study sample (n = 407)	P *
Rényi entropy of the histogram with order (alpha) 4, baseline, [bit]	Rényi4, baseline	3.21 (0.64) 3.21 (2.80, 3.60)	3.18 (0.67) 3.17 (2.76, 3.58)	3.29 (0.55) 3.27 (2.91, 3.67)	0.005 < 0.001
Total power of the density spectra, baseline [ms ²]	TP, baseline	298.23 (908.86) 142.71 (75.31, 269.27)	325.94 (1070.30) 136.82 (70.20, 261.67)	231.40 (222.97) 156.21 (86.55, 290.04)	0.078 0.014
Standard deviation of word sequence, baseline [AU]	SDWS, baseline	0.76 (0.50) 0.71 (0.40, 1.04)	0.74 (0.51) 0.67 (0.37, 1.03)	0.80 (0.45) 0.75 (0.50, 1.05)	0.066 0.005
Standard deviation of the short-term normal-to-normal interval variability, baseline [ms]	SDSA, baseline	15.43 (15.64) 11.68 (7.97, 18.04)	16.12 (17.89) 11.69 (7.83, 18.46)	13.75 (7.67) 11.62 (8.24, 17.45)	0.010 0.983
Compression entropy, baseline [AU]	CE, baseline	0.65 (0.10) 0.65 (0.59, 0.72)	0.65 (0.11) 0.64 (0.58, 0.72)	0.66 (0.09) 0.66 (0.60, 0.73)	0.005 0.002
Rényi entropy of the histogram with order (alpha) 4, follow-up [bit]	Rényi4, follow-up			3.02 (0.62) 3.01 (2.63, 3.40)	
Total power of the density spectra, follow-up [ms ²]	TP, follow-up			175.91 (212.97) 104.29 (58.51, 205.32)	
Standard deviation of word sequence, follow-up [AU]	SDWS, follow-up			0.59 (0.47) 0.50 (0.24, 0.87)	
Standard deviation of the short-term normal-to-normal interval variability, follow-up [ms]	SDSA, follow-up			11.44 (7.42) 9.54 (6.49, 14.43)	
Compression entropy, follow-up [AU]	CE, follow-up			0.61 (0.11) 0.60 (0.54, 0.68)	

Values are shown as mean (standard deviation) and median (25th percentile, 75th percentile)

*P for mean (standard deviation) and median (25th percentile, 75th percentile) comparison are obtained from t-test and Kruskal–Wallis rank-sum test.
AU = Arbitrary Units

, respectively

Table S3: Multivariable unbiased variable selection with partial least squares, random forest, and elastic net regression-specific predictor variables of S4 study sample

Rényi4

MUVR-PLS

- 1 N-terminal prohormone brain natriuretic peptide
- 2 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A
- 3 Men (Ref. Women)
- 4 C-C motif chemokine 23
- 5 Tumor necrosis factor receptor 1
- 6 Interleukin-6
- 7 Tumor necrosis factor receptor 2
- 8 Complement component C1q receptor
- 9 Myoglobin
- 10 Perlecan
- 11 Interleukin-1 receptor antagonist protein
- 12 Vascular endothelial growth factor A
- 13 Thrombospondin-2
- 14 Insulin-like growth factor-binding protein 1
- 15 Leptin
- 16 C-reactive protein
- 17 TNF-related activation-induced cytokine
- 18 Matrix metalloproteinase-2
- 19 Neurogenic locus notch homolog protein 3
- 20 Placenta growth factor
- 21 Hepatocyte growth factor
- 22 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A
- 23 Insulin-like growth factor-binding protein 7
- 24 Fatty acid-binding protein 4
- 25 Transforming growth factor alpha
- 26 Neurotrophin-3
- 27 Galectin-9
- 28 Cadherin-5
- 29 Ephrin type-B receptor 4
- 30 Osteopontin
- 31 Ex-smokers (Ref.: non-smokers)
- 32 Peptidoglycan recognition protein 1
- 33 Fibrinogen
- 34 Cathepsin Z
- 35 Serum amyloid A
- 36 Interleukin-1 receptor-like 2
- 37 Hemoglobin A1c
- 38 Interleukin-18-binding protein
- 39 Superoxide dismutase [Mn], mitochondrial
- 40 Waist circumference
- 41 Age
- 42 Macrophage colony-stimulating factor 1
- 43 Carboxypeptidase A1
- 44 Leukocyte count
- 45 Systolic blood pressure
- 46 Interleukin-1 receptor type 1
- 47 Proprotein convertase subtilisin/kexin type 9
- 48 Monocyte chemotactic protein 4
- 49 Matrix extracellular phosphoglycoprotein
- 50 Cystatin-B
- 51 Metalloproteinase inhibitor 4
- 52 Lymphotoxin-beta receptor
- 53 Oncostatin-M
- 54 Interleukin-2 receptor subunit alpha
- 55 Resistin
- 56 Protein AMBP
- 57 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 14
- 58 Paraoxonase 3

59 Fibroblast growth factor 21
60 CD166 antigen
61 Interleukin-15 receptor subunit alpha

MUVR-RF

1 N-terminal prohormone brain natriuretic peptide
2 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A
3 Interleukin-6
4 Interleukin-10RB
5 Receptor for advanced glycosylation end products
6 Interleukin-1 receptor-like 2
7 C-C motif chemokine 23
8 Waist circumference
9 Thrombospondin-2
10 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
11 Tumor necrosis factor (Ligand) superfamily, member 12
12 Protein AMBP
13 Neurotrophin-3
14 TNF-related activation-induced cytokine
15 Vascular endothelial growth factor D
16 Fibroblast growth factor 21
17 Galectin-4
18 Leukocyte count
19 C-reactive protein
20 C-C motif chemokine 24
21 Lipoprotein lipase
22 Pulmonary surfactant-associated protein D
23 Hemoglobin A1c
24 Peptidoglycan recognition protein 1
25 Matrix metalloproteinase-12
26 Fibroblast growth factor 19
27 Insulin-like growth factor-binding protein 1

MUVR-EN

1 Men (Ref. Women)
2 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A
3 N-terminal prohormone brain natriuretic peptide
4 Interleukin-6
5 Age
6 Insulin-like growth factor-binding protein 1
7 Systolic blood pressure
8 Peptidoglycan recognition protein 1
9 Ex-smokers (Ref.: non-smokers)
10 TNF-related activation-induced cytokine
11 Carboxypeptidase A1
12 C-C motif chemokine 28
13 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10C
14 Hemoglobin A1c
15 Thrombospondin-2
16 Neurotrophin-3
17 C-X-C motif chemokine 9
18 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
19 C-C motif chemokine 23
20 Fibroblast growth factor 21
21 C-C motif chemokine 24
22 Delta and Notch-like epidermal growth factor-related receptor
23 Tumor necrosis factor receptor 1
24 Interleukin-1 receptor-like 2
25 Myoglobin
26 Hydroxyacid oxidase 1
27 Physically active (Ref.: inactive)
28 Combined IFG-IGT (Ref.: Normal glucose tolerance)
29 Waist circumference
30 Osteoclast-associated immunoglobulin-like receptor
31 Cadherin-5

32 Resistin
33 Polymeric immunoglobulin receptor
34 Osteopontin
35 Placenta growth factor
36 Superoxide dismutase [Mn], mitochondrial
37 Protein-glutamine gamma-glutamyltransferase 2
38 C-reactive protein
39 Proprotein convertase subtilisin/kexin type 9
40 Secretoglobin family 3A member 2
41 Metalloproteinase inhibitor 4
42 Protein AMBP
43 Interferon gamma
44 TNF-related apoptosis-inducing ligand receptor 2
45 Monocyte chemotactic protein 4
46 Fibroblast growth factor-23
47 C-C motif chemokine 25
48 Serum amyloid A
49 Chitotriosidase-1
50 Galectin-9
51 TNF-related apoptosis-inducing ligand
52 Newly detected T2D (Ref.: Normal glucose tolerance)
53 Lymphotoxin
54 C-C motif chemokine 16
55 Gastric intrinsic factor
56 Tyrosine-protein kinase Mer
57 Galectin-4
58 Isolated impaired glucose tolerance (Ref.: Normal glucose tolerance)
59 Growth/differentiation factor 2
60 Alpha-L-iduronidase
61 Tumor necrosis factor
62 High-density lipoprotein cholesterol
63 Fms-related tyrosine kinase 3 ligand
64 Low-density lipoprotein receptor
65 Spondin-2
66 V-set and immunoglobulin domain-containing protein 2
67 ENRAGE
68 Complement component C1q receptor
69 Prostatin
70 Tumor necrosis factor (Ligand) superfamily, member 12
71 Interleukin-6 receptor subunit alpha
72 Paraoxonase 3
73 Fatty acid-binding protein, intestinal
74 Tumor necrosis factor ligand superfamily member 13B
75 Transferrin receptor protein 1AP
76 Angiopoietin-1
77 P-selectin glycoprotein ligand 1
78 Receptor for advanced glycosylation end products
79 Urokinase-type plasminogen activator
80 Cathepsin Z
81 Vascular endothelial growth factor D
82 Adenosine Deaminase
83 Caspase-8
84 Eotaxin
85 Matrix metalloproteinase-1
86 Perlecan
87 Uric acid
88 Carbonic anhydrase-5A, mitochondrial
89 Matrix metalloproteinase-12
90 C-C motif chemokine 20
91 Insulin-like growth factor-binding protein 2
92 Interleukin-1 receptor type 1
93 Angiotensin-converting enzyme 2
94 Leptin

95 Prolargin
96 T-cell surface glycoprotein CD8 alpha chain
97 C-X-C motif chemokine 6
98 Interleukin-17 receptor A
99 Macrophage receptor MARCO
100 Renin
101 Carboxypeptidase B
102 Insulin-like growth factor-binding protein 7
103 Matrix metalloproteinase-9
104 Pentraxin-related protein 3
105 CD40L receptor
106 Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type substrate 1
107 Low-density lipoprotein cholesterol
108 Interleukin-12 subunit beta
109 Interleukin-15 receptor subunit alpha
110 Sulfotransferase 1A1
111 Neurogenic locus notch homolog protein 3
112 E-selectin
113 Leukocyte count
114 Dickkopf-related protein 1
115 Pro-interleukin-16
116 Eukaryotic translation initiation factor 4E-binding protein 1
117 Transforming growth factor alpha
118 Epidermal growth factor receptor
119 von Willebrand factor
120 Body mass index
121 Brother of CDO
122 Proheparin-binding EGF-like growth factor
123 Interleukin-10RB
124 Interleukin-2 receptor subunit alpha
125 Tumor necrosis factor receptor 2
126 Known T2D (Ref.: Normal glucose tolerance)
127 Chymotrypsin C
128 Thrombomodulin
129 Monocyte chemotactic protein 1
130 Monocyte chemotactic protein 2
131 Scavenger receptor cysteine-rich type 1 protein M130
132 Matrix metalloproteinase-3
133 Sortilin
134 Cystatin D
135 C-C motif chemokine 15
136 2,4-dienoyl-CoA reductase, mitochondrial
137 Poly [ADP-ribose] polymerase 1
138 CD166 antigen
139 ST2 protein
140 Serpin A12
141 Interleukin-7
142 Interleukin-8
143 Programmed cell death 1 ligand 1
144 Collagen alpha-1(I) chain
145 Cystatin-B
146 Platelet-derived growth factor subunit A
147 Serum adiponectin
148 Monocyte chemotactic protein 3
149 Contactin-1
150 Plasminogen activator inhibitor 1
151 C-C motif chemokine 17
152 Decorin
153 Follistatin
154 Kidney injury molecule
155 Junctional adhesion molecule A
156 Platelet endothelial cell adhesion molecule
157 Angiopoietin-1 receptor

158 C-C motif chemokine 19
159 C-X-C motif chemokine 10
160 Aminopeptidase N
161 Interleukin-1 receptor type 2
162 Calcium antagonists, Yes (Ref.: No)
163 Heme oxygenase 1
164 Platelet-derived growth factor subunit B
165 Fatty acid-binding protein 4
166 Matrix extracellular phosphoglycoprotein
167 Agouti-related protein
168 Fibrinogen
169 Osteoprotegerin
170 Oncostatin-M
171 Tumor necrosis factorRSF9
172 ACE inhibitors, Yes (Ref.: No)
173 Programmed cell death 1 ligand 2
174 CUB domain-containing protein 1
175 Trem-like transcript 2 protein
176 Triglycerides
177 Albumin
178 Interleukin-17D
179 Serine protease 27
180 Diuretics, Yes (Ref.: No)
181 LH_C_BMP6
182 SLAM family member 5
183 Interleukin-18
184 Interleukin-1 receptor antagonist protein
185 Matrix metalloproteinase-7
186 Vascular endothelial growth factor A
187 Diastolic blood pressure
188 Educational attainment
189 Non-steroidal anti-inflammatory drugs, Yes (Ref.: No)
190 Statins, Yes (Ref.: No)
191 Interleukin-27
192 T-cell surface glycoprotein CD5
193 Matrix metalloproteinase-10
194 SIR2-like protein 2
195 C-X-C motif chemokine 16
196 Ephrin type-B receptor 4
197 Growth/differentiation factor 15
198 Retinoic acid receptor responder protein 2
199 Growth hormone
200 C-C motif chemokine 4
201 Transferrin receptor protein 1
202 T-cell surface glycoprotein CD4
203 STAM-binding protein
204 Kallikrein-6
205 Pulmonary surfactant-associated protein D
206 P-selectin
207 Lipoprotein lipase
208 Stem cell factor
209 T cell surface glycoprotein CD6 isoform
210 Fibroblast growth factor 19
211 Protein delta homolog 1
212 Intercellular adhesion molecule 2
213 Integrin beta-2
214 Isolated impaired fasting glucose (Ref.: Normal glucose tolerance)
215 Beta-blockers, Yes (Ref.: No)
216 T-cell surface glycoprotein CD40 ligand
217 Proto-oncogene tyrosine-protein kinase Src
218 Tissue factor pathway inhibitor
219 Current smokers (Ref.: non-smokers)
220 Thrombopoietin

- 221 Fractalkine
- 222 Matrix metalloproteinase-2
- 223 A disintegrin and metalloproteinase with thrombospondin motifs 13
- 224 Cathepsin L1
- 225 Interleukin-4 receptor subunit alpha
- 226 Interleukin-10
- 227 Interleukin-18 receptor 1
- 228 Alcohol consumption

TP

MUVR-PLS

- 1 N-terminal prohormone brain natriuretic peptide
- 2 Newly detected T2D (Ref.: Normal glucose tolerance)
- 3 Thrombospondin-2
- 4 Ex-smokers (Ref.: non-smokers)
- 5 Receptor for advanced glycosylation end products
- 6 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A
- 7 Matrix metalloproteinase-2
- 8 Interleukin-1 receptor-like 2
- 9 TNF-related activation-induced cytokine
- 10 Cadherin-5
- 11 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
- 12 Insulin-like growth factor-binding protein 7
- 13 Neurogenic locus notch homolog protein 3
- 14 Insulin-like growth factor-binding protein 1
- 15 Lipoprotein lipase
- 16 Cystatin D
- 17 Physically active (Ref.: inactive)
- 18 Pentraxin-related protein 3
- 19 Complement component C1q receptor
- 20 Men (Ref. Women)
- 21 Insulin-like growth factor-binding protein 2
- 22 Contactin-1
- 23 C-C motif chemokine 23
- 24 Vascular endothelial growth factor D
- 25 Interferon gamma
- 26 Albumin
- 27 Neurotrophin-3
- 28 C-C motif chemokine 28
- 29 Growth/differentiation factor 2
- 30 Pulmonary surfactant-associated protein D
- 31 Matrix metalloproteinase-1
- 32 Perlecan
- 33 Adenosine Deaminase
- 34 Sulfotransferase 1A1
- 35 Brother of CDO
- 36 Proprotein convertase subtilisin/kexin type 9
- 37 Interleukin-2 receptor subunit alpha
- 38 Systolic blood pressure
- 39 Caspase-8
- 40 Leptin
- 41 Protein AMBP
- 42 Myoglobin
- 43 Hydroxyacid oxidase 1
- 44 Decorin
- 45 ST2 protein
- 46 Chitotriosidase-1
- 47 Interleukin-6 receptor subunit alpha
- 48 Interleukin-1 receptor antagonist protein
- 49 Secretoglobulin family 3A member 2
- 50 Beta-blockers, Yes (Ref.: No)
- 51 C-X-C motif chemokine 1
- 52 Uric acid

- 53 Sortilin
- 54 Tyrosine-protein kinase receptor UFO
- 55 STAM-binding protein
- 56 Transferrin receptor protein 1AP
- 57 Aminopeptidase N
- 58 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10C
- 59 Diastolic blood pressure
- 60 Poly [ADP-ribose] polymerase 1
- 61 C-C motif chemokine 19

MUVR-RF

- 1 TNF-related activation-induced cytokine
- 2 Lipoprotein lipase
- 3 Vascular endothelial growth factor D
- 4 SLAM family member 5
- 5 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
- 6 Interleukin-2 receptor subunit alpha
- 7 Scavenger receptor cysteine-rich type 1 protein M130
- 8 Tyrosine-protein kinase receptor UFO

MUVR-EN

- 1 Interleukin-1 receptor-like 2
- 2 TNF-related activation-induced cytokine
- 3 N-terminal prohormone brain natriuretic peptide
- 4 Systolic blood pressure
- 5 Ex-smokers (Ref.: non-smokers)
- 6 Newly detected T2D (Ref.: Normal glucose tolerance)
- 7 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A
- 8 Chitotriosidase-1
- 9 Insulin-like growth factor-binding protein 1
- 10 Neurotrophin-3
- 11 Physically active (Ref.: inactive)
- 12 Receptor for advanced glycosylation end products
- 13 C-C motif chemokine 28
- 14 C-C motif chemokine 23
- 15 Sulfotransferase 1A1
- 16 Cystatin D
- 17 Matrix metalloproteinase-1
- 18 Interleukin-6 receptor subunit alpha
- 19 Matrix metalloproteinase-2
- 20 Thrombospondin-2
- 21 C-C motif chemokine 19
- 22 Cadherin-5
- 23 Contactin-1
- 24 Men (Ref. Women)
- 25 Heat shock 27 kDa protein
- 26 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
- 27 Albumin
- 28 Galectin-9
- 29 Growth/differentiation factor 2
- 30 Caspase-8
- 31 Integrin beta-2
- 32 Alpha-L-iduronidase
- 33 Adenosine Deaminase
- 34 C-X-C motif chemokine 9
- 35 Complement component C1q receptor
- 36 Neurogenic locus notch homolog protein 3
- 37 Proprotein convertase subtilisin/kexin type 9
- 38 Protein AMBP
- 39 Interleukin-1 receptor antagonist protein
- 40 Fibroblast growth factor 21
- 41 Pulmonary surfactant-associated protein D
- 42 Beta-blockers, Yes (Ref.: No)
- 43 Fatty acid-binding protein, intestinal
- 44 Pentraxin-related protein 3

45 Protein-glutamine gamma-glutamyltransferase 2
46 Vascular endothelial growth factor D
47 C-C motif chemokine 20
48 ENRAGE
49 Interleukin-6
50 Transforming growth factor alpha
51 Epithelial cell adhesion molecule
52 Insulin-like growth factor-binding protein 2
53 Insulin-like growth factor-binding protein 7
54 Myoglobin
55 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10C
56 Diastolic blood pressure
57 Angiopoietin-1
58 Hydroxyacid oxidase 1
59 Heme oxygenase 1
60 Osteoclast-associated immunoglobulin-like receptor
61 Interleukin-18
62 Thrombomodulin
63 Interleukin-8
64 Tumor necrosis factorRSF9
65 Vascular endothelial growth factor A
66 Interleukin-17 receptor A
67 Peptidoglycan recognition protein 1
68 Secretoglobin family 3A member 2
69 Transferrin receptor protein 1AP
70 Brother of CDO
71 Lipoprotein lipase
72 Sortilin
73 Fms-related tyrosine kinase 3 ligand
74 Interferon gamma
75 Interleukin-10RB
76 Interleukin-12 subunit beta
77 Monocyte chemotactic protein 3
78 Granulins
79 Interleukin-2 receptor subunit alpha
80 Resistin
81 E-selectin
82 Tissue factor pathway inhibitor
83 Metalloproteinase inhibitor 4
84 Uric acid
85 Low-density lipoprotein cholesterol
86 A disintegrin and metalloproteinase with thrombospondin motifs 13
87 Carbonic anhydrase-5A, mitochondrial
88 Fibroblast growth factor-23
89 P-selectin glycoprotein ligand 1
90 Macrophage colony-stimulating factor 1
91 C-X-C motif chemokine 1
92 Monocyte chemotactic protein 2
93 Retinoic acid receptor responder protein 2
94 Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type substrate 1
95 ST2 protein
96 Tumor necrosis factor receptor 2
97 Triglycerides
98 Poly [ADP-ribose] polymerase 1
99 Serpin A12
100 Interleukin-15 receptor subunit alpha
101 TNF-related apoptosis-inducing ligand
102 Kallikrein-6
103 Low-density lipoprotein receptor
104 Myeloperoxidase
105 Interleukin-27
106 Leptin
107 Macrophage receptor MARCO

108 Prolargin
109 Platelet-derived growth factor subunit A
110 Perlecan
111 Adrenomedullin
112 T-cell surface glycoprotein CD5
113 Monocyte chemotactic protein 4
114 Urokinase plasminogen activator surface receptor
115 von Willebrand factor
116 Non-steroidal anti-inflammatory drugs, Yes (Ref.: No)
117 Waist circumference
118 C-C motif chemokine 4
119 Osteoprotegerin
120 C-C motif chemokine 24
121 Isolated impaired fasting glucose (Ref.: Normal glucose tolerance)
122 C-C motif chemokine 25
123 Tumor necrosis factor (Ligand) superfamily, member 12
124 CD166 antigen
125 C-X-C motif chemokine 16
126 High-density lipoprotein cholesterol
127 Isolated impaired glucose tolerance (Ref.: Normal glucose tolerance)
128 Glucose-lowering drugs, Yes (Ref.: No)
129 Pro-interleukin-16
130 Stem cell factor
131 Delta and Notch-like epidermal growth factor-related receptor
132 Fibroblast growth factor 19
133 Hepatocyte growth factor
134 Serum amyloid A
135 Current smokers (Ref.: non-smokers)
136 Platelet-derived growth factor subunit B
137 Polymeric immunoglobulin receptor
138 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 13B
139 Interleukin-10
140 Aminopeptidase N
141 Growth hormone
142 Angiopoietin-1 receptor
143 T cell surface glycoprotein CD6 isoform
144 Tyrosine-protein kinase receptor UFO
145 Statins, Yes (Ref.: No)
146 Decorin
147 Proteinase-activated receptor 1
148 Tissue factor
149 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A
150 Tissue-type plasminogen activator
151 Agouti-related protein
152 Chymotrypsin C
153 Gastrotropin
154 Tyrosine-protein kinase Mer
155 T-cell surface glycoprotein CD8 alpha chain
156 SIR2-like protein 2
157 Trem-like transcript 2 protein
158 CUB domain-containing protein 1
159 C-X-C motif chemokine 10
160 Interleukin-18 receptor 1
161 Tumor necrosis factor receptor 1
162 Diuretics, Yes (Ref.: No)
163 Gastric intrinsic factor
164 Natural killer cell receptor 2B4
165 Cystatin-B
166 Cathepsin Z
167 Alcohol consumption
168 Calcium antagonists, Yes (Ref.: No)
169 Interleukin-7
170 Programmed cell death 1 ligand 1

171 Protein delta homolog 1
 172 Platelet glycoprotein VI
 173 2,4-dienoyl-CoA reductase, mitochondrial
 174 Lactoylglutathione lyase
 175 Lymphotactin
 176 CD40L receptor
 177 C-C motif chemokine 16
 178 Carcinoembryonic antigenrelated cell adhesion molecule 8
 179 Follistatin
 180 Fibrinogen
 181 Leukocyte count
 182 Age
 183 Serum adiponectin
 184 Eotaxin
 185 STAM-binding protein
 186 Oncostatin-M
 187 Carboxypeptidase B
 188 Osteopontin
 189 SLAM family member 5
 190 C-X-C motif chemokine 5
 191 Urokinase-type plasminogen activator
 192 Chitinase-3-like protein 1
 193 Matrix metalloproteinase-9
 194 Transferrin receptor protein 1
 195 TNF-related apoptosis-inducing ligand receptor 2
 196 C-C motif chemokine 3
 197 Tumor necrosis factorB
 198 Epidermal growth factor receptor
 199 Galectin-4
 200 Dickkopf-related protein 1
 201 Serine protease 27
 202 Creatinine
 203 Known T2D (Ref.: Normal glucose tolerance)

SDWS

MUVR-PLS

1 Men (Ref. Women)
 2 Leptin
 3 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A
 4 Interleukin-1 receptor-like 2
 5 Fatty acid-binding protein 4
 6 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A
 7 C-C motif chemokine 23
 8 Age
 9 TNF-related activation-induced cytokine
 10 Tumor necrosis factor receptor 1
 11 Thrombospondin-2
 12 Spondin-2
 13 Complement component C1q receptor
 14 Transforming growth factor alpha
 15 Ex-smokers (Ref.: non-smokers)
 16 Myoglobin
 17 Cadherin-5
 18 N-terminal prohormone brain natriuretic peptide
 19 Macrophage colony-stimulating factor 1
 20 Insulin-like growth factor-binding protein 1
 21 Proprotein convertase subtilisin/kexin type 9
 22 Perlecan
 23 Neurogenic locus notch homolog protein 3
 24 Matrix metalloproteinase-2
 25 Insulin-like growth factor-binding protein 7
 26 Osteopontin
 27 Tumor necrosis factorRSF9

- 28 C-C motif chemokine 24
- 29 Tumor necrosis factor receptor 2
- 30 C-X-C motif chemokine 9
- 31 Protein AMBP
- 32 Systolic blood pressure
- 33 Adrenomedullin
- 34 Osteoclast-associated immunoglobulin-like receptor
- 35 Aminopeptidase N
- 36 Placenta growth factor
- 37 TNF-related apoptosis-inducing ligand
- 38 Interleukin-1 receptor type 1
- 39 Vascular endothelial growth factor A
- 40 Interleukin-10RB
- 41 Tyrosine-protein kinase receptor UFO
- 42 ST2 protein
- 43 Peptidoglycan recognition protein 1
- 44 Interferon gamma
- 45 Paraoxonase 3
- 46 Thrombomodulin
- 47 Ephrin type-B receptor 4
- 48 Waist circumference

MUVR-RF

- 1 N-terminal prohormone brain natriuretic peptide
- 2 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A
- 3 Interleukin-10RB
- 4 Interleukin-1 receptor-like 2
- 5 Waist circumference
- 6 TNF-related activation-induced cytokine
- 7 Transforming growth factor alpha
- 8 Interleukin-8
- 9 Matrix metalloproteinase-1
- 10 Thrombospondin-2
- 11 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
- 12 C-C motif chemokine 23
- 13 Spondin-2
- 14 Prolargin
- 15 Uric acid
- 16 Epithelial cell adhesion molecule
- 17 Albumin
- 18 Lipoprotein lipase
- 19 Interleukin-6
- 20 Receptor for advanced glycosylation end products
- 21 Pulmonary surfactant-associated protein D
- 22 Vascular endothelial growth factor D
- 23 Superoxide dismutase [Mn], mitochondrial
- 24 C-C motif chemokine 19

MUVR-EN

- 1 Men (Ref. Women)
- 2 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A
- 3 Age
- 4 Interleukin-1 receptor-like 2
- 5 Ex-smokers (Ref.: non-smokers)
- 6 Transforming growth factor alpha
- 7 Insulin-like growth factor-binding protein 1
- 8 N-terminal prohormone brain natriuretic peptide
- 9 Systolic blood pressure
- 10 Thrombospondin-2
- 11 Interleukin-6
- 12 TNF-related activation-induced cytokine
- 13 C-X-C motif chemokine 9
- 14 ENRAGE
- 15 Cadherin-5
- 16 Myoglobin

17 Osteoclast-associated immunoglobulin-like receptor
18 C-C motif chemokine 24
19 Proprotein convertase subtilisin/kexin type 9
20 Peptidoglycan recognition protein 1
21 Spondin-2
22 Fibroblast growth factor-23
23 Hydroxyacid oxidase 1
24 Alpha-L-iduronidase
25 C-C motif chemokine 23
26 Interferon gamma
27 Carboxypeptidase A1
28 Osteopontin
29 Tumor necrosis factor receptor 1
30 Newly detected T2D (Ref.: Normal glucose tolerance)
31 Vascular endothelial growth factor D
32 Delta and Notch-like epidermal growth factor-related receptor
33 Serum amyloid A
34 Albumin
35 Fibroblast growth factor 21
36 Neurotrophin-3
37 TNF-related apoptosis-inducing ligand
38 Urokinase-type plasminogen activator
39 C-C motif chemokine 16
40 Chitotriosidase-1
41 ST2 protein
42 Waist circumference
43 Superoxide dismutase [Mn], mitochondrial
44 Thrombomodulin
45 C-X-C motif chemokine 10
46 Neurogenic locus notch homolog protein 3
47 Physically active (Ref.: inactive)
48 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
49 Leptin
50 Tyrosine-protein kinase Mer
51 Paraoxonase 3
52 Placenta growth factor
53 Lymphotactin
54 Matrix metalloproteinase-1
55 Complement component C1q receptor
56 Decorin
57 Caspase-8
58 Interleukin-12 subunit beta
59 Low-density lipoprotein receptor
60 Beta-blockers, Yes (Ref.: No)
61 Protein AMBP
62 Chymotrypsin C
63 TNF-related apoptosis-inducing ligand receptor 2
64 Adenosine Deaminase
65 C-X-C motif chemokine 6
66 Interleukin-17 receptor A
67 Fatty acid-binding protein, intestinal
68 Growth hormone
69 Prostatin
70 Pentraxin-related protein 3
71 Sortilin
72 Resistin
73 Carbonic anhydrase-5A, mitochondrial
74 CUB domain-containing protein 1
75 Monocyte chemotactic protein 1
76 Monocyte chemotactic protein 4
77 Carboxypeptidase B
78 Epidermal growth factor receptor
79 Alcohol consumption

80 Diuretics, Yes (Ref.: No)
81 Growth/differentiation factor 2
82 Polymeric immunoglobulin receptor
83 Eotaxin
84 Galectin-4
85 Insulin-like growth factor-binding protein 7
86 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10C
87 Macrophage receptor MARCO
88 V-set and immunoglobulin domain-containing protein 2
89 C-reactive protein
90 C-C motif chemokine 25
91 C-C motif chemokine 28
92 Tumor necrosis factorRSF9
93 Collagen alpha-1(I) chain
94 Perlecan
95 Secretoglobulin family 3A member 2
96 Combined IFG-IGT (Ref.: Normal glucose tolerance)
97 Known T2D (Ref.: Normal glucose tolerance)
98 Follistatin
99 Angiopoietin-1 receptor
100 C-C motif chemokine 4
101 Scavenger receptor cysteine-rich type 1 protein M130
102 Interleukin-6 receptor subunit alpha
103 2,4-dienoyl-CoA reductase, mitochondrial
104 Protein-glutamine gamma-glutamyltransferase 2
105 Monocyte chemotactic protein 2
106 Osteoprotegerin
107 Cathepsin Z
108 Insulin-like growth factor-binding protein 2
109 Proheparin-binding EGF-like growth factor
110 Matrix metalloproteinase-2
111 Hemoglobin A1c
112 Low-density lipoprotein cholesterol
113 Cystatin D
114 Uric acid
115 Carcinoembryonic antigenrelated cell adhesion molecule 8
116 Fms-related tyrosine kinase 3 ligand
117 Interleukin-8
118 Aminopeptidase N
119 Fatty acid-binding protein 4
120 Interleukin-1 receptor type 1
121 Integrin beta-2
122 Platelet-derived growth factor subunit A
123 Tumor necrosis factor receptor 2
124 Angiotensin-converting enzyme 2
125 Dickkopf-related protein 1
126 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A
127 Interleukin-10RB
128 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 6
129 Educational attainment
130 Galectin-9
131 Latency-associated peptide transforming growth factor beta-1
132 Tumor necrosis factor
133 Protein delta homolog 1
134 Lectin-like oxidized LDL receptor 1
135 C-C motif chemokine 20
136 Fractalkine
137 Brother of CDO
138 Receptor for advanced glycosylation end products
139 T-cell surface glycoprotein CD8 alpha chain
140 Monocyte chemotactic protein 3
141 Vascular endothelial growth factor A
142 Junctional adhesion molecule A

143 Tumor necrosis factor ligand superfamily member 13B
144 High-density lipoprotein cholesterol
145 Interleukin-18
146 Eukaryotic translation initiation factor 4E-binding protein 1
147 CD40L receptor
148 Tyrosine-protein kinase receptor UFO
149 Contactin-1
150 Transferrin receptor protein 1
151 Renin
152 Gastric intrinsic factor
153 T-cell surface glycoprotein CD5
154 C-X-C motif chemokine 11
155 Tissue factor pathway inhibitor
156 Non-steroidal anti-inflammatory drugs, Yes (Ref.: No)
157 Fibroblast growth factor 19
158 Myeloperoxidase
159 Urokinase plasminogen activator surface receptor
160 E-selectin
161 P-selectin
162 ACE inhibitors, Yes (Ref.: No)
163 Sulfotransferase 1A1
164 Interleukin-2 receptor subunit alpha
165 Metalloproteinase inhibitor 4
166 Calcium antagonists, Yes (Ref.: No)
167 A disintegrin and metalloproteinase with thrombospondin motifs 13
168 Interleukin-10
169 Interleukin-1 receptor type 2
170 Isolated impaired glucose tolerance (Ref.: Normal glucose tolerance)
171 Angiopoietin-1
172 Interleukin-1 receptor antagonist protein
173 Kidney injury molecule
174 Matrix metalloproteinase-12
175 Cystatin-B
176 Plasminogen activator inhibitor 1
177 Platelet endothelial cell adhesion molecule
178 Interleukin-27
179 Hepatocyte growth factor
180 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 14
181 Statins, Yes (Ref.: No)
182 Serine protease 27
183 STAM-binding protein
184 Tumor necrosis factor (Ligand) superfamily, member 12
185 Diastolic blood pressure
186 Adrenomedullin
187 Interleukin-4 receptor subunit alpha
188 P-selectin glycoprotein ligand 1
189 Epithelial cell adhesion molecule
190 Granulins
191 Pulmonary surfactant-associated protein D
192 Ephrin type-B receptor 4
193 Lipoprotein lipase
194 C-C motif chemokine 19
195 Programmed cell death 1 ligand 1
196 SIR2-like protein 2
197 Matrix metalloproteinase-3
198 Isolated impaired fasting glucose (Ref.: Normal glucose tolerance)
199 Cathepsin L1
200 Gastrotropin
201 Prolargin
202 Fibrinogen
203 Macrophage colony-stimulating factor 1
204 C-C motif chemokine 17
205 Matrix metalloproteinase-7

206 Programmed cell death 1 ligand 2
207 Serpin A12
208 Proto-oncogene tyrosine-protein kinase Src
209 Thrombopoietin
210 Interleukin-7
211 Intercellular adhesion molecule 2
212 Kallikrein-6
213 Trem-like transcript 2 protein
214 Tissue-type plasminogen activator

SDSA

MUVR-PLS

1 N-terminal prohormone brain natriuretic peptide
2 Thrombospondin-2
3 Insulin-like growth factor-binding protein 7
4 Matrix metalloproteinase-2
5 Ex-smokers (Ref.: non-smokers)
6 Neurogenic locus notch homolog protein 3
7 Osteoclast-associated immunoglobulin-like receptor
8 Decorin
9 Cadherin-5
10 Neurotrophin-3
11 Transferrin receptor protein 1AP
12 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A
13 Beta-blockers, Yes (Ref.: No)
14 Newly detected T2D (Ref.: Normal glucose tolerance)
15 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
16 Receptor for advanced glycosylation end products
17 Interleukin-1 receptor-like 2
18 Pulmonary surfactant-associated protein D
19 Interleukin-10RB
20 Proprotein convertase subtilisin/kexin type 9
21 Tumor necrosis factor receptor 2
22 Hydroxyacid oxidase 1
23 C-C motif chemokine 28
24 C-C motif chemokine 23
25 ST2 protein
26 Perlecan
27 Angiotensin-converting enzyme 2
28 Men (Ref. Women)
29 Protein AMBP
30 Interleukin-2 receptor subunit alpha
31 TNF-related activation-induced cytokine
32 Pentraxin-related protein 3
33 Tumor necrosis factor receptor 1
34 Growth/differentiation factor 15
35 Complement component C1q receptor
36 Lipoprotein lipase
37 Thrombomodulin
38 Trem-like transcript 2 protein
39 Physically active (Ref.: inactive)
40 Growth/differentiation factor 2
41 Osteopontin
42 Systolic blood pressure
43 Matrix metalloproteinase-1
44 Insulin-like growth factor-binding protein 1
45 Uric acid
46 Contactin-1
47 Insulin-like growth factor-binding protein 2
48 Adrenomedullin
49 Chitinase-3-like protein 1
50 Spondin-2
51 Waist circumference

- 52 Thrombopoietin
- 53 Ephrin type-B receptor 4
- 54 Low-density lipoprotein receptor
- 55 Interleukin-18-binding protein
- 56 Tumor necrosis factorRSF9
- 57 Fractalkine
- 58 Leptin
- 59 Epithelial cell adhesion molecule
- 60 Vascular endothelial growth factor D
- 61 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A

MUVR-RF

- 1 N-terminal prohormone brain natriuretic peptide
- 2 Vascular endothelial growth factor D
- 3 Interleukin-10RB
- 4 Thrombospondin-2
- 5 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
- 6 TNF-related activation-induced cytokine
- 7 SLAM family member 5
- 8 Receptor for advanced glycosylation end products

MUVR-EN

- 1 Osteoclast-associated immunoglobulin-like receptor
- 2 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
- 3 Thrombospondin-2
- 4 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A
- 5 C-C motif chemokine 23
- 6 C-C motif chemokine 28
- 7 Neurotrophin-3
- 8 N-terminal prohormone brain natriuretic peptide
- 9 Systolic blood pressure
- 10 Ex-smokers (Ref.: non-smokers)
- 11 Hydroxyacid oxidase 1
- 12 Receptor for advanced glycosylation end products
- 13 Matrix metalloproteinase-1
- 14 Cadherin-5
- 15 Interleukin-1 receptor-like 2
- 16 TNF-related activation-induced cytokine
- 17 Insulin-like growth factor-binding protein 7
- 18 Pulmonary surfactant-associated protein D
- 19 Transferrin receptor protein 1AP
- 20 Newly detected T2D (Ref.: Normal glucose tolerance)
- 21 Physically active (Ref.: inactive)
- 22 Proprotein convertase subtilisin/kexin type 9
- 23 Interleukin-10RB
- 24 Chitotriosidase-1
- 25 Epithelial cell adhesion molecule
- 26 Growth/differentiation factor 2
- 27 Fibroblast growth factor 21
- 28 Insulin-like growth factor-binding protein 1
- 29 Men (Ref. Women)
- 30 Alpha-L-iduronidase
- 31 Waist circumference
- 32 Pentraxin-related protein 3
- 33 C-C motif chemokine 20
- 34 Contactin-1
- 35 Tumor necrosis factor receptor 2
- 36 Prolargin
- 37 Sulfotransferase 1A1
- 38 Neurogenic locus notch homolog protein 3
- 39 Insulin-like growth factor-binding protein 2
- 40 Interleukin-2 receptor subunit alpha
- 41 Beta-blockers, Yes (Ref.: No)
- 42 Tumor necrosis factorRSF9
- 43 Lipoprotein lipase

44 Interferon gamma
45 Caspase-8
46 E-selectin
47 Resistin
48 Tumor necrosis factor (Ligand) superfamily, member 12
49 High-density lipoprotein cholesterol
50 Decorin
51 Glucose-lowering drugs, Yes (Ref.: No)
52 Paraoxonase 3
53 Vascular endothelial growth factor D
54 Interleukin-8
55 Low-density lipoprotein receptor
56 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10C
57 Sortilin
58 CUB domain-containing protein 1
59 Educational attainment
60 Metalloproteinase inhibitor 4
61 Protein-glutamine gamma-glutamyltransferase 2
62 Body mass index
63 Galectin-9
64 Interleukin-17 receptor A
65 Serum amyloid A
66 Osteopontin
67 Macrophage receptor MARCO
68 Tissue factor pathway inhibitor
69 Thrombomodulin
70 Angiopoietin-1
71 Adenosine Deaminase
72 Monocyte chemotactic protein 4
73 Tumor necrosis factor receptor 1
74 Albumin
75 Lymphotoxin
76 Complement component C1q receptor
77 Matrix metalloproteinase-3
78 Serpin A12
79 Fibrinogen
80 ST2 protein
81 Tumor necrosis factor ligand superfamily member 13B
82 ENRAGE
83 TNF-related apoptosis-inducing ligand
84 Secretoglobulin family 3A member 2
85 Angiopoietin-1 receptor
86 Diuretics, Yes (Ref.: No)
87 Protein AMBP
88 Non-steroidal anti-inflammatory drugs, Yes (Ref.: No)
89 Heme oxygenase 1
90 Matrix metalloproteinase-9
91 C-X-C motif chemokine 9
92 Epidermal growth factor receptor
93 Granulins
94 Uric acid
95 Urokinase-type plasminogen activator
96 C-C motif chemokine 4
97 Peptidoglycan recognition protein 1
98 Cystatin D
99 Prostatin
100 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A
101 C-X-C motif chemokine 10
102 Transforming growth factor alpha
103 Chymotrypsin C
104 Combined IFG-IGT (Ref.: Normal glucose tolerance)
105 Spondin-2
106 Matrix metalloproteinase-2

107 Tissue-type plasminogen activator
 108 Superoxide dismutase [Mn], mitochondrial
 109 Leukocyte count
 110 T-cell surface glycoprotein CD5
 111 Tyrosine-protein kinase Mer
 112 ACE inhibitors, Yes (Ref.: No)
 113 Current smokers (Ref.: non-smokers)
 114 CD166 antigen
 115 Matrix metalloproteinase-12
 116 C-X-C motif chemokine 1
 117 Oncostatin-M
 118 Tumor necrosis factor
 119 Adrenomedullin
 120 Retinoic acid receptor responder protein 2
 121 Placenta growth factor
 122 Tissue factor
 123 C-reactive protein

CE

MUVR-PLS

1 N-terminal prohormone brain natriuretic peptide
 2 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A
 3 Interleukin-6
 4 C-reactive protein
 5 Tumor necrosis factor receptor 1
 6 Tumor necrosis factor receptor 2
 7 Neurogenic locus notch homolog protein 3
 8 Insulin-like growth factor-binding protein 7
 9 Thrombospondin-2
 10 Complement component C1q receptor
 11 Perlecan
 12 Paraoxonase 3
 13 Cadherin-5
 14 Matrix metalloproteinase-2
 15 Interleukin-2 receptor subunit alpha
 16 Serum amyloid A
 17 Contactin-1
 18 C-C motif chemokine 23
 19 Placenta growth factor
 20 TNF-related activation-induced cytokine
 21 Interleukin-18-binding protein
 22 Lymphotoxin-beta receptor
 23 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A
 24 Osteopontin
 25 Neurotrophin-3
 26 Receptor for advanced glycosylation end products
 27 Systolic blood pressure
 28 Ephrin type-B receptor 4
 29 Osteoclast-associated immunoglobulin-like receptor
 30 Hydroxyacid oxidase 1
 31 CD166 antigen
 32 Interleukin-15 receptor subunit alpha
 33 Hepatocyte growth factor
 34 Superoxide dismutase [Mn], mitochondrial
 35 Cathepsin Z
 36 Galectin-9
 37 Tyrosine-protein kinase Mer
 38 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 9
 39 Interleukin-1 receptor type 1
 40 TNF-related apoptosis-inducing ligand receptor 2
 41 Physically active (Ref.: inactive)
 42 Fibroblast growth factor 21
 43 Matrix extracellular phosphoglycoprotein

- 44 Collagen alpha-1(I) chain
- 45 Combined IFG-IGT (Ref.: Normal glucose tolerance)
- 46 Urokinase plasminogen activator surface receptor
- 47 Growth/differentiation factor 15
- 48 Fibrinogen
- 49 Leukocyte count
- 50 Interleukin-6 receptor subunit alpha
- 51 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 14
- 52 Vascular endothelial growth factor A
- 53 Proprotein convertase subtilisin/kexin type 9
- 54 Hemoglobin A1c

MUVR-RF

- 1 Interleukin-6
- 2 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A
- 3 N-terminal prohormone brain natriuretic peptide
- 4 Tumor necrosis factor (Ligand) superfamily, member 12
- 5 Waist circumference
- 6 Vascular endothelial growth factor D
- 7 TNF-related activation-induced cytokine
- 8 Thrombospondin-2
- 9 C-C motif chemokine 23
- 10 Peptidoglycan recognition protein 1
- 11 Receptor for advanced glycosylation end products
- 12 Contactin-1
- 13 Protein AMBP
- 14 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
- 15 Growth/differentiation factor 15
- 16 C-reactive protein
- 17 Interleukin-10
- 18 Metalloproteinase inhibitor 4
- 19 Interleukin-1 receptor-like 2
- 20 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10C
- 21 Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type substrate 1

MUVR-EN

- 1 Thrombospondin-2
- 2 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A
- 3 Interleukin-6
- 4 TNF-related activation-induced cytokine
- 5 N-terminal prohormone brain natriuretic peptide
- 6 Hemoglobin A1c
- 7 Age
- 8 Physically active (Ref.: inactive)
- 9 Hydroxyacid oxidase 1
- 10 Superoxide dismutase [Mn], mitochondrial
- 11 Peptidoglycan recognition protein 1
- 12 Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type substrate 1
- 13 Combined IFG-IGT (Ref.: Normal glucose tolerance)
- 14 Systolic blood pressure
- 15 Angiopoietin-1
- 16 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
- 17 Neurotrophin-3
- 18 Interleukin-6 receptor subunit alpha
- 19 Osteoclast-associated immunoglobulin-like receptor
- 20 Tyrosine-protein kinase Mer
- 21 Matrix metalloproteinase-12
- 22 Fibroblast growth factor 21
- 23 Fms-related tyrosine kinase 3 ligand
- 24 Tumor necrosis factor
- 25 Cadherin-5
- 26 Insulin-like growth factor-binding protein 7
- 27 Low-density lipoprotein receptor
- 28 Matrix metalloproteinase-3
- 29 Neurogenic locus notch homolog protein 3

30 Paraoxonase 3
31 Resistin
32 Tumor necrosis factor receptor 1
33 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10C
34 Uric acid
35 Ex-smokers (Ref.: non-smokers)
36 Men (Ref. Women)
37 Angiotensin-converting enzyme 2
38 A disintegrin and metalloproteinase with thrombospondin motifs 13
39 LH_C_BMP6
40 Brother of CDO
41 C-C motif chemokine 17
42 T-cell surface glycoprotein CD4
43 Cathepsin L1
44 Fatty acid-binding protein, intestinal
45 Fibroblast growth factor-23
46 Galectin-9
47 Gastric intrinsic factor
48 Proheparin-binding EGF-like growth factor
49 Pro-interleukin-16
50 Interleukin-1 receptor antagonist protein
51 Interleukin-1 receptor-like 2
52 Interleukin-27
53 Kidney injury molecule
54 Leptin
55 Lectin-like oxidized LDL receptor 1
56 Lipoprotein lipase
57 Matrix metalloproteinase-7
58 Poly [ADP-ribose] polymerase 1
59 Platelet-derived growth factor subunit B
60 Placenta growth factor
61 Prolargin
62 Serine protease 27
63 Prostasin
64 P-selectin glycoprotein ligand 1
65 Receptor for advanced glycosylation end products
66 Renin
67 Spondin-2
68 Protein-glutamine gamma-glutamyltransferase 2
69 Thrombomodulin
70 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 13B
71 TNF-related apoptosis-inducing ligand receptor 2
72 Vascular endothelial growth factor D
73 C-reactive protein
74 Fibrinogen
75 Eukaryotic translation initiation factor 4E-binding protein 1
76 Adenosine Deaminase
77 Caspase-8
78 Eotaxin
79 C-C motif chemokine 19
80 C-C motif chemokine 23
81 C-C motif chemokine 25
82 C-C motif chemokine 28
83 C-C motif chemokine 3
84 Natural killer cell receptor 2B4
85 T-cell surface glycoprotein CD5
86 T cell surface glycoprotein CD6 isoform
87 T-cell surface glycoprotein CD8 alpha chain
88 Cystatin D
89 Fractalkine
90 C-X-C motif chemokine 1
91 C-X-C motif chemokine 10
92 C-X-C motif chemokine 9

93 Hepatocyte growth factor
94 Interleukin-10RB
95 Interleukin-15 receptor subunit alpha
96 Interleukin-7
97 Interleukin-8
98 Monocyte chemotactic protein 1
99 Monocyte chemotactic protein 4
100 Matrix metalloproteinase-1
101 Matrix metalloproteinase-10
102 Osteoprotegerin
103 Sulfotransferase 1A1
104 Tumor necrosis factorB
105 TNF-related apoptosis-inducing ligand
106 Tumor necrosis factor (Ligand) superfamily, member 12
107 Serum amyloid A
108 CD166 antigen
109 Aminopeptidase N
110 C-C motif chemokine 15
111 C-C motif chemokine 24
112 Scavenger receptor cysteine-rich type 1 protein M130
113 Complement component C1q receptor
114 Chitotriosidase-1
115 Contactin-1
116 Collagen alpha-1(I) chain
117 Carboxypeptidase A1
118 Carboxypeptidase B
119 Cathepsin Z
120 Epithelial cell adhesion molecule
121 Insulin-like growth factor-binding protein 1
122 Insulin-like growth factor-binding protein 2
123 Interleukin-17 receptor A
124 Interleukin-1 receptor type 1
125 Interleukin-2 receptor subunit alpha
126 Junctional adhesion molecule A
127 Myoglobin
128 Matrix extracellular phosphoglycoprotein
129 Matrix metalloproteinase-9
130 Myeloperoxidase
131 Osteopontin
132 Proprotein convertase subtilisin/kexin type 9
133 Platelet-derived growth factor subunit A
134 Platelet endothelial cell adhesion molecule
135 Perlecan
136 Pulmonary surfactant-associated protein D
137 Secretoglobin family 3A member 2
138 Metalloproteinase inhibitor 4
139 Tumor necrosis factor receptor 2
140 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 14
141 Tumor necrosis factor ligand superfamily member 13B
142 Transferrin receptor protein 1AP
143 High-density lipoprotein cholesterol
144 Creatinine
145 Low-density lipoprotein cholesterol
146 Body mass index
147 Diastolic blood pressure
148 Known T2D (Ref.: Normal glucose tolerance)
149 Educational attainment
150 ACE inhibitors, Yes (Ref.: No)
151 Beta-blockers, Yes (Ref.: No)
152 Statins, Yes (Ref.: No)
153 Waist circumference
154 Current smokers (Ref.: non-smokers)
155 Agouti-related protein

156 Protein AMBP
157 T-cell surface glycoprotein CD40 ligand
158 Chymotrypsin C
159 Decorin
160 Dickkopf-related protein 1
161 Growth/differentiation factor 2
162 Growth hormone
163 Lactoylglutathione lyase
164 Heme oxygenase 1
165 Heat shock 27 kDa protein
166 Alpha-L-iduronidase
167 Interleukin-17D
168 Programmed cell death 1 ligand 2
169 Lymphotactin
170 Axin-1
171 C-C motif chemokine 20
172 CD40L receptor
173 Delta and Notch-like epidermal growth factor-related receptor
174 Interferon gamma
175 Interleukin-10
176 Interleukin-18 receptor 1
177 Latency-associated peptide transforming growth factor beta-1
178 Oncostatin-M
179 Programmed cell death 1 ligand 1
180 SIR2-like protein 2
181 C-C motif chemokine 16
182 Growth/differentiation factor 15
183 Granulins
184 Kallikrein-6
185 Lymphotoxin-beta receptor
186 ST2 protein
187 Tissue factor pathway inhibitor
188 Trem-like transcript 2 protein
189 Urokinase plasminogen activator surface receptor
190 von Willebrand factor
191 Triglycerides
192 Non-steroidal anti-inflammatory drugs, Yes (Ref.: No)
193 Adrenomedullin
194 Carbonic anhydrase-5A, mitochondrial
195 SLAM family member 5
196 Carcinoembryonic antigenrelated cell adhesion molecule 8
197 Interleukin-18
198 Macrophage receptor MARCO
199 Polymeric immunoglobulin receptor
200 Pentraxin-related protein 3
201 Serpin A12
202 Proto-oncogene tyrosine-protein kinase Src
203 Thrombopoietin
204 Angiopoietin-1 receptor
205 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A
206 Macrophage colony-stimulating factor 1
207 C-X-C motif chemokine 11
208 ENRAGE
209 Interleukin-12 subunit beta
210 Monocyte chemotactic protein 2
211 Monocyte chemotactic protein 3
212 Tyrosine-protein kinase receptor UFO
213 C-X-C motif chemokine 16
214 Epidermal growth factor receptor
215 Ephrin type-B receptor 4
216 Interleukin-1 receptor type 2
217 Plasminogen activator inhibitor 1
218 Retinoic acid receptor responder protein 2

219 E-selectin
 220 Transferrin receptor protein 1
 221 Leukocyte count
 222 Isolated impaired fasting glucose (Ref.: Normal glucose tolerance)
 223 Isolated impaired glucose tolerance (Ref.: Normal glucose tolerance)
 224 Newly detected T2D (Ref.: Normal glucose tolerance)
 225 Calcium antagonists, Yes (Ref.: No)
 226 Serum adiponectin
 227 Follistatin
 228 Sortilin
 229 V-set and immunoglobulin domain-containing protein 2
 230 C-C motif chemokine 4
 231 CUB domain-containing protein 1
 232 STAM-binding protein
 233 Transforming growth factor alpha
 234 Urokinase-type plasminogen activator
 235 Chitinase-3-like protein 1
 236 Protein delta homolog 1
 237 Fatty acid-binding protein 4
 238 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 6
 239 Galectin-4
 240 Intercellular adhesion molecule 2
 241 Interleukin-18-binding protein
 242 Tissue-type plasminogen activator
 243 Albumin
 244 Gastrotropin
 245 Interleukin-4 receptor subunit alpha
 246 Proteinase-activated receptor 1
 247 Stem cell factor
 248 Serine/threonine-protein kinase 4
 249 Tissue factor
 250 Fibroblast growth factor 19
 251 Tumor necrosis factorRSF9
 252 Tumor necrosis factorSF14
 253 Caspase-3
 254 Integrin beta-2
 255 Matrix metalloproteinase-2
 256 Alcohol consumption
 257 Diuretics, Yes (Ref.: No)
 258 2,4-dienoyl-CoA reductase, mitochondrial
 259 Melusin
 260 C-X-C motif chemokine 5
 261 C-X-C motif chemokine 6
 262 Leukemia inhibitory factor receptor
 263 Vascular endothelial growth factor A
 264 Cystatin-B
 265 Platelet glycoprotein VI
 266 Glucose-lowering drugs, Yes (Ref.: No)

Rényi4 = Rényi entropy of the histogram with order (alpha) 4

TP = Total power of the density spectra

SDWS = Standard deviation of word sequence

SDSA = Standard deviation of the short-term normal-to-normal interval variability

CE = Compression entropy

MUVR-PLS = Multivariable unbiased variable selection with partial least squares

MUVR-RF = Multivariable unbiased variable selection with random forest

MUVR-EN = Multivariable unbiased variable selection with elastic net

Table S4: Model comparison of S4 study sample

Models	R²	RMSE	Sigma	AIC_wt	AICc_wt	BIC_wt	PS
Rényi4.full model	0.13	0.64	0.66	0.97	0.91	<0.01	0.83
Rényi4.basic model	0.01	0.68	0.69	0.03	0.09	1	0.17
SDWS.full model	0.05	0.49	0.51	0.04	0.02	<0.01	0.5
SDWS.basic model	<0.01	0.51	0.51	0.96	0.98	1	0.5
CE.full model	0.13	0.10	0.10	1.00	1.00	<0.01	0.83
CE.basic model	0.02	0.11	0.11	<0.01	<0.01	1.00	0.17

Rényi4 = Rényi entropy of the histogram with order (alpha) 4

SDWS = Standard deviation of the word sequence

CE = Compression entropy

R² = Coefficient of determination

RMSE = Root mean squared error

Sigma = Residual standard deviation

AIC_wt = Weighted Akaike information criterion

AICc_wt = Weighted second-order Akaike information criterion

BIC_wt = Weighted Bayesian information criterion

PS = Performance score

Table S5: Direction dependence analysis of S4 study sample

Models	Homoscedasticity tests				HSIC	
	Standard BP		Robust BP		Chi-square	P
	Chi-square	P	Chi-square	P		
Putatively correct: CCL23 $\rightarrow$ Rényi4	0.19	0.669	0.12	0.727	0.41	0.17
Reverse: Rényi4 $\rightarrow$ CCL23	0.20	0.658	0.14	0.708	0.43	0.109
Putatively correct: PGLYRP1 $\rightarrow$ Rényi4	0.46	0.498	0.30	0.582	0.55	0.049
Reverse: Rényi4 $\rightarrow$ PGLYRP1	2.73	0.099	1.36	0.244	0.52	0.028
Putatively correct: FGF21 $\rightarrow$ Rényi4	0.69	0.407	0.46	0.499	0.14	0.95
Reverse: Rényi4 $\rightarrow$ FGF21	0.70	0.403	0.88	0.347	0.13	0.939
Putatively correct: TRANCE $\rightarrow$ CE	0.01	0.917	0.01	0.914	0.31	0.376
Reverse: CE $\rightarrow$ TRANCE	0.43	0.514	0.38	0.539	0.06	0.592
Putatively correct: GDF15 $\rightarrow$ CE	3.14	0.076	3.34	0.068	0.42	0.131
Reverse: CE $\rightarrow$ GDF15	0.25	0.616	0.19	0.664	0.06	0.751

CCL23 = C-C motif chemokine 23

PGLYRP1 = Peptidoglycan recognition protein 1

FGF21 = Fibroblast growth factor 21

TRANCE = TNF-related activation-induced cytokine

GDF15 = Growth/differentiation factor 15

Rényi4 = Rényi entropy of the histogram with order (alpha) 4

CE = Compression entropy

HSIC = Hilbert-Schmidt Independence Criterion

BP = Breusch-Pagan

P = p-value

Table S6: Multivariable unbiased variable selection with partial least squares, random forest, and elastic net regression-specific predictor variables of S4-FF4 study sample

Rényi4

MUVR-PLS

- 1 Prolargin
- 2 Adrenomedullin
- 3 Myoglobin
- 4 Macrophage colony-stimulating factor 1
- 5 Osteoprotegerin
- 6 Age
- 7 Spondin-2
- 8 Serum amyloid A
- 9 Leukemia inhibitory factor receptor
- 10 Cathepsin L1
- 11 Matrix metalloproteinase-9
- 12 Triglycerides
- 13 Interleukin-17D
- 14 Decorin
- 15 Angiopoietin-1 receptor
- 16 Placenta growth factor
- 17 C-C motif chemokine 16
- 18 CUB domain-containing protein 1
- 19 Interleukin-10RB
- 20 Thrombomodulin
- 21 Oncostatin-M
- 22 Interleukin-6
- 23 Paraoxonase 3
- 24 Gastrotropin
- 25 Stem cell factor
- 26 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A
- 27 Eotaxin
- 28 Insulin-like growth factor-binding protein 7
- 29 Osteoclast-associated immunoglobulin-like receptor
- 30 Protein AMBP

MUVR-RF

- 1 Interleukin-4 receptor subunit alpha
- 2 Body mass index
- 3 Myoglobin
- 4 Stem cell factor
- 5 Matrix metalloproteinase-12
- 6 Interleukin-6 receptor subunit alpha
- 7 Cystatin D
- 8 C-C motif chemokine 16
- 9 Adrenomedullin
- 10 Renin
- 11 Triglycerides
- 12 C-C motif chemokine 20
- 13 Interleukin-10
- 14 C-C motif chemokine 28
- 15 Interleukin-8
- 16 Thrombospondin-2
- 17 Kidney injury molecule
- 18 Macrophage receptor MARCO
- 19 A disintegrin and metalloproteinase with thrombospondin motifs 13

MUVR-EN

- 1 Prolargin
- 2 Age
- 3 Interleukin-17D
- 4 Serum amyloid A
- 5 Triglycerides
- 6 Osteoprotegerin
- 7 Adrenomedullin
- 8 Myoglobin
- 9 Angiopoietin-1 receptor
- 10 CUB domain-containing protein 1
- 11 Agouti-related protein
- 12 Interleukin-6

13 TNF-related apoptosis-inducing ligand
14 Cystatin D
15 Macrophage colony-stimulating factor 1
16 Matrix metalloproteinase-9
17 Cathepsin L1
18 C-C motif chemokine 25
19 Physically active (Ref.: inactive)
20 Thrombospondin-2
21 C-C motif chemokine 28
22 Paraoxonase 3
23 Fibroblast growth factor 21
24 Leukocyte count
25 Kidney injury molecule
26 C-C motif chemokine 16
27 C-X-C motif chemokine 10
28 Stem cell factor
29 Oncostatin-M
30 Hemoglobin A1c
31 High-density lipoprotein cholesterol
32 Osteoclast-associated immunoglobulin-like receptor
33 C-reactive protein
34 Interleukin-10
35 Tumor necrosis factorB
36 Fibroblast growth factor-23
37 Matrix metalloproteinase-12
38 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A
39 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 6
40 Interleukin-1 receptor antagonist protein
41 Eotaxin
42 C-C motif chemokine 24
43 C-C motif chemokine 20
44 Thrombomodulin
45 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
46 C-X-C motif chemokine 9
47 Interleukin-12 subunit beta
48 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10C
49 Gastrotropin
50 Matrix metalloproteinase-10
51 Matrix metalloproteinase-3
52 Interleukin-4 receptor subunit alpha
53 Urokinase-type plasminogen activator
54 Non-steroidal anti-inflammatory drugs, Yes (Ref.: No)
55 Spondin-2
56 Interferon gamma
57 Low-density lipoprotein receptor
58 TNF-related apoptosis-inducing ligand receptor 2
59 Protein AMBP
60 Tyrosine-protein kinase Mer
61 C-X-C motif chemokine 11
62 ST2 protein
63 Programmed cell death 1 ligand 2
64 Tumor necrosis factorRSF9
65 Proprotein convertase subtilisin/kexin type 9
66 Secretoglobulin family 3A member 2
67 Fatty acid-binding protein, intestinal
68 CD40L receptor
69 Adenosine Deaminase
70 C-X-C motif chemokine 1
71 Fatty acid-binding protein 4
72 Matrix metalloproteinase-1
73 Serum adiponectin
74 Macrophage receptor MARCO
75 C-C motif chemokine 19
76 Insulin-like growth factor-binding protein 7
77 Protein-glutamine gamma-glutamyltransferase 2
78 Complement component C1q receptor
79 Epidermal growth factor receptor
80 Monocyte chemotactic protein 2
81 Hydroxyacid oxidase 1
82 Matrix metalloproteinase-7

- 83 Interleukin-10RB
- 84 Galectin-4
- 85 Albumin
- 86 Carbonic anhydrase-5A, mitochondrial
- 87 Alpha-L-iduronidase
- 88 Proteinase-activated receptor 1
- 89 Decorin
- 90 Serine protease 27
- 91 Chitotriosidase-1
- 92 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A
- 93 Carboxypeptidase A1
- 94 Transferrin receptor protein 1AP
- 95 Fractalkine
- 96 Leukemia inhibitory factor receptor
- 97 Matrix metalloproteinase-2
- 98 Waist circumference
- 99 Interleukin-18
- 100 Interleukin-27
- 101 Renin
- 102 Serpin A12
- 103 Angiotensin-converting enzyme 2
- 104 C-C motif chemokine 4
- 105 Interleukin-8
- 106 Interleukin-17 receptor A
- 107 Trem-like transcript 2 protein
- 108 Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type substrate 1
- 109 Proheparin-binding EGF-like growth factor
- 110 Prostatin
- 111 Tumor necrosis factor
- 112 Educational attainment
- 113 Dickkopf-related protein 1
- 114 Leptin
- 115 Carboxypeptidase B
- 116 Current smokers (Ref.: non-smokers)
- 117 Fms-related tyrosine kinase 3 ligand
- 118 von Willebrand factor
- 119 Interleukin-6 receptor subunit alpha
- 120 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 13B
- 121 Vascular endothelial growth factor D
- 122 Tumor necrosis factor (Ligand) superfamily, member 12
- 123 Interleukin-1 receptor-like 2
- 124 C-X-C motif chemokine 6
- 125 Cystatin-B
- 126 Peptidoglycan recognition protein 1
- 127 Tissue-type plasminogen activator
- 128 SLAM family member 5
- 129 Latency-associated peptide transforming growth factor beta-1
- 130 Osteopontin
- 131 Placenta growth factor
- 132 Proto-oncogene tyrosine-protein kinase Src
- 133 Programmed cell death 1 ligand 1
- 134 Transferrin receptor protein 1
- 135 Lectin-like oxidized LDL receptor 1
- 136 Isolated impaired fasting glucose (Ref.: Normal glucose tolerance)
- 137 Scavenger receptor cysteine-rich type 1 protein M130

TP

MUVR-PLS

- 1 Thrombomodulin
- 2 Angiotensin-1 receptor
- 3 Adrenomedullin
- 4 Myoglobin
- 5 Spondin-2
- 6 Prolargin
- 7 Leptin
- 8 Protein AMBP
- 9 TNF-related apoptosis-inducing ligand
- 10 Macrophage colony-stimulating factor 1
- 11 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A
- 12 Physically active (Ref.: inactive)

- 13 Interleukin-6 receptor subunit alpha
- 14 Triglycerides
- 15 Eotaxin
- 16 Matrix metalloproteinase-3
- 17 Men (Ref. Women)
- 18 C-C motif chemokine 16
- 19 ST2 protein
- 20 Matrix metalloproteinase-9
- 21 C-C motif chemokine 25
- 22 Galectin-4
- 23 Polymeric immunoglobulin receptor
- 24 Placenta growth factor
- 25 Leukemia inhibitory factor receptor
- 26 Low-density lipoprotein receptor
- 27 Decorin
- 28 Growth/differentiation factor 2
- 29 Osteoclast-associated immunoglobulin-like receptor
- 30 Chitotriosidase-1
- 31 Receptor for advanced glycosylation end products
- 32 Interleukin-12 subunit beta
- 33 Interleukin-10RB
- 34 Programmed cell death 1 ligand 2
- 35 Growth/differentiation factor 15
- 36 Albumin
- 37 Matrix metalloproteinase-2
- 38 Serum amyloid A

MUVR-RF

- 1 Matrix metalloproteinase-12
- 2 Interleukin-4 receptor subunit alpha
- 3 Myoglobin
- 4 Protein AMBP
- 5 C-C motif chemokine 24
- 6 Tumor necrosis factorRSF9
- 7 T-cell surface glycoprotein CD4
- 8 Monocyte chemotactic protein 3
- 9 Interleukin-6 receptor subunit alpha
- 10 Programmed cell death 1 ligand 1
- 11 Gastric intrinsic factor
- 12 Thrombospondin-2
- 13 Carboxypeptidase B
- 14 SLAM family member 5
- 15 Macrophage colony-stimulating factor 1

MUVR-EN

- 1 Adrenomedullin
- 2 Angiopoietin-1 receptor
- 3 Thrombomodulin
- 4 TNF-related apoptosis-inducing ligand
- 5 Myoglobin
- 6 Leptin
- 7 Macrophage colony-stimulating factor 1
- 8 Eotaxin
- 9 Low-density lipoprotein receptor
- 10 Triglycerides
- 11 Protein AMBP
- 12 C-C motif chemokine 25
- 13 Interleukin-12 subunit beta
- 14 Serum amyloid A
- 15 Physically active (Ref.: inactive)
- 16 Chitotriosidase-1
- 17 Matrix metalloproteinase-9
- 18 Men (Ref. Women)
- 19 Kidney injury molecule
- 20 Interleukin-6 receptor subunit alpha
- 21 ST2 protein
- 22 Matrix metalloproteinase-3
- 23 Agouti-related protein
- 24 Prolargin
- 25 Tyrosine-protein kinase Mer
- 26 C-C motif chemokine 16
- 27 Osteoclast-associated immunoglobulin-like receptor

28 Programmed cell death 1 ligand 2
29 Fibroblast growth factor 21
30 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A
31 Interleukin-7
32 Serum adiponectin
33 Thrombospondin-2
34 C-C motif chemokine 23
35 Fatty acid-binding protein 4
36 Interleukin-17D
37 Galectin-4
38 Interleukin-6
39 Growth/differentiation factor 2
40 Spondin-2
41 Vascular endothelial growth factor D
42 C-C motif chemokine 19
43 Monocyte chemotactic protein 3
44 Protein delta homolog 1
45 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10C
46 ACE inhibitors, Yes (Ref.: No)
47 SLAM family member 5
48 Cystatin D
49 Albumin
50 Transferrin receptor protein 1AP
51 Brother of CDO
52 Matrix metalloproteinase-1
53 Matrix metalloproteinase-10
54 Chymotrypsin C
55 Interleukin-4 receptor subunit alpha
56 Oncostatin-M
57 Proprotein convertase subtilisin/kexin type 9
58 Leukocyte count
59 Alpha-L-iduronidase
60 C-C motif chemokine 4
61 Interleukin-10RB
62 V-set and immunoglobulin domain-containing protein 2
63 Carboxypeptidase A1
64 Adenosine Deaminase
65 Hemoglobin A1c
66 Current smokers (Ref.: non-smokers)
67 Decorin
68 Placenta growth factor
69 Fms-related tyrosine kinase 3 ligand
70 Interleukin-8
71 Tumor necrosis factorRSF9
72 Matrix metalloproteinase-2
73 Myeloperoxidase
74 Age
75 Carboxypeptidase B
76 Growth/differentiation factor 15
77 Macrophage receptor MARCO
78 Matrix metalloproteinase-7
79 Diuretics, Yes (Ref.: No)
80 Cathepsin L1
81 Serine protease 27
82 Neurotrophin-3
83 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 6
84 C-X-C motif chemokine 9
85 Osteoprotegerin
86 Tumor necrosis factorB
87 Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type substrate 1
88 Carbonic anhydrase-5A, mitochondrial
89 Urokinase-type plasminogen activator
90 Interleukin-1 receptor antagonist protein
91 Receptor for advanced glycosylation end products
92 Heme oxygenase 1
93 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 13B
94 CUB domain-containing protein 1
95 Insulin-like growth factor-binding protein 7
96 Matrix metalloproteinase-12
97 CD40L receptor

98 TNF-related activation-induced cytokine
99 C-C motif chemokine 24
100 N-terminal prohormone brain natriuretic peptide
101 Interleukin-10
102 Isolated impaired fasting glucose (Ref.: Normal glucose tolerance)
103 Secretoglobin family 3A member 2
104 Uric acid
105 T-cell surface glycoprotein CD4
106 C-X-C motif chemokine 10
107 von Willebrand factor
108 Angiotensin-converting enzyme 2
109 Polymeric immunoglobulin receptor
110 Leukemia inhibitory factor receptor
111 Tumor necrosis factor ligand superfamily member 13B
112 C-X-C motif chemokine 1
113 Transferrin receptor protein 1
114 Non-steroidal anti-inflammatory drugs, Yes (Ref.: No)
115 Statins, Yes (Ref.: No)
116 C-reactive protein
117 C-X-C motif chemokine 6
118 Lymphotoxin-beta receptor
119 Systolic blood pressure
120 Lectin-like oxidized LDL receptor 1
121 Proteinase-activated receptor 1
122 Pentraxin-related protein 3
123 Serine/threonine-protein kinase 4
124 Cathepsin Z
125 Integrin beta-2
126 Hydroxyacid oxidase 1
127 C-X-C motif chemokine 5
128 Newly detected T2D (Ref.: Normal glucose tolerance)
129 Fractalkine
130 Prostatin
131 Thrombopoietin
132 Interleukin-27
133 Interleukin-1 receptor type 2
134 Lipoprotein lipase
135 Latency-associated peptide transforming growth factor beta-1
136 Monocyte chemotactic protein 2
137 Scavenger receptor cysteine-rich type 1 protein M130
138 Educational attainment
139 Protein-glutamine gamma-glutamyltransferase 2
140 Caspase-8
141 C-C motif chemokine 20
142 C-C motif chemokine 28
143 Interferon gamma
144 Interleukin-15 receptor subunit alpha
145 Neurogenic locus notch homolog protein 3
146 Retinoic acid receptor responder protein 2
147 Creatinine
148 Low-density lipoprotein cholesterol
149 Cystatin-B
150 Interleukin-17 receptor A
151 Fatty acid-binding protein, intestinal
152 Proto-oncogene tyrosine-protein kinase Src
153 Tissue factor
154 Interleukin-18 receptor 1
155 Aminopeptidase N
156 Granulins
157 Follistatin
158 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
159 High-density lipoprotein cholesterol
160 Sortilin
161 TNF-related apoptosis-inducing ligand receptor 2
162 Transforming growth factor alpha
163 Plasminogen activator inhibitor 1
164 Delta and Notch-like epidermal growth factor-related receptor
165 Hepatocyte growth factor
166 Insulin-like growth factor-binding protein 1
167 SIR2-like protein 2

- 168 STAM-binding protein
- 169 CD166 antigen
- 170 C-C motif chemokine 15
- 171 Ephrin type-B receptor 4

SDWS

MUVR-PLS

- 1 Matrix metalloproteinase-3
- 2 Prolargin
- 3 Myoglobin
- 4 Adrenomedullin
- 5 C-C motif chemokine 19
- 6 Eotaxin
- 7 C-C motif chemokine 16
- 8 Leptin
- 9 Matrix metalloproteinase-9
- 10 Men (Ref. Women)
- 11 C-X-C motif chemokine 6
- 12 Gastrotropin
- 13 C-X-C motif chemokine 1
- 14 Age
- 15 CD40L receptor
- 16 Serum amyloid A
- 17 Interleukin-17D
- 18 TNF-related apoptosis-inducing ligand
- 19 Dickkopf-related protein 1
- 20 Monocyte chemotactic protein 3
- 21 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 6
- 22 ST2 protein
- 23 Platelet-derived growth factor subunit A
- 24 Thrombospondin-2
- 25 Eukaryotic translation initiation factor 4E-binding protein 1
- 26 Spondin-2
- 27 Stem cell factor
- 28 Beta-blockers, Yes (Ref.: No)
- 29 STAM-binding protein
- 30 Growth hormone
- 31 Platelet glycoprotein VI
- 32 Transferrin receptor protein 1AP
- 33 Matrix metalloproteinase-1
- 34 Proteinase-activated receptor 1
- 35 Oncostatin-M
- 36 P-selectin
- 37 Sulfotransferase 1A1
- 38 Kidney injury molecule
- 39 Adenosine Deaminase
- 40 Serine protease 27
- 41 Interleukin-8
- 42 Physically active (Ref.: inactive)
- 43 Agouti-related protein

MUVR-RF

- 1 Matrix metalloproteinase-12
- 2 Interleukin-4 receptor subunit alpha
- 3 Myoglobin
- 4 Interleukin-6 receptor subunit alpha
- 5 Thrombospondin-2
- 6 Eotaxin
- 7 C-C motif chemokine 28
- 8 T-cell surface glycoprotein CD4
- 9 Macrophage receptor MARCO
- 10 Adrenomedullin
- 11 C-C motif chemokine 19
- 12 Interferon gamma
- 13 Serine protease 27
- 14 Scavenger receptor cysteine-rich type 1 protein M130
- 15 Galectin-4
- 16 Stem cell factor
- 17 Thrombopoietin
- 18 Matrix metalloproteinase-9
- 19 Interleukin-1 receptor type 2

MUVR-EN

- 1 Myoglobin

SDSA

MUVR-PLS

- 1 Angiopoietin-1 receptor
- 2 Matrix metalloproteinase-9
- 3 Agouti-related protein
- 4 Thrombomodulin
- 5 TNF-related apoptosis-inducing ligand
- 6 Spondin-2
- 7 Myoglobin
- 8 Hemoglobin A1c
- 9 Placenta growth factor
- 10 N-terminal prohormone brain natriuretic peptide
- 11 Interleukin-10RB
- 12 C-C motif chemokine 25
- 13 Gastrotropin
- 14 Adrenomedullin
- 15 Osteoprotegerin
- 16 Matrix metalloproteinase-2
- 17 TNF-related apoptosis-inducing ligand receptor 2
- 18 Galectin-4
- 19 Leukemia inhibitory factor receptor
- 20 Alpha-L-iduronidase
- 21 Kidney injury molecule
- 22 Decorin
- 23 Prolargin
- 24 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A
- 25 Fractalkine
- 26 Urokinase-type plasminogen activator
- 27 Cathepsin L1
- 28 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 6
- 29 Fibroblast growth factor 21
- 30 Fatty acid-binding protein, intestinal
- 31 Oncostatin-M
- 32 Macrophage colony-stimulating factor 1
- 33 Non-steroidal anti-inflammatory drugs, Yes (Ref.: No)
- 34 Pentraxin-related protein 3

MUVR-RF

- 1 Interleukin-4 receptor subunit alpha
- 2 Myoglobin
- 3 Tumor necrosis factorRSF9
- 4 Fatty acid-binding protein, intestinal
- 5 Matrix metalloproteinase-12
- 6 C-C motif chemokine 23
- 7 Fibroblast growth factor 19
- 8 Interleukin-10RB
- 9 Agouti-related protein
- 10 Kidney injury molecule
- 11 Interleukin-8
- 12 Renin

MUVR-EN

- 1 Angiopoietin-1 receptor
- 2 Agouti-related protein
- 3 TNF-related apoptosis-inducing ligand
- 4 C-C motif chemokine 25
- 5 Matrix metalloproteinase-9
- 6 Osteoprotegerin
- 7 Hemoglobin A1c
- 8 Kidney injury molecule
- 9 N-terminal prohormone brain natriuretic peptide
- 10 Urokinase-type plasminogen activator
- 11 TNF-related apoptosis-inducing ligand receptor 2
- 12 Thrombomodulin
- 13 Interleukin-10RB
- 14 Fibroblast growth factor 21
- 15 Myoglobin
- 16 Pentraxin-related protein 3
- 17 C-C motif chemokine 23

18 Fibroblast growth factor 19
19 Alpha-L-iduronidase
20 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A
21 Cystatin D
22 Adrenomedullin
23 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
24 CUB domain-containing protein 1
25 Oncostatin-M
26 Galectin-4
27 ACE inhibitors, Yes (Ref.: No)
28 C-C motif chemokine 28
29 Uric acid
30 Serpin A12
31 V-set and immunoglobulin domain-containing protein 2
32 Leukocyte count
33 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 6
34 Non-steroidal anti-inflammatory drugs, Yes (Ref.: No)
35 Triglycerides
36 Gastrotropin
37 Programmed cell death 1 ligand 2
38 Prolargin
39 Pulmonary surfactant-associated protein D
40 Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type substrate 1
41 Tyrosine-protein kinase Mer
42 Serum amyloid A
43 Interleukin-17D
44 Matrix metalloproteinase-7
45 Adenosine Deaminase
46 Fractalkine
47 Proprotein convertase subtilisin/kexin type 9
48 Matrix metalloproteinase-2
49 ST2 protein
50 Lipoprotein lipase
51 Hydroxyacid oxidase 1
52 Superoxide dismutase [Mn], mitochondrial
53 Macrophage colony-stimulating factor 1
54 C-C motif chemokine 24
55 Body mass index
56 Beta-blockers, Yes (Ref.: No)
57 Carbonic anhydrase-5A, mitochondrial
58 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A
59 Fibrinogen
60 Transforming growth factor alpha
61 Tumor necrosis factor
62 Transferrin receptor protein 1AP
63 Osteoclast-associated immunoglobulin-like receptor
64 Spondin-2
65 Leukemia inhibitory factor receptor
66 Fatty acid-binding protein, intestinal
67 Low-density lipoprotein receptor
68 Heme oxygenase 1
69 Tumor necrosis factorRSF9
70 Carboxypeptidase A1
71 Tissue factor pathway inhibitor
72 Serum adiponectin
73 Protein AMBP
74 Monocyte chemotactic protein 2
75 Transferrin receptor protein 1
76 Albumin
77 T-cell surface glycoprotein CD4
78 Protein delta homolog 1
79 von Willebrand factor
80 Statins, Yes (Ref.: No)
81 Decorin
82 C-C motif chemokine 4
83 Osteopontin
84 Fibroblast growth factor-23
85 Leptin
86 Matrix metalloproteinase-12
87 Placenta growth factor

88 Serine protease 27
 89 Eotaxin
 90 C-C motif chemokine 19
 91 C-X-C motif chemokine 6
 92 Matrix metalloproteinase-10
 93 Interleukin-6 receptor subunit alpha
 94 Waist circumference
 95 Interleukin-18
 96 Interleukin-1 receptor-like 2
 97 P-selectin glycoprotein ligand 1
 98 Eukaryotic translation initiation factor 4E-binding protein 1
 99 C-C motif chemokine 20
 100 Interleukin-10
 101 Interleukin-12 subunit beta
 102 Programmed cell death 1 ligand 1
 103 Tumor necrosis factorB
 104 C-C motif chemokine 16
 105 Matrix metalloproteinase-3
 106 Creatinine
 107 Brother of CDO
 108 Cathepsin L1
 109 NF-kappa-B essential modulator
 110 Receptor for advanced glycosylation end products
 111 Serine/threonine-protein kinase 4
 112 Vascular endothelial growth factor D
 113 C-X-C motif chemokine 10
 114 Interferon gamma
 115 Collagen alpha-1(I) chain
 116 P-selectin
 117 Isolated impaired fasting glucose (Ref.: Normal glucose tolerance)
 118 Diuretics, Yes (Ref.: No)
 119 Interleukin-27
 120 Tissue factor
 121 Axin-1
 122 C-X-C motif chemokine 9
 123 Latency-associated peptide transforming growth factor beta-1
 124 Monocyte chemotactic protein 1
 125 Matrix metalloproteinase-1
 126 Carboxypeptidase B
 127 Platelet glycoprotein VI
 128 Plasminogen activator inhibitor 1
 129 Angiotensin-converting enzyme 2
 130 Galectin-9
 131 Lactoylglutathione lyase
 132 Pro-interleukin-16
 133 Interleukin-1 receptor antagonist protein
 134 Interleukin-4 receptor subunit alpha
 135 Lectin-like oxidized LDL receptor 1
 136 Protein-glutamine gamma-glutamyltransferase 2
 137 T-cell surface glycoprotein CD8 alpha chain
 138 Interleukin-15 receptor subunit alpha
 139 Sulfotransferase 1A1
 140 C-C motif chemokine 15
 141 Chitotriosidase-1
 142 Epithelial cell adhesion molecule
 143 Insulin-like growth factor-binding protein 2
 144 Platelet endothelial cell adhesion molecule
 145 High-density lipoprotein cholesterol
 146 Diastolic blood pressure
 147 Newly detected T2D (Ref.: Normal glucose tolerance)

CE

MUVR-PLS

1 CUB domain-containing protein 1
 2 Angiopoietin-1 receptor
 3 Gastrotropin
 4 Tumor necrosis factorRSF9
 5 Osteoprotegerin
 6 Matrix metalloproteinase-9
 7 Interleukin-10RB

- 8 C-C motif chemokine 25
- 9 Epidermal growth factor receptor
- 10 TNF-related apoptosis-inducing ligand
- 11 Thrombomodulin
- 12 Placenta growth factor
- 13 Interleukin-15 receptor subunit alpha
- 14 Leukemia inhibitory factor receptor
- 15 Non-steroidal anti-inflammatory drugs, Yes (Ref.: No)
- 16 Agouti-related protein
- 17 Age
- 18 Serpin A12
- 19 Macrophage colony-stimulating factor 1
- 20 Urokinase-type plasminogen activator
- 21 Interleukin-1 receptor-like 2
- 22 Spondin-2
- 23 Decorin
- 24 TNF-related apoptosis-inducing ligand receptor 2
- 25 Interleukin-18-binding protein
- 26 Tumor necrosis factor receptor 1
- 27 Adrenomedullin
- 28 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A
- 29 Fractalkine
- 30 Prolargin

MUVR-RF

- 1 Interleukin-4 receptor subunit alpha
- 2 Kidney injury molecule
- 3 Triglycerides
- 4 Angiopoietin-1 receptor
- 5 CUB domain-containing protein 1
- 6 Serpin A12
- 7 TNF-related apoptosis-inducing ligand
- 8 Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type substrate 1
- 9 Gastrotropin
- 10 Decorin
- 11 Oncostatin-M
- 12 C-C motif chemokine 20
- 13 Tumor necrosis factorRSF9
- 14 Renin
- 15 Vascular endothelial growth factor D
- 16 Interleukin-17D
- 17 Interleukin-1 receptor type 1
- 18 Macrophage receptor MARCO
- 19 Matrix metalloproteinase-12
- 20 Interleukin-6 receptor subunit alpha
- 21 Agouti-related protein

MUVR-EN

- 1 C-C motif chemokine 25
- 2 CUB domain-containing protein 1
- 3 Angiopoietin-1 receptor
- 4 Osteoprotegerin
- 5 Tumor necrosis factorRSF9
- 6 TNF-related apoptosis-inducing ligand
- 7 Age
- 8 Agouti-related protein
- 9 Matrix metalloproteinase-9
- 10 Gastrotropin
- 11 Interleukin-17D
- 12 Kidney injury molecule
- 13 Triglycerides
- 14 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A
- 15 Serpin A12
- 16 Non-steroidal anti-inflammatory drugs, Yes (Ref.: No)
- 17 Fibroblast growth factor 21
- 18 Urokinase-type plasminogen activator
- 19 Oncostatin-M
- 20 Prolargin
- 21 Cystatin D
- 22 Epidermal growth factor receptor
- 23 Fibroblast growth factor-23
- 24 C-C motif chemokine 28

- 25 High-density lipoprotein cholesterol
- 26 Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type substrate 1
- 27 Hydroxyacid oxidase 1
- 28 Alpha-L-iduronidase
- 29 Angiotensin-converting enzyme 2
- 30 Thrombomodulin
- 31 Matrix metalloproteinase-12
- 32 Paraoxonase 3
- 33 Interleukin-1 receptor-like 2
- 34 TNF-related apoptosis-inducing ligand receptor 2
- 35 Follistatin
- 36 C-C motif chemokine 16
- 37 Tumor necrosis factorB
- 38 Serum amyloid A
- 39 C-C motif chemokine 20
- 40 Trem-like transcript 2 protein
- 41 Pulmonary surfactant-associated protein D
- 42 Uric acid
- 43 ST2 protein
- 44 Myoglobin
- 45 von Willebrand factor
- 46 Serine protease 27
- 47 Alcohol consumption
- 48 Decorin
- 49 Tissue-type plasminogen activator
- 50 Osteopontin
- 51 P-selectin glycoprotein ligand 1
- 52 Carcinoembryonic antigenrelated cell adhesion molecule 8
- 53 Leukocyte count
- 54 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
- 55 Adrenomedullin
- 56 Cathepsin L1
- 57 Collagen alpha-1(I) chain
- 58 Growth hormone
- 59 Thrombospondin-2
- 60 N-terminal prohormone brain natriuretic peptide
- 61 C-X-C motif chemokine 16
- 62 Matrix metalloproteinase-2
- 63 Creatinine
- 64 Carbonic anhydrase-5A, mitochondrial
- 65 Interleukin-18
- 66 Programmed cell death 1 ligand 2

Rényi₄ = Rényi entropy of the histogram with order (alpha) 4

TP = Total power of the density spectra

SDWS = Standard deviation of word sequence

SDSA = Standard deviation of the short-term normal-to-normal interval variability

CE = Compression entropy

MUVR-PLS = Multivariable unbiased variable selection with partial least squares

MUVR-RF = Multivariable unbiased variable selection with random forest

MUVR-EN = Multivariable unbiased variable selection with elastic net

Table S7: Model comparison of S4-FF4 study sample

Models	$R^2_{\text{conditional}}$	R^2_{marginal}	ICC	RMSE	Sigma	AIC_wt	AICc_wt	BIC_wt	PS
Rényi4.basic model	0.39	0.12	0.31	0.41	0.48	0.77	0.70	0.01	0.5
Rényi4.full model	0.38	0.04	0.35	0.41	0.48	0.23	0.30	0.99	0.5

Rényi4 = Rényi entropy of the histogram with order (alpha) 4

$R^2_{\text{conditional}}$ = Conditional coefficient of determination

R^2_{marginal} = Marginal coefficient of determination

ICC = Intraclass-correlation coefficient

RMSE = Root mean squared error

Sigma = Residual standard deviation

AIC_wt = Weighted Akaike information criterion

AICc_wt = Weighted second-order Akaike information criterion

BIC_wt = Weighted Bayesian information criterion

PS = Performance score

Table S8: Bias corrected distance correlation between sets of proteomics biomarkers

S4 study sample			
Bias corrected distance correlation; <i>P</i>	CVDII	CVDIII	Inflammation
CVDII	1; <0.001	0.59; <0.001	0.82; <0.001
CVDIII	0.59; <0.001	1; <0.001	0.58; <0.001
Inflammation	0.82; <0.001	0.58; <0.001	1; <0.001
S4-FF4 study sample			
Bias corrected distance correlation; <i>P</i>	CVDII	CVDIII	Inflammation
CVDII	1; <0.001	0.61; <0.001	0.8; <0.001
CVDIII	0.61; <0.001	1; <0.001	0.61; <0.001
Inflammation	0.82; <0.001	0.61; <0.001	1; <0.001

P = *p-value*

Table S9: Bivariable association of proteomics biomarkers, continuous covariates, and CAND-HRV indices of S4 study sample

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	BMP6	ANGPT1	ADM	PGF	ADAMTS13	BOC	IL4RA	SRC	IL1RA	TNFRSF10A	STK4	IDUA
BMP6	1	0.6	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.5	0.3	0.5	0.4
ANGPT1	0.6	1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.4	0.2	0.5	0.4
ADM	<0.1	-0.1	1	0.5	0.1	0.3	0.4	<0.1	0.2	0.4	-0.2	<0.1
CD40L	0.7	0.8	-0.2	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.3	0.5	0.2	0.8	0.4
PGF	0.1	-0.1	0.5	1	0.2	0.5	0.6	<0.1	0.2	0.4	-0.1	0.1
ADAMTS13	0.1	<0.1	0.1	0.2	1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
BOC	<0.1	-0.1	0.3	0.5	0.2	1	0.4	<0.1	<0.1	0.1	-0.2	<0.1
IL4RA	0.1	<0.1	0.4	0.6	0.1	0.4	1	<0.1	0.1	0.3	-0.1	<0.1
SRC	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	1	<0.1	<0.1	0.6	<0.1
IL1RA	0.5	0.4	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	1	0.5	0.3	0.5
TNFRSF10A	0.3	0.2	0.4	0.4	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.5	1	0.1	0.3
STK4	0.5	0.5	-0.2	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.6	0.3	0.1	1	0.3
IDUA	0.4	0.4	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.3	0.3	1
TNFRSF11A	0.2	0.1	0.6	0.6	0.1	0.4	0.5	<0.1	0.3	0.4	-0.1	0.1
PAR1	0.7	0.6	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.5	0.3	0.7	0.4
TRAILR2	0.3	0.1	0.6	0.6	0.1	0.3	0.5	<0.1	0.4	0.6	<0.1	0.3
PRSS27	0.3	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2
TIE2	0.1	<0.1	0.3	0.4	0.2	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1
TF	0.1	<0.1	0.4	0.5	0.1	0.4	0.4	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1
IL1RL2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
PDGFB	0.7	0.9	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.5	0.2	0.6	0.4
IL27	0.1	<0.1	0.4	0.4	0.2	0.3	0.4	<0.1	0.1	0.3	-0.2	<0.1
IL17D	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.2	0.4	0.4	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1
LOX1	0.4	0.5	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.5	0.3	0.2	0.3
GAL9	0.5	0.4	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.7	0.4	0.2	0.4
GIF	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
SCF	-0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.2
IL18	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.1	0.3
PLGR	<0.1	-0.1	0.4	0.3	0.2	0.3	0.4	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1
RAGE	<0.1	-0.1	0.4	0.4	0.2	0.4	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.2	<0.1
SOD2	0.4	0.5	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.5	0.3	0.1	0.6	0.2
CTRC	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
FGF23	<0.1	-0.1	0.5	0.5	0.1	0.3	0.3	-0.1	0.1	0.3	-0.2	<0.1
SPON2	-0.1	-0.1	0.7	0.6	0.2	0.4	0.6	-0.1	<0.1	0.4	-0.3	0.1
GH	-0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1
FS	0.1	<0.1	0.4	0.3	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1
GLO1	0.7	0.6	-0.3	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	0.3	0.5	0.2	0.8	0.5
CD84	0.7	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.5	0.2	0.7	0.4
SERPINA12	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1
REN	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2
DECR1	0.7	0.6	-0.3	-0.1	<0.1	-0.2	-0.2	0.4	0.5	0.2	0.8	0.4

MERTK	<0.1	-0.1	0.4	0.5	0.2	0.4	0.5	<0.1	0.1	0.2	-0.2	<0.1
KIM1	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2
THBS2	0.1	<0.1	0.4	0.3	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.3	-0.2	0.2
TM	0.3	0.2	0.4	0.6	0.1	0.4	0.5	<0.1	0.3	0.4	<0.1	0.2
VSIG2	0.1	-0.1	0.4	0.4	0.1	0.3	0.4	<0.1	0.1	0.3	-0.1	0.1
AMBP	<0.1	<0.1	0.6	0.5	0.2	0.3	0.4	<0.1	0.1	0.3	-0.2	<0.1
PRELP	0.2	0.1	0.6	0.5	0.3	0.4	0.4	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.1
HO1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.3
XCL1	0.3	0.1	0.3	0.4	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.3	0.4	<0.1	0.3
IL16	0.6	0.5	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.6	0.3	0.6	0.4
SORT1	0.7	0.7	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.6	0.3	0.5	0.5
CEACAM8	0.4	0.4	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.5	0.4	0.2	0.2
PTX3	0.2	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1
PSGL1	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.4	0.3	0.2	0.3
CCL17	0.6	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.5	0.2	0.5	0.4
MMP7	0.1	<0.1	0.4	0.4	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.3	-0.1	0.1
IGGFC	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
ITGB1BP2	0.7	0.7	-0.2	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.4	0.5	0.2	0.8	0.4
DCN	0.1	-0.1	0.4	0.6	0.3	0.5	0.5	<0.1	0.1	0.3	-0.2	0.1
DKK1	0.7	0.9	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.5	0.2	0.6	0.4
LPL	-0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1
PRSS8	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2
AGRP	0.1	<0.1	0.4	0.4	0.1	0.3	0.3	-0.1	0.2	0.3	-0.1	0.1
HBEGF	0.7	0.9	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.5	0.2	0.6	0.4
GDF2	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.4	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1
FABP2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1
THPO	0.5	0.6	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2
MARCO	0.2	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2
GT	<0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
MMP12	0.1	<0.1	0.4	0.4	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2
ACE2	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3
PDL2	0.1	<0.1	0.4	0.5	0.2	0.5	0.4	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1
CTSL1	0.1	<0.1	0.5	0.5	0.1	0.4	0.4	-0.1	0.2	0.3	-0.1	0.1
HOSCAR	0.1	<0.1	0.4	0.5	0.2	0.4	0.5	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.1
TNFRSF13B	0.2	<0.1	0.4	0.5	0.2	0.3	0.4	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.1
TGM2	0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2
LEP	<0.1	<0.1	0.5	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1
CA5A	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2
HSP27	-0.3	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.4	-0.2	-0.1	<0.1	-0.1
CD4	0.5	0.4	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.6	0.5	0.3	0.4
NEMO	0.7	0.6	-0.2	-0.1	<0.1	-0.2	-0.2	0.4	0.5	0.2	0.8	0.4
VEGFD	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.4	0.3	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1
PARP1	0.6	0.5	-0.2	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.2	0.6	0.3	0.6	0.4
HAOX1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2
TNFRSF14	0.5	0.5	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.5	0.4	0.4	0.4
LDL_RC	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1

ITGB2	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.2
IL17RA	0.3	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2
TNFR2	0.2	0.1	0.4	0.5	<0.1	0.2	0.5	<0.1	0.3	0.4	<0.1	0.2
MMP9	0.3	0.4	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	0.2	0.2	0.2
EPHB4	<0.1	-0.1	0.4	0.5	0.1	0.3	0.5	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1
IL2RA	0.1	<0.1	0.4	0.4	<0.1	0.2	0.4	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.1
ALCAM	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.4	0.4	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1
SELP	0.7	0.7	-0.2	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.2	0.5	0.2	0.7	0.4
CSTB	0.6	0.5	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.6	0.4	0.5	0.4
CD163	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	-0.1	0.2
GRN	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1
NTPROBNP	<0.1	-0.1	0.4	0.2	<0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
PLC	<0.1	-0.1	0.6	0.5	0.2	0.3	0.4	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1
LTBR	0.1	<0.1	0.4	0.4	0.1	0.2	0.4	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1
NOTCH3	<0.1	-0.1	0.3	0.4	0.2	0.4	0.4	<0.1	<0.1	0.1	-0.2	<0.1
TIMP4	<0.1	<0.1	0.4	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1
CNTN1	-0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1
CDH5	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1
TLT2	0.4	0.4	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2
FABP4	<0.1	<0.1	0.6	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3	-0.2	0.1
TFPI	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
PAI	0.6	0.8	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.5	0.2	0.5	0.5
CCL24	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
TR	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1
TNFRSF10C	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1
GDF15	0.1	<0.1	0.5	0.4	<0.1	0.2	0.4	<0.1	0.2	0.4	-0.1	0.2
SELE	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2
DLK1	<0.1	<0.1	0.2	0.4	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1
MPO	0.4	0.3	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.5	0.2	0.3	0.3
CXCL16	<0.1	<0.1	0.4	0.3	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1
IL6RA	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1
RETN	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.2
IGFBP1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	-0.1
CHIT1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
TRAP	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
GP6	0.7	0.7	-0.2	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.3	0.5	0.2	0.8	0.4
PSPD	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
EPCAM	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
APN	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
AXL	<0.1	-0.1	0.3	0.3	0.2	0.4	0.4	<0.1	0.1	0.1	-0.2	<0.1
IL1RT1	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	0.4	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
MMP2	<0.1	-0.1	0.3	0.3	0.2	0.5	0.4	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1
FAS	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2
MB	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
TNFSF13B	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1
PCSK9	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2

UPAR	0.3	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.4	0.4	0.1	0.3
OPN	0.1	<0.1	0.3	0.4	<0.1	0.2	0.4	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1
PGLYRP1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1
CPA1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1
JAMA	0.6	0.6	-0.2	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.3	0.4	0.2	0.7	0.4
GAL4	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2
IL1RT2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
SHPS1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1
CCL15	<0.1	<0.1	0.4	0.3	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1
CASP3	0.7	0.7	-0.2	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	0.4	0.5	0.2	0.8	0.4
CPB1	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1
CHI3L1	0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2
ST2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1
TPA	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2
SCGB3A2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
EGFR	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
IGFBP7	0.1	-0.1	0.4	0.4	0.2	0.3	0.4	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.2
CD93	0.1	-0.1	0.3	0.4	0.1	0.4	0.4	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1
IL18BP	<0.1	-0.1	0.4	0.5	0.1	0.3	0.5	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1
COL1A1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
PON3	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.3	-0.3	-0.1	-0.2
CTSZ	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.3	0.3	<0.1	0.4
MMP3	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
RARRES2	0.3	0.3	0.4	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	0.3	0.2	0.2
ICAM2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
KLK6	<0.1	-0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
PDGFA	0.7	0.9	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.5	0.2	0.6	0.4
TNFR1	0.1	<0.1	0.5	0.5	<0.1	0.2	0.5	-0.1	0.3	0.3	-0.1	0.1
IGFBP2	<0.1	-0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.4	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	-0.1
VWF	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1
PECAM1	0.6	0.6	-0.2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.3	0.4	0.2	0.7	0.4
MEPE	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
CCL16	0.1	<0.1	0.4	0.3	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1
IL8	0.5	0.5	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.5	0.3	0.3	0.4
VEGFA	0.4	0.5	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.5	0.4	0.2	0.3
CD8A	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1
MCP3	0.4	0.4	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	0.3	0.2	0.2
CDCP1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2
CD244	0.6	0.5	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.5	0.2	0.6	0.4
IL7	0.6	0.7	-0.2	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.2	0.4	0.1	0.6	0.3
OPG	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1
LAP_TGFB1	0.7	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.6	0.3	0.6	0.5
UPA	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.2	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1
IL6	0.1	<0.1	0.4	0.3	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.3	0.3	-0.1	0.2
MCP1	0.2	0.4	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2
CXCL11	0.6	0.6	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.5	0.2	0.6	0.4

AXIN1	0.7	0.6	-0.2	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	0.4	0.5	0.1	0.8	0.4
TRAIL	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
CXCL9	0.1	<0.1	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1
CST5	<0.1	-0.1	0.3	0.3	0.1	0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1
OSM	0.4	0.5	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.5	0.2	0.3	0.3
CXCL1	0.6	0.6	-0.2	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.3	0.4	0.2	0.7	0.3
CCL4	0.5	0.5	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.5	0.2	0.3	0.4
CD6	0.5	0.4	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.5	0.3	0.4	0.4
TGFA	0.3	0.3	0.3	0.4	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.4	0.3	0.1	0.2
MCP4	0.6	0.8	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.5	0.2	0.6	0.4
CCL11	0.4	0.4	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.3
TNFSF14	0.7	0.6	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.2	0.6	0.3	0.6	0.5
MMP1	0.4	0.7	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.4	0.2	0.4	0.2
LIFR	<0.1	-0.2	0.4	0.4	0.2	0.4	0.3	-0.1	<0.1	0.2	-0.3	<0.1
FGF21	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1
CCL19	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2
IL15RA	0.1	<0.1	0.4	0.4	<0.1	0.3	0.4	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1
IL10RB	<0.1	-0.1	0.5	0.5	0.1	0.3	0.5	-0.1	0.1	0.3	-0.2	<0.1
IL18R1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.3	<0.1	0.2
PDL1	0.6	0.4	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.5	0.3	0.5	0.4
CXCL5	0.6	0.7	-0.2	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.3	0.4	0.2	0.6	0.3
TRANCE	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
HGF	0.5	0.4	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.6	0.4	0.2	0.5
IL12B	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1
MMP10	<0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1
IL10	<0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
TNF	0.2	0.2	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2
CCL23	0.1	0.2	0.3	0.3	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1
CD5	0.5	0.4	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.4	0.4	0.3
CCL3	0.4	0.4	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.6	0.3	0.2	0.4
FLT3L	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1
CXCL6	0.6	0.6	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.2	0.5	0.2	0.6	0.4
CXCL10	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.2	0.1	0.2
4EBP1	0.7	0.6	-0.2	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.3	0.6	0.2	0.8	0.5
SIRT2	0.7	0.7	-0.2	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.4	0.5	0.2	0.8	0.4
CCL28	0.4	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2
DNER	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
ENRAGE	0.4	0.4	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.5	0.3	0.3	0.3
CD40	0.7	0.6	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.5	0.3	0.7	0.4
IFNG	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
FGF19	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
MCP2	0.5	0.6	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.4	0.2	0.3	0.3
CASP8	0.7	0.6	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.2	0.6	0.3	0.7	0.4
CCL25	<0.1	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
CX3CL1	<0.1	-0.1	0.4	0.4	<0.1	0.3	0.4	-0.1	<0.1	0.2	-0.2	<0.1
TNFRSF9	0.1	<0.1	0.4	0.5	0.1	0.2	0.4	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.1

NT3	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
TWEAK	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1
CCL20	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.2
ST1A1	0.6	0.6	-0.2	-0.2	<0.1	-0.2	-0.2	0.4	0.4	0.1	0.8	0.4
STAMBP	0.7	0.7	-0.2	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	0.3	0.5	0.2	0.8	0.4
ADA	0.6	0.5	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.6	0.2	0.6	0.4
TNFB	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1
CSF1	0.1	-0.1	0.5	0.5	0.1	0.3	0.5	<0.1	0.2	0.3	-0.1	<0.1
Age	<0.1	<0.1	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
Body mass index	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2
Waist circumference	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2
Educational attainment	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
Alcohol consumption	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
Systolic blood pressure	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
Diastolic blood pressure	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
Hemoglobin A1c	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1
Duration of known T2D	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1
High-density lipoprotein cholesterol	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.3	-0.2	-0.1	-0.2
Low-density lipoprotein cholesterol	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Triglycerides	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.2
Albumin	<0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
Fibrinogen	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1
C-reactive protein	0.1	0.1	0.3	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1
Serum amyloid A	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1
Leucocyte count	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1
Serum adiponectin	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.1
Uric acid	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1
Creatinine	0.1	<0.1	0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
Rényi4, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.2	<0.1	-0.1
TP, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.2	<0.1	-0.1
SDWS, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
SDSA, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
CE, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	BMP6	ANGPT1	ADM	PGF	ADAMTS13	BOC	IL4RA	SRC	IL1RA	TNFRSF10A	STK4	IDUA
BMP6	<0.001	<0.001	1	0.003	0.49	1	1	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ANGPT1	<0.001	<0.001	0.271	0.501	1	0.152	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ADM	0.81	0.016	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
CD40L	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	1	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

PGF	<0.001	0.031	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ADAMTS13	0.03	0.83	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.044	1	0.166	0.025	1	<0.001
BOC	0.123	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.003	<0.001	1
IL4RA	0.082	0.151	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	1	0.533	<0.001	0.019	1
SRC	<0.001	<0.001	0.144	0.175	0.257	0.58	0.816	<0.001	1	1	<0.001	1
IL1RA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	0.138	0.033	0.38	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF10A	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.381	<0.001	<0.001	0.723	<0.001
STK4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.471	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.047	<0.001	<0.001
IDUA	<0.001	<0.001	0.164	<0.001	<0.001	0.234	0.29	0.134	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF11A	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.256	<0.001	<0.001	0.08	<0.001
PAR1	<0.001	<0.001	0.583	0.093	0.438	0.327	0.273	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TRAILR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.194	<0.001	<0.001	0.809	<0.001
PRSS27	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.156	<0.001	<0.001	0.86	<0.001	<0.001	0.002	<0.001
TIE2	0.001	0.176	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.961	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TF	0.084	0.239	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.277	0.822	<0.001	<0.001	0.861
IL1RL2	0.883	0.667	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.852	0.286	<0.001	<0.001	0.667
PDGFB	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	0.798	<0.001	0.017	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL27	0.002	0.646	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.19	0.002	<0.001	<0.001	0.5
IL17D	<0.001	0.447	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.138	0.06	<0.001	0.312	0.01
LOX1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.202	<0.001	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GAL9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.106	0.43	<0.001	0.643	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GIF	0.423	0.251	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.905	0.075	0.001	0.171	0.411
SCF	0.022	0.203	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.522	<0.001	0.063	<0.001	<0.001
IL18	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	0.714	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PLGR	0.14	0.06	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.299	0.396	<0.001	<0.001	0.099
RAGE	0.579	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.304	0.011	<0.001	<0.001	0.73
SOD2	<0.001	<0.001	0.847	0.349	<0.001	0.853	0.487	<0.001	<0.001	0.079	<0.001	<0.001
CTRC	<0.001	<0.001	0.161	<0.001	0.002	<0.001	0.02	0.912	0.003	0.003	0.707	0.095
FGF23	0.359	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.022	0.003	<0.001	<0.001	0.471
SPON2	0.066	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.093	0.14	<0.001	<0.001	0.012
GH	0.011	0.067	<0.001	0.825	0.056	<0.001	<0.001	0.699	0.012	0.114	<0.001	0.009
FS	0.008	0.675	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	0.118	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
GLO1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.093	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD84	<0.001	<0.001	0.004	0.59	0.353	0.024	0.562	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SERPINA12	0.353	0.957	<0.001	<0.001	0.003	0.001	0.002	0.051	0.009	<0.001	0.01	0.015
REN	0.004	0.631	<0.001	<0.001	0.085	<0.001	<0.001	0.832	<0.001	<0.001	0.821	<0.001
DECR1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.366	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MERTK	0.219	0.02	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.801	0.096	<0.001	<0.001	0.647
KIM1	<0.001	0.137	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.236	<0.001	<0.001	0.33	<0.001
THBS2	<0.001	0.159	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.779	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TM	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.278	<0.001	<0.001	0.58	<0.001
VSIG2	0.111	0.031	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.759	<0.001	<0.001	0.008	0.003
AMBP	0.364	0.256	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.837	0.002	<0.001	<0.001	0.615
PRELP	<0.001	0.088	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.541	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
HO1	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.058	0.031	<0.001	0.505	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
XCL1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.205	<0.001	<0.001	0.63	<0.001

IL16	<0.001	<0.001	<0.001	0.333	0.582	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SORT1	<0.001	<0.001	0.052	0.001	0.004	0.186	0.03	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CEACAM8	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.187	0.05	<0.001	0.906	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PTX3	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.168	<0.001	<0.001	0.743	<0.001	<0.001	0.936	0.001
PSGL1	<0.001	<0.001	0.853	0.705	<0.001	0.238	0.061	0.117	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL17	<0.001	<0.001	0.004	0.265	0.544	0.033	0.496	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP7	0.017	0.538	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.158	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IGGFC	0.285	0.142	0.002	0.069	0.435	0.005	<0.001	0.62	0.161	0.003	0.9	0.088
ITGB1BP2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.061	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
DCN	0.006	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.785	0.013	<0.001	<0.001	0.006
DKK1	<0.001	<0.001	0.011	0.721	0.602	0.029	0.355	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LPL	0.005	0.205	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.607	<0.001	0.191	<0.001	<0.001
PRSS8	<0.001	0.145	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.256	<0.001	<0.001	0.712	<0.001
AGRP	0.002	0.422	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.055	<0.001	<0.001	0.001	0.002
HBEGF	<0.001	<0.001	0.066	0.829	0.488	0.002	0.093	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GDF2	0.598	0.999	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.826	0.314	<0.001	<0.001	0.013
FABP2	0.143	0.167	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	0.751	0.086	<0.001	0.002	0.287
THPO	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	0.348	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MARCO	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.657	<0.001	<0.001	0.381	<0.001
GT	0.227	0.039	<0.001	<0.001	0.162	<0.001	<0.001	0.719	0.008	0.126	<0.001	0.038
MMP12	<0.001	0.774	<0.001	<0.001	0.128	<0.001	<0.001	0.891	<0.001	<0.001	0.282	<0.001
ACE2	<0.001	0.298	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.813	<0.001	<0.001	0.916	<0.001
PDL2	0.011	0.148	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.951	0.005	<0.001	<0.001	0.015
CTSL1	<0.001	0.566	<0.001	<0.001	0.036	<0.001	<0.001	0.045	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
HOSCAR	<0.001	0.393	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.469	<0.001	<0.001	0.008	<0.001
TNFRSF13B	<0.001	0.794	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.35	<0.001	<0.001	0.105	0.001
TGM2	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.128	<0.001	<0.001	0.728	<0.001	<0.001	0.023	<0.001
LEP	0.18	0.604	<0.001	<0.001	<0.001	0.199	0.131	0.154	<0.001	<0.001	<0.001	0.005
CA5A	<0.001	0.921	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.341	<0.001	<0.001	0.138	<0.001
HSP27	<0.001	<0.001	0.175	0.118	0.034	0.082	0.108	<0.001	<0.001	0.026	0.377	0.001
CD4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.031	0.769	0.015	0.398	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
NEMO	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.198	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
VEGFD	0.539	0.122	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.525	0.015	<0.001	<0.001	0.475
PARP1	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.623	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
HAOX1	<0.001	0.158	0.804	0.088	<0.001	0.662	0.034	0.614	<0.001	<0.001	0.029	<0.001
TNFRSF14	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.486	0.945	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LDL_RC	0.04	0.006	<0.001	0.008	<0.001	0.068	0.287	0.627	<0.001	<0.001	0.733	<0.001
ITGB2	<0.001	<0.001	0.858	0.031	0.927	0.003	0.115	0.539	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL17RA	<0.001	<0.001	0.844	0.403	0.266	0.943	0.025	0.28	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFR2	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.281	<0.001	<0.001	0.608	<0.001	<0.001	0.756	<0.001
MMP9	<0.001	<0.001	0.009	0.019	0.32	0.849	0.014	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
EPHB4	0.788	0.066	<0.001	<0.001	0.071	<0.001	<0.001	0.784	0.082	<0.001	0.006	0.936
IL2RA	0.026	0.618	<0.001	<0.001	0.144	<0.001	<0.001	0.604	<0.001	<0.001	0.061	0.001
ALCAM	0.346	0.305	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.964	<0.001	<0.001	<0.001	0.002
SELP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.042	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CSTB	<0.001	<0.001	0.04	0.002	0.645	0.006	0.358	0.028	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

CD163	<0.001	0.83	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.714	<0.001	<0.001	0.044	<0.001
GRN	0.125	0.826	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.349	<0.001	<0.001	0.001	0.024
NTPROBNP	0.727	0.024	<0.001	<0.001	0.158	<0.001	<0.001	0.874	0.809	<0.001	0.005	0.603
PLC	0.92	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.695	0.012	<0.001	<0.001	0.026
LTBR	0.001	0.397	<0.001	<0.001	0.044	<0.001	<0.001	0.427	<0.001	<0.001	0.277	0.005
NOTCH3	0.667	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.767	0.356	<0.001	<0.001	0.209
TIMP4	0.859	0.4	<0.001	<0.001	0.011	0.001	<0.001	0.359	0.001	<0.001	0.001	0.11
CNTN1	0.11	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.915	0.044	0.928	<0.001	0.906
CDH5	0.14	0.195	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.85	0.009	<0.001	0.005	0.011
TLT2	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.104	0.092	<0.001	0.95	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
FABP4	0.516	0.868	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.133	<0.001	<0.001	<0.001	0.003
TFPI	<0.001	<0.001	0.752	0.139	0.016	0.004	0.039	0.853	0.001	0.209	0.016	<0.001
PAI	<0.001	<0.001	0.648	0.269	0.055	<0.001	0.025	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL24	0.11	0.431	0.971	0.65	0.927	0.502	0.721	0.427	0.035	0.364	0.12	0.02
TR	0.36	0.226	<0.001	<0.001	0.282	<0.001	0.003	0.093	<0.001	0.002	0.242	0.861
TNFRSF10C	0.005	0.01	<0.001	<0.001	0.013	0.002	<0.001	0.379	<0.001	<0.001	0.562	0.035
GDF15	0.001	0.273	<0.001	<0.001	0.141	<0.001	<0.001	0.727	<0.001	<0.001	0.026	<0.001
SELE	<0.001	0.257	0.021	<0.001	0.001	0.013	0.004	0.353	<0.001	<0.001	0.435	<0.001
DLK1	0.834	0.21	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.661	0.084	<0.001	0.043	0.036
MPO	<0.001	<0.001	0.018	0.397	0.779	0.01	0.492	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CXCL16	0.378	0.582	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	0.807	<0.001	<0.001	<0.001	0.278
IL6RA	0.693	0.525	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.33	0.012	0.04	0.014	0.25
RETN	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.056	0.108	<0.001	0.963	<0.001	<0.001	0.027	<0.001
IGFBP1	0.025	0.014	<0.001	0.002	0.331	<0.001	<0.001	0.449	<0.001	0.753	0.004	0.007
CHIT1	0.181	0.479	<0.001	<0.001	0.114	0.014	<0.001	0.859	0.038	0.041	0.752	0.345
TRAP	0.04	0.931	0.002	<0.001	0.1	<0.001	<0.001	0.335	<0.001	0.001	0.543	<0.001
GP6	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PSPD	0.045	0.498	0.001	<0.001	0.021	<0.001	0.001	0.999	0.025	0.007	0.204	<0.001
EPCAM	0.81	0.548	0.62	0.532	0.201	0.074	0.158	0.74	0.223	0.007	0.246	0.99
APN	0.401	0.411	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.425	0.02	0.016	0.196	0.005
AXL	0.539	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.117	0.003	<0.001	<0.001	0.962
IL1RT1	0.529	0.006	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.13	0.184	<0.001	<0.001	0.182
MMP2	0.943	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.769	0.36	<0.001	<0.001	0.053
FAS	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.794	<0.001	<0.001	0.32	<0.001
MB	0.173	0.678	<0.001	<0.001	0.038	<0.001	<0.001	0.325	0.957	0.07	0.815	0.843
TNFSF13B	0.055	0.122	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.891	<0.001	<0.001	0.011	<0.001
PCSK9	0.004	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.442	<0.001	<0.001	0.734	<0.001
UPAR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.363	<0.001	<0.001	0.313	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
OPN	0.075	0.216	<0.001	<0.001	0.824	<0.001	<0.001	0.395	0.005	<0.001	0.009	0.087
PGLYRP1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.122	<0.001	0.33	<0.001	<0.001	0.19	0.002
CPA1	0.389	0.064	<0.001	<0.001	0.002	0.016	<0.001	0.645	0.102	<0.001	0.089	0.7
JAMA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.098	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GAL4	<0.001	0.319	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.221	<0.001	<0.001	0.757	<0.001
IL1RT2	0.123	0.267	0.073	0.016	<0.001	<0.001	0.001	0.003	0.008	0.054	0.754	<0.001
SHPS1	0.003	0.906	<0.001	<0.001	0.215	<0.001	<0.001	0.124	<0.001	<0.001	0.863	<0.001
CCL15	0.269	0.259	<0.001	<0.001	0.052	<0.001	<0.001	0.693	0.003	<0.001	0.171	0.031

CASP3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.054	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CPB1	0.762	0.026	<0.001	<0.001	0.001	0.001	<0.001	0.482	0.001	<0.001	0.231	0.287
CHI3L1	<0.001	0.11	<0.001	<0.001	0.632	0.3	<0.001	0.475	<0.001	<0.001	0.862	<0.001
ST2	<0.001	0.36	<0.001	<0.001	0.087	<0.001	<0.001	0.693	<0.001	<0.001	0.243	<0.001
TPA	<0.001	0.598	<0.001	<0.001	0.951	0.62	0.012	0.959	<0.001	<0.001	0.032	<0.001
SCGB3A2	0.38	0.307	<0.001	0.006	0.128	0.003	<0.001	0.081	0.018	0.372	0.077	0.015
EGFR	0.006	0.505	0.236	0.384	<0.001	<0.001	0.043	0.664	0.266	0.044	<0.001	0.129
IGFBP7	0.001	0.113	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.96	<0.001	<0.001	0.008	<0.001
CD93	0.098	0.098	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	0.819	0.113	<0.001	0.006	0.203
IL18BP	0.22	0.04	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	0.281	<0.001	<0.001	<0.001	0.003
COL1A1	0.768	0.464	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.525	0.29	0.102	0.169	0.039
PON3	<0.001	0.042	0.011	0.003	0.495	<0.001	0.041	0.329	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CTSZ	<0.001	0.13	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.195	<0.001	<0.001	0.869	<0.001
MMP3	0.004	0.898	0.003	<0.001	0.022	<0.001	<0.001	0.529	0.133	0.006	0.072	0.86
RARRES2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.417	0.678	<0.001	0.647	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ICAM2	0.004	0.433	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.536	0.034	<0.001	0.277	0.007
KLK6	0.191	0.005	<0.001	<0.001	0.247	<0.001	<0.001	0.645	0.032	0.337	0.039	0.024
PDGFA	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.656	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFR1	0.007	0.484	<0.001	<0.001	0.39	<0.001	<0.001	0.114	<0.001	<0.001	0.074	<0.001
IGFBP2	0.313	0.044	<0.001	<0.001	0.045	<0.001	<0.001	0.559	<0.001	0.39	0.013	<0.001
VWF	<0.001	0.704	<0.001	<0.001	0.862	0.001	<0.001	0.975	<0.001	<0.001	0.252	<0.001
PECAM1	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.315	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MEPE	0.459	0.218	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.776	0.425	0.093	0.284	0.435
CCL16	<0.001	0.251	<0.001	<0.001	0.04	0.002	<0.001	0.979	<0.001	<0.001	0.661	<0.001
IL8	<0.001	<0.001	0.402	0.004	0.151	0.562	0.068	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
VEGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.353	0.392	<0.001	0.708	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD8A	0.101	0.015	<0.001	<0.001	0.01	0.038	<0.001	0.34	<0.001	<0.001	0.2	0.001
MCP3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.416	0.716	<0.001	0.918	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CDCP1	<0.001	0.61	<0.001	<0.001	0.078	<0.001	<0.001	0.496	<0.001	<0.001	0.159	<0.001
CD244	<0.001	<0.001	<0.001	0.275	0.847	<0.001	0.112	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL7	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.898	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
OPG	0.006	0.131	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.572	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
LAP_TGFB1	<0.001	<0.001	0.347	0.279	0.446	0.007	0.589	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
UPA	0.045	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.956	0.061	<0.001	<0.001	<0.001
IL6	0.025	0.424	<0.001	<0.001	0.131	0.826	<0.001	0.045	<0.001	<0.001	0.01	<0.001
MCP1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.035	<0.001	<0.001	0.319	<0.001	<0.001	0.108	<0.001
CXCL11	<0.001	<0.001	0.001	0.038	0.259	<0.001	0.039	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
AXIN1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.06	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TRAIL	0.819	0.997	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.863	0.028	0.609	0.069	0.994
CXCL9	0.026	0.93	<0.001	<0.001	0.642	<0.001	<0.001	0.503	<0.001	<0.001	0.018	0.17
CST5	0.722	0.011	<0.001	<0.001	0.048	<0.001	<0.001	0.567	0.057	0.001	0.017	0.667
OSM	<0.001	<0.001	0.032	0.009	0.147	0.091	0.057	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CXCL1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.263	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL4	<0.001	<0.001	0.038	<0.001	0.405	0.576	0.026	0.825	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD6	<0.001	<0.001	<0.001	0.227	0.043	0.016	0.05	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	0.841	<0.001	<0.001	0.01	<0.001

MCP4	<0.001	<0.001	<0.001	0.082	0.799	<0.001	0.031	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL11	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	0.005	0.051	0.005	0.041	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFSF14	<0.001	<0.001	<0.001	0.058	0.987	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP1	<0.001	<0.001	0.551	0.583	0.014	0.115	0.494	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LIFR	0.133	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.047	0.24	<0.001	<0.001	0.87
FGF21	0.232	0.933	<0.001	<0.001	0.024	0.977	<0.001	0.806	<0.001	<0.001	0.729	<0.001
CCL19	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.617	<0.001	<0.001	0.29	<0.001
IL15RA	<0.001	0.957	<0.001	<0.001	0.183	<0.001	<0.001	0.254	<0.001	<0.001	0.283	0.006
IL10RB	0.477	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.069	0.003	<0.001	<0.001	0.227
IL18R1	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.177	<0.001	<0.001	0.443	<0.001
PDL1	<0.001	<0.001	0.69	<0.001	0.214	0.338	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CXCL5	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.445	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TRANCE	0.999	0.78	<0.001	<0.001	0.359	0.016	0.083	0.557	0.151	0.001	0.305	0.525
HGF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.033	<0.001	0.097	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL12B	0.59	0.191	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.485	<0.001	<0.001	0.001	0.049
MMP10	0.291	0.197	<0.001	<0.001	0.913	<0.001	<0.001	0.511	0.012	<0.001	0.009	0.239
IL10	0.794	0.119	<0.001	<0.001	0.384	<0.001	<0.001	0.219	0.002	<0.001	0.291	0.438
TNF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.146	0.004	<0.001	0.962	<0.001	<0.001	0.511	<0.001
CCL23	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.093	0.787	<0.001	0.227	<0.001	<0.001	0.267	0.444
CD5	<0.001	<0.001	0.083	0.099	0.264	0.01	0.854	0.305	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.046	0.608	<0.001	0.197	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
FLT3L	0.26	0.288	<0.001	<0.001	0.104	<0.001	<0.001	0.691	0.001	<0.001	0.011	<0.001
CXCL6	<0.001	<0.001	<0.001	0.109	0.468	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CXCL10	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.042	0.002	<0.001	0.887	<0.001	<0.001	0.028	<0.001
4EBP1	<0.001	<0.001	<0.001	0.027	0.047	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SIRT2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.147	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL28	<0.001	<0.001	0.927	0.017	0.645	0.142	0.015	0.532	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
DNER	0.277	0.117	0.423	0.01	<0.001	<0.001	0.036	0.01	<0.001	0.029	0.067	0.236
ENRAGE	<0.001	<0.001	0.148	<0.001	0.253	0.594	0.057	0.634	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD40	<0.001	<0.001	0.001	0.328	0.194	<0.001	0.115	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IFNG	0.377	0.269	<0.001	<0.001	0.489	0.206	<0.001	0.195	<0.001	0.042	0.178	0.001
FGF19	0.089	0.264	<0.001	0.005	0.268	0.017	<0.001	0.849	0.166	0.044	0.163	0.223
MCP2	<0.001	<0.001	0.071	0.435	0.494	0.094	0.937	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CASP8	<0.001	<0.001	<0.001	0.172	0.18	<0.001	0.033	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL25	0.432	0.009	<0.001	<0.001	0.108	<0.001	<0.001	0.319	0.631	<0.001	<0.001	0.425
CX3CL1	0.449	0.007	<0.001	<0.001	0.205	<0.001	<0.001	0.014	0.805	<0.001	<0.001	0.119
TNFRSF9	0.039	0.376	<0.001	<0.001	0.106	<0.001	<0.001	0.197	<0.001	<0.001	0.009	0.001
NT3	<0.001	0.194	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	0.776	0.174	0.002	0.758	0.296
TWEAK	<0.001	<0.001	0.302	0.372	<0.001	0.001	0.24	0.315	<0.001	0.608	<0.001	<0.001
CCL20	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.178	0.008	0.233	<0.001	<0.001	0.02	<0.001
ST1A1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.146	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
STAMBP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.066	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ADA	<0.001	<0.001	<0.001	0.136	0.119	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFB	0.874	0.025	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.792	0.061	0.02	0.001	0.02
CSF1	0.08	0.117	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	0.161	<0.001	<0.001	<0.001	0.509
Age	0.139	0.637	<0.001	<0.001	0.524	0.41	<0.001	0.986	0.205	<0.001	0.917	0.034

Body mass index	0.012	0.296	<0.001	0.001	0.003	0.142	0.05	0.152	<0.001	<0.001	0.814	<0.001
Waist circumference	<0.001	0.629	<0.001	<0.001	0.516	0.051	0.329	0.255	<0.001	<0.001	0.052	<0.001
Educational attainment	0.965	0.044	0.011	0.32	0.41	0.084	0.704	0.977	0.003	0.002	0.79	0.006
Alcohol consumption	0.701	0.877	<0.001	0.122	<0.001	0.001	0.084	0.734	0.166	0.075	0.098	0.684
Systolic blood pressure	<0.001	0.004	0.199	<0.001	0.413	0.45	0.982	0.602	<0.001	0.004	0.124	0.002
Diastolic blood pressure	0.002	0.011	0.147	0.342	0.517	0.049	0.007	0.103	0.003	0.988	0.049	0.005
Hemoglobin A1c	0.006	0.158	<0.001	0.001	0.029	0.014	0.105	0.428	<0.001	<0.001	0.958	<0.001
Duration of known T2D	0.83	0.913	0.013	0.057	0.173	0.002	0.36	0.157	<0.001	<0.001	0.784	0.059
High-density lipoprotein cholesterol	<0.001	0.382	0.144	<0.001	0.255	0.445	0.24	0.23	<0.001	<0.001	0.025	<0.001
Low-density lipoprotein cholesterol	0.48	0.631	0.02	0.017	0.118	0.922	0.004	0.548	0.297	0.057	0.43	0.251
Triglycerides	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.159	0.173	0.836	0.25	<0.001	<0.001	0.112	<0.001
Albumin	0.261	0.045	<0.001	<0.001	0.006	0.208	<0.001	0.051	0.173	<0.001	0.016	0.859
Fibrinogen	<0.001	<0.001	<0.001	0.052	0.793	0.036	0.081	0.637	<0.001	<0.001	0.096	<0.001
C-reactive protein	0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.741	0.005
Serum amyloid A	0.357	0.037	<0.001	0.047	0.509	0.338	0.005	0.103	<0.001	<0.001	0.059	0.673
Leucocyte count	0.002	0.125	0.002	0.009	0.19	0.002	0.079	0.415	<0.001	0.062	0.008	<0.001
Serum adiponectin	<0.001	<0.001	<0.001	0.211	0.114	0.001	0.259	0.631	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
Uric acid	<0.001	0.343	<0.001	<0.001	0.085	0.003	0.369	0.222	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
Creatinine	0.006	0.192	<0.001	<0.001	0.001	0.765	<0.001	0.373	0.011	0.001	0.003	0.202
Rényi4, baseline	0.007	0.283	0.001	0.001	0.936	0.84	0.149	0.195	<0.001	<0.001	0.877	0.014
TP, baseline	0.004	0.174	<0.001	0.003	0.841	0.625	0.45	0.142	<0.001	<0.001	0.74	0.004
SDWS, baseline	0.02	0.513	<0.001	<0.001	0.853	0.424	0.082	0.25	<0.001	<0.001	0.74	0.104
SDSA, baseline	0.62	0.971	0.756	0.458	0.867	0.489	0.942	0.037	0.009	0.003	0.529	0.123
CE, baseline	0.08	0.653	0.007	0.002	0.857	0.541	0.094	0.169	<0.001	<0.001	0.527	0.039

Abbreviations

Bone morphogenetic protein 6	BMP6
Angiopoietin-1	ANGPT1
Adrenomedullin	ADM
CD40 ligand	CD40L
Placenta growth factor	PGF
A disintegrin and metalloproteinase with thrombospondin motifs 13	ADAMTS13
Brother of CDO	BOC
Interleukin-4 receptor subunit alpha	IL4RA
Proto-oncogene tyrosine-protein kinase Src	SRC
Interleukin-1 receptor antagonist protein	IL1RA
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A	TNFRSF10A
Serine/threonine-protein kinase 4	STK4
Alpha-L-iduronidase	IDUA
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A	TNFRSF11A
Proteinase-activated receptor 1	PAR1
TNF-related apoptosis-inducing ligand receptor 2	TRAILR2

Serine protease 27	PRSS27
Angiopoietin-1 receptor	TIE2
Tissue factor	TF
Interleukin-1 receptor-like 2	IL1RL2
Platelet-derived growth factor subunit B	PDGFB
Interleukin-27	IL27
Interleukin-17D	IL17D
Lectin-like oxidized LDL receptor 1	LOX1
Galectin-9	GAL9
Gastric intrinsic factor	GIF
Stem cell factor	SCF
Interleukin-18	IL18
Polymeric immunoglobulin receptor	PLGR
Receptor for advanced glycosylation end products	RAGE
Superoxide dismutase [Mn], mitochondrial	SOD2
Chymotrypsin C	CTRC
Fibroblast growth factor-23	FGF23
Spondin-2	SPON2
Growth hormone	GH
Follistatin	FS
Lactoylglutathione lyase	GLO1
SLAM family member 5	CD84
Serpin A12	SERPINA12
Renin	REN
2,4-dienoyl-CoA reductase, mitochondrial	DECR1
Tyrosine-protein kinase Mer	MERTK
Kidney Injury Molecule	KIM1
Thrombospondin-2	THBS2
Thrombomodulin	TM
V-set and immunoglobulin domain-containing protein 2	VSIG2
Protein AMBP	AMBP
Prolargin	PRELP
Heme oxygenase 1	HO1
Lymphotactin	XCL1
Pro-interleukin-16	IL16
Sortilin	SORT1
Carcinoembryonic antigenrelated cell adhesion molecule 8	CEACAM8
Pentraxin-related protein 3	PTX3
P-selectin glycoprotein ligand 1	PSGL1
C-C motif chemokine 17	CCL17
Matrix metalloproteinase-7	MMP7
Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b	IGGFC
Melusin	ITGB1BP2
Decorin	DCN
Dickkopf-related protein 1	DKK1
Lipoprotein lipase	LPL

Prostasin	PRSS8
Agouti-related protein	AGRP
Proheparin-binding EGF-like growth factor	HBEGF
Growth/differentiation factor 2	GDF2
Fatty acid-binding protein, intestinal	FABP2
Thrombopoietin	THPO
Macrophage receptor MARCO	MARCO
Gastrotropin	GT
Matrix metalloproteinase-12	MMP12
Angiotensin-converting enzyme 2	ACE2
Programmed cell death 1 ligand 2	PDL2
Cathepsin L1	CTSL1
Osteoclast-associated immunoglobulin-like receptor	HOSCAR
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 13B	TNFRSF13B
Protein-glutamine gamma-glutamyltransferase 2	TGM2
Leptin	LEP
Carbonic anhydrase-5A, mitochondrial	CA5A
Heat shock 27 kDa protein	HSP27
T-cell surface glycoprotein CD4	CD4
NF-kappa-B essential modulator	NEMO
Vascular endothelial growth factor D	VEGFD
Poly [ADP-ribose] polymerase 1	PARP1
Hydroxyacid oxidase 1	HAOX1
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 14	TNFRSF14
Low-density lipoprotein receptor	LDL_RC
Integrin beta-2	ITGB2
Interleukin-17 receptor A	IL17RA
Tumor necrosis factor receptor 2	TNFR2
Matrix metalloproteinase-9	MMP9
Ephrin type-B receptor 4	EPHB4
Interleukin-2 receptor subunit alpha	IL2RA
CD166 antigen	ALCAM
P-selectin	SELP
Cystatin-B	CSTB
Scavenger receptor cysteine-rich type 1 protein M130	CD163
Granulins	GRN
N-terminal prohormone brain natriuretic peptide	NTPROBNP
Perlecan	PLC
Lymphotoxin-beta receptor	LTBR
Neurogenic locus notch homolog protein 3	NOTCH3
Metalloproteinase inhibitor 4	TIMP4
Contactin-1	CNTN1
Cadherin-5	CDH5
Trem-like transcript 2 protein	TLT2
Fatty acid-binding protein 4	FABP4
Tissue factor pathway inhibitor	TFPI

Plasminogen activator inhibitor 1	PAI
C-C motif chemokine 24	CCL24
Transferrin receptor protein 1	TR
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10C	TNFRSF10C
Growth/differentiation factor 15	GDF15
E-selectin	SELE
Protein delta homolog 1	DLK1
Myeloperoxidase	MPO
C-X-C motif chemokine 16	CXCL16
Interleukin-6 receptor subunit alpha	IL6RA
Resistin	RETN
Insulin-like growth factor-binding protein 1	IGFBP1
Chitotriosidase-1	CHIT1
Tartrate-resistant acid phosphatase type 5	TRAP
Platelet glycoprotein VI	GP6
Pulmonary surfactant-associated protein D	PSPD
Epithelial cell adhesion molecule	EPCAM
Aminopeptidase N	APN
Tyrosine-protein kinase receptor UFO	AXL
Interleukin-1 receptor type 1	IL1RT1
Matrix metalloproteinase-2	MMP2
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 6	FAS
Myoglobin	MB
Tumor necrosis factor ligand superfamily member 13B	TNFSF13B
Proprotein convertase subtilisin/kexin type 9	PCSK9
Urokinase plasminogen activator surface receptor	UPAR
Osteopontin	OPN
Peptidoglycan recognition protein 1	PGLYRP1
Carboxypeptidase A1	CPA1
Junctional adhesion molecule A	JAMA
Galectin-4	GAL4
Interleukin-1 receptor type 2	IL1RT2
Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type substrate 1	SHPS1
C-C motif chemokine 15	CCL15
Caspase-3	CASP3
Carboxypeptidase B	CPB1
Chitinase-3-like protein 1	CHI3L1
ST2 protein	ST2
Tissue-type plasminogen activator	TPA
Secretoglobin family 3A member 2	SCGB3A2
Epidermal growth factor receptor	EGFR
Insulin-like growth factor-binding protein 7	IGFBP7
Complement component C1q receptor	CD93
Interleukin-18-binding protein	IL18BP
Collagen alpha-1(I) chain	COL1A1
Paraoxonase 3	PON3

Cathepsin Z	CTSZ
Matrix metalloproteinase-3	MMP3
Retinoic acid receptor responder protein 2	RARRES2
Intercellular adhesion molecule 2	ICAM2
Kallikrein-6	KLK6
Platelet-derived growth factor subunit A	PDGFA
Tumor necrosis factor receptor 1	TNFR1
Insulin-like growth factor-binding protein 2	IGFBP2
von Willebrand factor	VWF
Platelet endothelial cell adhesion molecule	PECAM1
Matrix extracellular phosphoglycoprotein	MEPE
C-C motif chemokine 16	CCL16
Interleukin-8	IL8
Vascular endothelial growth factor A	VEGFA
T-cell surface glycoprotein CD8 alpha chain	CD8A
Monocyte chemotactic protein 3	MCP3
CUB domain-containing protein 1	CDCP1
Natural killer cell receptor 2B4	CD244
Interleukin-7	IL7
Osteoprotegerin	OPG
Latency-associated peptide transforming growth factor beta-1	LAP_TGFB1
Urokinase-type plasminogen activator	UPA
Interleukin-6	IL6
Monocyte chemotactic protein 1	MCP1
C-X-C motif chemokine 11	CXCL11
Axin-1	AXIN1
TNF-related apoptosis-inducing ligand	TRAIL
C-X-C motif chemokine 9	CXCL9
Cystatin D	CST5
Oncostatin-M	OSM
C-X-C motif chemokine 1	CXCL1
C-C motif chemokine 4	CCL4
T cell surface glycoprotein CD6 isoform	CD6
Transforming growth factor alpha	TGFA
Monocyte chemotactic protein 4	MCP4
Eotaxin	CCL11
Tumor necrosis factor ligand superfamily member 14	TNFSF14
Matrix metalloproteinase-1	MMP1
Leukemia inhibitory factor receptor	LIFR
Fibroblast growth factor 21	FGF21
C-C motif chemokine 19	CCL19
Interleukin-15 receptor subunit alpha	IL15RA
Interleukin-10 receptor subunit beta	IL10RB
Interleukin-18 receptor 1	IL18R1
Programmed cell death 1 ligand 1	PDL1
C-X-C motif chemokine 5	CXCL5

TNF-related activation-induced cytokine	TRANCE
Hepatocyte growth factor	HGF
Interleukin-12 subunit beta	IL12B
Matrix metalloproteinase-10	MMP10
Interleukin-10	IL10
Tumor necrosis factor	TNF
C-C motif chemokine 23	CCL23
T-cell surface glycoprotein CD5	CD5
C-C motif chemokine 3	CCL3
Fms-related tyrosine kinase 3 ligand	FLT3L
C-X-C motif chemokine 6	CXCL6
C-X-C motif chemokine 10	CXCL10
Eukaryotic translation initiation factor 4E-binding protein 1	4EBP1
SIR2-like protein 2	SIRT2
C-C motif chemokine 28	CCL28
Delta and Notch-like epidermal growth factor-related receptor	DNER
Protein S100-A12	ENRAGE
CD40L receptor	CD40
Interferon gamma	IFNG
Fibroblast growth factor-19	FGF19
Monocyte chemotactic protein 2	MCP2
Caspase-8	CASP8
C-C motif chemokine 25	CCL25
Fractalkine	CX3CL1
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 9	TNFRSF9
Neurotrophin-3	NT3
Tumor necrosis factor (Ligand) superfamily, member 12	TWEAK
C-C motif chemokine 20	CCL20
Sulfotransferase 1A1	ST1A1
STAM-binding protein	STAMBP
Adenosine Deaminase	ADA
TNF-beta	TNFB
Macrophage colony-stimulating factor 1	CSF1
Age	
Body mass index	
Waist circumference	
Educational attainment	
Alcohol consumption	
Systolic blood pressure	
Diastolic blood pressure	
Hemoglobin A1c	
Duration of known T2D	
High-density lipoprotein cholesterol	
Low-density lipoprotein cholesterol	
Triglycerides	
Albumin	

Fibrinogen

C-reactive protein

Serum amyloid A

Leucocyte count

Serum adiponectin

Uric acid

Creatinine

Rényi entropy of the histogram with order (alpha) 4, baseline

Total power of the density spectra, baseline

Standard deviation of word sequence, baseline

Standard deviation of the short-term normal-to-normal interval variability, baseline

Compression entropy, baseline

Rényi4, baseline

TP, baseline

SDWS, baseline

SDSA, baseline

CE, baseline

$P = p\text{-value}$

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	TNFRSF1A	PAR1	TRAILR2	PRSS27	TIE2	TF	IL1RL2	PDGFB	IL27	IL17D	LOX1	GAL9	GIF	SCF	IL18	PLGR	RAGE	SOD2	CTRC	FGF23	SPON2	GH	FS
BMP6	0.2	0.7	0.3	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.7	0.1	0.2	0.4	0.5	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.4	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1
ANGPT1	0.1	0.6	0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.9	<0.1	<0.1	0.5	0.4	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.5	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
ADM	0.6	<0.1	0.6	0.2	0.3	0.4	0.2	-0.1	0.4	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.4	0.4	<0.1	<0.1	0.5	0.7	0.2	0.4
CD40L	<0.1	0.8	0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.4	0.4	<0.1	-0.1	0.3	-0.2	-0.2	0.5	0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1
PGF	0.6	0.1	0.6	0.3	0.4	0.5	0.2	-0.1	0.4	0.4	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	<0.1	0.1	0.5	0.6	<0.1	0.3
ADAMTS13	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
BOC	0.4	<0.1	0.3	0.3	0.4	0.4	0.2	-0.1	0.3	0.4	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.4	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.1	0.2
IL4RA	0.5	<0.1	0.5	0.3	0.3	0.4	0.2	-0.1	0.4	0.4	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.6	0.1	0.3
SRC	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
IL1RA	0.3	0.5	0.4	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.1	0.1	0.5	0.7	0.1	-0.2	0.4	<0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2
TNFRSF10A	0.4	0.3	0.6	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	0.2
STK4	-0.1	0.7	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.6	-0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.6	<0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1
IDUA	0.1	0.4	0.3	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.2	0.3	-0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1
TNFRSF11A	1	0.2	0.6	0.3	0.3	0.4	0.2	0.1	0.4	0.3	0.3	0.4	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	<0.1	0.1	0.4	0.6	0.1	0.3
PAR1	0.2	1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.7	<0.1	0.1	0.4	0.5	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.5	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
TRAILR2	0.6	0.2	1	0.3	0.3	0.3	0.1	0.1	0.3	0.4	0.4	0.5	0.2	0.1	0.4	0.4	0.3	0.1	0.1	0.4	0.5	<0.1	0.3
PRSS27	0.3	0.3	0.3	1	0.2	0.3	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2
TIE2	0.3	<0.1	0.3	0.2	1	0.4	0.3	-0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2
TF	0.4	<0.1	0.3	0.3	0.4	1	0.3	-0.1	0.3	0.4	0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	0.3	0.4	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.2	0.2
IL1RL2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	1	-0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1
PDGFB	0.1	0.7	0.1	0.3	-0.1	-0.1	-0.1	1	<0.1	<0.1	0.5	0.4	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.5	0.1	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1
IL27	0.4	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1	1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.1	0.3
IL17D	0.3	0.1	0.4	0.2	0.3	0.4	0.2	<0.1	0.3	1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	0.2
LOX1	0.3	0.4	0.4	0.3	0.1	0.1	0.1	0.5	0.2	0.2	1	0.4	0.1	-0.1	0.4	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1
GAL9	0.4	0.5	0.5	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.4	1	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2
GIF	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
SCF	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.4	0.3	-0.1	0.2	0.3	-0.1	<0.1	0.2	1	<0.1	0.2	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1
IL18	0.3	0.3	0.4	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.4	0.4	0.1	<0.1	1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2
PLGR	0.3	-0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.4	0.1	0.2
RAGE	0.4	-0.1	0.3	0.2	0.3	0.4	0.3	-0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.4	<0.1	0.3	1	<0.1	0.1	0.3	0.5	0.2	0.2
SOD2	<0.1	0.5	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CTRC	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
FGF23	0.4	<0.1	0.4	0.2	0.3	0.3	0.2	-0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	-0.1	0.1	1	0.5	0.1	0.2
SPON2	0.6	-0.1	0.5	0.2	0.3	0.4	0.2	-0.2	0.4	0.4	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.4	0.5	<0.1	0.1	0.5	1	0.2	0.4
GH	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	1	0.1
FS	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.4	0.1	1
GLO1	-0.1	0.8	0.1	0.2	-0.2	-0.2	-0.2	0.7	-0.2	<0.1	0.3	0.4	-0.1	-0.2	0.2	-0.2	-0.2	0.5	<0.1	-0.2	-0.3	-0.2	-0.1
CD84	0.2	0.8	0.2	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.8	<0.1	<0.1	0.4	0.5	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.5	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1
SERPINA12	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
REN	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	-0.2	0.1
DECR1	-0.1	0.8	0.1	0.1	-0.2	-0.2	-0.2	0.7	-0.2	<0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.2	0.2	-0.2	-0.2	0.5	<0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.2

MERTK	0.4	<0.1	0.4	0.2	0.4	0.4	0.2	-0.1	0.4	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	0.3
KIM1	0.3	0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.3
THBS2	0.3	-0.1	0.4	0.1	0.3	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.5	0.1	0.3
TM	0.6	0.3	0.5	0.4	0.4	0.5	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	0.1	0.4	0.4	0.3	0.4	0.2	0.2	0.3	0.4	<0.1	0.3
VSIG2	0.5	<0.1	0.4	0.2	0.3	0.4	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	0.4	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	0.2
AMBP	0.5	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.4	0.3	-0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.4	0.4	0.1	0.1	0.3	0.6	0.1	0.4
PRELP	0.5	0.1	0.5	0.2	0.4	0.4	0.3	<0.1	0.4	0.5	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.4	0.4	0.1	0.2	0.4	0.6	0.2	0.3
HO1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.4	0.1	-0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2
XCL1	0.3	0.2	0.5	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2
IL16	<0.1	0.7	0.2	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	0.6	-0.1	<0.1	0.3	0.5	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.1
SORT1	0.2	0.7	0.3	0.4	0.1	0.1	0.1	0.8	0.1	0.1	0.5	0.6	<0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.5	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
CEACAM8	0.3	0.4	0.4	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.2	0.1	0.7	0.4	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1
PTX3	0.3	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2
PSGL1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	-0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
CCL17	0.1	0.6	0.2	0.3	<0.1	<0.1	-0.1	0.8	<0.1	0.1	0.4	0.4	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.4	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
MMP7	0.3	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.5	0.1	0.3
IGGFC	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
ITGB1BP2	<0.1	0.8	0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.2	-0.2	0.5	<0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1
DCN	0.5	<0.1	0.4	0.2	0.4	0.5	0.3	-0.1	0.4	0.5	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.4	<0.1	0.1	0.4	0.6	0.1	0.2
DDIT3	0.2	0.7	0.2	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.9	<0.1	0.1	0.5	0.5	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.5	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
LPL	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.4	0.3	-0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	-0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.4	0.1
PRSS8	0.3	0.1	0.5	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.1	-0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	-0.1	0.2
AGRP	0.4	0.1	0.4	0.2	0.4	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.4	0.4	<0.1	0.2
HBEGF	0.2	0.7	0.2	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.9	<0.1	<0.1	0.5	0.5	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.5	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
GDF2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.4	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2
FABP2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1
THPO	0.3	0.5	0.2	0.4	0.1	0.2	0.1	0.6	0.1	0.2	0.4	0.3	<0.1	0.4	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
MARCO	0.3	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.4	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	0.4	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.4	<0.1	0.2
GT	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1
MMP12	0.3	0.1	0.5	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.4	<0.1	0.2
ACE2	0.2	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.2	0.2
PDL2	0.4	<0.1	0.3	0.2	0.4	0.4	0.2	-0.1	0.4	0.3	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	0.2
CTSL1	0.4	<0.1	0.5	0.2	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.4	0.5	0.1	0.4
HOSCAR	0.5	0.1	0.5	0.2	0.4	0.4	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	0.3	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.4	0.5	<0.1	0.3
TNFRSF13B	0.4	0.1	0.5	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.4	0.4	<0.1	0.3
TGM2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1
LEP	0.4	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.4	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.2	0.2
CA5A	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.2
HSP27	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
CD4	0.3	0.5	0.4	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.4	0.6	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1
NEMO	<0.1	0.8	0.1	0.2	-0.2	-0.2	-0.2	0.7	-0.1	<0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.2	0.2	-0.2	-0.2	0.5	<0.1	-0.2	-0.3	-0.2	-0.1
VEGFD	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.5	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2
PARP1	-0.1	0.7	0.2	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.6	-0.1	<0.1	0.3	0.5	<0.1	-0.2	0.2	-0.1	-0.2	0.4	<0.1	-0.2	-0.3	-0.2	-0.1
HAOX1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.1
TNFRSF14	0.3	0.6	0.4	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.5	0.1	0.1	0.4	0.5	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1
LDL_RC	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2

ITGB2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
IL17RA	0.1	0.4	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TNFR2	0.6	0.2	0.5	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.5	0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.4	<0.1	0.2
MMP9	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.1	<0.1	0.7	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
EPHB4	0.5	<0.1	0.4	0.2	0.3	0.4	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.4	<0.1	<0.1	0.3	0.5	0.1	0.2
IL2RA	0.4	0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.4	<0.1	0.2
ALCAM	0.4	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.4	-0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.4	0.1	0.1	0.3	0.4	0.2	0.2
SELP	<0.1	0.8	0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.4	0.4	<0.1	-0.2	0.2	-0.1	-0.2	0.5	0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1
CSTB	0.2	0.6	0.4	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.6	<0.1	0.1	0.4	0.6	<0.1	-0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
CD163	0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2
GRN	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2
NTPROBNP	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	-0.1	0.2	0.4	0.2	0.2
PLC	0.5	<0.1	0.5	0.2	0.2	0.3	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	0.4	<0.1	<0.1	0.4	0.6	0.1	0.2
LTBR	0.5	0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.3	0.4	0.1	0.2
NOTCH3	0.3	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.2	0.2
TIMP4	0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.2
CNTN1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	-0.1	0.2	0.3	<0.1	-0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1
CDH5	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.5	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2
TLT2	0.3	0.5	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.4	0.1	0.1	0.3	0.4	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
FABP4	0.5	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.4	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.4	0.5	0.2	0.3
TFPI	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
PAI	0.1	0.6	0.2	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.8	<0.1	<0.1	0.4	0.4	<0.1	-0.2	0.2	-0.1	-0.1	0.4	0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1
CCL24	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
TR	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1
TNFRSF10C	0.3	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1
GDF15	0.4	0.1	0.6	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.4	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.4	0.1	0.3
SELE	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1
DLK1	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1
MPO	<0.1	0.4	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.3	0.3	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
CXCL16	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.1	0.2
IL6RA	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1
RETN	0.3	0.2	0.4	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1
IGFBP1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.3	0.3	0.3
CHIT1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
TRAP	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1
GP6	<0.1	0.8	0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.3	0.4	-0.1	-0.2	0.2	-0.1	-0.2	0.5	0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1
PSPD	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
EPCAM	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
APN	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1
AXL	0.4	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.4	0.1	0.1
IL1RT1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1
MMP2	0.3	-0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.1	0.2
FAS	0.3	0.2	0.4	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1
MB	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1
TNFSF13B	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2
PCSK9	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1

UPAR	0.3	0.3	0.5	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.4	0.4	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2
OPN	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.4	0.1	0.2
PGLYRP1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1
CPA1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.5	0.1	0.2	<0.1	0.1
JAMA	<0.1	0.8	0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.3	0.4	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.5	<0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1
GAL4	0.3	0.1	0.4	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1
IL1RT2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1
SHPS1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1
CCL15	0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.1	0.1
CASP3	<0.1	0.8	0.1	0.2	-0.2	-0.2	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.3	0.4	-0.1	-0.2	0.2	-0.2	-0.2	0.5	<0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1
CPB1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.5	0.1	0.2	<0.1	0.1
CHI3L1	0.2	0.1	0.4	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2
ST2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1
TPA	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1
SCGB3A2	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1
EGFR	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
IGFBP7	0.4	<0.1	0.4	0.1	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.5	<0.1	0.2
CD93	0.4	0.1	0.4	0.2	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.5	<0.1	<0.1	0.3	0.4	0.1	0.2
IL18BP	0.4	<0.1	0.4	0.2	0.3	0.3	0.1	-0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.3	0.5	0.1	0.2
COL1A1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1
PON3	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.4	-0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1
CTSZ	0.4	0.1	0.4	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.2
MMP3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.2	<0.1
RARRES2	0.4	0.4	0.4	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2
ICAM2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1
KLK6	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1
PDGFA	0.1	0.7	0.1	0.3	-0.1	-0.1	-0.1	0.9	<0.1	<0.1	0.5	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.5	0.1	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1
TNFR1	0.6	0.1	0.6	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.4	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.3	0.5	<0.1	0.2
IGFBP2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.3	0.3	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1
VWF	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2
PECAM1	<0.1	0.7	0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.6	-0.1	<0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.4	0.1	-0.2	-0.2	-0.1	-0.1
MEPE	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.1
CCL16	0.3	0.1	0.4	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.2
IL8	0.1	0.4	0.3	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	<0.1	0.1	0.4	0.4	<0.1	-0.2	0.3	<0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
VEGFA	0.4	0.5	0.4	0.3	0.1	0.1	0.1	0.4	0.2	0.2	0.4	0.5	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2
CD8A	0.2	<0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1
MCP3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.1	0.4	0.4	<0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
CDCP1	0.2	0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.3
CD244	0.1	0.7	0.2	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.3	0.5	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.4	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1
IL7	0.1	0.7	0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.8	<0.1	<0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.2	-0.2	0.4	0.1	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1
OPG	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.3	-0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.1	0.2
LAP_TGFB1	0.2	0.7	0.2	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.8	<0.1	0.1	0.4	0.5	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.5	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
UPA	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	-0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.4	0.1	0.2
IL6	0.2	<0.1	0.4	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.3
MCP1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2
CXCL11	0.1	0.7	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.3	0.5	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.2	0.4	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1

AXIN1	-0.1	0.8	0.1	0.1	-0.2	-0.2	-0.2	0.7	-0.2	-0.1	0.3	0.4	-0.1	-0.2	0.2	-0.2	-0.2	0.5	<0.1	-0.2	-0.3	-0.2	-0.1
TRAIL	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1
CXCL9	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2
CST5	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1
OSM	0.1	0.4	0.3	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.7	0.4	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
CXCL1	<0.1	0.7	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.2	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.5	<0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1
CCL4	0.2	0.4	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.1	0.1	0.4	0.5	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
CD6	<0.1	0.5	0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1
TGFA	0.5	0.2	0.5	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.5	0.4	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1
MCP4	0.1	0.7	0.1	0.3	-0.1	-0.1	-0.1	0.8	<0.1	0.1	0.4	0.4	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.4	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1
CCL11	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.4	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1
TNFSF14	0.1	0.7	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.4	0.5	<0.1	-0.2	0.3	-0.1	-0.2	0.4	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1
MMP1	0.1	0.5	0.2	0.3	<0.1	-0.1	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.3	0.3	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
LIFR	0.3	-0.2	0.2	<0.1	0.5	0.4	0.3	-0.2	0.4	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.1	0.2
FGF21	0.2	<0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.1
CCL19	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2
IL15RA	0.4	0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.4	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.4	<0.1	0.2
IL10RB	0.5	<0.1	0.4	0.2	0.3	0.4	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.4	<0.1	<0.1	0.3	0.6	<0.1	0.3
IL18R1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2
PDL1	0.2	0.7	0.3	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.1	0.1	0.3	0.5	<0.1	-0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
CXCL5	<0.1	0.7	0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.5	0.1	-0.2	-0.2	<0.1	-0.1
TRANCE	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1
HGF	0.3	0.4	0.5	0.2	0.2	0.1	0.1	0.4	0.2	0.1	0.6	0.5	0.1	-0.1	0.4	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2
IL12B	0.4	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	0.2
MMP10	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2
IL10	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.2
TNF	0.4	0.2	0.4	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.5	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.4	<0.1	0.2
CCL23	0.3	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2
CD5	0.1	0.6	0.3	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.3	0.5	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
CCL3	0.3	0.4	0.4	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.2	0.1	0.3	0.6	<0.1	-0.1	0.4	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.2
FLT3L	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2
CXCL6	<0.1	0.7	0.2	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.3	0.5	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.2	0.4	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1
CXCL10	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.5	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2
4EBP1	<0.1	0.8	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.4	0.5	<0.1	-0.2	0.3	-0.1	-0.2	0.5	<0.1	-0.2	-0.3	-0.2	-0.1
SIRT2	<0.1	0.9	0.1	0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.2	-0.2	0.5	<0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1
CCL28	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
DNER	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
ENRAGE	0.2	0.4	0.3	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.5	0.4	<0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
CD40	0.1	0.8	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.3	0.5	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.5	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1
IFNG	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2
FGF19	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
MCP2	0.2	0.5	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.6	<0.1	0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1
CASP8	0.1	0.8	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.4	0.5	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.2	0.4	<0.1	-0.1	-0.3	-0.1	-0.1
CCL25	0.3	-0.1	0.2	-0.1	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1
CX3CL1	0.4	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.4	0.2	-0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	0.3	0.4	<0.1	<0.1	0.3	0.4	0.2	0.1
TNFRSF9	0.5	0.1	0.5	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.4	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.3	0.5	0.1	0.2

NT3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
TWEAK	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
CCL20	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1
ST1A1	-0.1	0.8	0.1	0.1	-0.2	-0.2	-0.2	0.7	-0.2	-0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.2	0.2	-0.2	-0.2	0.5	<0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1
STAMPBP	<0.1	0.8	0.1	0.2	-0.2	-0.2	-0.1	0.8	-0.2	<0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.2	-0.2	0.5	<0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1
ADA	<0.1	0.7	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.6	-0.1	<0.1	0.3	0.5	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.2	0.4	<0.1	-0.2	-0.2	-0.2	-0.1
TNFB	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1
CSF1	0.5	<0.1	0.4	0.2	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.6	0.2	0.3
Age	0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
Body mass ind	0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1
Waist circumf	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.2	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.3	<0.1
Educational at	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
Alcohol consu	-0.2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.3	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.3	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.2	<0.1
Systolic blood	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
Diastolic blood	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1
Hemoglobin A	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
Duration of kn	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
High-density li	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.2	<0.1	0.3	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1
Low-density li	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Triglycerides	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	-0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.1
Albumin	-0.2	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1
Fibrinogen	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
C-reactive pro	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.3	-0.1	-0.2	0.2	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3
Serum amyloid	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2
Leucocyte cou	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.3	-0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1
Serum adipone	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.4	0.2	<0.1	-0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
Uric acid	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.2	-0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	-0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	-0.3	<0.1
Creatinine	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	-0.1
Rényi4, baseli	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
TP, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
SDWS, baseli	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
SDSA, baseli	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CE, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	TNFRSF PAR1		TRAILR PRSS27		TIE2	TF	IL1RL2	PDGFB	IL27	IL17D	LOX1	GAL9	GIF	SCF	IL18	PLGR	RAGE	SOD2	CTRC	FGF23	SPON2	GH	FS
BMP6	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.017	1	1	<0.001	0.037	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.364	<0.001	1	1	<0.001	0.001	1	0.995	0.185	0.143
ANGPT1	0.001	<0.001	0.004	<0.001	1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.906	0.012	<0.001	0.004	<0.001	0.001	1	1
ADM	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.036	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD40L	1	<0.001	0.011	<0.001	0.016	0.002	0.004	<0.001	0.006	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.003	0.07

PGF	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.23	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.002	<0.001	<0.001	1	<0.001	
ADAMTS13	<0.001	1	0.025	1	<0.001	0.003	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	0.005	0.01	0.147	<0.001	<0.001	<0.001	0.048	0.002	<0.001	0.859	0.254
BOC	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.002	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	
IL4RA	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.289	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.329	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	
SRC	1	<0.001	1	1	1	1	1	<0.001	1	1	0.311	1	1	1	1	1	<0.001	1	0.364	1	1	1	
IL1RA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	1	<0.001	0.032	0.918	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.186	<0.001	0.052	0.064	1	0.199	<0.001
TNFRSF10A	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	0.95	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.054	<0.001	<0.001	1	<0.001
STK4	1	<0.001	1	0.038	0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.001	0.001	0.003	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.002	<0.001
IDUA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	1	<0.001	1	0.175	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	1	0.201	0.152	0.025
TNFRSF11A	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.307	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.193	<0.001	<0.001	0.009	<0.001
PAR1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	1	0.035	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.645	0.817	<0.001	0.601	1	0.002	1	1
TRAILR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.168	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.918	<0.001	<0.001	1	<0.001
PRSS27	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.096	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
TIE2	<0.001	0.359	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.657	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.142	<0.001
TF	<0.001	0.588	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.251	<0.001	<0.001	0.294	0.019	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL1RL2	<0.001	0.132	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.467	1	0.002	<0.001	1	0.011	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.016
PDGFB	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	0.042	0.015	0.072	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.299	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.028	<0.001	<0.001	0.058	1
IL27	<0.001	0.715	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.289	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.168	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
IL17D	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.978	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	1	0.008	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
LOX1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.017	0.029	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.324	1	<0.001	<0.001	0.118	<0.001	0.006	0.005	0.183	0.879	0.007
GAL9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.647	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.868	1	<0.001	0.001	0.008	<0.001	0.497	<0.001	<0.001	1	<0.001
GIF	<0.001	0.502	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.299	0.01	<0.001	0.019	0.057	<0.001	<0.001	1	0.011	<0.001	1	0.028	<0.001	<0.001	1	1
SCF	<0.001	0.733	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	0.085	0.909	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.072	<0.001	<0.001	<0.001	1
IL18	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.943	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.075	0.191	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.059	<0.001	<0.001	0.323	<0.001
PLGR	<0.001	0.041	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.004	<0.001
RAGE	<0.001	0.053	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	0.426	<0.001	<0.001	1	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SOD2	0.129	<0.001	0.104	<0.001	0.335	0.755	0.801	<0.001	0.846	0.575	<0.001	<0.001	0.717	0.619	<0.001	<0.001	0.856	<0.001	0.071	0.011	1	1	1
CTRC	0.011	0.038	0.06	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.031	0.001	0.004	0.003	0.084	0.001	0.004	<0.001	0.034	0.126	1	1
FGF23	<0.001	0.358	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.049	<0.001
SPON2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.624	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GH	<0.001	0.111	0.189	0.301	0.008	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.058	0.755	0.591	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	0.504	0.153	0.003	<0.001	<0.001	0.322
FS	<0.001	0.459	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.784	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.081	0.097	<0.001	<0.001	<0.001	0.533	0.374	<0.001	<0.001	0.019	<0.001
GLO1	0.017	<0.001	0.027	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.128	<0.001	<0.001	0.072	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.564	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD84	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.761	0.7	0.862	<0.001	0.391	0.134	<0.001	<0.001	0.669	0.943	<0.001	0.008	0.027	<0.001	0.002	0.004	<0.001	0.007	0.095
SERPINA12	<0.001	0.75	<0.001	0.058	<0.001	<0.001	<0.001	0.398	0.043	0.001	0.013	0.267	0.001	0.346	0.591	<0.001	<0.001	0.939	0.033	<0.001	<0.001	<0.001	0.035
REN	<0.001	0.047	<0.001	0.752	<0.001	0.017	0.124	0.678	<0.001	0.252	<0.001	<0.001	<0.001	0.054	<0.001	<0.001	0.336	0.445	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
DECR1	0.048	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.186	<0.001	<0.001	0.24	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.909	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MERTK	<0.001	0.194	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.369	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
KIM1	<0.001	0.054	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.049	0.251	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.21	<0.001	<0.001	<0.001	0.369	0.011	<0.001	<0.001	0.848	<0.001
THBS2	<0.001	0.077	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.112	0.287	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.123	<0.001	<0.001	0.007	<0.001
TM	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.445	<0.001	
VSIG2	<0.001	0.167	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.57	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
AMBP	<0.001	0.594	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	0.003	<0.001	<0.001	0.013	<0.001
PRELP	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.977	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
HO1	0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.001	0.051	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.063	0.039	<0.001	0.329	0.351	<0.001	0.115	0.7	0.011	0.002	<0.001
XCL1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.132	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.116	0.433	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.925	<0.001

IL16	0.869	<0.001	<0.001	<0.001	0.17	0.061	0.001	<0.001	0.015	0.756	<0.001	<0.001	0.87	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.275	<0.001	<0.001	<0.001	0.021	
SORT1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.066	0.098	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.317	0.312	<0.001	0.979	0.856	<0.001	<0.001	0.414	0.499	0.061	0.001	
CEACAM8	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.163	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.481	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.01	<0.001	0.006	0.007	0.005	
PTX3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.052	0.033	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.107	0.357	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
PSGL1	0.162	<0.001	<0.001	0.017	0.012	0.048	0.323	<0.001	0.404	0.748	<0.001	<0.001	0.701	<0.001	<0.001	0.811	0.001	<0.001	0.02	0.682	0.041	0.001	0.233	
CCL17	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	0.467	0.916	0.035	<0.001	0.297	0.066	<0.001	<0.001	0.605	0.047	<0.001	0.057	0.014	<0.001	0.046	0.006	<0.001	0.009	0.985	
MMP7	<0.001	0.646	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.172	<0.001	<0.001	0.019	<0.001	0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	0.266	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
IGGFC	<0.001	0.137	0.002	0.002	0.037	0.001	0.1	0.318	0.183	<0.001	0.104	0.01	0.917	0.003	0.058	0.001	0.024	0.72	0.055	0.022	<0.001	0.23	0.224	
ITGB1BP2	0.722	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.357	<0.001	<0.001	0.201	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.305	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	
DCN	<0.001	0.153	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.201	0.002	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	
DKK1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.935	0.809	0.86	<0.001	0.882	0.076	<0.001	<0.001	0.969	0.815	<0.001	0.007	0.026	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.008	0.727	
LPL	<0.001	0.06	0.02	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.397	0.524	0.154	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.391	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
PRSS8	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.65	0.149	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.041	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.04	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
AGRP	<0.001	0.093	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.725	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.358	<0.001	<0.001	<0.001	0.3	<0.001	
HBEGF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.522	0.213	0.821	<0.001	0.801	0.191	<0.001	<0.001	0.839	0.432	<0.001	0.012	0.024	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.003	0.529	
GDF2	<0.001	0.313	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.227	<0.001	<0.001	0.076	0.894	<0.001	<0.001	0.187	<0.001	<0.001	0.397	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
FABP2	<0.001	0.617	<0.001	0.001	0.005	<0.001	0.003	0.058	<0.001	<0.001	0.179	0.236	0.017	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.543	0.113	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	
THPO	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.058	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.141	<0.001	<0.001	0.066	<0.001	<0.001	<0.001	0.028	0.006	0.019	<0.001	
MARCO	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.319	<0.001	
GT	<0.001	0.02	<0.001	0.37	0.006	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.106	0.042	0.548	<0.001	0.56	<0.001	<0.001	0.065	0.003	<0.001	<0.001	0.003	0.002	
MMP12	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.525	0.292	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.675	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	0.469	<0.001	<0.001	0.383	<0.001	
ACE2	<0.001	0.667	<0.001	0.186	<0.001	0.005	0.712	0.257	<0.001	0.001	<0.001	0.001	0.088	<0.001	<0.001	<0.001	0.238	0.027	0.02	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
PDL2	<0.001	0.206	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.026	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.446	0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	
CTSL1	<0.001	0.268	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.931	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.12	0.001	<0.001	<0.001	0.096	<0.001	
HOSCAR	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.705	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.132	0.004	<0.001	<0.001	0.166	<0.001	
TNFRSF13B	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.436	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.125	<0.001	
TGM2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.388	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	0.992	<0.001	0.002	0.153	0.002	0.149	<0.001	0.043	<0.001	0.005
LEP	<0.001	0.012	<0.001	0.147	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	0.046	<0.001	0.253	<0.001	0.535	0.002	<0.001	0.764	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
CA5A	<0.001	0.026	<0.001	0.017	<0.001	0.271	0.008	0.465	0.001	0.183	<0.001	<0.001	0.304	<0.001	<0.001	0.013	0.039	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
HSP27	0.418	<0.001	0.391	0.01	0.669	0.052	0.49	<0.001	0.472	0.417	0.001	<0.001	0.464	0.069	0.035	<0.001	0.114	<0.001	0.028	0.298	0.001	0.957	0.165	
CD4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.074	0.316	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.061	0.001	<0.001	0.017	0.027	<0.001	0.032	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	
NEMO	0.159	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.185	<0.001	<0.001	0.307	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.753	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
VEGFD	<0.001	0.152	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	0.839	<0.001	<0.001	0.1	<0.001	<0.001	0.331	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
PARP1	0.05	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.334	<0.001	<0.001	0.575	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.696	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
HAOX1	0.316	0.143	<0.001	0.625	0.002	0.005	0.211	0.023	0.298	0.011	0.002	0.079	0.992	<0.001	<0.001	0.301	0.001	0.001	0.018	0.565	0.039	<0.001	0.001	
TNFRSF14	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.846	0.051	0.918	<0.001	0.012	0.001	<0.001	<0.001	0.32	0.296	<0.001	0.014	0.037	<0.001	0.245	0.1	0.002	0.035	0.1	
LDL_RC	<0.001	0.608	<0.001	0.169	<0.001	0.191	<0.001	0.068	0.06	0.018	0.01	<0.001	0.009	<0.001	0.002	0.003	0.025	0.006	0.002	<0.001	<0.001	0.138	<0.001	
ITGB2	<0.001	<0.001	<0.001	0.08	<0.001	0.077	0.025	<0.001	0.142	0.172	<0.001	<0.001	0.238	0.997	<0.001	0.772	0.542	0.001	0.01	0.154	0.615	0.102	0.047	
IL17RA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.879	0.724	0.298	<0.001	0.345	0.101	<0.001	<0.001	0.819	0.303	<0.001	0.93	0.608	<0.001	0.053	0.4	0.686	0.196	0.863	
TNFR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.961	<0.001	<0.001	0.306	<0.001	
MMP9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.054	0.212	0.999	<0.001	0.106	0.506	<0.001	<0.001	0.43	0.029	<0.001	0.008	0.157	<0.001	0.09	0.343	0.921	0.007	0.211	
EPHB4	<0.001	0.172	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	0.036	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.376	0.87	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	
IL2RA	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.577	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.46	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.1	0.786	<0.001	<0.001	0.662	<0.001	
ALCAM	<0.001	0.758	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.054	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
SELP	0.992	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.391	<0.001	<0.001	0.231	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.117	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	
CSTB	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.764	0.393	0.308	<0.001	0.92	0.009	<0.001	<0.001	0.169	0.043	<0.001	0.124	0.209	<0.001	0					

CD163	<0.001	0.313	<0.001	0.867	<0.001	0.001	<0.001	0.747	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.05	0.001	<0.001	<0.001	0.293	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	0.783	<0.001	
GRN	<0.001	0.667	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.253	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.088	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.067	<0.001	<0.001	<0.001	0.086	<0.001	
NTPROBNP	<0.001	0.508	<0.001	0.01	0.024	<0.001	0.433	0.001	<0.001	<0.001	0.067	<0.001	0.392	<0.001	0.048	<0.001	<0.001	0.829	0.08	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
PLC	<0.001	0.903	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.038	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.395	0.125	<0.001	<0.001	0.08	<0.001	
LTBR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.963	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.121	0.72	<0.001	<0.001	0.058	<0.001	
NOTCH3	<0.001	0.032	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.2	0.023	<0.001	<0.001	0.03	<0.001	<0.001	0.736	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
TIMP4	<0.001	0.909	<0.001	0.34	<0.001	<0.001	<0.001	0.245	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.493	<0.001	0.02	<0.001	<0.001	0.244	0.161	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
CNTN1	<0.001	0.001	0.032	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.852	0.069	<0.001	<0.001	0.162	<0.001	<0.001	0.403	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	
CDH5	<0.001	0.65	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	0.027	<0.001	<0.001	0.037	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.119	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	
TLT2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.097	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.027	0.006	<0.001	<0.001	0.63	<0.001	<0.001	0.036	<0.001	<0.001	0.134	0.116	0.006	0.706	0.433
FABP4	<0.001	0.602	<0.001	0.039	<0.001	<0.001	<0.001	0.073	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.027	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	0.923	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
TFPI	0.29	<0.001	0.019	<0.001	0.013	0.41	0.008	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	0.563	<0.001	<0.001	0.001	0.013	<0.001	0.006	0.59	0.252	0.215	0.016	
PAI	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.943	<0.001	0.132	<0.001	0.252	0.206	<0.001	<0.001	0.637	<0.001	<0.001	0.031	<0.001	<0.001	0.002	0.011	0.1	<0.001	0.354	
CCL24	0.808	0.24	0.222	0.192	0.008	0.336	0.272	0.091	0.064	0.766	0.015	0.475	0.76	0.091	<0.001	0.005	0.511	0.747	0.001	0.54	0.583	0.06	0.765	
TR	<0.001	0.095	<0.001	0.007	<0.001	0.005	<0.001	0.54	<0.001	0.112	<0.001	<0.001	0.059	<0.001	<0.001	<0.001	0.023	0.093	0.006	<0.001	<0.001	0.208	0.148	
TNFRSF10C	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.423	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.209	<0.001	<0.001	0.022	<0.001	
GDF15	<0.001	0.031	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.05	0.328	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.356	<0.001	<0.001	<0.001	0.115	0.399	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	
SELE	0.002	0.082	<0.001	0.109	<0.001	0.004	0.215	0.145	0.003	0.865	0.061	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.111	0.006	0.062	0.019	0.163	<0.001	0.001	0.001	
DLK1	<0.001	0.336	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.039	0.003	<0.001	0.046	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.194	0.218	<0.001	<0.001	0.506	0.033	
MPO	0.397	<0.001	<0.001	0.005	0.801	0.014	0.089	<0.001	0.976	0.696	<0.001	<0.001	0.962	0.001	<0.001	0.415	0.019	<0.001	0.363	0.257	<0.001	<0.001	0.993	
CXCL16	<0.001	0.559	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.067	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.178	0.03	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
IL6RA	<0.001	0.557	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.274	<0.001	0.001	0.039	0.002	0.011	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	0.667	0.002	<0.001	<0.001	0.526	0.002	
RETN	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	0.015	<0.001	0.002	0.031	<0.001	<0.001	0.022	0.034	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.088	<0.001	<0.001	0.606	0.028	
IGFBP1	0.015	0.471	0.006	<0.001	0.744	<0.001	0.288	0.008	<0.001	<0.001	0.176	0.969	0.934	<0.001	0.08	<0.001	<0.001	0.557	0.093	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	
CHIT1	<0.001	0.199	<0.001	0.015	0.015	0.003	0.761	0.898	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.502	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.083	0.01	<0.001	0.111	0.001	
TRAP	0.016	0.112	<0.001	0.023	<0.001	0.194	0.132	0.751	0.102	0.625	0.086	0.002	0.004	0.07	<0.001	<0.001	0.789	<0.001	0.059	0.763	<0.001	0.584	<0.001	
GP6	0.835	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.23	<0.001	<0.001	0.034	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.085	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	
PSPD	0.007	0.891	<0.001	0.48	0.056	0.186	0.776	0.387	0.066	0.017	<0.001	0.011	0.803	0.092	<0.001	<0.001	<0.001	0.195	0.901	0.001	<0.001	0.832	0.003	
EPCAM	0.664	0.828	0.123	0.47	0.562	<0.001	0.007	0.788	0.237	0.433	0.084	0.085	0.183	0.094	0.34	0.535	0.123	0.941	0.014	0.006	0.187	0.02	0.48	
APN	0.001	0.246	<0.001	0.101	<0.001	<0.001	0.001	0.172	<0.001	0.002	0.059	0.702	0.002	0.618	0.017	0.006	0.004	0.021	0.002	<0.001	<0.001	0.352	<0.001	
AXL	<0.001	0.116	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.191	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.536	0.232	<0.001	<0.001	0.061	<0.001	
IL1RT1	<0.001	0.375	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.057	0.06	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.292	0.018	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	
MMP2	<0.001	0.03	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.031	0.428	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	0.225	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
FAS	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.218	<0.001	<0.001	0.341	0.001	
MB	<0.001	0.094	<0.001	0.002	0.066	<0.001	0.325	0.813	<0.001	<0.001	0.577	0.001	<0.001	<0.001	0.029	<0.001	<0.001	0.005	0.816	<0.001	<0.001	0.001	0.003	
TNFSF13B	<0.001	0.465	<0.001	0.005	<0.001	0.028	<0.001	0.526	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.077	0.252	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.013	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	
PCSK9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.391	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.415	<0.001	
UPAR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.476	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.056	0.602	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	0.643	<0.001	
OPN	<0.001	0.284	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.064	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.865	0.554	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
PGLYRP1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.005	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.004	0.055	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	0.328	<0.001	<0.001	0.953	0.003	
CPA1	0.006	0.197	0.001	0.264	0.154	0.051	0.597	0.067	0.003	0.641	0.988	0.165	0.08	0.376	<0.001	<0.001	0.017	0.37	<0.001	0.007	<0.001	0.336	0.008	
JAMA	0.759	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.981	<0.001	<0.001	0.065	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.135	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	
GAL4	<0.001	0.003	<0.001	0.063	<0.001	<0.001	0.002	0.3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.102	0.025	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.154	<0.001	<0.001	0.059	<0.001	
IL1RT2	0.002	0.974	0.005	0.599	<0.001	0.158	<0.001	0.316	0.012	0.49	0.001	0.415	0.714	0.001	<0.001	0.212	0.841	<0.001	0.001	0.01	<0.001	0.01	0.023	
SHPS1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.718	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.084	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.156	0.403	<0.001	<0.001	0.283	0.007	
CCL15	<0.001	0.31	<0.001	0.134	<0.001	<0.001	0.014	0.08	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.154	<0.001	<0.001	<0.001	0.242	0.078	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	

CASP3	0.232	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.291	<0.001	<0.001	0.058	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.338	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CPB1	<0.001	0.714	<0.001	0.131	0.004	0.003	0.013	0.046	<0.001	0.156	0.189	0.001	0.01	0.664	<0.001	<0.001	<0.001	0.222	<0.001	<0.001	<0.001	0.334	0.052
CHI3L1	<0.001	0.004	<0.001	0.046	0.005	0.003	0.151	0.237	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.3	<0.001	<0.001	<0.001	0.373	0.101	0.173	<0.001	<0.001	0.771	<0.001
ST2	0.005	0.026	<0.001	0.629	<0.001	0.072	0.859	0.029	<0.001	0.197	<0.001	<0.001	0.347	0.001	<0.001	0.012	0.163	0.001	0.081	0.039	<0.001	<0.001	0.064
TPA	0.055	<0.001	<0.001	0.041	0.11	0.09	0.394	0.914	0.25	0.015	<0.001	<0.001	0.913	<0.001	<0.001	0.054	0.054	0.122	0.741	0.001	0.006	<0.001	<0.001
SCGB3A2	0.011	0.842	<0.001	<0.001	0.881	<0.001	0.85	0.287	0.115	<0.001	0.003	0.168	0.245	<0.001	0.237	<0.001	<0.001	0.626	0.385	<0.001	<0.001	<0.001	0.77
EGFR	0.076	<0.001	0.229	0.052	<0.001	<0.001	<0.001	0.062	0.002	0.002	0.393	0.005	<0.001	<0.001	0.499	0.015	<0.001	0.088	<0.001	0.001	0.001	0.111	<0.001
IGFBP7	<0.001	0.206	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.054	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.152	<0.001	<0.001	0.402	<0.001
CD93	<0.001	0.041	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.273	0.514	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
IL18BP	<0.001	0.393	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.511	0.661	<0.001	<0.001	0.025	<0.001
COL1A1	<0.001	0.736	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.077	0.001	<0.001	0.255	0.109	0.041	<0.001	0.578	<0.001	<0.001	0.488	0.341	<0.001	<0.001	<0.001	0.003
PON3	0.002	<0.001	<0.001	0.015	0.798	<0.001	<0.001	0.003	0.147	<0.001	<0.001	<0.001	0.345	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	0.827	0.19	0.192	0.879	<0.001	0.014
CTSZ	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.201	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.003	0.37	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	0.956	<0.001	<0.001	0.054	<0.001
MMP3	<0.001	0.032	<0.001	<0.001	0.033	<0.001	<0.001	0.109	<0.001	0.382	<0.001	0.091	0.424	0.453	<0.001	<0.001	0.958	0.079	0.329	0.284	0.011	<0.001	0.318
RARRES2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.104	0.408	<0.001	<0.001	0.008	0.009	<0.001	<0.001	0.021	0.014	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.025	<0.001	<0.001	0.963	<0.001
ICAM2	<0.001	0.017	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.808	<0.001	0.001	0.1	<0.001	0.001	0.016	<0.001	<0.001	0.011	0.012	<0.001	0.007	<0.001	0.255	0.001
KLK6	<0.001	0.677	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.784	0.09	<0.001	<0.001	0.075	<0.001	<0.001	0.476	0.032	<0.001	<0.001	0.123	0.035
PDGFA	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	0.021	0.002	0.081	<0.001	0.137	0.824	<0.001	<0.001	0.137	0.01	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	0.531	
TNFR1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.876	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.226	0.51	<0.001	<0.001	0.643	<0.001
IGFBP2	<0.001	0.394	<0.001	<0.001	0.04	<0.001	0.064	0.021	<0.001	<0.001	0.037	0.065	0.326	<0.001	0.201	<0.001	<0.001	0.729	0.106	<0.001	<0.001	<0.001	0.644
VWF	<0.001	0.188	<0.001	0.631	<0.001	0.027	0.009	0.739	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.49	0.884	<0.001	0.001	0.279	0.021	0.001	<0.001	<0.001	0.938	<0.001
PECAM1	0.873	<0.001	0.002	<0.001	0.01	0.001	0.007	<0.001	0.002	0.784	<0.001	<0.001	0.361	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.031	<0.001	<0.001	<0.001	0.005
MEPE	<0.001	0.39	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.139	<0.001	<0.001	0.409	0.008	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	0.082	0.904	<0.001	<0.001	0.097	0.001
CCL16	<0.001	0.011	<0.001	0.001	<0.001	0.042	0.27	0.153	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.002	0.997	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	0.853	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
IL8	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.485	0.19	0.356	<0.001	0.143	0.079	<0.001	<0.001	0.684	<0.001	<0.001	0.767	0.003	<0.001	0.02	0.149	0.177	0.514	0.058
VEGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.005	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.167	0.211	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.343	<0.001
CD8A	<0.001	0.734	<0.001	0.456	<0.001	0.419	<0.001	0.054	<0.001	0.023	0.003	<0.001	0.924	0.833	<0.001	<0.001	0.171	0.887	0.113	<0.001	<0.001	0.674	<0.001
MCP3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.092	0.591	0.481	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.13	0.056	<0.001	<0.001	0.52	<0.001	0.179	0.01	<0.001	0.237	<0.001
CDCP1	<0.001	0.089	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.331	0.785	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.024	0.056	<0.001	<0.001	0.071	0.008	0.697	<0.001	<0.001	0.671	<0.001
CD244	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.295	0.006	0.539	<0.001	0.443	0.447	<0.001	<0.001	0.184	0.002	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.036	0.001	<0.001	0.003	0.011
IL7	0.056	<0.001	0.015	<0.001	0.005	<0.001	0.036	<0.001	0.171	0.525	<0.001	<0.001	0.135	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.006	0.253
OPG	<0.001	0.552	<0.001	0.032	<0.001	<0.001	<0.001	0.074	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.129	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LAP_TGFB1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.63	0.147	0.544	<0.001	0.592	0.015	<0.001	<0.001	0.945	0.001	<0.001	0.017	0.003	<0.001	<0.001	0.094	0.042	0.067	0.344
UPA	<0.001	0.899	<0.001	0.091	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.13	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL6	<0.001	0.853	<0.001	0.72	<0.001	0.661	0.46	0.627	<0.001	0.087	<0.001	<0.001	0.317	<0.001	<0.001	<0.001	0.504	0.85	0.484	<0.001	<0.001	0.55	<0.001
MCP1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.214	0.594	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.03	<0.001	<0.001	0.535	<0.001
CXCL11	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	0.038	<0.001	0.09	<0.001	0.462	0.277	<0.001	<0.001	0.221	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.001	<0.001	0.142	0.706
AXIN1	0.052	<0.001	0.098	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.113	<0.001	<0.001	0.061	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.66	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TRAIL	<0.001	0.602	<0.001	0.001	0.011	<0.001	<0.001	0.831	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	0.019	<0.001	0.043	<0.001	<0.001	0.017	0.046	<0.001	<0.001	0.002	0.011
CXCL9	<0.001	0.601	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.155	0.816	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.049	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	0.106	0.183	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
CST5	<0.001	0.404	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.889	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.287	0.095	<0.001	<0.001	0.128	<0.001
OSM	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.332	0.027	0.274	<0.001	0.128	0.501	<0.001	<0.001	0.65	<0.001	<0.001	0.588	0.003	<0.001	0.139	0.645	0.259	<0.001	0.049
CXCL1	0.492	<0.001	0.004	<0.001	0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.001	0.702	<0.001	<0.001	0.159	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.261	<0.001	<0.001	0.002	0.002
CCL4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.112	0.87	0.714	<0.001	<0.001	0.041	<0.001	<0.001	0.413	0.05	<0.001	0.732	0.084	<0.001	<0.001	0.479	0.487	<0.001	0.011
CD6	0.585	<0.001	<0.001	<0.001	0.609	0.052	0.557	<0.001	0.481	0.307	<0.001	<0.001	0.598	<0.001	<0.001	0.022	0.002	<0.001	0.192	0.049	<0.001	0.001	0.117
TGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.039	<0.001	<0.001	0.91	<0.001

MCP4	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	0.023	0.107	<0.001	0.343	0.006	<0.001	<0.001	0.597	0.016	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.007	0.283
CCL11	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.121	0.922	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.223	<0.001	0.003	0.647	<0.001	<0.001	0.021	0.021	0.259	0.008
TNFSF14	0.073	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	0.006	<0.001	0.039	0.613	<0.001	<0.001	0.456	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.031	<0.001	<0.001	<0.001	0.158
MMP1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.178	0.098	0.145	<0.001	0.813	0.866	<0.001	<0.001	0.313	0.065	<0.001	0.97	0.003	<0.001	0.016	0.104	0.018	0.004	0.349
LIFR	<0.001	<0.001	<0.001	0.394	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.394	0.27	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.324	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	
FGF21	<0.001	0.238	<0.001	0.142	<0.001	0.324	0.007	0.842	0.002	0.15	0.006	<0.001	0.854	<0.001	0.003	<0.001	0.251	0.009	0.231	<0.001	<0.001	0.005	<0.001
CCL19	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.379	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.692	0.783	<0.001	0.019	0.045	0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.906	<0.001
IL15RA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.545	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.186	0.692	<0.001	<0.001	0.157	<0.001
IL10RB	<0.001	0.319	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.977	0.507	<0.001	<0.001	0.202	<0.001
IL18R1	<0.001	<0.001	<0.001	0.054	<0.001	0.4	<0.001	0.003	<0.001	0.658	<0.001	<0.001	0.012	0.051	<0.001	0.129	0.555	0.002	0.002	<0.001	<0.001	0.023	<0.001
PDL1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.914	0.977	0.001	<0.001	0.024	0.016	<0.001	<0.001	0.881	0.034	<0.001	0.108	0.028	<0.001	0.592	0.669	0.805	0.001	0.306
CXCL5	0.97	<0.001	0.02	<0.001	<0.001	0.006	0.103	<0.001	0.008	0.533	<0.001	<0.001	0.25	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.071	<0.001	<0.001	0.193	0.057
TRANCE	<0.001	0.461	0.454	0.04	0.023	0.369	0.089	0.482	0.198	0.624	0.789	<0.001	0.026	<0.001	0.307	0.221	<0.001	0.959	0.593	<0.001	<0.001	0.626	0.555
HGF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.053	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.009	0.642	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001
IL12B	<0.001	0.917	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	0.21	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.584	0.003	<0.001	<0.001	0.007	<0.001
MMP10	<0.001	0.513	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.499	0.086	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.56	0.211	<0.001	<0.001	0.4	<0.001
IL10	<0.001	0.319	<0.001	0.166	<0.001	0.001	0.008	0.139	<0.001	0.009	0.124	<0.001	0.846	0.182	<0.001	<0.001	0.003	0.18	0.668	<0.001	<0.001	0.007	<0.001
TNF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.047	0.027	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.221	<0.001	<0.001	0.753	<0.001
CCL23	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.269	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.211	<0.001	<0.001	0.794	<0.001
CD5	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.525	0.277	0.195	<0.001	0.617	0.156	<0.001	<0.001	0.912	0.003	<0.001	0.527	0.079	<0.001	0.6	0.741	<0.001	0.001	0.161
CCL3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	0.547	0.278	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	0.422	0.002	<0.001	0.01	0.876	<0.001	0.048	<0.001	<0.001	0.009	<0.001
FLT3L	<0.001	0.383	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	0.058	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.001	0.022	0.013	<0.001	<0.001	0.155	0.029	<0.001	<0.001	0.258	<0.001
CXCL6	0.164	<0.001	<0.001	<0.001	0.424	0.008	0.107	<0.001	0.966	0.452	<0.001	<0.001	0.354	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	0.004	0.09
CXCL10	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.101	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.298	0.71	<0.001	0.001	0.093	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.926	<0.001
4EBP1	0.466	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.396	<0.001	<0.001	0.446	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.271	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
SIRT2	0.709	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.523	<0.001	<0.001	0.234	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.235	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL28	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	0.902	0.409	0.013	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	0.104	0.515	<0.001	0.122	0.197	<0.001	0.017	0.423	0.494	0.287	0.008
DNER	0.829	0.004	0.228	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	0.613	<0.001	0.001	<0.001	0.738	0.003	<0.001	0.053	<0.001	0.081	0.003	0.119	0.977
ENRAGE	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.12	0.774	0.1	<0.001	0.406	0.503	<0.001	<0.001	0.451	0.029	<0.001	0.017	0.153	<0.001	0.33	0.188	0.202	<0.001	0.399
CD40	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.022	0.018	<0.001	0.059	0.451	<0.001	<0.001	0.279	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.37	0.002	<0.001	0.017	0.017
IFNG	<0.001	0.67	0.004	0.235	0.009	0.868	0.554	0.656	<0.001	0.372	0.037	<0.001	0.16	0.17	<0.001	0.004	0.257	0.317	0.232	<0.001	<0.001	0.69	<0.001
FGF19	0.002	0.573	0.002	0.829	0.001	0.015	0.041	0.472	0.028	0.034	0.023	0.363	0.492	0.655	0.14	<0.001	0.006	0.267	0.013	0.003	0.009	0.667	<0.001
MCP2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.83	0.491	0.176	<0.001	0.175	0.078	<0.001	<0.001	0.626	0.016	<0.001	0.128	0.002	<0.001	0.027	0.088	0.683	0.094	0.022
CASP8	0.064	<0.001	<0.001	<0.001	0.032	0.004	0.002	<0.001	0.001	0.417	<0.001	<0.001	0.686	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	0.164	<0.001	<0.001	<0.001	0.003
CCL25	<0.001	0.067	<0.001	0.114	<0.001	<0.001	0.02	0.003	<0.001	<0.001	0.37	0.074	0.012	<0.001	0.025	<0.001	<0.001	0.246	0.005	<0.001	<0.001	0.001	0.068
CX3CL1	<0.001	0.483	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.916	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	0.752	0.81	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF9	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.147	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.243	0.747	<0.001	<0.001	0.004	<0.001
NT3	<0.001	0.001	<0.001	0.026	<0.001	<0.001	0.008	0.123	0.001	<0.001	0.003	0.032	0.008	0.001	0.007	0.081	<0.001	0.062	0.177	<0.001	<0.001	0.108	0.025
TWEAK	<0.001	<0.001	0.272	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.026	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.066	0.658	<0.001	<0.001	<0.001	0.975	0.788	0.026	0.214
CCL20	<0.001	<0.001	<0.001	0.083	0.011	0.324	0.314	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.691	0.005	<0.001	0.002	0.481	<0.001	0.001	0.001	<0.001	0.963	<0.001
ST1A1	0.11	<0.001	0.03	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.047	<0.001	<0.001	0.128	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.845	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
STAMPB	0.447	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.313	<0.001	<0.001	0.231	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.396	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ADA	0.255	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	0.651	<0.001	<0.001	0.458	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.373	<0.001	<0.001	<0.001	0.009
TNFB	<0.001	0.019	<0.001	0.092	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.442	<0.001	0.002	<0.001	0.035	<0.001	<0.001	0.373	0.002	<0.001	<0.001	0.03	0.009
CSF1	<0.001	0.692	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.077	0.193	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
Age	<0.001	0.38	<0.001	0.083	0.729	<0.001	0.005	0.757	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	0.245	<0.001	0.006	<0.001	0.013	0.708	0.714	0.008	<0.001	<0.001	0.001

Body mass ind	<0.001	0.384	<0.001	<0.001	0.004	0.052	<0.001	0.317	0.332	0.017	0.104	<0.001	0.859	<0.001	0.001	0.079	<0.001	0.983	0.45	<0.001	<0.001	<0.001	0.009
Waist circumf	<0.001	0.056	<0.001	0.001	0.045	<0.001	0.076	0.06	0.89	<0.001	0.006	<0.001	0.977	<0.001	<0.001	0.108	<0.001	0.528	0.041	0.339	0.379	<0.001	0.289
Educational at	<0.001	0.248	0.019	0.482	0.059	0.017	<0.001	0.149	0.015	0.052	<0.001	0.014	0.811	0.247	0.796	0.391	0.17	0.429	0.411	0.378	0.074	<0.001	0.014
Alcohol consu	<0.001	0.823	0.052	0.245	0.01	<0.001	<0.001	0.291	<0.001	0.008	0.005	0.066	0.237	<0.001	0.214	0.004	<0.001	0.485	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	0.302
Systolic blood	0.044	0.019	0.05	0.003	0.049	0.984	0.475	0.001	0.008	0.156	0.006	0.002	0.827	0.478	<0.001	0.911	0.003	0.054	0.042	0.438	0.648	<0.001	0.277
Diastolic bloo	0.792	0.041	0.25	0.429	0.18	0.15	0.268	0.001	0.786	0.376	0.783	0.485	0.625	0.448	<0.001	0.123	<0.001	0.012	0.179	0.95	0.038	<0.001	0.316
Hemoglobin A	<0.001	0.053	<0.001	0.226	<0.001	0.268	0.022	0.135	0.334	0.089	<0.001	0.001	0.012	0.07	<0.001	0.065	0.554	0.21	0.834	<0.001	0.048	0.881	<0.001
Duration of kn	<0.001	0.282	<0.001	0.588	<0.001	0.983	0.073	0.84	0.105	0.028	<0.001	0.009	<0.001	0.231	<0.001	0.058	<0.001	0.835	0.509	0.008	0.439	0.137	0.116
High-density li	<0.001	0.005	<0.001	0.86	0.002	<0.001	0.692	0.117	0.058	0.157	<0.001	<0.001	0.136	<0.001	<0.001	0.02	0.089	0.499	0.625	0.031	0.934	<0.001	0.488
Low-density li	0.005	0.56	0.022	0.198	0.249	0.083	0.002	0.619	0.027	0.346	0.733	0.038	0.947	0.032	0.175	0.171	0.524	0.653	0.037	0.433	0.002	0.32	0.882
Triglycerides	<0.001	0.007	<0.001	0.293	0.002	0.001	0.002	<0.001	0.189	0.452	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	0.019	0.162	0.032	0.072	<0.001	0.041	<0.001	0.023
Albumin	<0.001	0.293	<0.001	0.489	0.938	0.002	0.313	0.051	0.001	0.01	0.371	0.005	0.758	0.253	0.343	0.003	0.012	0.005	0.111	<0.001	<0.001	0.005	<0.001
Fibrinogen	0.001	0.001	<0.001	0.535	0.079	0.903	0.002	<0.001	<0.001	0.73	<0.001	<0.001	0.621	0.037	0.006	0.014	0.274	0.022	0.003	<0.001	<0.001	0.01	<0.001
C-reactive pro	<0.001	0.023	<0.001	0.489	0.481	<0.001	0.095	<0.001	<0.001	0.062	<0.001	<0.001	0.049	<0.001	<0.001	0.017	0.002	0.784	0.921	<0.001	<0.001	0.175	<0.001
Serum amyloid	<0.001	0.607	<0.001	0.582	0.76	0.538	0.003	0.197	<0.001	0.685	0.001	<0.001	0.768	0.323	0.033	0.066	0.249	0.956	0.709	<0.001	<0.001	0.019	<0.001
Leucocyte cou	0.993	0.033	0.006	0.651	0.167	<0.001	0.007	0.032	0.004	<0.001	0.016	0.057	0.04	<0.001	<0.001	0.09	<0.001	0.557	0.122	0.717	0.001	<0.001	0.168
Serum adipone	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	0.621	0.063	0.13	<0.001	0.931	0.582	<0.001	<0.001	0.517	<0.001	<0.001	0.001	0.002	0.104	0.829	0.002	0.703	0.041	0.003
Uric acid	0.008	<0.001	<0.001	0.792	0.683	<0.001	<0.001	0.013	0.847	<0.001	0.003	<0.001	0.032	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	0.023	0.001	<0.001	0.085	<0.001	0.162
Creatinine	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.519	0.009	<0.001	0.802	0.884	0.073	0.134	<0.001	0.022	0.495	<0.001	<0.001	0.128	0.243	0.833	0.001	0.245	<0.001	0.109
Rényi4, baseli	0.006	0.235	<0.001	0.661	0.005	0.431	<0.001	0.148	0.004	0.563	0.001	<0.001	0.468	0.623	0.002	0.3	0.281	0.91	0.334	0.009	0.018	0.706	0.036
TP, baseline	0.004	0.14	<0.001	0.744	0.013	0.177	<0.001	0.095	0.009	0.393	<0.001	<0.001	0.318	0.969	0.001	0.241	0.269	0.959	0.312	0.006	0.031	0.654	0.006
SDWS, baseli	<0.001	0.522	<0.001	0.989	0.04	0.454	<0.001	0.476	0.001	0.25	0.001	0.001	0.763	0.951	0.002	0.679	0.959	0.635	0.807	0.004	0.002	0.527	0.104
SDSA, baselin	0.922	0.775	0.221	0.618	0.22	0.879	0.018	0.671	0.608	0.986	0.505	0.156	0.393	0.363	0.586	0.095	0.006	0.753	0.699	0.796	0.755	0.231	0.606
CE, baseline	0.052	0.366	<0.001	0.273	0.017	0.637	0.001	0.445	0.016	0.29	0.033	0.004	0.547	0.333	0.043	0.998	0.071	0.82	0.838	0.055	0.026	0.859	0.032

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	GLO1	CD84	SERPIN	REN	DECR1	MERTK	KIM1	THBS2	TM	VSIG2	AMBP	PRELP	HO1	XCL1	IL16	SORT1	CEACA	PTX3	PSGL1	CCL17	MMP7
BMP6	0.7	0.7	<0.1	0.1	0.7	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.6	0.7	0.4	0.2	0.3	0.6	0.1
ANGPT1	0.6	0.7	<0.1	<0.1	0.6	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.5	0.7	0.4	0.1	0.3	0.7	<0.1
ADM	-0.3	-0.1	0.2	0.2	-0.3	0.4	0.3	0.4	0.4	0.4	0.6	0.6	0.1	0.3	-0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	-0.1	0.4
CD40L	0.9	0.8	<0.1	<0.1	0.9	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.2	0.1	0.7	0.7	0.3	<0.1	0.3	0.7	-0.1
PGF	-0.1	<0.1	0.1	0.3	-0.1	0.5	0.4	0.3	0.6	0.4	0.5	0.5	0.2	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.4
ADAMTS13	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
BOC	-0.2	-0.1	0.1	0.2	-0.2	0.4	0.2	0.3	0.4	0.3	0.3	0.4	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2
IL4RA	-0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.2	0.5	0.3	0.3	0.5	0.4	0.4	0.4	0.1	0.3	-0.1	0.1	0.2	0.3	-0.1	<0.1	0.3
SRC	0.3	0.2	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1
IL1RA	0.5	0.5	0.1	0.2	0.5	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.4	0.3	0.6	0.6	0.5	0.2	0.4	0.5	0.1
TNFRSF10A	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	0.4	0.3	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	0.3
STK4	0.8	0.7	-0.1	<0.1	0.8	-0.2	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.6	0.5	0.2	<0.1	0.2	0.5	-0.1
IDUA	0.5	0.4	0.1	0.2	0.4	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.4	0.5	0.2	0.1	0.3	0.4	0.1
TNFRSF11A	-0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.4	0.3	0.3	0.6	0.5	0.5	0.5	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.3
PAR1	0.8	0.8	<0.1	0.1	0.8	<0.1	0.1	-0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.7	0.7	0.4	0.1	0.3	0.6	<0.1
TRAILR2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.4	0.4	0.4	0.5	0.4	0.4	0.5	0.3	0.5	0.2	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	0.4
PRSS27	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.4	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2
TIE2	-0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.2	0.4	0.2	0.3	0.4	0.3	0.2	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2
TF	-0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.2	0.4	0.2	0.1	0.5	0.4	0.4	0.4	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.3
IL1RL2	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2
PDGFB	0.7	0.8	<0.1	<0.1	0.7	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.6	0.8	0.4	0.1	0.3	0.8	<0.1
IL27	-0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.2	0.4	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	-0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.3
IL17D	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.5	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3
LOX1	0.3	0.4	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.5	0.7	0.3	0.3	0.4	0.1
GAL9	0.4	0.5	<0.1	0.2	0.4	0.1	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	0.3	0.4	0.4	0.5	0.6	0.4	0.2	0.2	0.4	0.2
GIF	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
SCF	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.4	0.2	0.3	0.3	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.3	-0.1	0.1
IL18	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	0.2	0.4	0.3	0.2	0.4	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1
PLGR	-0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.4	0.4	0.4	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3
RAGE	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.3	0.1	0.2	0.4	0.4	0.4	0.4	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.3
SOD2	0.5	0.5	<0.1	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.4	0.5	0.1	0.1	0.2	0.4	<0.1
CTRC	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
FGF23	-0.2	-0.1	0.1	0.2	-0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.4	<0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.3
SPON2	-0.3	-0.2	0.2	0.2	-0.3	0.4	0.3	0.5	0.4	0.4	0.6	0.6	0.1	0.3	-0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.5
GH	-0.2	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1
FS	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.4	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3
GLO1	1	0.8	-0.1	<0.1	0.9	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.3	0.1	0.8	0.6	0.3	<0.1	0.3	0.7	-0.1
CD84	0.8	1	<0.1	<0.1	0.8	-0.1	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.7	0.8	0.4	0.1	0.3	0.7	<0.1
SERPINA12	-0.1	<0.1	1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1
REN	<0.1	<0.1	<0.1	1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
DECR1	0.9	0.8	-0.1	<0.1	1	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.2	0.1	0.8	0.6	0.3	<0.1	0.3	0.7	-0.1

MERTK	-0.2	-0.1	0.1	0.2	-0.2	1	0.3	0.2	0.4	0.3	0.3	0.4	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.3
KIM1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.4
THBS2	-0.1	-0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.3	1	0.2	0.2	0.3	0.5	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.4
TM	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.4	0.3	0.2	1	0.3	0.5	0.4	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	0.3
VSIG2	-0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	1	0.4	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.3
AMBP	-0.2	-0.1	0.1	0.2	-0.2	0.3	0.3	0.3	0.5	0.4	1	0.5	<0.1	0.3	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.4
PRELP	-0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.4	0.3	0.5	0.4	0.3	0.5	1	0.1	0.4	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.4
HO1	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	1	0.2	0.4	0.4	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1
XCL1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.4	0.2	1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3
IL16	0.8	0.7	<0.1	0.1	0.8	-0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.4	0.2	1	0.6	0.4	0.1	0.4	0.6	<0.1
SORT1	0.6	0.8	0.1	0.1	0.6	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.4	0.3	0.6	1	0.4	0.2	0.4	0.6	0.1
CEACAM8	0.3	0.4	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.4	0.4	1	0.3	0.2	0.3	0.1
PTX3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	1	<0.1	0.1	0.1
PSGL1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.3	-0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.4	0.4	0.2	<0.1	1	0.3	<0.1
CCL17	0.7	0.7	-0.1	0.1	0.7	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.6	0.6	0.3	0.1	0.3	1	<0.1
MMP7	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.4	0.4	0.3	0.3	0.4	0.4	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	1
IGGFC	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
ITGB1BP2	0.9	0.8	-0.1	<0.1	0.9	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.2	0.1	0.7	0.7	0.3	<0.1	0.3	0.7	-0.1
DCN	-0.2	-0.1	0.2	0.2	-0.2	0.5	0.3	0.5	0.4	0.3	0.4	0.7	0.1	0.3	-0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.3
DKK1	0.7	0.8	<0.1	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.6	0.8	0.4	0.1	0.3	0.7	<0.1
LPL	-0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	-0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.2
PRSS8	<0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.4	0.3	0.4	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3
AGRP	-0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.4	0.3	0.4	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3
HBEGF	0.7	0.8	<0.1	<0.1	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.6	0.8	0.4	0.1	0.3	0.7	<0.1
GDF2	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.4	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.4	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3
FABP2	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
THPO	0.4	0.5	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.1	-0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	0.6	0.3	0.1	0.2	0.5	0.2
MARCO	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.4	0.4	0.2	0.3	0.4	0.2	0.4	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2
GT	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2
MMP12	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3
ACE2	<0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2
PDL2	-0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.4	0.2	0.2	0.5	0.3	0.4	0.4	0.1	0.3	-0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.3
CTSL1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.4	0.3	0.4	0.4	0.3	0.4	0.4	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.4
HOSCAR	-0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.4	0.2	0.3	0.5	0.3	0.4	0.5	0.1	0.4	<0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.3
TNFRSF13B	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.4	0.3	0.4	0.4	0.1	0.5	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.3
TGM2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	-0.1
LEP	-0.2	-0.1	0.3	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2
CA5A	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2
HSP27	-0.2	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
CD4	0.5	0.5	<0.1	0.2	0.5	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.3	0.4	0.6	0.6	0.4	0.2	0.4	0.5	0.2
NEMO	0.9	0.8	-0.1	<0.1	1	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.3	0.1	0.8	0.6	0.3	<0.1	0.3	0.7	-0.1
VEGFD	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2
PARP1	0.8	0.7	<0.1	0.1	0.8	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.3	0.2	0.9	0.6	0.4	<0.1	0.4	0.6	-0.1
HAOX1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1
TNFRSF14	0.5	0.6	<0.1	0.1	0.5	<0.1	0.2	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.5	0.5	0.4	0.2	0.2	0.5	0.1
LDL_RC	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1

ITGB2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1
IL17RA	0.3	0.4	-0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1
TNFR2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.5	0.3	0.4	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.2
MMP9	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.4	0.6	0.2	0.2	0.3	<0.1
EPHB4	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.4	0.2	0.2	0.5	0.4	0.4	0.3	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.2
IL2RA	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.4	0.3	0.3	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2
ALCAM	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.4	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.4	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2
SELP	0.8	0.8	<0.1	<0.1	0.8	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.7	0.7	0.3	0.1	0.3	0.7	-0.1
CSTB	0.6	0.6	<0.1	0.1	0.6	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.7	0.6	0.4	0.2	0.3	0.5	0.1
CD163	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2
GRN	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2
NTPROBNP	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2
PLC	-0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.2	0.3	0.2	0.3	0.4	0.3	0.5	0.5	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.3
LTBR	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.5	0.3	0.4	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.2
NOTCH3	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.3	0.1	0.4	0.3	0.2	0.3	0.4	0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.2
TIMP4	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.2
CNTN1	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2
CDH5	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.2	0.4	0.3	0.3	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1
TLT2	0.3	0.5	<0.1	<0.1	0.4	0.1	<0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.4	0.4	0.3	0.2	<0.1	0.3	<0.1
FABP4	-0.2	<0.1	0.2	0.1	-0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	0.3	0.4	0.4	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3
TFPI	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1
PAI	0.6	0.6	<0.1	<0.1	0.6	-0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.5	0.7	0.3	<0.1	0.4	0.6	<0.1
CCL24	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
TR	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1
TNFRSF10C	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1
GDF15	-0.1	-0.1	0.1	0.3	-0.1	0.3	0.4	0.3	0.2	0.4	0.3	0.4	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.3
SELE	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
DLK1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2
MPO	0.4	0.4	<0.1	0.1	0.4	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.5	0.4	0.4	0.2	0.2	0.3	<0.1
CXCL16	-0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
IL6RA	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
RETN	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.5	0.2	<0.1	0.1	0.1
IGFBP1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.1
CHIT1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1
TRAP	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
GP6	0.9	0.8	-0.1	<0.1	0.9	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.2	0.1	0.7	0.7	0.3	<0.1	0.3	0.7	-0.1
PSPD	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
EPCAM	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
APN	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
AXL	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.3	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1
IL1RT1	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2
MMP2	-0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.4	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.2
FAS	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.4	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2
MB	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1
TNFSF13B	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3
PCSK9	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2

UPAR	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	0.3	0.1	0.2	0.2
OPN	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.2
PGLYRP1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.5	0.2	<0.1	0.1	0.1
CPA1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
JAMA	0.8	0.7	-0.1	<0.1	0.8	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.7	0.6	0.3	<0.1	0.3	0.6	-0.1
GAL4	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3
IL1RT2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1
SHPS1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1
CCL15	-0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	0.3	0.3	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2
CASP3	0.9	0.8	-0.1	<0.1	0.9	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.2	0.1	0.7	0.6	0.3	<0.1	0.3	0.7	-0.1
CPB1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
CHI3L1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2
ST2	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
TPA	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
SCGB3A2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
EGFR	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
IGFBP7	-0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.4	0.3	0.3	0.3	0.4	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.3
CD93	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.1	0.2	0.5	0.3	0.4	0.3	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.2
IL18BP	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.3	0.5	0.3	0.4	0.3	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.2
COL1A1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1
PON3	-0.2	-0.1	<0.1	-0.2	-0.2	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.1	-0.2	<0.1	-0.2	-0.1	<0.1
CTSZ	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2
MMP3	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1
RARRES2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.4	0.2	0.1	0.2	0.3	0.4	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2
ICAM2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
KLK6	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.2
PDGFA	0.7	0.8	<0.1	<0.1	0.7	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.6	0.7	0.4	0.1	0.3	0.7	-0.1
TNFR1	-0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.3	0.5	0.4	0.5	0.4	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.3
IGFBP2	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.2	-0.2	<0.1	0.1
VWF	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2
PECAM1	0.8	0.7	-0.1	<0.1	0.8	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.6	0.6	0.3	<0.1	0.3	0.6	-0.1
MEPE	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1
CCL16	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2
IL8	0.5	0.5	<0.1	0.1	0.5	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.5	0.5	0.3	0.1	0.3	0.5	0.1
VEGFA	0.3	0.4	0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.5	0.4	0.2	0.2	0.4	0.3
CD8A	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1
MCP3	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	0.3	0.2	0.1	0.4	0.2
CDCP1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2
CD244	0.7	0.8	<0.1	<0.1	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.7	0.6	0.3	0.1	0.3	0.5	-0.1
IL7	0.7	0.7	<0.1	<0.1	0.7	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.6	0.7	0.2	<0.1	0.2	0.7	<0.1
OPG	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.3	0.4	0.2	0.3	0.3	0.4	<0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3
LAP_TGFB1	0.7	0.8	<0.1	0.1	0.7	<0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.6	0.8	0.4	0.1	0.3	0.7	<0.1
UPA	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2
IL6	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3
MCP1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2
CXCL11	0.7	0.7	<0.1	<0.1	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.3	0.6	0.6	0.3	0.1	0.3	0.6	<0.1

AXIN1	0.9	0.8	-0.1	<0.1	0.9	-0.2	<0.1	-0.2	0.1	-0.1	-0.2	-0.2	0.2	0.1	0.7	0.6	0.3	<0.1	0.3	0.7	-0.1
TRAIL	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2
CXCL9	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	-0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3
CST5	-0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2
OSM	0.4	0.4	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.5	0.6	0.3	0.2	0.4	<0.1
CXCL1	0.8	0.7	<0.1	<0.1	0.8	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.7	0.6	0.2	<0.1	0.3	0.6	-0.1
CCL4	0.4	0.5	<0.1	0.1	0.4	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.4	0.6	0.3	0.1	0.2	0.5	0.1
CD6	0.5	0.5	<0.1	<0.1	0.5	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.7	0.5	0.3	<0.1	0.4	0.4	<0.1
TGFA	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.5	0.3	0.1	0.2	0.2
MCP4	0.7	0.7	<0.1	<0.1	0.7	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.6	0.7	0.3	<0.1	0.3	0.7	<0.1
CCL11	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.4	0.3	0.4	0.3	0.1	0.3	0.4	0.2
TNFSF14	0.8	0.8	<0.1	0.1	0.8	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	0.3	0.2	0.8	0.7	0.4	0.1	0.4	0.6	<0.1
MMP1	0.5	0.5	-0.1	<0.1	0.4	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	0.5	0.3	0.1	0.3	0.5	-0.1
LIFR	-0.4	-0.2	0.1	0.1	-0.3	0.4	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.4	<0.1	0.2	-0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.3
FGF21	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2
CCL19	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3
IL15RA	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.5	0.3	0.3	0.3	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.2
IL10RB	-0.3	-0.1	0.1	0.2	-0.2	0.4	0.2	0.3	0.5	0.4	0.5	0.4	<0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.3
IL18R1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1
PDL1	0.6	0.6	<0.1	0.1	0.6	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.5	0.5	0.3	0.2	0.2	0.5	<0.1
CXCL5	0.7	0.7	<0.1	<0.1	0.8	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.7	0.6	0.2	<0.1	0.3	0.6	<0.1
TRANCE	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
HGF	0.4	0.4	0.1	0.3	0.4	0.1	0.3	0.4	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.4	0.6	0.5	0.2	0.3	0.4	0.2
IL12B	-0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2
MMP10	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
IL10	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
TNF	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.3
CCL23	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1
CD5	0.6	0.5	<0.1	0.1	0.6	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.7	0.5	0.3	0.1	0.3	0.4	<0.1
CCL3	0.3	0.4	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.4	0.5	0.3	0.2	0.2	0.4	0.2
FLT3L	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
CXCL6	0.7	0.7	<0.1	<0.1	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.7	0.6	0.3	0.1	0.3	0.6	<0.1
CXCL10	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2
4EBP1	0.9	0.8	-0.1	0.1	0.9	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.3	0.1	0.8	0.7	0.4	0.1	0.3	0.7	-0.1
SIRT2	0.9	0.8	-0.1	<0.1	0.9	-0.2	<0.1	-0.2	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.2	0.1	0.8	0.7	0.3	<0.1	0.3	0.7	-0.1
CCL28	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1
DNER	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
ENRAGE	0.4	0.4	<0.1	0.2	0.4	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.5	0.4	0.5	0.2	0.2	0.4	<0.1
CD40	0.8	0.8	<0.1	<0.1	0.8	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.7	0.7	0.3	0.1	0.2	0.6	<0.1
IFNG	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
FGF19	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
MCP2	0.4	0.5	<0.1	0.1	0.4	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.4	0.5	0.2	0.1	0.2	0.5	0.1
CASP8	0.8	0.8	<0.1	0.1	0.8	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	0.3	0.2	0.9	0.7	0.4	0.1	0.4	0.6	-0.1
CCL25	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2
CX3CL1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.5	0.3	0.4	0.3	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.2	-0.1	0.3
TNFRSF9	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.4	0.4	0.4	0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.3

NT3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
TWEAK	0.2	0.4	0.1	<0.1	0.3	0.1	-0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
CCL20	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2
ST1A1	0.8	0.8	-0.1	<0.1	0.9	-0.2	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2	0.2	0.1	0.7	0.6	0.3	<0.1	0.3	0.6	-0.1
STAMBP	0.9	0.8	-0.1	<0.1	0.9	-0.2	<0.1	-0.2	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.3	0.1	0.8	0.7	0.3	<0.1	0.3	0.7	-0.1
ADA	0.7	0.7	-0.1	0.1	0.7	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.3	0.1	0.8	0.6	0.3	0.1	0.3	0.6	-0.1
TNFB	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
CSF1	-0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.2	0.4	0.2	0.4	0.4	0.3	0.4	0.4	<0.1	0.3	-0.1	0.1	0.2	0.3	-0.1	-0.1	0.3
Age	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2
Body mass ind	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
Waist circumf	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1
Educational at	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Alcohol consu	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1
Systolic blood	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
Diastolic blood	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
Hemoglobin A	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1
Duration of kn	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1
High-density li	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1
Low-density li	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Triglycerides	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.1	0.1
Albumin	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Fibrinogen	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2
C-reactive pro	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2
Serum amyloid	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
Leucocyte cou	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	<0.1
Serum adipone	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.4	0.1	0.2	0.2	0.1
Uric acid	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1
Creatinine	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1
Rényi4, baseli	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TP, baseline	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDWS, baseli	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDSA, baseli	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
CE, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	GLO1	CD84	SERPIN	REN	DECR1	MERTK	KIM1	THBS2	TM	VSIG2	AMBP	PRELP	HO1	XCL1	IL16	SORT1	CEACA	PTX3	PSGL1	CCL17	MMP7
BMP6	<0.001	<0.001	1	0.076	<0.001	1	<0.001	0.01	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.289
ANGPT1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.327	1	1	<0.001	0.497	1	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.056	<0.001	<0.001	1
ADM	<0.001	0.077	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.064	<0.001	<0.001	0.795	<0.001	<0.001	1	0.081	<0.001
CD40L	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.008	0.004	0.02	<0.001	0.325	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.021

[illegible]

IL16	<0.001	<0.001	0.316	0.004	<0.001	0.001	0.081	0.123	<0.001	0.275	<0.001	0.157	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.81	<0.001	<0.001	1	
SORT1	<0.001	<0.001	0.083	<0.001	<0.001	0.138	<0.001	<0.001	<0.001	0.093	0.084	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	
CEACAM8	<0.001	<0.001	0.033	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.426	
PTX3	0.646	0.008	0.25	<0.001	0.701	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.053	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.371	0.338
PSGL1	<0.001	<0.001	0.029	0.058	<0.001	0.031	<0.001	<0.001	0.03	0.376	0.799	0.091	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.125	<0.001	<0.001	1
CCL17	<0.001	<0.001	0.074	0.051	<0.001	0.119	0.007	0.358	<0.001	0.663	0.476	0.643	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.023	<0.001	<0.001	1
MMP7	0.001	0.164	0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.654	<0.001	0.026	0.02	0.777	0.293	<0.001
IGGFC	0.687	0.097	0.101	0.444	0.829	0.099	0.257	0.117	<0.001	<0.001	0.001	0.005	0.917	0.02	0.551	0.34	0.01	0.143	0.806	0.033	0.026
ITGB1BP2	<0.001	<0.001	0.029	0.877	<0.001	<0.001	0.335	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.308	<0.001	<0.001	0.008
DCN	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	0.002	<0.001	0.786	0.009	<0.001
DDK1	<0.001	<0.001	0.94	0.396	<0.001	0.27	0.13	0.162	<0.001	0.336	0.758	0.025	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.858
LPL	<0.001	0.123	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.29	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	0.086	<0.001	0.174	0.055	0.033	<0.001	<0.001	<0.001
PRSS8	0.406	0.078	0.824	<0.001	0.993	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
AGRP	0.002	0.044	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.534	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.024	<0.001
HBEGF	<0.001	<0.001	0.685	0.217	<0.001	0.047	0.303	0.189	<0.001	0.27	0.501	0.023	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.88
GDF2	<0.001	0.533	<0.001	0.687	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.06	0.006	0.002	<0.001	0.64	<0.001	0.939	0.47	<0.001
FABP2	0.001	0.193	0.026	0.119	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.613	<0.001	<0.001	0.933	0.509	0.281	0.267	0.233	<0.001
THPO	<0.001	<0.001	0.123	0.138	<0.001	<0.001	0.017	0.097	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MARCO	0.389	<0.001	0.079	<0.001	0.878	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.061	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GT	<0.001	0.054	0.036	0.242	<0.001	<0.001	0.26	0.079	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.97	0.002	0.003	0.305	0.979	0.285	0.003	0.007	<0.001
MMP12	0.819	0.314	0.309	<0.001	0.706	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.267	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001
ACE2	0.897	0.931	0.002	<0.001	0.743	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.141	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.023	<0.001
PDL2	<0.001	0.402	0.03	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.022	<0.001	0.093	0.012	<0.001	<0.001	0.993	0.931	<0.001
CTSL1	<0.001	0.94	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.127	<0.001	<0.001	<0.001	0.271	0.058	<0.001
HOSCAR	0.001	0.014	0.074	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.847	<0.001	<0.001	<0.001	0.956	0.212	<0.001
TNFRSF13B	0.079	0.004	0.179	<0.001	0.419	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.036	<0.001	0.096	<0.001	<0.001	<0.001	0.045	0.004	<0.001
TGM2	0.002	<0.001	0.272	<0.001	0.038	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.089	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
LEP	<0.001	0.018	<0.001	0.588	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.001	0.335	0.152	0.38	0.031	0.006	<0.001
CA5A	0.294	0.162	0.005	<0.001	0.175	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	0.249	<0.001	0.088	<0.001
HSP27	<0.001	<0.001	0.318	0.278	0.001	0.715	0.434	0.028	0.127	0.056	<0.001	0.41	0.048	0.783	<0.001	<0.001	0.003	0.726	0.001	<0.001	0.913
CD4	<0.001	<0.001	0.83	<0.001	<0.001	0.228	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
NEMO	<0.001	<0.001	0.004	0.699	<0.001	<0.001	0.431	<0.001	0.007	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.644	<0.001	<0.001	0.012
VEGFD	<0.001	0.024	0.032	0.465	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.081	<0.001	0.023	0.328	0.071	<0.001	0.59	0.215	<0.001
PARP1	<0.001	<0.001	0.284	0.012	<0.001	<0.001	0.551	0.019	0.02	0.038	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.157	<0.001	<0.001	0.004
HAOX1	0.001	0.123	0.127	<0.001	0.014	0.382	<0.001	<0.001	0.995	0.851	0.128	0.186	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.085	0.102	<0.001	0.009	0.031
TNFRSF14	<0.001	<0.001	0.854	0.014	<0.001	0.125	<0.001	0.16	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
LDL_RC	0.773	0.319	0.001	0.112	0.357	0.001	<0.001	0.01	<0.001	0.012	<0.001	0.002	0.161	<0.001	0.037	<0.001	0.021	0.005	<0.001	0.033	<0.001
ITGB2	<0.001	<0.001	0.296	0.289	<0.001	0.028	<0.001	0.009	<0.001	0.354	0.955	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.041
IL17RA	<0.001	<0.001	0.064	0.777	<0.001	0.156	0.007	0.875	<0.001	0.982	0.849	0.058	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	0.001	<0.001	0.289
TNFR2	0.489	<0.001	0.126	<0.001	0.133	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.867	<0.001	<0.001
MMP9	<0.001	<0.001	0.72	<0.001	<0.001	0.103	0.001	0.001	<0.001	0.066	0.532	0.076	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.356
EPHB4	<0.001	0.725	0.506	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.623	0.964	<0.001	<0.001	<0.001	0.25	<0.001
IL2RA	0.034	0.14	0.698	<0.001	0.213	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.296	0.001	<0.001	<0.001	0.398	0.002	<0.001
ALCAM	<0.001	0.577	<0.001	0.756	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.319	<0.001	0.065	0.041	0.021	<0.001	0.11	0.086	<0.001
SELP	<0.001	<0.001	0.126	0.808	<0.001	<0.001	0.165	0.001	<0.001	0.077	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.096	<0.001	<0.001	0.028
CSTB	<0.001	<0.001	0.774	<0.001	<0.001	0.527	<0.001	0.273	<0.001	0.01	0.323	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.094

CD163	0.135	0.341	0.281	<0.001	0.491	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.113	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.129	<0.001	
GRN	0.001	0.835	0.175	0.016	0.017	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.326	<0.001	0.915	0.04	<0.001	<0.001	0.695	0.504	<0.001
NTPROBNP	<0.001	0.126	0.043	0.514	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.248	<0.001	0.005	0.869	0.007	<0.001	<0.001	0.005	<0.001
PLC	<0.001	0.066	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.007	0.562	<0.001	<0.001	0.032	0.013	<0.001
LTBR	0.086	0.012	0.097	<0.001	0.318	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.162	0.004	<0.001	<0.001	0.014	0.209	<0.001
NOTCH3	<0.001	0.001	0.051	0.209	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.653	0.86	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TIMP4	<0.001	0.213	0.218	0.003	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.196	<0.001	0.055	0.297	0.002	<0.001	0.085	0.438	<0.001
CNTN1	<0.001	<0.001	0.001	0.209	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.074	0.013	<0.001	0.392	0.014	0.003	0.025	<0.001	<0.001
CDH5	<0.001	0.933	0.04	0.007	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	0.654	0.03	0.027	<0.001	0.085	0.108	<0.001
TLT2	<0.001	<0.001	0.391	0.127	<0.001	0.089	0.642	0.029	<0.001	0.004	<0.001	0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.158	<0.001	0.195
FABP4	<0.001	0.166	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.951	<0.001	0.016	0.005	0.001	<0.001	0.651	0.164	<0.001
TFPI	<0.001	<0.001	0.497	0.025	<0.001	<0.001	0.002	0.288	<0.001	0.192	<0.001	0.008	0.112	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	0.137	0.145	<0.001	0.023
PAI	<0.001	<0.001	0.684	0.132	<0.001	<0.001	0.002	0.042	<0.001	0.145	0.603	0.109	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.303	<0.001	<0.001	0.738
CCL24	0.519	0.16	0.23	0.471	0.127	0.124	0.155	0.741	0.093	0.913	0.789	0.831	0.02	<0.001	0.025	0.005	0.028	<0.001	0.03	0.06	0.878
TR	0.043	0.101	0.333	0.162	0.055	0.001	0.001	0.05	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.28	0.009	0.309	0.003	<0.001	<0.001	0.897	0.759	0.378
TNFRSF10C	0.575	0.002	0.407	0.005	0.425	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	0.2	0.003	<0.001	<0.001	0.137	0.096	0.009
GDF15	0.038	0.111	0.044	<0.001	0.106	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.854	0.009	<0.001	<0.001	0.523	0.394	<0.001
SELE	0.23	0.47	0.902	<0.001	0.088	0.007	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.028	0.002	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.26	<0.001	0.002	<0.001
DLK1	0.001	0.916	<0.001	0.177	0.006	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.932	0.006	0.186	0.635	0.021	0.188	0.009	0.076	<0.001
MPO	<0.001	<0.001	0.252	0.001	<0.001	0.756	<0.001	0.917	<0.001	0.918	0.191	0.843	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.998
CXCL16	<0.001	0.012	0.006	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.809	<0.001	0.011	0.306	0.002	<0.001	0.92	0.615	<0.001
IL6RA	0.006	0.875	0.28	0.004	0.004	<0.001	0.032	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.062	<0.001	0.437	0.089	<0.001	<0.001	0.479	0.711	0.011
RETN	<0.001	<0.001	0.082	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.763	<0.001	0.001
IGFBP1	<0.001	0.076	0.544	<0.001	0.002	<0.001	0.954	0.829	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	0.638	0.184	<0.001	0.001	0.063	<0.001	<0.001	0.153	<0.001
CHIT1	0.319	0.701	0.183	0.454	0.657	<0.001	0.057	0.003	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	0.849	0.104	<0.001	0.008	0.049	0.022	<0.001
TRAP	0.446	0.926	0.173	<0.001	0.477	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.061	0.246	0.021	0.037	<0.001
GP6	<0.001	<0.001	0.03	0.907	<0.001	<0.001	0.749	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.005	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.278	<0.001	<0.001	0.005
PSPD	0.392	0.266	0.106	0.005	0.79	0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.16	0.016	0.029	<0.001	1	0.019	0.018	0.004	0.069	0.052	<0.001
EPCAM	0.679	0.864	0.204	0.589	0.527	0.347	0.38	0.412	0.794	0.191	0.269	0.336	0.681	0.567	0.772	0.251	0.068	0.277	0.396	0.922	0.309
APN	0.013	0.094	0.047	0.004	0.044	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.686	0.045	0.362	<0.001	0.003	0.999	<0.001
AXL	<0.001	0.224	0.181	0.083	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.014	0.747	0.003	<0.001	0.024	<0.001	<0.001
IL1RT1	<0.001	0.115	0.637	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.032	<0.001	0.111	0.968	0.008	<0.001	0.018	0.011	<0.001
MMP2	<0.001	<0.001	0.003	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.334	0.72	<0.001	0.55	<0.001	<0.001
FAS	0.032	<0.001	0.001	<0.001	0.027	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001
MB	0.247	0.125	0.301	<0.001	0.483	<0.001	0.014	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.072	0.674	0.212	0.006	0.018	0.002	0.937	0.002
TNFSF13B	0.119	0.32	0.038	0.004	0.057	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.055	<0.001	0.323	<0.001	<0.001	0.001	0.324	0.194	<0.001
PCSK9	0.459	0.002	0.049	0.004	0.617	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.153	<0.001	0.045	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
UPAR	<0.001	<0.001	0.401	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
OPN	<0.001	0.428	0.885	0.011	0.017	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.146	0.174	<0.001	<0.001	<0.001	0.805	<0.001
PGLYRP1	0.311	<0.001	0.528	<0.001	0.034	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.373	0.004	0.002
CPA1	0.09	0.072	0.372	<0.001	0.035	0.124	<0.001	0.011	0.004	0.004	<0.001	0.01	<0.001	0.012	0.759	0.183	0.139	0.962	0.057	0.421	<0.001
JAMA	<0.001	<0.001	0.048	0.884	<0.001	<0.001	0.379	<0.001	0.001	0.019	<0.001	0.039	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.4	<0.001	<0.001	0.063
GAL4	0.973	0.358	<0.001	<0.001	0.909	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.296	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001
IL1RT2	0.573	0.649	0.594	<0.001	0.454	0.001	<0.001	<0.001	0.007	0.162	0.008	0.001	&lt								

CASP3	<0.001	<0.001	0.022	0.88	<0.001	<0.001	0.806	<0.001	0.007	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.364	<0.001	<0.001	0.001
CPB1	0.124	0.266	0.562	<0.001	0.047	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.876	0.055	0.002	0.141	0.055	0.26	<0.001
CHI3L1	0.288	0.686	0.874	<0.001	0.322	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.133	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001
ST2	0.055	0.075	0.028	<0.001	0.108	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.001
TPA	<0.001	0.614	0.065	<0.001	0.003	0.107	<0.001	<0.001	0.083	0.001	0.004	<0.001	0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.029	0.955	<0.001	0.007	0.001
SCGB3A2	0.059	0.188	0.677	0.525	0.068	0.164	0.03	0.972	0.026	<0.001	0.03	0.011	0.352	0.021	0.399	0.652	0.007	0.091	0.455	0.519	<0.001
EGFR	<0.001	0.014	0.112	0.43	<0.001	<0.001	0.332	0.216	<0.001	0.455	<0.001	0.001	0.381	0.596	0.057	0.896	0.301	0.423	0.233	0.006	0.148
IGFBP7	0.001	0.648	0.03	<0.001	0.023	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.845	0.007	<0.001	<0.001	0.316	0.87	<0.001
CD93	<0.001	0.76	0.713	0.208	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.813	0.326	<0.001	<0.001	0.001	0.643	<0.001
IL18BP	<0.001	0.716	0.516	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.143	0.152	<0.001	<0.001	0.012	0.523	<0.001
COL1A1	0.004	0.722	0.378	0.005	0.009	0.023	0.045	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.616	0.002	0.106	0.99	0.572	<0.001	0.056	0.386	<0.001
PON3	<0.001	0.001	0.325	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.416	0.616	0.032	0.815	0.077	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.696	<0.001	0.001	0.899
CTSZ	0.478	0.025	0.027	<0.001	0.284	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.007	<0.001
MMP3	0.201	0.238	0.006	<0.001	0.182	<0.001	<0.001	0.939	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.023	0.003	0.021	<0.001	<0.001	0.396	0.004	0.031
RARRES2	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.027	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.051	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ICAM2	0.136	0.004	0.298	0.624	0.953	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.031	<0.001	0.197	<0.001	<0.001	<0.001	0.712	0.316	0.004
KLK6	<0.001	0.32	0.237	0.277	0.008	<0.001	0.165	0.695	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.299	0.089	0.329	0.049	0.152	0.016	<0.001	0.038	<0.001
PDGFA	<0.001	<0.001	0.507	0.772	<0.001	0.001	0.298	0.027	<0.001	0.011	0.004	0.913	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	0.066
TNFR1	0.015	0.038	0.025	<0.001	0.107	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.138	<0.001	<0.001	<0.001	0.785	0.198	<0.001
IGFBP2	<0.001	0.907	0.001	0.599	0.003	<0.001	0.106	0.172	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.644	0.004	0.002	0.115	0.001	<0.001	<0.001	0.455	<0.001
VWF	0.929	0.424	0.308	<0.001	0.899	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.061	<0.001	0.763	0.001	0.002	<0.001	0.025	0.416	<0.001
PECAM1	<0.001	<0.001	0.044	0.986	<0.001	<0.001	0.269	0.001	<0.001	0.116	<0.001	0.076	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.3	<0.001	<0.001	0.097
MEPE	0.019	0.683	0.439	0.084	0.031	<0.001	0.183	0.293	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	0.342	0.802	<0.001	<0.001	0.051	0.415	0.002
CCL16	0.769	0.265	0.807	<0.001	0.869	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.116	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001
IL8	<0.001	<0.001	0.941	<0.001	<0.001	0.501	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	0.159	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001
VEGFA	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD8A	0.207	0.488	0.948	0.483	0.342	0.072	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	0.472	0.096	<0.001	<0.001	0.003	0.011	<0.001
MCP3	<0.001	<0.001	0.291	<0.001	<0.001	0.167	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CDCP1	0.553	0.452	0.556	<0.001	0.798	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.94	<0.001	0.011	<0.001	0.437	0.041	<0.001
CD244	<0.001	<0.001	0.174	0.955	<0.001	<0.001	0.605	0.342	<0.001	0.361	0.002	0.407	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	0.1
IL7	<0.001	<0.001	0.255	0.383	<0.001	<0.001	0.676	0.005	<0.001	0.012	0.037	0.283	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.517	<0.001	<0.001	0.606
OPG	<0.001	0.029	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.314	<0.001	0.002	0.01	0.393	<0.001	0.828	0.688	<0.001
LAP_TGFB1	<0.001	<0.001	0.845	0.028	<0.001	0.156	0.001	0.453	<0.001	0.692	0.83	0.017	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.247
UPA	<0.001	0.159	0.395	0.002	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.217	<0.001	0.037	0.029	0.2	<0.001	0.03	0.012	<0.001
IL6	0.147	0.102	0.387	<0.001	0.35	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.831	0.001	<0.001	<0.001	0.106	0.06	<0.001
MCP1	0.045	<0.001	0.029	0.001	0.031	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.054	<0.001	0.614	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CXCL11	<0.001	<0.001	0.557	0.137	<0.001	0.004	0.118	0.999	<0.001	0.583	0.009	0.588	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	<0.001	<0.001	0.566
AXIN1	<0.001	<0.001	0.006	0.998	<0.001	<0.001	0.16	<0.001	0.066	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	0.812	<0.001	<0.001	0.001
TRAIL	0.005	0.213	0.186	0.236	0.557	<0.001	0.43	0.039	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.999	<0.001	0.668	0.011	0.005	0.239	0.003	0.781	<0.001
CXCL9	0.018	0.464	0.079	<0.001	0.139	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.026	<0.001	0.108	0.007	<0.001	<0.001	0.2	0.038	<0.001
CST5	<0.001	0.062	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.913	0.007	0.004	0.49	0.027	0.002	0.062	0.017	<0.001
OSM	<0.001	<0.001	0.876	<0.001	<0.001	0.772	<0.001	<0.001	<0.001	0.23	0.862	0.194	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.184
CXCL1	<0.001	<0.001	0.155	0.637	<0.001	<0.001	0.278	<0.001	0.02	0.011	<0.001	0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.681	<0.001	<0.001	0.104
CCL4	<0.001	<0.001	0.214	0.001	<0.001	0.877	0.006	<0.001	<0.001	0.079	0.618	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.027
CD6	<0.001	<0.001	0.407	0.627	<0.001	0.002	0.68	0.534	<0.001	0.324	<0.001	0.218	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.347	<0.001	<0.001	0.594
TGFA	0.004	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

MCP4	<0.001	<0.001	0.312	0.191	<0.001	<0.001	0.067	0.385	<0.001	0.899	0.218	0.351	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.221	<0.001	<0.001	0.418
CCL11	<0.001	<0.001	0.82	<0.001	<0.001	0.067	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001
TNFSF14	<0.001	<0.001	0.647	0.034	<0.001	0.001	0.433	0.145	<0.001	0.327	<0.001	0.103	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.202
MMP1	<0.001	<0.001	0.052	0.139	<0.001	0.075	0.122	0.041	<0.001	0.499	0.586	0.745	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.065	<0.001	<0.001	0.007
LIFR	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.167	<0.001	<0.001	0.483	0.904	<0.001	0.478	<0.001	<0.001
FGF21	0.215	0.955	0.362	<0.001	0.38	0.016	<0.001	<0.001	0.023	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.599	<0.001	<0.001	0.783	<0.001	0.405	<0.001
CCL19	0.015	0.001	0.331	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.032	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	<0.001	<0.001	<0.001
IL15RA	0.147	0.004	0.093	<0.001	0.695	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.429	<0.001	<0.001	<0.001	0.024	0.218	<0.001
IL10RB	<0.001	0.062	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.513	<0.001	<0.001	0.396	<0.001	<0.001	0.001	0.004	<0.001
IL18R1	0.139	<0.001	0.02	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001
PDL1	<0.001	<0.001	0.221	<0.001	<0.001	0.986	<0.001	0.397	<0.001	0.001	0.186	0.091	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.341
CXCL5	<0.001	<0.001	0.706	0.186	<0.001	<0.001	0.531	<0.001	0.012	0.048	<0.001	0.137	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.456	<0.001	<0.001	0.504
TRANCE	0.049	0.06	0.17	0.971	0.525	0.22	0.097	0.022	<0.001	0.25	<0.001	0.036	0.317	<0.001	0.846	0.06	0.003	0.55	0.421	0.751	0.019
HGF	<0.001	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL12B	<0.001	0.951	<0.001	0.045	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.545	<0.001	0.003	0.183	0.075	<0.001	0.015	0.249	<0.001
MMP10	<0.001	0.104	0.563	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.063	<0.001	0.033	0.491	<0.001	<0.001	0.558	0.754	<0.001
IL10	0.002	0.549	0.758	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	0.059	0.351	0.013	0.002	0.819	0.963	<0.001
TNF	0.339	<0.001	0.134	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.023	<0.001	<0.001	<0.001	0.509	<0.001	<0.001
CCL23	0.998	<0.001	0.594	0.012	0.219	<0.001	<0.001	0.065	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.098	<0.001	0.017	<0.001	<0.001	<0.001	0.982	<0.001	0.005
CD5	<0.001	<0.001	0.338	0.097	<0.001	0.001	0.266	0.889	<0.001	0.084	0.209	0.52	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.029	<0.001	<0.001	0.383
CCL3	<0.001	<0.001	0.103	<0.001	<0.001	0.036	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
FLT3L	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.213	<0.001	0.473	0.048	0.421	0.068	0.003	0.851	<0.001
CXCL6	<0.001	<0.001	0.356	0.202	<0.001	<0.001	0.203	0.324	<0.001	0.363	0.002	0.709	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	0.936
CXCL10	0.001	<0.001	0.116	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
4EBP1	<0.001	<0.001	0.099	0.01	<0.001	<0.001	0.18	0.002	<0.001	0.11	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.002
SIRT2	<0.001	<0.001	0.059	0.893	<0.001	<0.001	0.445	<0.001	0.002	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.173	<0.001	<0.001	0.001
CCL28	<0.001	<0.001	0.591	0.006	<0.001	0.077	0.004	0.536	<0.001	<0.001	0.918	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001
DNER	<0.001	0.007	0.06	0.54	<0.001	<0.001	0.252	0.557	<0.001	0.008	0.058	0.07	0.547	0.334	0.018	0.859	0.048	0.297	0.901	0.04	0.055
ENRAGE	<0.001	<0.001	0.478	<0.001	<0.001	0.147	<0.001	0.429	<0.001	0.009	0.046	0.369	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.167
CD40	<0.001	<0.001	0.131	0.239	<0.001	0.001	0.583	0.003	<0.001	0.713	0.007	0.461	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	0.507
IFNG	0.077	0.859	0.156	0.471	0.129	0.011	0.002	<0.001	0.002	0.083	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.477	0.003	0.8	0.011	0.001	0.567	<0.001
FGF19	0.006	0.949	0.135	0.041	0.006	0.003	0.001	0.116	0.036	<0.001	0.34	0.013	0.035	0.048	0.622	0.022	0.013	0.523	0.011	0.129	0.053
MCP2	<0.001	<0.001	0.869	0.099	<0.001	0.155	0.078	0.091	<0.001	0.818	0.374	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.016
CASP8	<0.001	<0.001	0.244	0.014	<0.001	0.002	0.218	0.002	<0.001	0.564	<0.001	0.037	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001
CCL25	<0.001	0.025	0.16	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.583	0.006	0.002	0.342	0.335	0.035	0.979	0.011	<0.001
CX3CL1	<0.001	0.739	0.003	0.666	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.305	<0.001	0.018	0.595	0.007	<0.001	<0.001	0.032	<0.001
TNFRSF9	0.002	0.103	0.212	<0.001	0.18	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.496	<0.001	0.646	0.056	<0.001	<0.001	0.003	0.483	<0.001
NT3	0.369	0.651	0.013	0.007	0.955	<0.001	0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.326	<0.001	0.765	0.006	0.076	0.001	0.269	0.834	<0.001
TWEAK	<0.001	<0.001	0.067	0.152	<0.001	0.018	0.035	0.053	<0.001	0.309	0.036	<0.001	0.357	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.144	0.99	<0.001	0.491
CCL20	<0.001	<0.001	0.405	<0.001	<0.001	0.099	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.045	<0.001	<0.001	<0.001
ST1A1	<0.001	<0.001	0.004	0.803	<0.001	<0.001	0.099	<0.001	0.126	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.023	<0.001	<0.001	<0.001	0.76	<0.001	<0.001	<0.001
STAMBP	<0.001	<0.001	0.028	0.925	<0.001	<0.001	0.347	<0.001	0.002	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.35	<0.001	<0.001	0.001
ADA	<0.001	<0.001	0.049	0.017	<0.001	<0.001	0.167	0.078	<0.001	0.106	<0.001	0.105	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.046	<0.001	<0.001	0.014
TNFB	<0.001	0.193	<0.001	0.157	<0.001	<0.001	0.578	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.666	<0.001	0.013	0.831	0.47	0.001	0.273	0.004	<0.001
CSF1	<0.001	0.285	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.333	<0.001	<0.001	0.022	<0.001	<0.001	0.038	0.015	<0.001
Age	0.322	0.493	0.011	<0.001	0.951	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.979	<0.001	0.433	0.179	0.009	<0.001	<0.001	0.642	<0.001

Body mass index	0.606	0.265	0.001	0.001	0.667	0.268	<0.001	<0.001	0.03	0.419	<0.001	<0.001	0.152	<0.001	0.104	0.005	0.002	0.609	<0.001	0.725	0.031
Waist circumference	0.001	0.14	0.966	<0.001	0.003	0.107	<0.001	<0.001	0.09	0.786	0.008	0.028	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.403	<0.001	0.021	0.056
Educational attainment	0.542	0.452	0.256	0.022	0.549	0.064	0.01	0.004	0.238	0.084	0.122	<0.001	0.03	0.562	0.374	0.111	0.48	0.113	0.766	0.9	0.487
Alcohol consumption	0.001	0.845	<0.001	0.094	0.086	<0.001	0.792	0.002	0.001	0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.15	0.008	0.598	0.079	<0.001	0.003	0.108	0.002
Systolic blood pressure	0.001	0.012	0.849	0.105	0.02	0.01	<0.001	0.018	<0.001	0.479	0.052	0.051	<0.001	0.221	0.012	<0.001	0.002	0.033	0.009	0.231	0.092
Diastolic blood pressure	0.001	0.03	0.409	<0.001	0.007	0.229	<0.001	0.529	0.117	0.018	0.918	0.095	<0.001	0.643	0.002	0.015	0.185	0.753	0.004	0.181	0.849
Hemoglobin A1c	0.911	0.437	0.003	<0.001	0.739	0.118	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	0.164	0.055	0.325	0.016	<0.001	0.012	<0.001	0.192	0.001
Duration of known diabetes	0.609	0.969	0.118	<0.001	0.25	0.124	<0.001	0.006	0.081	<0.001	0.011	0.015	0.434	0.567	0.117	0.074	<0.001	0.001	<0.001	0.451	0.954
High-density lipoprotein cholesterol	0.002	0.1	0.698	<0.001	<0.001	0.387	<0.001	<0.001	0.041	0.007	0.166	0.572	0.409	<0.001	<0.001	0.04	<0.001	0.872	<0.001	0.071	0.193
Low-density lipoprotein cholesterol	0.839	0.346	0.322	0.168	0.648	0.852	0.459	<0.001	0.526	0.1	0.193	0.24	<0.001	0.113	0.901	0.367	0.734	0.001	0.391	0.431	0.131
Triglycerides	0.007	0.036	<0.001	<0.001	0.033	0.663	<0.001	<0.001	0.028	0.003	<0.001	0.01	0.044	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.075	<0.001	0.001	0.003
Albumin	<0.001	0.016	0.24	0.04	0.019	0.074	0.005	0.004	0.002	<0.001	<0.001	0.001	0.926	<0.001	0.093	0.121	0.072	0.025	0.236	0.277	0.026
Fibrinogen	0.16	0.014	0.559	<0.001	0.014	0.017	<0.001	<0.001	0.125	<0.001	<0.001	0.001	0.251	0.001	0.196	<0.001	<0.001	0.01	0.761	0.002	<0.001
C-reactive protein	0.593	0.066	0.796	<0.001	0.492	0.647	<0.001	<0.001	0.002	0.063	<0.001	0.041	0.008	<0.001	0.096	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	0.006	<0.001
Serum amyloid A	0.012	0.695	0.003	0.075	0.044	0.367	0.001	<0.001	0.191	0.119	<0.001	0.053	0.986	0.027	0.346	0.011	0.005	0.084	0.017	0.65	0.004
Leucocyte count	<0.001	0.18	0.8	<0.001	<0.001	0.011	0.004	0.915	0.923	0.961	0.213	<0.001	0.049	0.508	<0.001	0.154	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.567
Serum adiponectin	<0.001	<0.001	0.101	<0.001	<0.001	0.915	<0.001	0.006	0.133	0.004	0.093	0.678	0.512	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.003
Uric acid	<0.001	0.022	0.495	<0.001	<0.001	0.882	<0.001	0.001	0.01	0.11	0.058	0.57	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.501	<0.001	0.001	0.046
Creatinine	0.001	0.095	0.027	<0.001	0.002	0.024	0.002	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.128	<0.001	0.029	<0.001	0.774	<0.001	0.21	0.487	0.037	0.017
Rényi4, baseline	0.315	0.101	0.193	0.003	0.428	<0.001	0.095	0.071	0.076	0.556	0.004	0.023	0.107	0.012	0.031	0.012	0.001	0.041	0.129	0.228	0.197
TP, baseline	0.541	0.182	0.062	0.013	0.465	0.001	0.113	0.03	0.062	0.432	0.004	0.006	0.394	0.014	0.022	0.022	<0.001	0.037	0.07	0.19	0.118
SDWS, baseline	0.934	0.394	0.004	0.026	0.869	<0.001	0.074	0.062	0.07	0.445	0.092	0.032	0.173	0.032	0.277	0.203	0.001	0.035	0.232	0.558	0.552
SDSA, baseline	0.477	0.38	0.728	0.421	0.688	0.046	0.811	0.287	0.452	0.889	0.195	0.558	0.835	0.729	0.045	0.25	0.081	0.197	0.075	0.901	0.895
CE, baseline	0.508	0.176	0.969	0.004	0.669	<0.001	0.088	0.561	0.069	0.426	0.003	0.02	0.153	0.051	0.076	0.068	0.003	0.452	0.526	0.655	0.126

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	IGGFC	ITGB1B	DCN	DKK1	LPL	PRSS8	AGRP	HBEGF	GDF2	FABP2	THPO	MARCC	GT	MMP12	ACE2	PDL2	CTSL1	HOSCAR	TNFRSF	TGM2	LEP
BMP6	<0.1	0.7	0.1	0.7	-0.1	0.2	0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.5	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1
ANGPT1	<0.1	0.7	-0.1	0.9	<0.1	<0.1	<0.1	0.9	<0.1	<0.1	0.6	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
ADM	0.1	-0.2	0.4	-0.1	0.3	0.3	0.4	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.4	0.2	0.4	0.5	0.4	0.4	0.1	0.5
CD40L	<0.1	0.9	-0.2	0.8	-0.2	<0.1	-0.1	0.8	-0.1	-0.1	0.5	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
PGF	0.1	-0.1	0.6	<0.1	0.1	0.4	0.4	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.4	0.3	0.5	0.5	0.5	0.5	0.3	0.1
ADAMTS13	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2
BOC	0.1	-0.2	0.5	-0.1	0.3	0.2	0.3	-0.1	0.4	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.5	0.4	0.4	0.3	0.2	<0.1
IL4RA	0.1	-0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3	0.3	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.4	0.4	0.5	0.4	0.2	<0.1
SRC	<0.1	0.4	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL1RA	<0.1	0.5	0.1	0.5	-0.1	0.3	0.2	0.5	<0.1	-0.1	0.3	0.3	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2
TNFRSF10A	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2
STK4	<0.1	0.8	-0.2	0.6	-0.2	<0.1	-0.1	0.6	-0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1
IDUA	0.1	0.4	0.1	0.4	-0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1
TNFRSF11A	0.1	<0.1	0.5	0.2	0.2	0.3	0.4	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.4	0.4	0.5	0.4	0.2	0.4
PAR1	<0.1	0.8	<0.1	0.7	-0.1	0.1	0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.5	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1
TRAILR2	0.1	0.1	0.4	0.2	0.1	0.5	0.4	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.5	0.3	0.3	0.5	0.5	0.5	0.3	0.2
PRSS27	0.1	0.2	0.2	0.4	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.4	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1
TIE2	0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.4	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.4	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2
TF	0.1	-0.1	0.5	<0.1	0.4	0.2	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.4	0.3	0.4	0.2	0.1	0.2
IL1RL2	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.4
PDGFB	<0.1	0.8	-0.1	0.9	-0.1	<0.1	<0.1	0.9	<0.1	-0.1	0.6	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
IL27	<0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.4	0.4	0.3	0.3	0.1	0.1
IL17D	0.1	<0.1	0.5	0.1	0.3	0.1	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.1
LOX1	0.1	0.3	0.2	0.5	<0.1	0.3	0.1	0.5	0.1	<0.1	0.4	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1
GAL9	0.1	0.4	0.2	0.5	<0.1	0.3	0.2	0.5	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2
GIF	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
SCF	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.5	-0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.4	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1
IL18	0.1	0.2	0.2	0.3	-0.1	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.4	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	<0.1
PLGR	0.1	-0.2	0.3	-0.1	0.2	0.3	0.3	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	0.3	0.4	0.2	0.1	0.1
RAGE	0.1	-0.2	0.4	-0.1	0.3	0.1	0.3	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.2
SOD2	<0.1	0.5	<0.1	0.5	<0.1	0.1	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.3	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
CTRC	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
FGF23	0.1	-0.2	0.4	-0.1	0.2	0.2	0.4	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.3	0.4	0.4	0.4	0.1	0.3
SPON2	0.1	-0.3	0.6	-0.1	0.4	0.3	0.4	-0.1	0.4	0.3	0.1	0.4	0.3	0.4	0.2	0.4	0.5	0.5	0.4	0.1	0.4
GH	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.4	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2
FS	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.4	0.3	0.3	0.1	0.2
GLO1	<0.1	0.9	-0.2	0.7	-0.2	<0.1	-0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.2
CD84	0.1	0.8	-0.1	0.8	<0.1	0.1	0.1	0.8	<0.1	<0.1	0.5	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
SERPINA12	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3
REN	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1
DECR1	<0.1	0.9	-0.2	0.7	-0.2	<0.1	-0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2

MERTK	0.1	-0.2	0.5	<0.1	0.2	0.2	0.3	-0.1	0.4	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.4	0.4	0.4	0.3	0.1	0.1
KIM1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1
THBS2	0.1	-0.1	0.5	<0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.4	0.1	0.3	0.4	0.2	0.4	0.3	0.3	0.1	0.3
TM	0.1	0.1	0.4	0.3	0.2	0.4	0.4	0.2	0.3	0.2	0.4	0.4	0.2	0.3	0.1	0.5	0.4	0.5	0.4	0.2	0.1
VSIG2	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2
AMBP	0.1	-0.2	0.4	<0.1	0.3	0.4	0.4	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	0.4	0.4	0.4	0.4	0.1	0.3
PRELP	0.1	-0.1	0.7	0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	0.4	0.2	0.2	0.4	0.2	0.3	0.2	0.4	0.4	0.5	0.4	0.1	0.3
HO1	<0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	-0.1
XCL1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.4	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.4	0.5	0.1	0.1
IL16	<0.1	0.7	-0.1	0.6	-0.2	0.1	<0.1	0.6	-0.1	-0.1	0.4	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1
SORT1	<0.1	0.7	0.1	0.8	<0.1	0.2	0.2	0.8	0.1	<0.1	0.6	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1
CEACAM8	0.1	0.3	0.1	0.4	-0.1	0.2	0.3	0.4	<0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	<0.1
PTX3	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	<0.1
PSGL1	<0.1	0.3	<0.1	0.3	-0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1
CCL17	0.1	0.7	-0.1	0.7	-0.1	0.1	0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.5	0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1
MMP7	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.4	0.3	0.3	-0.1	0.2
IGGFC	1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
ITGB1BP2	<0.1	1	-0.2	0.7	-0.1	<0.1	-0.1	0.8	-0.1	-0.1	0.5	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
DCN	0.1	-0.2	1	-0.1	0.2	0.2	0.3	-0.1	0.4	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.4	0.4	0.4	0.3	0.2	0.2
DKK1	0.1	0.7	-0.1	1	<0.1	0.1	0.1	0.9	<0.1	<0.1	0.6	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
LPL	0.1	-0.1	0.2	<0.1	1	-0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.4
PRSS8	<0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	1	0.4	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.3	0.4	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1
AGRP	0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	0.4	1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.4	0.2	0.1
HBEGF	0.1	0.8	-0.1	0.9	-0.1	0.1	0.1	1	<0.1	<0.1	0.6	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
GDF2	0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.3	0.1	0.3	<0.1	1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2
FABP2	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	1	0.1	0.2	0.4	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1
THPO	0.1	0.5	0.1	0.6	0.3	<0.1	0.2	0.6	0.2	0.1	1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1
MARCO	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	1	0.1	0.3	0.2	0.4	0.4	0.4	0.3	0.2	0.2
GT	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.4	<0.1	0.1	1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1
MMP12	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	1	0.2	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	<0.1
ACE2	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.2	0.4	0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1
PDL2	0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.4	0.2	0.3	0.1	1	0.4	0.4	0.4	0.1	0.1
CTSL1	0.1	-0.1	0.4	0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	0.4	0.2	0.4	1	0.4	0.4	0.3	0.1
HOSCAR	0.1	-0.1	0.4	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.4	0.2	0.3	0.2	0.4	0.4	1	0.4	0.2	0.2
TNFRSF13B	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.4	0.4	0.4	1	0.2	0.2
TGM2	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	1	<0.1
LEP	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.4	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	1
CA5A	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1
HSP27	<0.1	-0.2	0.1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CD4	0.1	0.5	0.1	0.5	-0.1	0.3	0.3	0.5	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1
NEMO	<0.1	0.9	-0.2	0.7	-0.2	<0.1	-0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2
VEGFD	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	<0.1
PARP1	<0.1	0.7	-0.2	0.6	-0.2	<0.1	<0.1	0.6	-0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
HAOX1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.5	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
TNFRSF14	0.1	0.6	0.1	0.6	<0.1	0.2	0.2	0.6	<0.1	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1
LDL_RC	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3

ITGB2	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
IL17RA	<0.1	0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TNFR2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	0.3	0.4	0.5	0.3	0.1	0.1
MMP9	<0.1	0.2	<0.1	0.4	-0.1	0.1	0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1
EPHB4	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.4	0.3	0.4	0.3	0.1	0.1
IL2RA	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.4	0.3	0.1	0.1
ALCAM	0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.4	0.2	0.1	0.3
SELP	<0.1	0.8	-0.2	0.7	-0.2	0.1	<0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.5	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
CSTB	<0.1	0.6	<0.1	0.6	-0.1	0.2	0.1	0.6	-0.1	<0.1	0.4	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1
CD163	0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.6	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	0.2	0.2	0.2
GRN	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.2
NTPROBNP	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1
PLC	0.1	-0.2	0.5	-0.1	0.3	0.2	0.3	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.4	0.3	0.1	0.3
LTBR	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.4	0.2	0.1	0.1
NOTCH3	0.1	-0.2	0.5	-0.1	0.3	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2
TIMP4	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.4
CNTN1	<0.1	-0.2	0.3	-0.1	0.3	<0.1	0.2	-0.1	0.4	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3
CDH5	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2
TLT2	0.1	0.4	<0.1	0.4	0.1	<0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1
FABP4	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.7
TFPI	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
PAI	<0.1	0.6	-0.1	0.8	-0.2	0.2	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.5	0.2	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
CCL24	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
TR	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2
TNFRSF10C	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1
GDF15	0.1	-0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.3	0.4	0.3	0.3	0.1	0.1
SELE	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
DLK1	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2
MPO	<0.1	0.4	-0.1	0.4	-0.1	0.1	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
CXCL16	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.3
IL6RA	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1
RETN	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1
IGFBP1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.3	-0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.2
CHIT1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1
TRAP	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
GP6	<0.1	0.9	-0.2	0.8	-0.2	<0.1	-0.1	0.8	-0.1	-0.1	0.5	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
PSPD	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
EPCAM	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2
APN	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1
AXL	0.1	-0.2	0.3	-0.1	0.2	0.2	0.3	-0.1	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.4	0.3	0.4	0.2	0.1	0.1
IL1RT1	<0.1	-0.2	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.4	0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1
MMP2	0.1	-0.2	0.5	-0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1
FAS	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1
MB	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1
TNFSF13B	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2
PCSK9	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3

UPAR	0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1
OPN	0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1
PGLYRP1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1
CPA1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
JAMA	<0.1	0.8	-0.2	0.7	-0.1	<0.1	-0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
GAL4	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.4	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2
IL1RT2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
SHPS1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1
CCL15	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2
CASP3	<0.1	0.9	-0.2	0.7	-0.2	<0.1	-0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
CPB1	0.1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1
CHI3L1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.5	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1
ST2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.2	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	-0.1
TPA	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
SCGB3A2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
EGFR	<0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1
IGFBP7	0.1	-0.1	0.5	<0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.3	0.4	0.4	0.3	0.2	0.1
CD93	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.4	0.3	0.1	0.1
IL18BP	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.3	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.4	0.4	0.5	0.4	0.1	0.1
COL1A1	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1
PON3	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.3	-0.3	<0.1	-0.1	0.3	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1
CTSZ	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2
MMP3	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.3	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.3
RARRES2	0.1	0.3	0.1	0.4	0.1	0.2	0.3	0.4	0.1	0.1	0.4	0.2	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3
ICAM2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.4	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1
KLK6	0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1
PDGFA	<0.1	0.7	-0.1	0.9	-0.1	<0.1	<0.1	0.9	<0.1	-0.1	0.6	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
TNFR1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	0.1	0.3	0.4	0.5	0.3	0.2	0.2
IGFBP2	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.3	-0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	-0.2
VWF	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1
PECAM1	<0.1	0.8	-0.1	0.6	-0.1	<0.1	-0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
MEPE	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1
CCL16	<0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1
IL8	<0.1	0.5	<0.1	0.5	-0.1	0.2	0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.3	0.2	-0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1
VEGFA	0.1	0.4	0.1	0.5	0.1	0.3	0.2	0.5	0.1	0.1	0.4	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2
CD8A	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1
MCP3	0.1	0.3	0.1	0.4	-0.1	0.3	0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1
CDCP1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.4	0.3	0.2	0.1	<0.1
CD244	0.1	0.7	-0.1	0.6	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.3	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
IL7	<0.1	0.7	-0.2	0.8	-0.1	<0.1	<0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.5	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
OPG	0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.3
LAP_TGFB1	<0.1	0.7	<0.1	0.8	-0.1	0.2	0.1	0.8	<0.1	-0.1	0.5	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1
UPA	0.1	-0.1	0.4	-0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.2
IL6	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2
MCP1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1
CXCL11	<0.1	0.7	-0.1	0.7	-0.1	0.1	<0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.4	0.2	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1

AXIN1	<0.1	0.9	-0.2	0.7	-0.2	<0.1	-0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.2
TRAIL	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2
CXCL9	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.4	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.1
CST5	0.1	-0.1	0.3	-0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1
OSM	<0.1	0.4	<0.1	0.5	-0.2	0.2	0.1	0.5	-0.1	-0.1	0.3	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1
CXCL1	<0.1	0.8	-0.2	0.7	-0.2	<0.1	-0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
CCL4	0.1	0.5	<0.1	0.5	-0.1	0.1	0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.4	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1
CD6	<0.1	0.5	-0.1	0.4	-0.1	0.1	<0.1	0.5	-0.1	-0.1	0.3	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
TGFA	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2
MCP4	<0.1	0.7	-0.1	0.8	-0.1	0.1	<0.1	0.8	<0.1	-0.1	0.5	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
CCL11	<0.1	0.3	<0.1	0.4	-0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1
TNFSF14	<0.1	0.8	-0.1	0.7	-0.2	0.1	<0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.4	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
MMP1	0.1	0.5	-0.1	0.6	-0.1	0.1	0.1	0.6	-0.1	<0.1	0.4	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1
LIFR	0.1	-0.3	0.4	-0.2	0.2	0.2	0.3	-0.2	0.3	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	0.1	0.3
FGF21	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2
CCL19	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2
IL15RA	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.4	0.4	0.4	0.3	0.1	0.2
IL10RB	0.1	-0.2	0.4	-0.1	0.2	0.4	0.3	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.4	0.3	0.5	0.3	0.1	0.3
IL18R1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3
PDL1	0.1	0.6	<0.1	0.6	-0.1	0.2	0.1	0.5	-0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1
CXCL5	<0.1	0.8	-0.2	0.7	-0.1	<0.1	-0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.5	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TRANCE	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
HGF	0.1	0.4	0.2	0.5	-0.2	0.4	0.2	0.5	0.1	<0.1	0.3	0.3	-0.1	0.3	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2
IL12B	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.3
MMP10	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	<0.1
IL10	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1
TNF	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.4	0.1	0.4	0.1	0.3	0.3	0.3	0.4	0.1	0.2
CCL23	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1
CD5	0.1	0.5	-0.1	0.5	-0.2	0.1	0.1	0.5	-0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
CCL3	0.1	0.3	0.1	0.4	-0.1	0.3	0.2	0.4	<0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1
FLT3L	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2
CXCL6	<0.1	0.7	-0.1	0.7	-0.2	0.1	0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.4	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1
CXCL10	0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.4	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2
4EBP1	<0.1	0.9	-0.2	0.7	-0.2	0.1	<0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.4	0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1
SIRT2	<0.1	0.9	-0.2	0.7	-0.2	<0.1	-0.1	0.8	-0.1	-0.1	0.5	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
CCL28	<0.1	0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1
DNER	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.4	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
ENRAGE	<0.1	0.4	<0.1	0.4	-0.2	0.2	0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1
CD40	0.1	0.9	-0.1	0.7	-0.1	0.1	<0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.5	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1
IFNG	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1
FGF19	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
MCP2	0.1	0.5	<0.1	0.6	<0.1	0.1	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.4	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
CASP8	<0.1	0.8	-0.1	0.7	-0.2	0.1	<0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.4	0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1
CCL25	0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1
CX3CL1	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.4	0.3	<0.1	0.2
TNFRSF9	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.4	<0.1	0.4	0.4	0.4	0.5	0.1	0.2

NT3	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
TWEAK	0.1	0.3	0.1	0.4	0.2	-0.1	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
CCL20	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1
ST1A1	<0.1	0.9	-0.2	0.7	-0.2	<0.1	-0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2
STAMBP	<0.1	0.9	-0.2	0.8	-0.2	<0.1	-0.1	0.8	-0.2	-0.1	0.5	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
ADA	<0.1	0.7	-0.1	0.6	-0.2	0.1	<0.1	0.6	-0.1	-0.1	0.4	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1
TNFB	0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.3
CSF1	0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	0.1	0.3	0.4	0.5	0.3	0.1	0.4
Age	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
Body mass ind	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.6
Waist circumf	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.3	0.3	0.1	0.1	-0.2	-0.1	-0.2	0.1	-0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2
Educational at	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2
Alcohol consu	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.3	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.3
Systolic blood	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
Diastolic blood	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
Hemoglobin A	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
Duration of kn	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
High-density li	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.3	-0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	<0.1
Low-density li	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Triglycerides	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.3	0.3	0.4	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2
Albumin	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
Fibrinogen	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3
C-reactive pro	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3
Serum amyloid	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3
Leucocyte cou	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.5	-0.2	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.3	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
Serum adipone	<0.1	0.2	-0.1	0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
Uric acid	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.4	0.4	0.2	0.1	-0.3	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1
Creatinine	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.2
Rényi4, baseli	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
TP, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
SDWS, baseli	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
SDSA, baseli	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CE, baseline	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	IGGFC	ITGB1B DCN		DKK1	LPL	PRSS8	AGRP	HBEGF	GDF2	FABP2	THPO	MARCCGT		MMP12	ACE2	PDL2	CTSL1	HOSCAR	TNFRSF	TGM2	LEP
BMP6	1	<0.001	0.114	<0.001	0.093	<0.001	0.032	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.002	<0.001	0.197	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	1
ANGPT1	1	<0.001	0.157	<0.001	1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	0.019	0.612	1	1	1	1	1	1	0.011	1
ADM	0.044	<0.001	<0.001	0.197	<0.001	<0.001	<0.001	0.991	<0.001	<0.001	0.022	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD40L	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.717	<0.001	0.011	0.019	<0.001	1	0.002	1	1	0.036	0.356	1	1	0.016	0.005

PGF	1	0.001	<0.001	1	0.028	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01
ADAMTS13	1	0.924	<0.001	1	<0.001	0.026	<0.001	1	<0.001	0.239	0.397	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.567	<0.001	<0.001	1	<0.001
BOC	0.087	<0.001	<0.001	0.464	<0.001	<0.001	<0.001	0.039	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	
IL4RA	0.006	0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	
SRC	1	<0.001	1	0.001	1	1	0.839	<0.001	1	1	1	1	1	1	1	1	0.695	1	1	1	
IL1RA	1	<0.001	0.228	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.135	<0.001	<0.001	0.096	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
TNFRSF10A	0.058	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.003	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
STK4	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.018	<0.001	<0.001	0.035	<0.001	1	0.009	1	1	0.005	<0.001	0.143	1	0.377	<0.001
IDUA	1	<0.001	0.109	<0.001	0.007	<0.001	0.032	<0.001	0.228	1	<0.001	<0.001	0.606	<0.001	<0.001	0.255	0.001	0.004	0.011	<0.001	0.096
TNFRSF11A	0.006	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
PAR1	1	<0.001	1	<0.001	0.914	0.009	1	<0.001	1	1	<0.001	0.001	0.335	0.017	1	1	1	0.274	0.004	<0.001	0.206
TRAILR2	0.047	0.048	<0.001	<0.001	0.33	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
PRSS27	0.044	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
TIE2	0.585	<0.001	<0.001	1	0.015	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.093	0.878	<0.001	0.115	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TF	0.019	0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.093	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	<0.001
IL1RL2	1	0.009	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.048	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
PDGFB	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.049	1	1	<0.001	1	0.89	<0.001	0.06	0.023	1	1	0.427	1	1	1	0.005	0.32
IL27	1	0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001
IL17D	0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.012	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.224	0.009
LOX1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.717
GAL9	0.176	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.655	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GIF	1	1	<0.001	1	1	0.01	<0.001	1	<0.001	0.283	1	0.001	1	0.058	1	<0.001	0.012	0.003	0.001	0.228	1
SCF	0.056	0.002	<0.001	1	<0.001	0.65	0.016	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.199	0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.003
IL18	0.885	<0.001	<0.001	<0.001	0.055	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
PLGR	0.014	<0.001	<0.001	0.123	<0.001	<0.001	<0.001	0.199	<0.001	<0.001	0.993	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.036	0.035
RAGE	0.387	<0.001	<0.001	0.417	<0.001	0.001	<0.001	0.398	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
SOD2	1	<0.001	1	<0.001	1	0.003	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.982	0.229	0.435	1	1	1	0.042	0.043	1
CTRC	0.836	1	0.034	<0.001	0.016	0.625	<0.001	0.002	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.063	1	0.334	0.024	0.013	0.074	0.005	1	0.003
FGF23	0.363	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	0.458	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SPON2	0.004	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.103	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.679	<0.001
GH	1	0.004	0.024	0.15	<0.001	0.001	1	0.063	<0.001	0.006	0.31	1	0.051	1	<0.001	0.074	1	1	1	0.006	<0.001
FS	1	0.052	<0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.162	0.008	<0.001	0.044	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.096	<0.001
GLO1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.039	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	0.001	0.028	1	0.045	<0.001
CD84	1	<0.001	0.217	<0.001	1	1	0.686	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.831	1	1	1	1	0.232	0.083	<0.001	0.298
SERPINA12	1	0.464	<0.001	1	0.001	1	0.252	1	<0.001	0.425	1	1	0.576	1	0.044	0.478	0.304	1	1	1	<0.001
REN	1	1	<0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
DECR1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.002	1	1	0.001	0.009	0.041	1	0.608	<0.001
MERTK	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.731	<0.001	0.017	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
KIM1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.008	0.289	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	<0.001
THBS2	1	0.001	<0.001	1	0.114	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TM	0.006	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.026
VSIG2	0.006	0.098	<0.001	1	0.003	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.159	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001
AMBP	0.016	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
PRELP	0.096	0.047	<0.001	0.401	<0.001	<0.001	<0.001	0.375	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
HO1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.13	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.916	1	<0.001	<0.001	1	0.087	<0.001	0.363	<0.001	<0.001	0.578	<0.001
XCL1	0.332	0.004	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.107	0.001	<0.001	<0.001	0.046	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	0.02

IL16	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.164	1	<0.001	0.032	0.003	<0.001	0.923	0.05	1	1	1	1	1	1	0.006	0.026
SORT1	1	<0.001	0.234	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.201	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
CEACAM8	0.178	<0.001	0.036	<0.001	0.837	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
PTX3	1	1	<0.001	0.009	0.53	0.004	<0.001	0.015	0.006	1	0.001	<0.001	1	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
PSGL1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.052	0.039	<0.001	1	1	1	0.699	<0.001	0.492
CCL17	0.522	<0.001	0.159	<0.001	0.002	0.001	0.394	<0.001	1	1	<0.001	0.003	0.126	<0.001	0.379	1	0.88	1	0.078	0.003	0.107
MMP7	0.42	0.14	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.028	<0.001
IGGFC	<0.001	1	0.146	0.676	0.021	1	0.219	1	0.032	0.648	0.681	0.001	0.02	1	1	<0.001	0.041	0.006	0.067	1	0.009
ITGB1BP2	0.746	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.429	<0.001	<0.001	0.055	<0.001	1	0.002	1	1	0.023	0.443	0.543	1	0.056	0.005
DCN	0.008	<0.001	<0.001	0.703	<0.001	<0.001	<0.001	0.23	<0.001	<0.001	0.202	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
DKK1	0.043	<0.001	0.045	<0.001	1	0.309	0.755	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	0.625	1	0.127	<0.001	1
LPL	0.001	<0.001	<0.001	0.117	<0.001	<0.001	1	0.596	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001
PRSS8	0.134	0.898	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	0.288	0.874	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
AGRP	0.013	0.026	<0.001	0.049	0.161	<0.001	<0.001	0.335	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.127
HBEGF	0.098	<0.001	0.013	<0.001	0.038	0.017	0.02	<0.001	1	1	<0.001	0.001	1	1	1	1	1	0.406	0.197	<0.001	1
GDF2	0.002	<0.001	<0.001	0.94	<0.001	0.057	<0.001	0.438	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.469	<0.001
FABP2	0.041	0.003	<0.001	0.458	<0.001	<0.001	<0.001	0.385	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.253
THPO	0.044	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	0.297	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.256	1	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
MARCO	<0.001	0.323	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GT	0.001	<0.001	<0.001	0.135	<0.001	0.474	<0.001	0.177	<0.001	<0.001	0.17	<0.001	<0.001	0.02	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
MMP12	0.104	0.765	<0.001	0.081	0.687	<0.001	<0.001	0.212	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
ACE2	0.627	0.389	<0.001	0.252	<0.001	<0.001	<0.001	0.44	<0.001	0.691	0.112	<0.001	0.149	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.04	<0.001
PDL2	<0.001	0.001	<0.001	0.85	<0.001	<0.001	<0.001	0.448	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	0.001
CTSL1	0.002	0.027	<0.001	0.04	<0.001	<0.001	<0.001	0.169	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
HOSCAR	<0.001	0.034	<0.001	0.098	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF13B	0.004	0.918	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TGM2	0.187	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.029	0.122	0.142	<0.001	0.489	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
LEP	<0.001	<0.001	<0.001	0.241	<0.001	0.24	0.007	0.746	<0.001	0.015	0.005	<0.001	0.024	0.533	0.779	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.721
CA5A	0.008	0.339	<0.001	0.248	<0.001	<0.001	<0.001	0.198	0.177	0.179	0.058	<0.001	0.964	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
HSP27	0.154	<0.001	0.036	<0.001	0.614	0.066	0.622	<0.001	0.263	0.298	<0.001	0.361	0.012	0.348	0.249	0.004	0.73	0.002	0.141	0.189	0.749
CD4	0.012	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.938	0.291	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.373
NEMO	0.903	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.831	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.833	<0.001	0.719	0.49	<0.001	0.001	0.004	0.276	0.029	<0.001
VEGFD	0.893	<0.001	<0.001	0.207	<0.001	0.013	<0.001	0.049	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.205	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.867
PARP1	0.981	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.166	0.594	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.421	<0.001	0.803	0.096	0.004	0.006	0.145	0.827	<0.001	<0.001
HAOX1	0.407	0.024	0.283	0.107	<0.001	<0.001	<0.001	0.227	0.196	0.231	0.02	<0.001	<0.001	0.395	<0.001	0.457	0.021	0.174	0.901	0.009	0.563
TNFRSF14	0.08	<0.001	0.042	<0.001	0.18	<0.001	<0.001	<0.001	0.242	0.026	<0.001	<0.001	0.393	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.829
LDL_RC	0.208	0.878	0.184	0.02	0.966	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	0.276	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	0.047	<0.001
ITGB2	0.303	<0.001	<0.001	<0.001	0.947	0.009	0.446	<0.001	<0.001	0.828	<0.001	<0.001	0.968	0.17	0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.063	<0.001	0.001
IL17RA	0.638	<0.001	0.961	<0.001	0.12	<0.001	0.037	<0.001	0.467	0.428	<0.001	0.001	0.619	0.083	0.055	<0.001	0.005	<0.001	0.147	0.131	0.132
TNFR2	<0.001	0.083	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	0.057	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP9	0.538	<0.001	0.809	<0.001	0.039	<0.001	0.029	<0.001	0.139	0.539	<0.001	0.011	0.002	<0.001	0.002	0.87	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	0.101
EPHB4	0.008	<0.001	<0.001	0.394	<0.001	<0.001	<0.001	0.292	<0.001	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	0.023	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.001
IL2RA	0.001	0.34	<0.001	0.152	0.001	<0.001	<0.001	0.153	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
ALCAM	0.002	<0.001	<0.001	0.205	<0.001	<0.001	<0.001	0.136	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.043	<0.001
SELP	0.831	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.098	0.274	<0.001	0.003	0.002	<0.001	0.592	<0.001	0.937	0.207	0.002	0.127	0.187	0.444	0.028	0.002
CSTB	0.156	<0.001	0.567	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	0.782	<0.001	<0.001	0.175	<0.001	0.043	0.12	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.319

CID163	0.005	0.249	<0.001	0.299	0.583	<0.001	<0.001	0.332	<0.001	0.006	0.057	<0.001	0.243	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GRN	<0.001	0.018	<0.001	0.871	<0.001	<0.001	<0.001	0.626	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.13	<0.001
NTPROBNP	0.2	0.003	<0.001	0.037	<0.001	0.405	<0.001	0.029	0.12	0.147	0.93	0.022	0.001	<0.001	0.227	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.168	0.001
PLC	0.004	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	0.082	<0.001	<0.001	0.134	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LTBR	0.001	0.615	<0.001	0.09	<0.001	<0.001	<0.001	0.044	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.104	<0.001
NOTCH3	0.102	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.079	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.179	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	<0.001
TIMP4	0.017	0.002	<0.001	0.646	<0.001	<0.001	<0.001	0.637	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	0.104	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.622	<0.001
CNTN1	0.205	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.208	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.031	<0.001	0.003	0.046	0.459	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.606	<0.001
CDH5	0.237	0.001	<0.001	0.456	<0.001	0.001	<0.001	0.547	<0.001	0.001	0.156	<0.001	0.04	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.041	<0.001
TLT2	<0.001	<0.001	0.363	<0.001	<0.001	0.206	<0.001	<0.001	0.029	0.011	<0.001	<0.001	0.042	0.083	0.068	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	0.055	<0.001
FABP4	<0.001	0.001	<0.001	0.532	<0.001	<0.001	<0.001	0.587	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.194	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.083	<0.001
TFPI	0.256	<0.001	0.163	<0.001	0.001	0.53	0.015	<0.001	0.001	0.069	<0.001	0.003	0.151	<0.001	0.282	0.011	0.001	0.016	0.049	0.216	0.228
PAI	0.306	<0.001	0.031	<0.001	<0.001	<0.001	0.135	<0.001	0.175	0.528	<0.001	<0.001	0.033	0.201	<0.001	0.013	0.068	0.469	0.75	<0.001	0.006
CCL24	0.168	0.076	0.678	0.053	0.048	0.17	0.008	0.298	0.799	0.536	0.835	0.03	0.118	0.036	0.415	0.456	0.012	0.047	0.001	0.004	0.302
TR	0.505	0.633	<0.001	0.07	<0.001	0.084	<0.001	0.027	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	0.153	<0.001	0.084	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF10C	0.534	0.279	<0.001	0.005	0.006	<0.001	0.005	0.001	0.016	0.047	0.003	0.001	0.918	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001
GDF15	0.055	0.022	<0.001	0.685	0.918	<0.001	<0.001	0.584	0.001	<0.001	0.636	<0.001	0.18	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012
SELE	0.065	0.469	<0.001	0.219	<0.001	<0.001	<0.001	0.07	<0.001	0.318	0.002	<0.001	0.006	0.007	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.004
DLK1	0.002	0.004	<0.001	0.651	<0.001	<0.001	<0.001	0.925	<0.001	<0.001	0.114	<0.001	0.001	<0.001	0.22	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001
MPO	0.918	<0.001	0.108	<0.001	<0.001	0.001	0.74	<0.001	0.049	0.038	<0.001	0.016	0.002	0.091	0.002	0.579	0.005	<0.001	0.178	0.007	0.274
CXCL16	0.007	<0.001	<0.001	0.371	<0.001	<0.001	<0.001	0.069	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.107	<0.001
IL6RA	0.022	0.014	<0.001	0.932	<0.001	0.024	<0.001	0.767	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	0.007	0.037	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.049	<0.001
RETN	0.138	<0.001	<0.001	<0.001	0.279	<0.001	<0.001	<0.001	0.64	0.004	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	0.089	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.007
IGFBP1	0.096	0.023	<0.001	0.025	<0.001	0.006	0.084	0.01	<0.001	<0.001	0.003	0.605	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CHIT1	0.056	0.691	<0.001	0.545	0.007	0.003	0.001	0.65	0.067	0.056	0.037	<0.001	0.415	<0.001	0.675	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.021	0.835
TRAP	0.078	0.961	<0.001	0.611	0.006	<0.001	<0.001	0.968	<0.001	0.02	0.27	<0.001	0.924	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	0.026	0.327
GP6	0.925	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.582	0.049	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.77	<0.001	0.759	0.944	0.001	0.009	0.057	0.576	0.027	<0.001
PSPD	0.91	0.406	<0.001	0.534	0.424	<0.001	<0.001	0.446	0.014	0.254	0.772	<0.001	0.544	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	0.003	0.008	0.089	0.438
EPCAM	0.91	0.597	0.01	0.83	<0.001	0.777	0.389	0.774	<0.001	<0.001	0.046	0.066	0.142	0.005	0.737	0.648	0.763	0.847	0.043	0.353	<0.001
APN	0.562	0.008	<0.001	0.318	0.15	<0.001	<0.001	0.076	<0.001	0.419	0.479	<0.001	0.822	0.084	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	0.17	0.096
AXL	0.053	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.028	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL1RT1	0.31	<0.001	<0.001	0.043	0.011	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.688	<0.001	0.087	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.04	0.943
MMP2	0.092	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.754	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
FAS	0.01	0.053	<0.001	<0.001	0.417	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.04	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MB	0.291	0.525	<0.001	0.51	0.189	<0.001	<0.001	0.578	0.265	<0.001	0.423	0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.024	0.043
TNFSF13B	0.075	0.283	<0.001	0.193	<0.001	<0.001	<0.001	0.2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.2	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.095	<0.001
PCSK9	0.253	0.043	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.017	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	<0.001
UPAR	0.111	<0.001	<0.001	<0.001	0.395	<0.001	<0.001	<0.001	0.024	0.01	<0.001	<0.001	0.513	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003
OPN	0.066	0.016	<0.001	0.51	<0.001	<0.001	<0.001	0.43	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	0.039	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.054
PGLYRP1	0.075	0.032	<0.001	<0.001	0.037	<0.001	<0.001	<0.001	0.829	0.004	0.028	<0.001	0.015	<0.001	0.068	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CPA1	0.066	0.039	0.01	0.049	0.334	<0.001	<0.001	0.084	0.047	0.029	0.545	<0.001	0.004	0.017	<0.001	0.009	0.001	0.002	0.002	0.889	0.471
JAMA	0.718	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.392	0.047	<0.001	0.001	0.021	<0.001	0.709	0.002	0.829	0.629	0.007	0.066	0.159	0.707	0.175	0.001
GAL4	0.371	0.85	<0.001	0.134	0.445	<0.001	<0.001	0.128	<0.001	<0.001	0.28	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.046	<0.001
IL1RT2	0.369	0.174	<0.001	0.688	0.015	<0.001	<0.001	0.995	<0.001	0.647	0.204	<0.001	0.872	0.759	<0.001	0.02	0.103	<0.001	0.631	0.005	0.022
SHPS1	0.071	0.455	<0.001	0.295	0.008	<0.001	<0.001	0.249	<0.001	0.05	0.001	<0.001	0.055	0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003
CCL15	0.01	0.05	<0.001	0.268	0.001	<0.001	<0.001	0.457	<0.001	<0.001	0.704	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.059	<0.001

CASP3	0.883	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.852	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.859	<0.001	0.625	0.785	<0.001	0.002	0.011	0.415	0.053	<0.001
CPB1	0.003	0.06	<0.001	0.085	0.559	<0.001	<0.001	0.167	0.03	0.005	0.418	<0.001	0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.073	0.006
CHI3L1	0.037	0.995	<0.001	0.166	0.002	<0.001	<0.001	0.154	0.089	0.092	0.074	<0.001	0.989	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.57
ST2	0.564	0.551	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	0.163	0.198	0.066	0.219	<0.001	0.244	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	0.003
TPA	0.612	0.032	<0.001	0.937	<0.001	<0.001	0.009	0.658	0.855	0.215	0.461	<0.001	0.273	<0.001	<0.001	0.061	<0.001	0.064	0.032	<0.001	0.014
SCGB3A2	0.198	0.146	0.387	0.225	<0.001	0.015	0.003	0.177	0.001	<0.001	0.001	0.396	0.006	<0.001	0.002	0.31	0.001	0.004	0.015	0.88	0.081
EGFR	0.552	<0.001	<0.001	0.204	<0.001	0.276	<0.001	0.088	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.081	0.182	0.449	<0.001	0.022	<0.001	0.058	0.296	<0.001
IGFBP7	0.01	0.001	<0.001	0.502	0.017	<0.001	<0.001	0.45	<0.001	<0.001	0.491	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD93	0.003	0.003	<0.001	0.418	<0.001	<0.001	<0.001	0.335	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.11	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.062
IL18BP	<0.001	<0.001	<0.001	0.176	<0.001	<0.001	<0.001	0.105	<0.001	<0.001	0.966	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003
COL1A1	0.012	0.034	<0.001	0.46	<0.001	0.99	0.007	0.621	<0.001	<0.001	0.006	0.006	<0.001	0.005	0.437	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.284	0.002
PON3	0.994	<0.001	0.717	0.002	<0.001	<0.001	0.926	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.081	<0.001	<0.001	<0.001	0.046	0.172	0.114	0.044	<0.001	<0.001
CTSZ	0.007	0.613	<0.001	0.015	0.752	<0.001	<0.001	0.01	0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.605	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP3	0.428	0.552	<0.001	0.185	<0.001	<0.001	<0.001	0.433	0.001	0.018	0.311	0.65	0.501	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.001	0.006	<0.001	<0.001
RARRES2	0.011	<0.001	0.004	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	0.131	<0.001	0.146	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
ICAM2	0.16	0.811	<0.001	0.075	0.002	<0.001	<0.001	0.081	<0.001	0.093	0.858	<0.001	0.061	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	0.033
KLK6	0.026	0.004	<0.001	0.04	<0.001	0.009	<0.001	0.025	0.004	<0.001	0.03	0.058	<0.001	0.004	0.033	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.86	0.734
PDGFA	0.302	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	0.362	0.773	<0.001	0.12	0.111	<0.001	0.01	0.005	0.851	0.505	0.01	0.829	0.733	0.914	0.002	0.287
TNFR1	<0.001	0.174	<0.001	0.082	<0.001	<0.001	<0.001	0.041	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IGFBP2	0.032	0.011	<0.001	0.195	<0.001	0.048	<0.001	0.023	<0.001	<0.001	<0.001	0.315	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.935	<0.001
VWF	0.998	0.416	<0.001	0.668	0.302	<0.001	0.085	0.808	0.003	0.092	0.118	<0.001	0.47	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.005	0.07	<0.001
PECAM1	0.947	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.3	0.059	<0.001	0.009	0.012	<0.001	0.297	0.003	0.94	0.285	0.107	0.118	0.51	0.563	0.245	0.001
MEPE	0.066	0.096	<0.001	0.929	0.001	0.004	<0.001	0.888	<0.001	<0.001	0.002	0.027	<0.001	0.031	0.176	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	0.294
CCL16	0.317	0.902	<0.001	0.066	0.049	<0.001	<0.001	0.023	0.303	<0.001	0.019	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.001
IL8	0.54	<0.001	0.458	<0.001	<0.001	<0.001	0.041	<0.001	0.975	0.466	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	0.557	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.666
VEGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.05	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	0.047	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD8A	0.007	0.204	<0.001	0.372	0.841	<0.001	<0.001	0.628	0.694	0.013	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	<0.001
MCP3	0.026	<0.001	0.021	<0.001	0.061	<0.001	0.001	<0.001	0.664	0.919	<0.001	<0.001	0.181	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
CDCP1	0.071	0.352	<0.001	0.449	0.3	<0.001	<0.001	0.637	<0.001	0.006	0.458	<0.001	0.673	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.466
CD244	0.027	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.129	0.848	<0.001	0.001	0.019	<0.001	<0.001	0.015	0.466	0.956	0.433	0.925	0.168	0.021	<0.001	0.743
IL7	0.64	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.311	0.341	<0.001	0.047	0.177	<0.001	0.007	0.021	0.661	0.823	0.001	0.378	0.792	0.847	0.037	0.147
OPG	0.002	<0.001	<0.001	0.423	<0.001	<0.001	<0.001	0.271	<0.001	0.003	0.114	<0.001	0.081	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
LAP_TGFB1	0.139	<0.001	0.256	<0.001	0.001	<0.001	0.007	<0.001	0.558	0.111	<0.001	<0.001	0.026	0.007	0.001	0.708	0.016	0.007	0.002	<0.001	0.377
UPA	0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.001	0.562	<0.001	0.002	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.165	<0.001
IL6	0.072	0.563	<0.001	0.63	0.01	<0.001	0.007	0.685	0.151	0.661	0.704	<0.001	0.423	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001
MCP1	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.039	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.068	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CXCL11	0.34	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.11	0.532	<0.001	0.001	0.034	<0.001	<0.001	0.028	0.016	0.148	0.975	0.459	0.482	0.002	0.001	0.711
AXIN1	0.732	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.919	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.458	<0.001	0.456	0.49	<0.001	<0.001	<0.001	0.099	0.096	<0.001
TRAIL	0.303	0.68	<0.001	0.234	<0.001	0.234	0.003	0.079	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.681	<0.001
CXCL9	0.102	0.479	<0.001	0.533	0.001	<0.001	<0.001	0.349	0.191	0.003	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	0.053	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.051	0.004
CST5	0.044	0.001	<0.001	0.022	<0.001	<0.001	<0.001	0.081	<0.001	<0.001	0.269	<0.001	0.003	<0.001	0.039	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
OSM	0.524	<0.001	0.207	<0.001	<0.001	<0.001	0.044	<0.001	<0.001	0.098	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.304	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.136
CXCL1	0.756	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.973	0.03	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.369	0.001	0.896	0.304	0.003	0.004	0.087	0.764	0.015	0.006
CCL4	0.076	<0.001	0.694	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.88	0.801	<0.001	<0.001	<0.001	0.333	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.202
CD6	0.378	<0.001	0.027	<0.001	<0.001	0.026	0.719	<0.001	0.091	0.021	<0.001	<0.001	0.007	0.635	0.541	0.964	0.545	0.589	0.029	<0.001	0.701
TGFA	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	0.632	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	0.028	<0.001	<0.001	0.27	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

MCP4	0.27	<0.001	0.001	<0.001	0.001	0.027	0.944	<0.001	0.149	0.02	<0.001	<0.001	0.007	0.006	0.179	0.294	0.489	0.844	0.261	0.008	0.111
CCL11	0.181	<0.001	0.222	<0.001	0.076	<0.001	<0.001	<0.001	0.097	0.118	<0.001	<0.001	0.846	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.627
TNFSF14	0.548	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.032	0.904	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.124	0.169	0.02	0.629	0.463	0.148	<0.001	0.365
MMP1	0.056	<0.001	0.027	<0.001	<0.001	0.001	0.041	<0.001	0.056	0.877	<0.001	0.017	0.029	0.02	0.525	0.228	0.033	0.728	0.001	<0.001	0.012
LIFR	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
FGF21	0.039	0.672	0.02	0.862	0.001	<0.001	<0.001	0.411	0.15	0.005	0.873	<0.001	0.107	<0.001	<0.001	0.034	<0.001	<0.001	<0.001	0.041	<0.001
CCL19	0.024	0.007	<0.001	<0.001	0.276	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	0.215	<0.001	<0.001	0.095	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.211	<0.001
IL15RA	0.006	0.925	<0.001	0.25	<0.001	<0.001	<0.001	0.071	0.02	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	0.029	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001
IL10RB	<0.001	<0.001	<0.001	0.022	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	<0.001	<0.001	0.076	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL18R1	0.467	0.032	<0.001	<0.001	0.124	<0.001	<0.001	<0.001	0.028	0.082	0.012	<0.001	0.298	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PDL1	0.001	<0.001	0.763	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.001	0.873	<0.001	<0.001	0.123	<0.001	0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.03
CXCL5	0.315	<0.001	<0.001	<0.001	0.045	0.224	0.02	<0.001	0.039	0.105	<0.001	0.472	0.037	0.746	0.051	0.002	0.018	0.146	0.455	0.458	0.583
TRANCE	0.03	0.756	0.092	0.851	0.049	0.686	<0.001	0.209	0.984	0.017	0.045	<0.001	0.004	0.107	0.186	0.009	0.003	<0.001	<0.001	0.007	<0.001
HGF	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.051	0.674	<0.001	<0.001	0.041	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL12B	<0.001	0.003	<0.001	0.568	<0.001	<0.001	<0.001	0.909	<0.001	<0.001	0.119	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.326	<0.001
MMP10	0.002	0.002	<0.001	0.367	0.495	<0.001	<0.001	0.322	<0.001	<0.001	0.057	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.654
IL10	0.23	0.073	0.002	0.205	0.51	<0.001	<0.001	0.744	0.002	0.132	0.399	<0.001	0.039	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.279	0.057
TNF	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	0.044	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL23	0.002	0.024	<0.001	<0.001	0.309	<0.001	<0.001	<0.001	0.484	0.033	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.976	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.134
CD5	0.075	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	0.026	<0.001	<0.001	0.225	<0.001	<0.001	0.425	<0.001	0.659	0.134	0.327	0.026	<0.001	<0.001	0.591
CCL3	0.058	<0.001	0.007	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.622	0.151	<0.001	<0.001	0.191	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002
FLT3L	0.25	0.005	<0.001	0.285	0.002	<0.001	<0.001	0.189	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.175	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001
CXCL6	0.786	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	0.026	<0.001	0.009	0.083	<0.001	0.004	0.334	0.089	0.161	0.569	0.267	0.952	0.017	<0.001	0.014
CXCL10	0.041	<0.001	<0.001	<0.001	0.825	<0.001	<0.001	<0.001	0.154	0.449	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
4EBP1	0.47	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.482	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.094	<0.001	0.106	0.06	0.001	0.252	0.268	0.498	<0.001	0.001
SIRT2	0.914	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.98	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.587	<0.001	0.879	0.396	<0.001	0.004	0.021	0.666	0.001	0.001
CCL28	0.525	<0.001	0.144	<0.001	0.927	<0.001	0.24	<0.001	0.418	0.943	<0.001	<0.001	0.077	<0.001	0.022	0.044	0.003	0.035	<0.001	0.079	0.031
DNER	0.08	<0.001	<0.001	0.053	<0.001	0.483	<0.001	0.035	<0.001	<0.001	0.002	0.001	0.056	0.319	0.022	0.002	<0.001	<0.001	0.451	0.056	0.973
ENRAGE	0.499	<0.001	0.67	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.026	0.479	<0.001	0.001	0.133	<0.001	0.009	0.565	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.069
CD40	0.104	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.036	0.969	<0.001	<0.001	0.062	<0.001	0.005	0.028	0.089	0.983	0.331	0.815	0.681	0.021	<0.001	0.007
IFNG	0.064	0.483	<0.001	0.442	0.753	<0.001	0.007	0.427	0.073	0.123	0.052	<0.001	0.374	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.037
FGF19	0.403	0.016	0.121	0.476	0.293	0.039	<0.001	0.422	<0.001	0.475	0.79	<0.001	0.226	<0.001	0.002	0.008	<0.001	0.026	<0.001	0.037	0.874
MCP2	0.018	<0.001	0.449	<0.001	0.357	<0.001	0.139	<0.001	0.623	0.785	<0.001	<0.001	0.942	0.002	0.156	0.837	0.008	0.034	0.066	0.002	0.045
CASP8	0.671	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.035	0.913	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.021	<0.001	0.108	0.398	0.069	0.554	0.658	0.087	<0.001	0.015
CCL25	0.05	<0.001	<0.001	0.047	<0.001	<0.001	<0.001	0.045	<0.001	<0.001	0.14	<0.001	<0.001	<0.001	0.803	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.309	0.006
CX3CL1	<0.001	<0.001	<0.001	0.124	<0.001	<0.001	<0.001	0.108	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.117	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.22	<0.001
TNFRSF9	<0.001	0.243	<0.001	0.622	<0.001	<0.001	<0.001	0.204	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	0.213	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
NT3	0.095	0.941	<0.001	0.58	0.011	<0.001	<0.001	0.966	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.063	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.469
TWEAK	0.004	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.01	0.029	<0.001	<0.001	0.491	<0.001	<0.001	0.005	0.256	<0.001	0.002	0.042	<0.001	<0.001	0.347	0.006
CCL20	0.098	<0.001	0.008	<0.001	0.415	<0.001	<0.001	<0.001	0.092	0.008	<0.001	<0.001	0.072	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.627	0.008
ST1A1	0.944	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.586	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.483	<0.001	0.975	0.373	<0.001	<0.001	0.004	0.305	0.018	<0.001
STAMBP	0.909	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.888	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.875	<0.001	0.718	0.507	<0.001	0.001	0.005	0.409	<0.001	<0.001
ADA	0.665	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.013	0.253	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.006	0.001	0.224	0.065	0.053	0.662	0.658	0.439	<0.001	0.004
TNFB	0.111	0.001	<0.001	0.042	<0.001	0.073	<0.001	0.176	<0.001	0.107	0.428	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.287	<0.001
CSF1	0.001	<0.001	<0.001	0.247	<0.001	<0.001	<0.001	0.675	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
Age	0.918	0.838	<0.001	0.631	0.039	0.001	0.792	0.804	0.03	0.931	0.474	0.01	0.077	<0.001	0.118	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.038	0.018

Body mass index	0.552	0.6	<0.001	0.189	0.062	<0.001	0.413	0.008	0.017	0.362	0.005	<0.001	0.338	0.01	<0.001	0.559	0.004	0.014	<0.001	<0.001	<0.001
Waist circumference	0.57	0.059	0.059	0.086	<0.001	<0.001	0.105	0.013	<0.001	0.042	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.818	<0.001	0.309	<0.001	<0.001	<0.001
Educational attainment	0.375	0.928	0.064	0.315	<0.001	0.256	0.775	0.17	0.001	0.354	0.02	0.011	0.234	0.005	0.101	0.462	0.059	0.001	0.076	0.634	<0.001
Alcohol consumption	0.652	0.297	0.001	0.833	<0.001	<0.001	0.892	0.785	<0.001	0.005	0.002	0.016	0.01	0.064	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.008	0.073	<0.001
Systolic blood pressure	0.911	0.1	0.103	0.001	<0.001	<0.001	0.017	<0.001	0.399	0.013	0.266	0.081	0.166	0.011	<0.001	0.365	0.01	0.395	0.15	<0.001	0.783
Diastolic blood pressure	0.951	0.029	0.037	0.011	<0.001	<0.001	0.057	0.001	0.923	0.228	0.192	0.144	0.485	0.15	<0.001	0.179	0.477	0.917	0.815	0.005	0.842
Hemoglobin A1c	0.047	0.844	0.05	0.027	0.17	<0.001	0.102	0.204	0.048	0.382	0.616	<0.001	0.062	<0.001	0.018	0.009	0.012	0.091	0.009	0.008	<0.001
Duration of known diabetes	0.762	0.049	0.245	0.807	<0.001	0.004	0.004	0.711	0.636	0.001	0.169	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.024	0.124	0.311	<0.001	0.003
High-density lipoprotein cholesterol	0.905	0.016	0.36	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.311	<0.001	0.001	0.052	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	0.074	<0.001	<0.001	0.287
Low-density lipoprotein cholesterol	0.823	0.959	0.432	0.556	0.188	0.002	0.073	0.878	0.038	0.701	0.007	0.695	0.129	0.411	0.168	0.107	0.396	0.114	0.336	0.559	0.128
Triglycerides	0.609	0.06	0.461	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.98	0.007	0.467	<0.001	0.163	<0.001	<0.001	0.823	0.005	0.389	<0.001	<0.001	<0.001
Albumin	0.263	0.033	0.001	0.039	<0.001	0.233	0.067	0.017	0.491	0.164	0.302	0.102	0.418	0.003	0.724	0.001	<0.001	<0.001	0.007	0.328	0.002
Fibrinogen	0.012	0.005	0.223	<0.001	0.077	0.532	0.149	<0.001	0.849	0.397	<0.001	<0.001	0.736	<0.001	0.603	0.037	<0.001	<0.001	0.003	0.115	<0.001
C-reactive protein	0.364	0.017	0.055	0.001	0.005	<0.001	0.81	<0.001	<0.001	0.916	0.013	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	0.117	<0.001	<0.001	<0.001	0.023	<0.001
Serum amyloid A	0.823	0.713	0.783	0.091	0.005	0.311	0.996	0.09	0.455	0.31	<0.001	<0.001	0.144	0.057	0.528	0.15	<0.001	0.001	0.007	0.293	<0.001
Leucocyte count	0.989	0.022	0.017	0.02	<0.001	<0.001	0.003	0.013	<0.001	0.019	<0.001	0.454	0.017	0.008	<0.001	0.023	0.649	0.032	0.302	<0.001	<0.001
Serum adiponectin	0.091	<0.001	0.035	<0.001	<0.001	<0.001	0.664	<0.001	0.001	0.104	0.008	0.257	0.002	<0.001	0.044	0.021	0.014	0.02	0.047	0.005	0.004
Uric acid	0.222	0.001	0.536	0.109	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.898	<0.001	0.004	0.476	<0.001	<0.001	0.798	0.001	0.329	<0.001	<0.001	0.078
Creatinine	0.724	0.027	0.012	0.327	<0.001	<0.001	<0.001	0.193	<0.001	0.049	0.045	0.141	0.01	<0.001	<0.001	0.036	0.002	0.238	<0.001	<0.001	<0.001
Rényi4, baseline	0.363	0.406	0.099	0.045	0.801	0.001	0.083	0.172	0.035	0.325	0.174	0.001	0.112	0.174	0.016	0.163	<0.001	0.001	0.242	0.263	<0.001
TP, baseline	0.359	0.417	0.167	0.023	0.653	0.002	0.032	0.1	0.035	0.192	0.055	<0.001	0.082	0.076	0.029	0.153	<0.001	<0.001	0.174	0.241	<0.001
SDWS, baseline	0.574	0.984	0.025	0.156	0.925	0.041	0.155	0.581	0.251	0.283	0.678	0.001	0.341	0.257	0.061	0.044	0.001	0.003	0.112	0.072	0.001
SDSA, baseline	0.294	0.982	0.246	0.401	0.685	0.014	0.2	0.847	0.098	0.205	0.526	0.138	0.449	0.606	0.407	0.989	0.279	0.054	0.69	0.791	0.201
CE, baseline	0.089	0.712	0.268	0.184	0.726	<0.001	0.021	0.588	0.076	0.49	0.256	0.008	0.835	0.117	0.01	0.193	<0.001	0.002	0.431	0.702	0.057

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	CA5A	HSP27	CD4	NEMO	VEGFD	PARP1	HAOX1	TNFRSF1	LDL_RC	ITGB2	IL17RA	TNFR2	MMP9	EPHB4	IL2RA	ALCAM	SELP	CSTB	CD163	GRN	NTPRO1
BMP6	0.1	-0.3	0.5	0.7	<0.1	0.6	0.1	0.5	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.7	0.6	0.1	<0.1	<0.1
ANGPT1	<0.1	-0.2	0.4	0.6	<0.1	0.5	<0.1	0.5	0.1	0.2	0.3	0.1	0.4	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	0.5	<0.1	<0.1	-0.1
ADM	0.2	<0.1	0.2	-0.2	0.2	-0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.4	0.4	0.3	-0.2	0.1	0.2	0.3	0.4
CD40L	<0.1	-0.2	0.4	0.9	-0.1	0.7	0.1	0.6	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	-0.1	<0.1	-0.1	0.8	0.6	<0.1	-0.1	-0.1
PGF	0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.5	0.1	0.5	0.4	0.3	-0.1	0.1	0.3	0.2	0.2
ADAMTS13	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
BOC	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.4	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.4	-0.2	-0.1	0.2	0.2	0.2
IL4RA	0.2	0.1	0.1	-0.2	0.3	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.5	0.1	0.5	0.4	0.4	-0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3
SRC	<0.1	0.4	<0.1	0.4	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL1RA	0.3	-0.2	0.6	0.5	-0.1	0.6	0.2	0.5	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	0.1	0.2	0.1	0.5	0.6	0.3	0.2	<0.1
TNFRSF10A	0.3	-0.1	0.5	0.2	0.1	0.3	0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	0.1
STK4	<0.1	<0.1	0.3	0.8	-0.1	0.6	0.1	0.4	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.7	0.5	-0.1	-0.1	-0.1
IDUA	0.2	-0.1	0.4	0.4	<0.1	0.4	0.2	0.4	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.4	0.4	0.2	0.1	<0.1
TNFRSF11A	0.2	<0.1	0.3	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.6	0.1	0.5	0.4	0.4	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.3
PAR1	0.1	-0.2	0.5	0.8	<0.1	0.7	<0.1	0.6	<0.1	0.2	0.4	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.8	0.6	<0.1	<0.1	<0.1
TRAILR2	0.3	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.1	0.4	0.1	0.2	0.1	0.5	0.2	0.4	0.4	0.3	0.1	0.4	0.3	0.3	0.2
PRSS27	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1
TIE2	0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1
TF	<0.1	0.1	0.1	-0.2	0.3	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.4	0.2	0.3	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
IL1RL2	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1
PDGFB	<0.1	-0.2	0.4	0.7	-0.1	0.6	0.1	0.5	0.1	0.2	0.3	0.1	0.4	-0.1	<0.1	-0.1	0.8	0.6	<0.1	<0.1	-0.1
IL27	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.3	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2
IL17D	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.3
LOX1	0.1	-0.1	0.4	0.3	0.1	0.3	0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.3	0.7	0.1	0.2	0.1	0.4	0.4	0.2	0.1	0.1
GAL9	0.2	-0.1	0.6	0.4	<0.1	0.5	0.1	0.5	0.1	0.2	0.3	0.5	0.2	0.2	0.3	0.1	0.4	0.6	0.2	0.2	0.2
GIF	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
SCF	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	-0.2	-0.3	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.2	-0.2	-0.1	-0.1	0.1	0.2
IL18	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.4	0.3	0.2	0.1
PLGR	0.1	0.2	0.1	-0.2	0.3	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2
RAGE	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.5	-0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.4	0.2	0.4	-0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.3
SOD2	0.1	0.1	0.2	0.5	<0.1	0.4	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.5	0.4	0.1	0.1	<0.1
CTRC	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1
FGF23	0.1	<0.1	0.2	-0.2	0.2	-0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.3	-0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2
SPON2	0.2	0.1	0.1	-0.3	0.3	-0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.5	0.4	0.4	-0.3	<0.1	0.3	0.3	0.4
GH	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.2	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2
FS	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2
GLO1	<0.1	-0.2	0.5	0.9	-0.1	0.8	0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	-0.2	-0.1	-0.2	0.8	0.6	<0.1	-0.1	-0.1
CD84	<0.1	-0.2	0.5	0.8	-0.1	0.7	<0.1	0.6	<0.1	0.2	0.4	0.2	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.8	0.6	<0.1	<0.1	<0.1
SERPINA12	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
REN	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
DECR1	<0.1	-0.1	0.5	1	-0.1	0.8	0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.8	0.6	<0.1	-0.1	-0.1

MERTK	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.3	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.4	0.2	0.4	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2
KIM1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.2
THBS2	0.3	0.1	0.2	-0.1	0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	-0.1	<0.1	0.4	0.3	0.3
TM	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.5	0.1	0.5	0.4	0.4	0.1	0.3	0.2	0.3	0.1
VSIG2	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.4	0.3	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.2
AMBP	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.2	-0.2	<0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.4	0.3	0.3	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2
PRELP	0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.4	-0.1	0.1	0.3	0.3	0.3
HO1	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	<0.1
XCL1	0.2	<0.1	0.4	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2
IL16	0.1	-0.2	0.6	0.8	-0.1	0.9	0.1	0.5	0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.7	0.7	0.1	<0.1	-0.1
SORT1	0.2	-0.2	0.6	0.6	<0.1	0.6	0.2	0.5	0.2	0.3	0.3	0.2	0.4	<0.1	0.1	0.1	0.7	0.6	0.2	0.1	<0.1
CEACAM8	0.2	-0.1	0.4	0.3	0.1	0.4	0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.3	0.6	0.2	0.2	0.1	0.3	0.4	0.2	0.1	0.1
PTX3	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2
PSGL1	0.2	-0.1	0.4	0.3	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.3	0.1	<0.1	-0.1
CCL17	0.1	-0.1	0.5	0.7	<0.1	0.6	0.1	0.5	0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	<0.1	0.1	-0.1	0.7	0.5	<0.1	<0.1	-0.1
MMP7	0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.2
IGGFC	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
ITGB1BP2	<0.1	-0.2	0.5	0.9	-0.1	0.7	0.1	0.6	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.8	0.6	<0.1	-0.1	-0.1
DCN	0.2	0.1	0.1	-0.2	0.3	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.4	-0.2	<0.1	0.3	0.2	0.3
DKK1	<0.1	-0.2	0.5	0.7	<0.1	0.6	0.1	0.6	0.1	0.2	0.3	0.1	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.7	0.6	<0.1	<0.1	-0.1
LPL	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.2	-0.2	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.3	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.2
PRSS8	0.3	0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1
AGRP	0.2	<0.1	0.3	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
HBEGF	<0.1	-0.2	0.5	0.7	-0.1	0.6	<0.1	0.6	0.1	0.2	0.3	0.1	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.7	0.6	<0.1	<0.1	-0.1
GDF2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.3	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.2	0.3	<0.1
FABP2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
THPO	-0.1	-0.2	0.3	0.4	0.1	0.3	-0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.5	0.4	-0.1	0.1	<0.1
MARCO	0.2	<0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.6	0.3	0.1
GT	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
MMP12	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2
ACE2	0.4	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.5	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1
PDL2	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.4	0.3	0.3	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1
CTSL1	0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.2
HOSCAR	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.5	0.2	0.4	0.4	0.4	<0.1	0.2	0.4	0.3	0.2
TNFRSF13B	0.2	<0.1	0.3	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2
TGM2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1
LEP	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1
CA5A	1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.5	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1
HSP27	<0.1	1	-0.2	-0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1
CD4	0.2	-0.2	1	0.5	<0.1	0.6	0.1	0.5	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.6	0.2	0.2	<0.1
NEMO	<0.1	-0.1	0.5	1	-0.2	0.8	0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.2	0.8	0.6	<0.1	-0.1	-0.1
VEGFD	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2
PARP1	0.1	-0.2	0.6	0.8	-0.1	1	0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.7	0.7	<0.1	<0.1	-0.1
HAOX1	0.5	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	-0.2
TNFRSF14	0.1	-0.2	0.5	0.5	<0.1	0.5	<0.1	1	0.2	0.5	0.6	0.7	0.3	0.4	0.4	0.3	0.7	0.8	0.2	0.3	0.1
LDL_RC	0.2	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.4	0.1	0.2	0.3	0.3	-0.1

ITGB2	0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.5	0.2	1	0.5	0.4	0.2	0.2	0.2	0.4	0.4	0.4	0.4	0.4	<0.1
IL17RA	0.1	-0.2	0.3	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.6	0.2	0.5	1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.3	0.5	0.5	0.2	0.3	0.1
TNFR2	0.2	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.7	0.2	0.4	0.4	1	0.3	0.7	0.7	0.6	0.2	0.5	0.5	0.5	0.3
MMP9	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1
EPHB4	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.7	0.1	1	0.6	0.6	<0.1	0.3	0.3	0.5	0.3
IL2RA	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.7	0.2	0.6	1	0.5	0.1	0.3	0.4	0.4	0.2
ALCAM	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.3	-0.1	<0.1	0.3	0.4	0.4	0.3	0.6	0.2	0.6	0.5	1	<0.1	0.2	0.5	0.6	0.2
SELP	<0.1	-0.2	0.4	0.8	-0.1	0.7	0.1	0.7	0.1	0.4	0.5	0.2	0.3	<0.1	0.1	<0.1	1	0.7	0.1	0.1	-0.1
CSTB	0.1	-0.2	0.6	0.6	-0.1	0.7	0.1	0.8	0.2	0.4	0.5	0.5	0.3	0.3	0.3	0.2	0.7	1	0.2	0.2	0.1
CD163	0.3	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.4	0.2	0.5	0.2	0.3	0.4	0.5	0.1	0.2	1	0.5	0.1
GRN	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.4	0.3	0.5	0.2	0.5	0.4	0.6	0.1	0.2	0.5	1	0.2
NTPROBNP	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.2	1
PLC	0.2	0.1	0.1	-0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.7	0.1	0.7	0.5	0.6	<0.1	0.3	0.4	0.5	0.4
LTBR	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.6	0.2	0.4	0.4	0.8	0.2	0.7	0.6	0.6	0.2	0.4	0.3	0.5	0.3
NOTCH3	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.3	-0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	0.6	0.4	0.7	-0.1	0.1	0.4	0.4	0.4
TIMP4	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.4	0.2	0.4	0.3	0.5	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.3
CNTN1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.3	-0.2	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.4	0.3	0.7	-0.1	<0.1	0.4	0.4	0.2
CDH5	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.5	0.1	0.6	0.4	0.7	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.2
TLT2	0.1	-0.1	0.4	0.4	<0.1	0.4	-0.1	0.7	0.2	0.4	0.5	0.6	0.3	0.4	0.4	0.4	0.5	0.6	0.3	0.4	0.1
FABP4	0.2	<0.1	0.1	-0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.4	0.1	0.4	0.3	0.5	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.2
TFPI	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	<0.1
PAI	0.1	-0.2	0.4	0.6	-0.1	0.5	0.2	0.6	0.2	0.3	0.4	0.2	0.4	<0.1	0.1	0.1	0.7	0.6	0.2	0.1	-0.1
CCL24	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
TR	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1
TNFRSF10C	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.4	0.3	0.4	0.3	0.4	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1
GDF15	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.6	0.2	0.5	0.4	0.4	<0.1	0.3	0.4	0.4	0.4
SELE	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.4	0.3	<0.1
DLK1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.4	0.1	0.5	0.3	0.5	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.1
MPO	0.1	-0.1	0.4	0.4	-0.1	0.5	0.1	0.6	0.2	0.7	0.5	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1	0.6	0.6	0.2	0.2	-0.1
CXCL16	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.5	0.2	0.5	0.4	0.6	<0.1	0.2	0.4	0.5	0.2
IL6RA	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	0.4	0.3	0.4	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1
RETN	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.6	0.2	0.4	0.4	0.6	0.4	0.4	0.4	0.4	0.3	0.5	0.3	0.4	0.1
IGFBP1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.3	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.3
CHIT1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1
TRAP	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.4	0.1	0.4	0.3	0.4	0.2	0.3	0.4	0.4	<0.1
GP6	<0.1	-0.2	0.4	0.9	-0.1	0.7	0.1	0.7	0.1	0.3	0.5	0.2	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.9	0.7	<0.1	<0.1	-0.1
PSPD	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
EPCAM	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1
APN	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.4	0.1	0.4	0.3	0.6	<0.1	0.2	0.4	0.5	0.1
AXL	0.2	<0.1	0.1	-0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.6	0.1	0.6	0.5	0.6	-0.1	0.2	0.6	0.5	0.3
IL1RT1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.5	0.1	0.6	0.5	0.6	<0.1	0.2	0.4	0.5	0.2
MMP2	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.4	-0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	0.5	0.4	0.6	-0.1	0.1	0.4	0.4	0.4
FAS	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.6	0.3	0.5	0.4	0.7	0.2	0.5	0.5	0.6	0.3	0.5	0.4	0.5	0.2
MB	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	0.4	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2
TNFSF13B	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.5	0.3	0.4	0.5	0.6	0.1	0.3	0.4	0.5	0.1
PCSK9	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.3	0.3	0.4	0.2	0.3	0.3	0.5	0.2	0.3	0.3	0.5	0.1

UPAR	0.1	-0.1	0.4	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.7	0.2	0.7	0.5	0.7	0.4	0.4	0.4	0.4	0.4	0.6	0.4	0.4	0.2
OPN	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.5	0.2	0.6	0.4	0.5	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.3
PGLYRP1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.5	0.5	0.5	0.4	0.4	0.2	0.3	0.3	0.4	0.2
CPA1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.4	<0.1
JAMA	<0.1	-0.1	0.4	0.8	-0.1	0.7	0.1	0.7	0.1	0.4	0.5	0.2	0.3	-0.1	<0.1	<0.1	0.9	0.7	<0.1	<0.1	-0.1
GAL4	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.4	0.1	0.3	0.4	0.4	0.1	0.2	0.4	0.4	0.2
IL1RT2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.4	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.5	0.1	0.1	0.4	0.3	<0.1
SHPS1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.2	0.4	0.4	0.5	0.1	0.4	0.4	0.5	0.2	0.3	0.4	0.4	0.1
CCL15	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.4	0.1	0.5	0.4	0.4	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.2
CASP3	<0.1	-0.1	0.4	0.9	-0.1	0.7	0.1	0.7	0.1	0.3	0.5	0.1	0.3	-0.1	<0.1	-0.1	0.9	0.7	<0.1	<0.1	-0.1
CPB1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.1
CHI3L1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2
ST2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.4	0.3	0.1
TPA	0.2	-0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1
SCGB3A2	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
EGFR	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.4	0.3	0.2	0.3	0.1	0.4	0.2	0.6	<0.1	0.1	0.3	0.5	<0.1
IGFBP7	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.4	0.2	0.3	0.2	0.6	0.2	0.6	0.5	0.6	<0.1	0.3	0.5	0.5	0.3
CD93	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.4	0.2	0.3	0.3	0.7	0.1	0.8	0.5	0.6	<0.1	0.3	0.3	0.5	0.3
IL18BP	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.4	0.2	0.3	0.3	0.8	0.2	0.7	0.6	0.7	<0.1	0.3	0.5	0.5	0.3
COL1A1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.4	0.2	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2
PON3	-0.3	0.1	-0.2	-0.2	0.2	-0.2	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1
CTSZ	0.3	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.5	0.3	0.4	0.4	0.7	0.2	0.5	0.5	0.5	0.2	0.4	0.4	0.5	0.1
MMP3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
RARRES2	0.1	-0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.6	0.4	0.3	0.3	0.5	0.4	0.4	0.4	0.4	0.4	0.5	0.3	0.5	0.2
ICAM2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.4	0.1	0.5	0.3	0.5	0.1	0.2	0.4	0.4	0.2
KLK6	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.4	<0.1	0.5	0.3	0.4	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.2
PDGFA	<0.1	-0.2	0.4	0.7	-0.1	0.6	<0.1	0.6	0.1	0.3	0.4	0.2	0.5	<0.1	0.1	<0.1	0.8	0.6	0.1	0.1	-0.1
TNFR1	0.2	<0.1	0.3	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.6	0.2	0.3	0.3	0.9	0.3	0.8	0.6	0.6	0.1	0.4	0.4	0.5	0.3
IGFBP2	-0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.3	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.4	0.1	0.5	0.3	0.3	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.4
VWF	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1
PECAM1	<0.1	-0.1	0.4	0.8	-0.1	0.6	0.1	0.7	0.1	0.5	0.5	0.2	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.9	0.7	0.1	0.1	-0.1
MEPE	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	0.6	0.3	0.4	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.2
CCL16	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.5	0.2	0.4	0.4	0.3	0.1	0.3	0.3	0.4	0.2
IL8	0.1	-0.1	0.4	0.4	<0.1	0.5	0.2	0.4	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.5	0.5	0.2	0.1	<0.1
VEGFA	0.2	-0.1	0.5	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.5	0.2	0.2	0.2	0.4	0.3	0.2	0.3	0.1	0.4	0.5	0.2	0.2	0.1
CD8A	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
MCP3	0.2	-0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.3	0.4	0.2	0.1	0.1
CDCP1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.4	0.2	0.1
CD244	0.1	-0.2	0.5	0.7	-0.1	0.7	0.1	0.6	<0.1	0.3	0.4	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.7	0.6	0.2	<0.1	-0.1
IL7	<0.1	-0.2	0.4	0.7	-0.1	0.5	0.1	0.5	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.7	0.5	<0.1	<0.1	-0.1
OPG	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.4	-0.1	<0.1	0.4	0.3	0.2
LAP_TGFB1	0.1	-0.2	0.5	0.7	-0.1	0.6	0.1	0.6	0.1	0.2	0.4	0.2	0.4	<0.1	0.1	<0.1	0.7	0.6	0.1	0.1	<0.1
UPA	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.4	-0.1	<0.1	0.4	0.3	0.1
IL6	0.2	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.2
MCP1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
CXCL11	0.1	-0.1	0.5	0.7	-0.1	0.6	0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.7	0.6	0.1	<0.1	<0.1

AXIN1	<0.1	-0.2	0.4	1	-0.2	0.8	0.1	0.5	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	-0.2	-0.1	-0.2	0.8	0.6	-0.1	-0.1	-0.1
TRAIL	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1
CXCL9	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.4	<0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3
CST5	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
OSM	0.1	-0.1	0.3	0.3	<0.1	0.4	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.8	<0.1	0.1	<0.1	0.4	0.4	0.1	0.1	<0.1
CXCL1	<0.1	-0.1	0.4	0.8	-0.1	0.7	0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.7	0.6	<0.1	-0.1	-0.1
CCL4	0.2	-0.1	0.4	0.4	-0.1	0.4	0.2	0.4	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.5	0.5	0.2	0.1	<0.1
CD6	0.1	-0.1	0.5	0.6	-0.1	0.7	0.1	0.4	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.5	0.1	<0.1	-0.1
TGFA	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.4	0.5	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2
MCP4	0.1	-0.2	0.5	0.7	-0.1	0.6	0.1	0.5	0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	-0.1	0.1	<0.1	0.7	0.6	<0.1	<0.1	-0.1
CCL11	0.1	<0.1	0.4	0.3	0.1	0.3	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1
TNFSF14	0.1	-0.2	0.6	0.8	-0.1	0.8	0.1	0.6	<0.1	0.2	0.4	0.2	0.3	-0.1	<0.1	-0.1	0.7	0.7	0.1	<0.1	-0.1
MMP1	<0.1	-0.1	0.3	0.4	-0.1	0.4	<0.1	0.4	0.1	0.1	0.2	0.2	0.4	<0.1	0.1	-0.1	0.5	0.4	<0.1	<0.1	<0.1
LIFR	0.2	0.1	<0.1	-0.3	0.2	-0.2	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.4	-0.3	-0.1	0.4	0.3	0.2
FGF21	0.3	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1
CCL19	0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1
IL15RA	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.5	0.1	0.4	0.4	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.2
IL10RB	0.2	0.1	0.1	-0.2	0.1	-0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.5	<0.1	0.5	0.4	0.4	-0.2	0.1	0.3	0.3	0.2
IL18R1	0.3	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.4	0.2	<0.1
PDL1	0.2	-0.1	0.5	0.6	-0.1	0.5	0.1	0.6	<0.1	0.2	0.4	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.6	0.6	0.1	0.1	0.1
CXCL5	<0.1	-0.2	0.4	0.8	-0.1	0.6	<0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.7	0.5	<0.1	-0.1	-0.1
TRANCE	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
HGF	0.3	-0.1	0.5	0.3	<0.1	0.4	0.2	0.4	0.1	0.2	0.2	0.3	0.5	0.1	0.2	0.2	0.4	0.5	0.4	0.2	0.1
IL12B	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.4	<0.1	0.3	0.4	0.3	-0.1	0.1	0.3	0.3	0.2
MMP10	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.3	0.3	0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1
IL10	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1
TNF	0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	0.2	0.4	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2
CCL23	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2
CD5	0.1	-0.2	0.6	0.6	<0.1	0.7	<0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.5	0.6	0.1	<0.1	-0.1
CCL3	0.3	-0.1	0.5	0.3	-0.1	0.4	0.2	0.4	0.1	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1	0.4	0.5	0.3	0.2	0.1
FLT3L	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.3	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1
CXCL6	0.1	-0.2	0.5	0.7	-0.1	0.7	0.1	0.5	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.7	0.6	0.1	<0.1	-0.1
CXCL10	0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.4	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2
4EBP1	0.1	-0.2	0.5	0.9	-0.1	0.8	0.1	0.6	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	-0.1	<0.1	-0.1	0.8	0.7	<0.1	-0.1	-0.1
SIRT2	<0.1	-0.2	0.5	0.9	-0.2	0.8	0.1	0.6	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	-0.1	<0.1	-0.1	0.8	0.7	<0.1	-0.1	-0.1
CCL28	<0.1	-0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1
DNER	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1
ENRAGE	0.1	-0.1	0.4	0.4	<0.1	0.5	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.2	0.4	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.5	0.1	0.1	<0.1
CD40	0.1	-0.2	0.5	0.8	-0.1	0.7	0.1	0.6	<0.1	0.2	0.4	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.8	0.7	<0.1	<0.1	<0.1
IFNG	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
FGF19	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
MCP2	0.1	-0.1	0.3	0.4	-0.1	0.4	0.1	0.4	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.5	0.4	0.1	0.1	<0.1
CASP8	0.1	-0.2	0.6	0.8	-0.1	0.9	0.1	0.6	<0.1	0.3	0.4	0.2	0.3	<0.1	0.1	-0.1	0.8	0.7	0.1	<0.1	<0.1
CCL25	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CX3CL1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.4	-0.1	0.5	0.3	0.3	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.3
TNFRSF9	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.6	0.1	0.4	0.5	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.3

NT3	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
TWEAK	-0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1
CCL20	0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1
ST1A1	<0.1	-0.1	0.4	0.9	-0.1	0.8	0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.2	0.8	0.6	-0.1	-0.1	-0.1
STAMBP	<0.1	-0.2	0.5	0.9	-0.2	0.8	0.1	0.6	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.8	0.6	<0.1	-0.1	-0.1
ADA	0.1	-0.2	0.5	0.7	-0.1	0.8	0.1	0.6	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.7	0.7	0.1	<0.1	-0.1
TNFB	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.3	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1
CSF1	0.2	0.1	0.1	-0.2	0.2	-0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.5	0.1	0.4	0.4	0.4	-0.1	0.1	0.3	0.3	0.3
Age	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3
Body mass ind	0.2	-0.1	0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1
Waist circumf	0.3	<0.1	0.2	0.1	-0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1
Educational at	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
Alcohol consu	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.3	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
Systolic blood	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
Diastolic blood	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
Hemoglobin A	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
Duration of kn	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
High-density li	-0.2	0.1	-0.3	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.3	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1
Low-density li	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Triglycerides	0.3	-0.1	0.3	0.1	-0.1	0.1	0.3	0.1	0.6	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1
Albumin	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
Fibrinogen	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
C-reactive prot	0.2	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1
Serum amyloid	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
Leucocyte count	-0.2	0.1	-0.2	-0.1	0.2	-0.1	-0.3	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.2
Serum adiponectin	0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.5	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1
Uric acid	0.3	<0.1	0.3	0.1	-0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1
Creatinine	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1
Rényi4, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1
TP, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.1
SDWS, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
SDSA, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1
CE, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	CA5A	HSP27	CD4	NEMO	VEGFD	PARP1	HAOX1	TNFRSF1	LDL_RC	ITGB2	IL17RA	TNFR2	MMP9	EPHB4	IL2RA	ALCAM	SELP	CSTB	CD163	GRN	NTPRO1
BMP6	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.633	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.425	1	<0.001	<0.001	0.002	1	1
ANGPT1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.11	<0.001	<0.001	0.057	<0.001	0.99	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.387
ADM	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	0.001	1	1	<0.001	0.165	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.634	<0.001	<0.001	<0.001
CD40L	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.066	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	1	0.173	0.01

PGF	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.03	1	<0.001	0.142	0.493	1	<0.001	0.312	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.047	<0.001	<0.001	<0.001
ADAMTS13	<0.001	0.538	0.501	1	<0.001	1	0.007	1	0.005	1	1	1	1	1	1	<0.001	0.664	1	<0.001	<0.001	1
BOC	0.018	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	0.054	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.11	<0.001	<0.001	<0.001
IL4RA	<0.001	1	0.254	<0.001	<0.001	0.001	0.544	<0.001	1	1	0.407	<0.001	0.234	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	1	<0.001	<0.001	<0.001
SRC	1	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	1	0.234	1	1	1	1	0.031	1	1	1	<0.001	0.452	1	1	1
IL1RA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.249	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
TNFRSF10A	<0.001	0.424	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
STK4	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.465	<0.001	1	0.002	<0.001	1	<0.001	0.106	0.922	0.001	<0.001	<0.001	0.689	0.017	0.085
IDUA	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.012	0.042	<0.001	<0.001	<0.001	0.399	1
TNFRSF11A	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.771	1	<0.001	0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PAR1	0.416	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.121	1	<0.001	<0.001	1	1	1
TRAILR2	<0.001	1	<0.001	0.261	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PRSS27	0.291	0.179	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.026	0.182
TIE2	0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	0.302	0.042	1	0.001	0.001	1	<0.001	0.83	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	1	<0.001	<0.001	0.401
TF	1	0.799	1	<0.001	<0.001	0.004	0.09	0.783	1	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	1	0.016	<0.001	<0.001
IL1RL2	0.139	1	1	<0.001	<0.001	0.003	1	1	<0.001	0.412	1	0.057	1	<0.001	0.069	<0.001	0.008	1	0.005	<0.001	1
PDGFB	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.13	<0.001	0.371	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.234	<0.001	0.192	1	0.231	<0.001	<0.001	1	1	0.019
IL27	0.024	1	0.007	<0.001	<0.001	0.003	1	0.21	0.912	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	1	<0.001	<0.001	<0.001
IL17D	1	1	<0.001	1	<0.001	1	0.195	0.013	0.307	1	1	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	1	0.161	0.048	<0.001	<0.001
LOX1	0.001	0.022	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.045	<0.001	0.172	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.567	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	1
GAL9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GIF	1	1	0.928	1	0.001	1	1	1	0.163	1	1	0.147	1	<0.001	1	0.002	1	1	0.769	1	1
SCF	0.002	1	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.002	1	1	0.001	0.464	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.671	0.029	0.001	<0.001
IL18	<0.001	0.555	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.036	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.751
PLGR	0.227	<0.001	0.279	<0.001	<0.001	0.005	1	0.235	0.052	1	1	<0.001	0.136	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
RAGE	0.61	1	0.434	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	0.58	0.415	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001
SOD2	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.014	<0.001	0.107	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.828	<0.001	<0.001	0.399	1	1
CTRC	0.313	0.458	0.514	1	<0.001	1	0.297	1	0.045	0.175	0.808	1	1	1	1	0.011	1	1	0.006	<0.001	1
FGF23	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
SPON2	<0.001	0.024	0.193	<0.001	<0.001	<0.001	0.61	0.044	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
GH	<0.001	1	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.554	1	1	1	1	0.121	0.148	1	<0.001	0.002	0.128	1	1	<0.001
FS	<0.001	1	0.004	<0.001	<0.001	0.002	0.015	1	<0.001	0.727	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.12	1	<0.001	<0.001	<0.001
GLO1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.535	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.016
CD84	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.387	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1
SERPINA12	0.09	1	1	0.082	0.518	1	1	1	0.024	1	0.973	1	1	1	1	<0.001	1	1	1	1	0.677
REN	<0.001	1	<0.001	1	1	0.203	<0.001	0.235	1	1	1	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	1	1	0.001	<0.001	0.273	1
DECR1	1	0.022	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.241	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.005	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.278	0.003
MERTK	0.019	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.011	0.458	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
KIM1	<0.001	1	<0.001	1	0.007	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.125	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.002	<0.001	<0.001	<0.001
THBS2	<0.001	0.446	<0.001	<0.001	<0.001	0.322	<0.001	1	0.17	0.152	1	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	1	<0.001	<0.001	<0.001
TM	<0.001	1	<0.001	0.122	<0.001	0.339	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
VSIG2	0.001	0.857	<0.001	0.011	<0.001	0.598	1	<0.001	0.206	1	1	<0.001	0.988	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.18	0.001	<0.001	<0.001
AMBP	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.003	<0.001	<0.001
PRELP	<0.001	1	<0.001	0.003	<0.001	0.006	1	<0.001	0.033	0.045	0.878	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.351	0.042	<0.001	<0.001	<0.001
HO1	<0.001	0.749	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	0.001	<0.001	0.069	0.023	0.002	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1
XLCL1	<0.001	1	<0.001	0.055	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

IL16	0.127	<0.001	<0.001	<0.001	0.38	<0.001	0.01	<0.001	0.592	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.978	<0.001	<0.001	1	1	0.086
SORT1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.03	0.64	<0.001	<0.001	<0.001	0.632	1
CEACAM8	<0.001	0.048	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.352	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.343	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.124
PTX3	1	1	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	0.091	<0.001	0.209	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PSGL1	<0.001	0.022	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.022	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.002	1	<0.001
CCL17	1	0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.153	<0.001	0.522	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.036	1	<0.001	<0.001	1	1	0.085
MMP7	<0.001	1	<0.001	0.212	<0.001	0.076	0.492	0.015	0.001	0.647	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.455	1	<0.001	<0.001	<0.001
IGGFC	0.143	1	0.199	1	1	1	1	1	1	1	1	0.004	1	0.141	0.019	0.034	1	1	0.084	0.003	1
ITGB1BP2	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.397	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.004	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.305	0.063
DCN	<0.001	0.576	0.134	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.662	1	0.003	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
DDK1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.328	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.585
LPL	0.001	1	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	1	0.116	0.621	<0.001	0.028	<0.001	<0.001	0.035	1	0.007	<0.001
PRSS8	<0.001	1	<0.001	1	0.227	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.152	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
AGRP	<0.001	1	<0.001	0.017	<0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	1	0.579	<0.001	0.462	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.01	<0.001	<0.001	0.007
HBEGF	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.764	<0.001	1	<0.001	0.196	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.476
GDF2	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.865	1	<0.001	0.115	<0.001	0.05	0.168	<0.001	<0.001	1
FABP2	1	1	1	0.004	<0.001	<0.001	1	0.42	1	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.047	1	0.113	0.001	1
THPO	0.884	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	0.336	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.391	0.01	0.026	<0.001	<0.001	0.873	0.026	1
MARCO	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.027	<0.001	0.199	0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.366
GT	1	0.213	0.014	0.007	0.001	0.001	0.006	1	<0.001	1	1	0.008	0.031	<0.001	0.003	0.018	0.001	1	1	0.046	0.02
MMP12	0.007	1	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	0.004	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ACE2	<0.001	1	<0.001	1	1	1	<0.001	0.27	<0.001	0.012	0.844	<0.001	0.03	0.372	<0.001	0.021	1	0.666	<0.001	<0.001	1
PDL2	0.001	0.083	<0.001	0.001	<0.001	0.069	1	<0.001	0.167	0.02	0.002	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.032	1	<0.001	<0.001	0.001
CTSL1	<0.001	1	<0.001	0.016	<0.001	0.108	0.343	<0.001	0.003	0.01	0.087	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.008	<0.001	<0.001	<0.001
HOSCAR	<0.001	0.03	<0.001	0.077	<0.001	1	1	<0.001	0.001	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF13B	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.957	1	<0.001	0.207	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TGM2	<0.001	1	<0.001	0.461	0.075	0.001	0.151	0.017	0.729	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.021	0.006	0.676	0.448	<0.001	<0.001	1	1
LEP	0.001	1	1	<0.001	1	0.001	1	1	<0.001	0.025	1	<0.001	1	0.013	0.023	<0.001	0.033	1	<0.001	<0.001	0.015
CA5A	<0.001	1	<0.001	1	1	0.355	<0.001	0.002	<0.001	0.022	0.734	<0.001	0.57	0.014	<0.001	0.017	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
HSP27	0.291	<0.001	<0.001	<0.001	0.339	<0.001	1	<0.001	0.907	0.601	<0.001	1	1	0.707	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1
CD4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
NEMO	0.281	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.218	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.002	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.023	0.002
VEGFD	0.783	0.02	0.537	<0.001	<0.001	0.021	0.65	1	1	1	1	0.094	1	<0.001	0.002	<0.001	0.011	0.834	1	<0.001	<0.001
PARP1	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.071	<0.001	0.251	1	0.01	<0.001	<0.001	1	1	0.001
HAOX1	<0.001	0.328	<0.001	0.013	0.041	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.029	0.27	1	1	0.005	1	1	0.026	0.387	<0.001	0.111	<0.001
TNFRSF14	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.849	<0.001	0.177	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007
LDL_RC	<0.001	0.06	<0.001	0.866	0.873	0.331	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.516
ITGB2	0.001	0.038	<0.001	<0.001	0.889	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
IL17RA	0.047	<0.001	<0.001	<0.001	0.801	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
TNFR2	<0.001	0.784	<0.001	0.176	0.005	0.004	0.166	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP9	0.036	0.227	<0.001	<0.001	0.077	<0.001	0.338	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
EPHB4	0.001	0.045	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL2RA	<0.001	0.074	<0.001	0.124	<0.001	0.764	0.685	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.776	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ALCAM	0.001	0.559	0.143	<0.001	<0.001	<0.001	0.305	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SELP	0.179	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.752	0.05	0.755	<0.001	<0.001	1	0.318
CSTB	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.054	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.616

CD163	<0.001	0.996	<0.001	0.207	0.143	0.304	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.099	<0.001	<0.001	<0.001	0.089
GRN	<0.001	0.352	<0.001	0.001	<0.001	0.283	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
NTPROBNP	0.763	0.994	0.265	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.032	0.416	0.086	<0.001	0.069	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.039	0.005	<0.001	<0.001
PLC	<0.001	0.059	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.383	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.246	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LTBR	<0.001	0.8	<0.001	0.35	<0.001	0.836	0.031	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
NOTCH3	0.077	0.051	0.459	<0.001	<0.001	<0.001	0.177	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001
TIMP4	0.45	0.292	0.11	<0.001	<0.001	0.008	0.071	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.673	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CNTN1	0.595	0.577	0.096	<0.001	<0.001	<0.001	0.695	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.037	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.152	<0.001	<0.001	<0.001
CDH5	<0.001	0.924	0.002	0.001	<0.001	0.205	0.817	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.5	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TLT2	0.026	<0.001	<0.001	<0.001	0.161	<0.001	0.11	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004
FABP4	<0.001	0.683	<0.001	<0.001	0.02	<0.001	0.802	<0.001	<0.001	<0.001	0.052	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.189	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TFPI	0.156	0.021	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.092	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.517
PAI	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.949	<0.001	0.05	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003
CCL24	0.442	0.439	0.004	0.167	0.653	0.121	0.132	0.006	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.006	0.001	<0.001	0.001	0.808
TR	0.558	0.77	0.097	0.049	0.042	0.121	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.237	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF10C	0.003	0.315	0.001	0.957	0.001	0.334	0.526	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GDF15	<0.001	0.053	<0.001	0.024	<0.001	0.518	0.088	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.136	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SELE	<0.001	0.675	<0.001	0.405	0.981	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.14
DLK1	<0.001	0.108	0.061	0.003	0.042	0.011	0.888	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	0.385	<0.001	<0.001	<0.001	0.002
MPO	0.005	0.075	<0.001	<0.001	0.099	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.023
CXCL16	0.01	0.102	0.027	<0.001	<0.001	<0.001	0.423	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.376	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL6RA	0.015	0.572	0.076	0.003	0.001	0.065	0.335	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.066	<0.001	<0.001	<0.001	0.008
RETN	<0.001	0.437	<0.001	<0.001	0.032	<0.001	0.606	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IGFBP1	<0.001	0.02	0.059	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.039	0.513	0.034	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	0.039	0.961	0.105	<0.001	<0.001
CHIT1	0.496	0.443	0.001	0.488	0.092	0.608	0.098	<0.001	0.031	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.596	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TRAP	<0.001	0.739	<0.001	0.601	0.204	0.035	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.417
GP6	0.428	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.027	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.8	0.133	0.491	<0.001	<0.001	0.305	0.237	0.024
PSPD	<0.001	0.345	0.002	0.58	<0.001	0.495	0.004	<0.001	<0.001	0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.325	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
EPCAM	0.329	0.599	0.523	0.479	0.006	0.866	0.121	0.719	0.159	0.172	0.159	0.192	0.215	0.931	0.262	<0.001	0.566	0.754	0.089	<0.001	0.03
APN	<0.001	0.545	0.236	0.011	<0.001	0.82	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.144	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
AXL	<0.001	0.173	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.14	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL1RT1	0.003	0.077	0.03	<0.001	<0.001	0.004	0.287	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.991	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP2	0.075	0.015	0.797	<0.001	<0.001	<0.001	0.628	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.009	<0.001	<0.001	<0.001
FAS	<0.001	0.068	<0.001	0.031	0.088	0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MB	<0.001	0.008	0.005	0.946	0.143	0.291	0.295	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.03	<0.001	<0.001	<0.001	0.433	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFSF13B	0.059	0.628	<0.001	0.053	<0.001	0.797	0.895	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PCSK9	0.004	0.62	<0.001	0.475	0.001	0.225	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012
UPAR	<0.001	0.025	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.135	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
OPN	0.349	0.809	0.001	0.001	<0.001	0.008	0.006	<0.001	0.027	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.934	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PGLYRP1	<0.001	0.321	<0.001	0.165	0.007	0.024	0.599	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CPA1	<0.001	0.414	0.001	0.082	0.045	0.255	<0.001	0.001	<0.001	0.076	<0.001	<0.001	0.208	<0.001	<0.001	<0.001	0.728	0.003	<0.001	<0.001	0.592
JAMA	0.223	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.09	0.275	0.243	<0.001	<0.001	0.63	0.207	0.005
GAL4	<0.001	0.514	<0.001	0.81	<0.001	0.518	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL1RT2	<0.001	0.086	0.533	0.253	0.04	0.733	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.454
SHPS1	0.002	0.235	<0.001	0.649	0.057	0.142	0.675	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL15	0.004	0.586	<0.001	0.016	<0.001	0.088	0.826	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.176	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

CASP3	0.498	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	<0.001	0.074	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.041	0.621	0.067	<0.001	<0.001	0.741	0.903	0.003
CPB1	<0.001	0.416	<0.001	0.141	0.003	0.467	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.07	<0.001	<0.001	<0.001	0.763	<0.001	<0.001	<0.001	0.035
CHI3L1	<0.001	0.601	<0.001	0.556	0.08	0.165	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ST2	<0.001	0.388	<0.001	0.12	0.012	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TPA	<0.001	0.036	<0.001	0.006	0.109	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.604
SCGB3A2	0.019	0.105	0.63	0.076	<0.001	0.313	0.022	0.006	0.165	0.654	0.084	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.502	0.027	0.913	<0.001	0.001
EGFR	0.651	0.834	0.03	<0.001	<0.001	0.004	0.407	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.82	0.002	<0.001	<0.001	0.826
IGFBP7	<0.001	0.061	<0.001	0.002	<0.001	0.171	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.147	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD93	0.031	0.392	<0.001	0.004	<0.001	0.115	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.356	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL18BP	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.263	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.798	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
COL1A1	0.235	0.826	0.134	0.002	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.636	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PON3	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.609	0.581	0.755	0.247	0.126	0.219	<0.001	0.008	<0.001	0.004	<0.001	0.138	<0.001	0.045
CTSZ	<0.001	0.997	<0.001	0.39	0.234	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP3	0.007	0.394	0.001	0.107	<0.001	0.014	0.204	<0.001	0.633	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.231	0.021	<0.001	0.001	<0.001	0.001
RARRES2	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.524	<0.001	0.829	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ICAM2	<0.001	0.92	<0.001	0.487	<0.001	0.588	0.283	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
KLK6	0.941	0.073	0.521	0.025	<0.001	0.023	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	0.303	<0.001	<0.001	<0.001	0.482	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PDGFA	0.569	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.143	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.938	0.011	0.262	<0.001	<0.001	0.014	0.008	0.061
TNFR1	<0.001	0.572	<0.001	0.108	<0.001	0.814	0.884	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IGFBP2	<0.001	0.003	0.842	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.494	0.006	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	0.078	0.039	0.711	<0.001	<0.001
VWF	<0.001	0.525	0.001	0.552	0.282	0.735	0.027	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
PECAM1	0.255	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.964	0.155	0.333	<0.001	<0.001	0.028	0.009	0.003
MEPE	0.008	0.17	0.001	0.048	0.001	0.017	0.361	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.167	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL16	<0.001	0.929	<0.001	0.883	0.256	0.961	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL8	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.234	<0.001	<0.001	<0.001	0.041	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.97	<0.001	0.058	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	0.971
VEGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.342	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004
CD8A	<0.001	0.021	<0.001	0.217	0.705	0.974	0.003	<0.001	0.003	0.277	0.068	<0.001	0.043	<0.001	<0.001	<0.001	0.105	0.017	<0.001	<0.001	<0.001
MCP3	<0.001	0.017	<0.001	<0.001	0.531	<0.001	0.042	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.039
CDCP1	<0.001	0.546	<0.001	0.234	0.054	0.544	<0.001	<0.001	0.046	<0.001	0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.816	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD244	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.159	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.709	0.04	0.654	<0.001	<0.001	<0.001	0.188	0.051
IL7	0.119	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	0.043	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.002	0.655	0.004	<0.001	<0.001	0.584	0.567	<0.001
OPG	<0.001	0.072	0.149	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	0.042	0.028	<0.001	0.202	<0.001	0.124	<0.001	<0.001	<0.001	0.093	0.263	<0.001	<0.001	<0.001
LAP_TGFB1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.636	<0.001	0.498	<0.001	<0.001	<0.001	0.061	0.26
UPA	<0.001	0.113	0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.045	0.337	0.017	<0.001	0.385	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.377	<0.001	<0.001	<0.001
IL6	<0.001	0.953	<0.001	0.11	0.686	0.327	0.002	0.001	0.042	0.644	0.397	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	0.887	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MCP1	<0.001	0.771	<0.001	0.117	0.033	0.983	0.099	<0.001	0.002	0.223	0.269	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.048
CXCL11	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.164	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	0.027	0.392	<0.001	<0.001	<0.001	0.195	0.651
AXIN1	0.321	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.679	<0.001	<0.001	0.585	<0.001	<0.001	0.042	<0.001	<0.001	<0.001	0.084	<0.001	<0.001
TRAIL	0.111	0.037	0.003	0.309	0.056	0.059	0.029	0.002	<0.001	0.072	0.256	<0.001	0.151	<0.001	<0.001	<0.001	0.903	0.289	0.001	<0.001	0.064
CXCL9	0.002	0.106	<0.001	0.039	0.004	0.033	0.571	<0.001	0.892	0.01	0.102	<0.001	0.22	<0.001	<0.001	<0.001	0.666	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CST5	0.01	0.041	0.827	<0.001	0.003	<0.001	0.229	0.011	0.515	0.039	0.922	<0.001	0.27	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.457	<0.001	<0.001	<0.001
OSM	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.518	<0.001	0.012	<0.001	0.032	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.727	<0.001	0.9	<0.001	<0.001	<0.001	0.044	0.753
CXCL1	0.128	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.051	<0.001	0.593	<0.001	<0.001	0.038	<0.001	0.002	0.385	<0.001	<0.001	<0.001	0.521	0.101	<0.001
CCL4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.059	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.508
CD6	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	0.063	<0.001	0.009	<0.001	0.03	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.237	0.404	0.444	<0.001	<0.001	0.001	0.934	<0.001
TGFA	<0.001	0.361	<0.001	0.001	0.051	<0.001	0.057	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

MCP4	0.086	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.026	<0.001	0.095	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.116	0.04	0.162	<0.001	<0.001	0.151	0.465	0.019
CCL11	<0.001	0.144	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.233	<0.001	0.037	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.506
TNFSF14	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.228	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.113	0.15	0.076	<0.001	<0.001	0.024	0.842	0.002
MMP1	0.237	<0.001	<0.001	<0.001	0.036	<0.001	0.324	<0.001	0.085	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.774	0.066	0.038	<0.001	<0.001	0.893	0.298	0.679
LIFR	<0.001	0.015	0.254	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.037	<0.001	0.001	0.176	<0.001	0.998	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
FGF21	<0.001	0.408	<0.001	0.417	0.894	0.754	<0.001	0.008	<0.001	0.146	0.208	<0.001	0.371	0.005	<0.001	0.045	0.757	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.411
CCL19	<0.001	0.269	<0.001	0.018	0.146	0.013	0.001	<0.001	<0.001	0.038	0.027	<0.001	<0.001	0.098	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.084
IL15RA	<0.001	0.494	<0.001	0.415	0.041	0.793	0.632	<0.001	0.167	<0.001	<0.001	<0.001	0.026	<0.001	<0.001	<0.001	0.81	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL10RB	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.441	<0.001	<0.001	0.014	0.124	<0.001	0.125	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.097	<0.001	<0.001	<0.001
IL18R1	<0.001	0.064	<0.001	0.093	0.17	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.534
PDL1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.001	<0.001	0.754	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.845	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	0.117
CXCL5	0.607	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.721	<0.001	0.339	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	0.003	0.801	0.032	<0.001	<0.001	0.373	0.094	0.001	0.001
TRANCE	0.271	0.513	0.001	0.311	0.834	0.411	0.024	0.468	0.005	0.912	0.89	0.003	0.203	0.002	<0.001	0.063	0.102	0.996	0.296	0.008	0.479	0.001
HGF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.42	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018
IL12B	<0.001	0.023	<0.001	<0.001	0.75	<0.001	0.913	<0.001	<0.001	<0.001	0.059	<0.001	0.706	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP10	0.002	0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.012	0.434	0.015	0.019	0.997	0.584	<0.001	0.302	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.241	<0.001	<0.001	<0.001	0.004
IL10	<0.001	0.003	0.003	0.009	0.18	0.001	0.001	0.008	<0.001	0.532	0.731	<0.001	0.389	<0.001	<0.001	<0.001	0.265	0.929	<0.001	<0.001	<0.001	0.002
TNF	<0.001	0.627	<0.001	0.024	0.637	0.171	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL23	0.015	0.442	<0.001	0.55	0.432	0.183	0.185	<0.001	<0.001	0.364	0.042	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.666	<0.001	<0.001	<0.001
CD5	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.125	<0.001	0.142	<0.001	0.284	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	0.759	<0.001	<0.001	0.003	0.138	0.059	0.001
CCL3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.032	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.052
FLT3L	0.001	0.24	0.132	0.001	<0.001	0.205	0.006	0.122	<0.001	0.008	0.772	<0.001	0.666	<0.001	<0.001	<0.001	0.101	0.176	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CXCL6	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.026	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.057	0.346	0.033	<0.001	<0.001	0.053	0.564	0.002	0.001
CXCL10	<0.001	0.831	<0.001	<0.001	0.579	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
4EBP1	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.491	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.021	0.534	<0.001	<0.001	<0.001	0.373	0.112	0.003	0.001
SIRT2	0.46	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.048	<0.001	0.846	<0.001	<0.001	0.04	<0.001	0.001	0.328	<0.001	<0.001	<0.001	0.441	0.014	0.002	0.001
CCL28	0.208	<0.001	<0.001	<0.001	0.036	<0.001	0.306	<0.001	0.81	0.116	<0.001	0.001	0.004	0.498	0.001	0.142	<0.001	<0.001	0.001	0.231	0.034	0.001
DNER	0.734	0.009	0.003	<0.001	<0.001	0.002	0.405	0.001	<0.001	0.155	0.305	0.143	0.967	0.101	0.539	<0.001	0.016	<0.001	0.004	0.002	0.01	0.001
ENRAGE	0.042	<0.001	<0.001	<0.001	0.347	<0.001	0.259	<0.001	0.112	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.036	<0.001	0.444	<0.001	<0.001	0.005	0.068	0.254	0.001
CD40	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.063	<0.001	0.939	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.78	0.031	0.041	<0.001	<0.001	0.582	0.954	0.269	0.001
IFNG	<0.001	0.815	0.007	0.172	0.518	0.387	0.002	0.092	0.015	0.011	0.233	<0.001	0.722	0.186	<0.001	0.004	0.127	0.373	<0.001	<0.001	<0.001	0.002
FGF19	<0.001	0.827	0.085	0.016	0.002	0.432	0.008	0.436	0.007	0.654	0.87	0.028	0.143	0.001	0.007	<0.001	0.315	0.431	0.004	0.017	0.703	0.001
MCP2	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.079	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.639	<0.001	0.553	<0.001	<0.001	<0.001	0.078	0.985	0.001
CASP8	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	0.424	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.887	0.07	0.113	<0.001	<0.001	0.044	0.926	0.195	0.001
CCL25	0.019	0.079	0.034	<0.001	<0.001	<0.001	0.774	0.193	0.011	0.607	0.773	<0.001	0.633	<0.001	0.001	<0.001	0.004	0.814	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
CX3CL1	0.101	0.249	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.421	0.286	0.068	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.108	0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF9	<0.001	0.015	<0.001	0.038	<0.001	0.155	0.031	<0.001	0.183	0.001	0.002	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.355	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
NT3	0.051	0.422	0.004	0.512	<0.001	0.791	0.626	0.946	0.095	0.92	0.952	0.304	0.35	0.007	0.256	<0.001	0.407	0.927	0.051	0.001	<0.001	0.001
TWEAK	0.002	0.009	<0.001	<0.001	0.083	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	0.004	0.003	0.044	0.001	0.001	0.613	<0.001	<0.001	<0.001	0.395	0.171	0.505	0.001
CCL20	<0.001	0.425	<0.001	<0.001	0.284	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.03	<0.001	<0.001	<0.001	0.902	0.002	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.626
ST1A1	0.493	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.086	<0.001	0.397	<0.001	<0.001	0.087	<0.001	<0.001	0.457	<0.001	<0.001	<0.001	0.084	0.008	<0.001	0.001
STAMBP	0.363	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.03	<0.001	0.983	<0.001	<0.001	0.059	<0.001	<0.001	0.289	<0.001	<0.001	<0.001	0.255	0.008	<0.001	0.001
ADA	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.272	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.749	0.058	0.096	<0.001	<0.001	0.004	0.939	0.112	0.001
TNFB	0.001	0.007	0.043	<0.001	<0.001	0.001	0.009	0.136	<0.001	<0.001	0.497	<0.001	0.463	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.663	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CSF1	<0.001	0.04	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.88	<0.001	0.007	<0.001	0.047	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
Age	0.545	0.575	0.623	0.731	0.782	0.187	<0.001	<0.001	0.014	0.173	0.45	<0.001	0.312	<0.001	<0.001	<0.001	0.876	<0.001	<0.001	0.634	<0.001	<0.001

Body mass index	<0.001	0.062	<0.001	0.569	<0.001	0.247	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	0.974	<0.001	0.058	0.792	0.048	0.015	0.231	<0.001	<0.001	0.002	0.659
Waist circumference	<0.001	0.397	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.074	<0.001	0.001	0.926	0.009	0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.632	0.217
Educational attainment	0.982	0.823	0.567	0.309	0.171	0.396	0.444	0.546	0.112	0.084	0.819	0.091	0.003	0.62	0.513	<0.001	0.83	0.319	<0.001	0.057	0.417
Alcohol consumption	0.198	0.575	0.436	0.026	0.001	0.001	<0.001	0.227	0.131	0.152	0.674	0.003	0.067	0.02	0.058	<0.001	0.035	0.723	0.358	<0.001	<0.001
Systolic blood pressure	<0.001	0.806	0.002	0.027	0.042	0.042	0.007	0.021	0.04	0.079	0.141	0.118	0.019	0.271	0.183	0.516	0.051	0.018	<0.001	0.436	0.005
Diastolic blood pressure	0.001	0.75	0.016	0.006	<0.001	0.01	0.001	0.172	0.003	0.09	0.276	0.721	0.077	0.717	0.732	0.312	0.021	0.076	0.011	0.4	0.079
Hemoglobin A1c	0.002	0.565	<0.001	0.944	0.318	0.71	0.056	0.045	0.003	0.001	0.442	0.003	0.002	0.528	0.001	0.014	0.518	0.01	<0.001	0.258	0.352
Duration of known diabetes	<0.001	0.922	0.001	0.285	0.31	0.318	0.028	0.115	0.008	<0.001	0.625	<0.001	<0.001	0.116	0.025	0.067	0.771	0.031	<0.001	0.015	0.145
High-density lipoprotein cholesterol	<0.001	0.066	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.075	0.001	<0.001	<0.001	0.47	0.01	0.076	0.007	<0.001	<0.001	0.085	0.377
Low-density lipoprotein cholesterol	0.477	0.74	0.032	0.925	0.064	0.823	0.212	0.501	<0.001	0.349	0.768	0.038	0.909	0.034	0.06	0.346	0.264	0.479	0.243	0.296	0.004
Triglycerides	<0.001	0.022	<0.001	0.006	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.081	0.002	<0.001	0.672	0.089	0.08	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.017
Albumin	0.597	0.427	0.447	0.016	0.101	0.019	0.046	0.07	0.415	0.028	0.441	<0.001	0.766	0.007	<0.001	0.223	0.031	0.569	0.119	0.001	0.001
Fibrinogen	0.084	0.218	0.002	0.076	0.135	0.501	0.818	0.002	0.075	0.025	0.132	0.001	<0.001	0.549	<0.001	0.005	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005
C-reactive protein	<0.001	0.077	<0.001	0.373	0.001	0.224	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.002	<0.001	<0.001	0.086	<0.001	0.19	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.064
Serum amyloid A	0.084	0.261	0.421	0.073	0.015	0.273	0.324	0.071	<0.001	0.179	0.837	<0.001	0.001	0.377	<0.001	0.021	0.758	0.028	<0.001	0.001	0.007
Leucocyte count	<0.001	0.064	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.024	<0.001	0.471	0.207	0.227	0.03	0.054	0.624	<0.001	0.001	<0.001	0.002	0.092	<0.001
Serum adiponectin	0.024	0.026	<0.001	<0.001	0.279	<0.001	0.916	<0.001	0.014	0.206	0.041	0.001	<0.001	0.984	0.024	0.781	<0.001	<0.001	0.03	0.144	0.337
Uric acid	<0.001	0.439	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.456	0.025	<0.001	0.009	0.021	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.74	0.982
Creatinine	<0.001	0.05	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	0.116	<0.001	0.194	0.882	0.011	<0.001	0.688	<0.001	0.019	<0.001	0.018	<0.001	0.253	0.145	0.066
Rényi4, baseline	0.023	0.132	0.001	0.453	0.039	0.032	0.089	0.016	0.004	0.003	0.73	<0.001	0.025	0.2	0.013	0.017	0.059	0.002	<0.001	<0.001	0.095
TP, baseline	0.03	0.142	<0.001	0.605	0.066	0.026	0.119	0.013	0.001	<0.001	0.546	<0.001	0.028	0.277	0.007	0.004	0.053	0.002	<0.001	<0.001	0.09
SDWS, baseline	0.081	0.298	0.055	0.97	0.206	0.262	0.303	0.084	0.014	0.001	0.938	<0.001	0.081	0.378	0.013	0.01	0.464	0.02	<0.001	0.001	0.841
SDSA, baseline	0.06	0.806	0.047	0.749	0.001	0.055	0.34	0.028	0.003	0.024	0.316	0.007	0.952	0.516	0.116	0.294	0.046	0.032	0.011	0.007	<0.001
CE, baseline	0.007	0.618	0.002	0.773	0.016	0.119	0.177	0.003	0.001	0.004	0.345	<0.001	0.215	0.096	0.004	0.047	0.037	0.006	<0.001	<0.001	0.254

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

3NP	PLC	LTBR	NOTCH1	TIMP4	CNTN1	CDH5	TLT2	FABP4	TFPI	PAI	CCL24	TR	TNFRSF10A	GDF15	SELE	DLK1	MPO	CXCL16	IL6RA	RETN	IGFBP1	CHIT1
BMP6	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.2	0.6	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1
ANGPT1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.2	0.8	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
ADM	0.6	0.4	0.3	0.4	0.2	0.3	0.1	0.6	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.5	0.1	0.2	-0.1	0.4	0.2	0.2	0.1	0.2
CD40L	-0.2	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.4	-0.1	0.2	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1
PGF	0.5	0.4	0.4	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.2	0.4	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2
ADAMTS13	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
BOC	0.3	0.2	0.4	0.1	0.4	0.3	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1
IL4RA	0.4	0.4	0.4	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2
SRC	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL1RA	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.5	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.5	0.1	0.1	0.3	-0.2	0.1
TNFRSF10A	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1
STK4	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.3	-0.2	0.1	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1
IDUA	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.5	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1
TNFRSF11A	0.5	0.5	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.5	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.1	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1
PAR1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.5	<0.1	0.2	0.6	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1
TRAILR2	0.5	0.4	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.6	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.4	0.1	0.2
PRSS27	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
TIE2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	0.5	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1
TF	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1
IL1RL2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.4	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1
PDGFB	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.4	-0.1	0.2	0.8	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1
IL27	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1
IL17D	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1
LOX1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.4	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1
GAL9	0.2	0.3	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.4	0.3	0.1	0.4	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.4	<0.1	0.2
GIF	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
SCF	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.2	-0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.2	0.3	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1
IL18	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1
PLGR	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.2	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2
RAGE	0.4	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.1	0.3	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.3	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1
SOD2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.4	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
CTRC	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1
FGF23	0.4	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.4	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1
SPON2	0.6	0.4	0.4	0.3	0.3	0.3	0.1	0.5	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.1	0.3	-0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.2
GH	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1
FS	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1
GLO1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.3	-0.2	0.1	0.6	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.2	-0.1	0.1	-0.1	<0.1
CD84	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.5	<0.1	0.1	0.6	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1
SERPINA12	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
REN	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1
DECR1	-0.2	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.4	-0.2	0.1	0.6	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.4	-0.2	-0.1	0.1	-0.1	<0.1

MERTK	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2
KIM1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1
THBS2	0.3	0.2	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1	0.4	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1
TM	0.4	0.5	0.3	0.2	0.2	0.4	0.4	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2
VSIG2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1
AMBP	0.5	0.4	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	0.4	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1
PRELP	0.5	0.3	0.4	0.3	0.3	0.3	0.1	0.4	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.1	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2
HO1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
XCL1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1
IL16	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.4	-0.1	0.2	0.5	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.5	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1
SORT1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.4	0.1	0.2	0.7	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1
CEACAM8	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	0.5	-0.1	0.1
PTX3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
PSGL1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.1
CCL17	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.6	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
MMP7	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
IGGFC	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
ITGB1BP2	-0.2	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.4	-0.1	0.1	0.6	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1
DCN	0.5	0.3	0.5	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	0.3	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2
DKK1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.2	0.8	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1
LPL	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.3	0.1	-0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1
PRSS8	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.1
AGRP	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1
HBEGF	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.2	0.7	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1
GDF2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.4	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1
FABP2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1
THPO	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.5	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
MARCO	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1
GT	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1
MMP12	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2
ACE2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1
PDL2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2
CTSL1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.4	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2
HOSCAR	0.4	0.4	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2
TNFRSF13B	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1
TGM2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1
LEP	0.3	0.1	0.2	0.4	0.3	0.2	0.1	0.7	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1	-0.2	<0.1
CA5A	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1
HSP27	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
CD4	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.4	0.1	0.1	0.3	-0.1	0.1
NEMO	-0.2	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.4	-0.2	0.1	0.6	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.2	-0.1	0.1	-0.1	<0.1
VEGFD	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1
PARP1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	<0.1	0.4	-0.1	0.1	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.5	-0.1	-0.1	0.2	<0.1
HAOX1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.1
TNFRSF14	0.4	0.6	0.2	0.2	0.1	0.3	0.7	0.2	0.3	0.6	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.6	0.3	0.2	0.6	0.1	0.1
LDL_RC	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.1

ITGB2	0.2	0.4	0.2	0.1	0.2	0.3	0.4	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.7	0.2	0.2	0.4	<0.1	0.1
IL17RA	0.2	0.4	0.1	0.1	0.2	0.2	0.5	0.1	0.3	0.4	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.5	0.2	0.2	0.4	0.1	0.1
TNFR2	0.7	0.8	0.4	0.4	0.3	0.5	0.6	0.4	0.3	0.2	0.1	0.3	0.4	0.6	0.3	0.4	0.3	0.5	0.4	0.6	0.2	0.3
MMP9	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.4	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.4	-0.1	0.2
EPHB4	0.7	0.7	0.6	0.4	0.4	0.6	0.4	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.5	0.3	0.5	0.1	0.5	0.4	0.4	0.3	0.2
IL2RA	0.5	0.6	0.4	0.3	0.3	0.4	0.4	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.1	0.4	0.3	0.4	0.2	0.2
ALCAM	0.6	0.6	0.7	0.5	0.7	0.7	0.4	0.5	0.3	0.1	0.1	0.3	0.4	0.4	0.3	0.5	0.1	0.6	0.4	0.4	0.3	0.3
SELP	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.5	<0.1	0.3	0.7	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.6	<0.1	0.1	0.3	-0.1	<0.1
CSTB	0.3	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.6	0.2	0.3	0.6	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.6	0.2	0.2	0.5	<0.1	0.2
CD163	0.4	0.3	0.4	0.3	0.4	0.4	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	0.4	0.3	0.2	0.4	0.3	0.3	-0.1	0.2
GRN	0.5	0.5	0.4	0.3	0.4	0.4	0.4	0.4	0.3	0.1	0.1	0.2	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	0.5	0.3	0.4	0.2	0.2
NTPROBNP	0.4	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1
PLC	1	0.7	0.7	0.5	0.5	0.6	0.4	0.6	0.2	0.1	0.1	0.3	0.3	0.5	0.2	0.5	0.1	0.6	0.4	0.4	0.2	0.2
LTBR	0.7	1	0.5	0.4	0.3	0.5	0.5	0.4	0.3	0.2	0.1	0.2	0.4	0.5	0.2	0.4	0.3	0.5	0.4	0.5	0.3	0.2
NOTCH3	0.7	0.5	1	0.5	0.6	0.6	0.3	0.4	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.4	0.2	0.4	<0.1	0.5	0.3	0.3	0.3	0.2
TIMP4	0.5	0.4	0.5	1	0.3	0.3	0.2	0.5	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.3	0.2	0.2
CNTN1	0.5	0.3	0.6	0.3	1	0.5	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	<0.1	0.5	0.3	0.2	0.2	0.2
CDH5	0.6	0.5	0.6	0.3	0.5	1	0.4	0.4	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	0.1	0.4	0.4	0.3	0.2	0.2
TLT2	0.4	0.5	0.3	0.2	0.3	0.4	1	0.3	0.3	0.4	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.4	0.3	0.3	0.5	0.1	0.1
FABP4	0.6	0.4	0.4	0.5	0.3	0.4	0.3	1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.4	0.2	0.3	<0.1	0.4	0.3	0.3	<0.1	0.1
TFPI	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2
PAI	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.2	1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	0.1	0.3	-0.1	<0.1
CCL24	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
TR	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2
TNFRSF10C	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.4	0.1	0.2
GDF15	0.5	0.5	0.4	0.4	0.2	0.3	0.2	0.4	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	1	0.3	0.3	0.1	0.5	0.3	0.4	0.2	0.2
SELE	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	<0.1
DLK1	0.5	0.4	0.4	0.2	0.4	0.4	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	1	0.1	0.4	0.2	0.3	0.1	0.2
MPO	0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.4	<0.1	0.3	0.4	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	1	0.1	0.2	0.5	-0.1	0.1
CXCL16	0.6	0.5	0.5	0.4	0.5	0.4	0.3	0.4	0.3	0.1	0.1	0.2	0.3	0.5	0.2	0.4	0.1	1	0.4	0.3	0.2	0.2
IL6RA	0.4	0.4	0.3	0.3	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.4	1	0.3	0.1	0.2
RETN	0.4	0.5	0.3	0.3	0.2	0.3	0.5	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	0.4	0.4	0.2	0.3	0.5	0.3	0.3	1	0.1	0.2
IGFBP1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	1	0.2
CHIT1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	1
TRAP	0.3	0.4	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.2	0.3	0.4	0.3	0.3	0.1	0.2
GP6	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.5	-0.1	0.2	0.7	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1
PSPD	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1
EPCAM	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
APN	0.4	0.4	0.5	0.3	0.5	0.5	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.4	0.3	0.2	0.1	0.1
AXL	0.6	0.5	0.6	0.4	0.5	0.6	0.4	0.4	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.4	0.3	0.4	0.1	0.4	0.4	0.3	0.2	0.2
IL1RT1	0.5	0.6	0.5	0.3	0.5	0.5	0.4	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.5	0.3	0.4	0.1	0.5	0.4	0.3	0.3	0.2
MMP2	0.6	0.5	0.8	0.4	0.6	0.5	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.4	0.2	0.4	<0.1	0.5	0.3	0.2	0.3	0.2
FAS	0.5	0.7	0.4	0.3	0.4	0.4	0.5	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	0.3	0.5	0.3	0.4	0.4	0.5	0.4	0.5	0.1	0.2
MB	0.5	0.4	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.4	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2
TNFSF13B	0.4	0.5	0.4	0.3	0.4	0.4	0.4	0.4	0.3	0.2	0.1	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.2	0.5	0.3	0.4	0.2	0.3
PCSK9	0.4	0.4	0.4	0.4	0.4	0.4	0.4	0.4	0.4	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.5	0.3	0.3	0.1	0.1

UPAR	0.4	0.6	0.3	0.3	0.2	0.3	0.5	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	0.4	0.5	0.3	0.2	0.6	0.4	0.3	0.6	0.1	0.2
OPN	0.6	0.5	0.5	0.4	0.3	0.4	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.5	0.2	0.3	0.1	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2
PGLYRP1	0.5	0.4	0.3	0.3	0.2	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.4	0.4	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.7	0.1	0.2
CPA1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1
JAMA	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.5	-0.1	0.2	0.6	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	<0.1
GAL4	0.4	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.5	0.4	0.3	0.1	0.4	0.2	0.3	0.1	0.1
IL1RT2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.4	0.4	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.4	0.2	0.1	0.4	0.3	0.2	<0.1	0.1
SHPS1	0.4	0.6	0.4	0.2	0.3	0.4	0.4	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.4	0.3	0.4	0.1	0.2
CCL15	0.5	0.4	0.3	0.3	0.3	0.4	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.5	0.2	0.3	0.1	0.4	0.3	0.3	0.2	0.1
CASP3	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.5	-0.1	0.2	0.7	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.5	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1
CPB1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1
CHI3L1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.5	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1
ST2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.4	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1
TPA	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.1
SCGB3A2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.1
EGFR	0.4	0.3	0.4	0.3	0.7	0.5	0.3	0.3	0.4	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.1	0.5	0.4	0.2	0.1	0.1
IGFBP7	0.7	0.6	0.7	0.5	0.5	0.5	0.4	0.4	0.3	0.1	0.1	0.3	0.3	0.6	0.3	0.4	0.1	0.6	0.4	0.4	0.2	0.2
CD93	0.7	0.7	0.6	0.3	0.5	0.7	0.5	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.4	0.2	0.5	0.2	0.5	0.4	0.5	0.3	0.2
IL18BP	0.6	0.6	0.5	0.4	0.4	0.6	0.5	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.6	0.3	0.4	0.1	0.5	0.4	0.5	0.3	0.4
COL1A1	0.5	0.4	0.5	0.3	0.4	0.4	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.4	0.3	0.2	0.3	0.2
PON3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.4	0.2	0.1	<0.1	0.3	-0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.3	0.2	<0.1	0.4	0.1
CTSZ	0.5	0.6	0.3	0.3	0.3	0.4	0.4	0.4	0.3	0.3	0.1	0.2	0.3	0.5	0.3	0.4	0.3	0.4	0.3	0.5	0.1	0.2
MMP3	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
RARRES2	0.5	0.5	0.3	0.4	0.3	0.3	0.6	0.5	0.4	0.5	0.1	0.3	0.3	0.4	0.2	0.3	0.3	0.5	0.3	0.5	<0.1	0.2
ICAM2	0.4	0.4	0.4	0.3	0.4	0.5	0.4	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.5	0.3	0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2
KLK6	0.5	0.5	0.4	0.3	0.4	0.4	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	<0.1	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2
PDGFA	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.5	<0.1	0.3	0.8	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.5	<0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1
TNFR1	0.7	0.8	0.5	0.4	0.3	0.5	0.5	0.5	0.3	0.2	0.1	0.3	0.4	0.6	0.3	0.4	0.2	0.6	0.4	0.6	0.2	0.2
IGFBP2	0.3	0.4	0.4	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	-0.2	0.1	0.1	0.2	0.4	-0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.6	0.2
VWF	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1
PECAM1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.5	<0.1	0.3	0.6	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.6	<0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1
MEPE	0.6	0.5	0.4	0.3	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.4	0.1	0.4	0.3	0.4	0.2	0.2
CCL16	0.5	0.4	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.5	0.3	0.3	0.1	0.4	0.2	0.3	0.1	0.2
IL8	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.5	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
VEGFA	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.4	0.3	0.2	0.5	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	-0.1	0.1
CD8A	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1
MCP3	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.4	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2
CDCP1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.4
CD244	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.5	<0.1	0.1	0.5	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1
IL7	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	0.2	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
OPG	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2
LAP_TGFB1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.5	0.1	0.1	0.7	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1
UPA	0.3	0.2	0.4	0.2	0.3	0.4	0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2
IL6	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1
MCP1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1
CXCL11	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.2	0.6	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.2	-0.1

AXIN1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.4	-0.2	0.1	0.6	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.2	-0.1	0.1	-0.1	<0.1
TRAIL	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1
CXCL9	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2
CST5	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
OSM	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.5	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.3	-0.2	0.1
CXCL1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.4	-0.1	0.1	0.5	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
CCL4	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	0.5	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1
CD6	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
TGFA	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.4	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	<0.1	0.1
MCP4	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.2	0.7	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1
CCL11	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.4	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
TNFSF14	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.4	<0.1	0.2	0.6	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.5	-0.1	<0.1	0.2	-0.2	<0.1
MMP1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.6	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1
LIFR	0.3	0.2	0.4	0.3	0.3	0.4	<0.1	0.3	<0.1	-0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1
FGF21	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1
CCL19	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
IL15RA	0.4	0.4	0.3	0.2	0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2
IL10RB	0.5	0.4	0.4	0.3	0.2	0.4	0.2	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.1	0.4	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1
IL18R1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	-0.2	<0.1
PDL1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1
CXCL5	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.2	0.6	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
TRANCE	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
HGF	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.5	0.1	0.1	0.2	0.4	0.3	0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	-0.2	0.1
IL12B	0.4	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1
MMP10	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2
IL10	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
TNF	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.4	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2
CCL23	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1
CD5	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.1	0.4	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1
CCL3	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.4	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2
FLT3L	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1
CXCL6	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.1	0.6	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1
CXCL10	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2
4EBP1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.4	-0.1	0.2	0.6	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.5	-0.1	-0.1	0.2	-0.2	<0.1
SIRT2	-0.2	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.4	-0.1	0.1	0.6	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1
CCL28	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
DNER	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.1
ENRAGE	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.1
CD40	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.5	<0.1	0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1
IFNG	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
FGF19	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
MCP2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.6	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
CASP8	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.2	0.6	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.5	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1
CCL25	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
CX3CL1	0.4	0.4	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2
TNFRSF9	0.5	0.4	0.3	0.2	0.1	0.3	0.4	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2

NT3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1
TWEAK	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
CCL20	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
ST1A1	-0.2	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.4	-0.1	0.1	0.6	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.2	-0.1	0.1	-0.1	<0.1
STAMBP	-0.2	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.4	-0.1	0.1	0.6	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.2	-0.1	0.2	-0.1	<0.1
ADA	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.1	0.5	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1
TNFB	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
CSF1	0.4	0.4	0.4	0.3	0.2	0.3	0.3	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.4	0.1	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2
Age	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
Body mass ind	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	-0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.4	<0.1
Waist circumf	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.4	<0.1
Educational at	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Alcohol consu	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.3	-0.1	0.1	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
Systolic blood	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
Diastolic blood	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
Hemoglobin A	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
Duration of kn	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	<0.1
High-density li	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.2	-0.1
Low-density li	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Triglycerides	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.3	<0.1
Albumin	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
Fibrinogen	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1
C-reactive pro	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1
Serum amyloid	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
Leucocyte cou	0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1
Serum adipone	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	-0.1	<0.1
Uric acid	0.2	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	<0.1
Creatinine	0.3	0.2	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1
Rényi4, baseli	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
TP, baseline	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
SDWS, baseli	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
SDSA, baseli	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
CE, baseline	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

3NP	PLC	LTBR	NOTCH1	TIMP4	CNTN1	CDH5	TLT2	FABP4	TFPI	PAI	CCL24	TR	TNFRSF	GDF15	SELE	DLK1	MPO	CXCL1	IL6RA	RETN	IGFBP1	CHIT1
BMP6	1	0.017	1	1	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	0.096	0.02	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	0.416	1
ANGPT1	0.095	1	0.006	1	0.051	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	0.172	1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	0.243	1
ADM	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.343	<0.001	0.304	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD40L	<0.001	1	<0.001	0.078	<0.001	0.087	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	1	1	1	0.906	1	0.179	<0.001	<0.001	0.078	0.001	0.017	1

PGF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.034	<0.001
ADAMTS13	<0.001	0.683	<0.001	0.199	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.274	0.839	1	1	0.221	1	0.016	<0.001	1	0.224	0.035	0.855	1	1
BOC	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	1	0.001	0.079	0.001	1	0.003	0.034	<0.001	0.218	<0.001	0.182	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.232
IL4RA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.61	0.411	1	0.049	<0.001	<0.001	0.069	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SRC	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0.034	1	1	1	1	1	1	1	0.007	1	1	1	1
IL1RA	0.207	<0.001	1	0.013	0.692	0.158	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	0.56	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.004	0.201	<0.001	<0.001	0.595
TNFRSF10A	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.033	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.626	<0.001	1	0.638
STK4	0.002	1	<0.001	0.017	<0.001	0.095	<0.001	<0.001	0.273	<0.001	1	1	1	0.423	1	0.667	<0.001	<0.001	0.244	0.442	0.08	1
IDUA	0.429	0.093	1	1	1	0.193	<0.001	0.062	0.001	<0.001	0.327	1	0.562	<0.001	<0.001	0.575	<0.001	1	1	<0.001	0.122	1
TNFRSF11A	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.035	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.262	0.002
PAR1	1	<0.001	0.515	1	0.026	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	0.048	0.498	1	1	<0.001	1	1	<0.001	1	1
TRAILR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.519	<0.001	<0.001	<0.001	0.316	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.104	<0.001
PRSS27	<0.001	<0.001	0.017	1	0.064	0.084	<0.001	0.615	0.004	<0.001	1	0.124	<0.001	0.001	1	<0.001	0.098	0.001	0.01	<0.001	<0.001	0.247
TIE2	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.217	1	0.136	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	1	0.251
TF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	1	<0.001	1	0.083	<0.001	<0.001	0.069	<0.001	0.237	<0.001	<0.001	0.148	<0.001	0.05
IL1RL2	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.138	1	1	<0.001	0.006	0.77	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.255	1	1
PDGFB	0.001	1	<0.001	1	0.001	0.442	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	0.144	1	1	0.617	<0.001	1	1	<0.001	0.142	1
IL27	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.438	<0.001	0.213	1	0.962	<0.001	<0.001	<0.001	0.052	0.052	1	<0.001	<0.001	0.031	0.001	0.033
IL17D	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.105	<0.001	0.006	1	1	1	0.003	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.015	0.5	<0.001	<0.001
LOX1	0.604	0.005	1	0.014	1	0.59	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	0.257	<0.001	<0.001	<0.001	0.928	0.721	<0.001	<0.001	0.613	<0.001	1	0.001
GAL9	<0.001	<0.001	0.38	0.003	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.035	<0.001	1	<0.001
GIF	<0.001	0.132	0.006	1	<0.001	0.001	1	0.434	1	1	1	0.902	1	0.001	0.069	<0.001	1	0.001	0.185	0.37	1	1
SCF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	<0.001	0.119	1	<0.001	<0.001	0.025	<0.001	0.001	0.55	<0.001	0.19
IL18	0.003	<0.001	0.477	0.33	1	0.001	<0.001	0.157	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	0.031	0.188	<0.001	1	0.003
PLGR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.574	<0.001	0.015	0.494	0.095	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	<0.001
RAGE	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.223	0.001	1	0.382	0.003	<0.001	0.114	<0.001	0.316	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002
SOD2	1	1	1	1	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	0.055	1	0.945	1	<0.001	1	1	0.035	1	0.013
CTRC	1	1	0.315	1	<0.001	<0.001	1	0.057	0.106	0.048	0.017	0.114	1	1	0.321	1	1	0.489	0.031	1	1	1
FGF23	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.187	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.061	0.167
SPON2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.115	<0.001	1	1	1	0.001	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GH	1	0.889	<0.001	<0.001	<0.001	0.177	1	<0.001	1	<0.001	0.91	1	0.359	0.065	0.023	1	<0.001	0.001	1	1	<0.001	1
FS	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.045	<0.001	1	<0.001	0.266	1	1	1	<0.001	<0.001	0.02	0.525	1	<0.001	0.032	0.458	<0.001	0.024
GLO1	<0.001	1	<0.001	0.002	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	1	0.671	1	0.596	1	0.019	<0.001	<0.001	0.112	0.002	0.001	1
CD84	1	0.208	0.016	1	0.01	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	0.046	1	1	1	<0.001	0.201	1	<0.001	1	1
SERPINA12	0.007	1	0.785	1	0.015	0.632	1	<0.001	1	1	1	1	1	0.683	1	0.008	1	0.113	1	1	1	1
REN	<0.001	0.003	1	0.057	1	0.117	1	0.065	0.401	1	1	1	0.085	<0.001	0.001	1	0.017	0.018	0.071	<0.001	0.009	1
DECR1	<0.001	1	<0.001	0.028	<0.001	0.136	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	1	0.842	1	1	1	0.111	<0.001	<0.001	0.081	<0.001	0.035	1
MERTK	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.008	0.002	1	0.015	<0.001	<0.001	0.134	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001
KIM1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.049	0.002	1	<0.001	0.038	0.034	1	0.023	0.216	<0.001	<0.001	0.044	0.004	<0.001	0.514	0.001	1	0.868
THBS2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.467	<0.001	1	0.665	1	0.774	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.03	0.023	1	0.058
TM	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.035	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
VSIG2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.081	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.099
AMBP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.004	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.452	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.155	<0.001
PRELP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.026	<0.001	0.148	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.033	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
HO1	0.081	0.022	0.102	1	1	0.189	0.031	1	1	<0.001	0.336	1	0.16	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.943	<0.001	1	0.192
XLCL1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.219	0.001	<0.001	<0.001	0.345	<0.001	0.007	0.157	<0.001	<0.001	<0.001	0.117	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	1	<0.001

[illegible]

CASP3	0.007	0.011	<0.001	0.251	<0.001	0.288	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.007	0.824		0.021	0.732	0.036	0.091	<0.001	0.048	0.877	<0.001	0.056	0.96
CPB1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.042	<0.001	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.041	<0.001	<0.001	<0.001	0.36	0.085
CHI3L1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.088	<0.001	0.002	<0.001	0.022	<0.001	0.049	0.237		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.001	0.007
ST2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.027	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.484	0.003
TPA	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	0.163	0.001	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	0.466	0.279		0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.033	<0.001
SCGB3A2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.006	<0.001	0.082	0.127	0.211		<0.001	<0.001	0.542	0.016	0.627	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.01
EGFR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.027	<0.001	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IGFBP7	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD93	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.753	0.003	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL18BP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.436	<0.001	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
COL1A1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.377	0.028	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.065	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PON3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.389	<0.001	<0.001	0.017	0.106		0.011	0.762	0.043	0.052	0.049	<0.001	<0.001	0.399	<0.001	0.008
CTSZ	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.041	<0.001
MMP3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.232	<0.001	0.442	<0.001	<0.001	0.189	<0.001	0.007		0.001	<0.001	0.003	0.79	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
RARRES2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.276	<0.001
ICAM2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.042	<0.001	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
KLK6	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.038	0.054	<0.001		<0.001	<0.001	0.062	<0.001	0.174	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PDGFA	0.349	<0.001	0.053	0.298	0.09	0.639	<0.001	0.635	<0.001	<0.001	0.022	0.015		<0.001	0.361	0.017	0.845	<0.001	0.128	0.048	<0.001	0.191	0.295
TNFR1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IGFBP2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.038	<0.001	<0.001	0.002	<0.001		<0.001	<0.001	0.003	0.001	0.953	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
VWF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.551	0.101		<0.001	<0.001	0.138	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.059	0.003
PECAM1	0.602	<0.001	0.009	0.556	0.021	0.038	<0.001	0.131	<0.001	<0.001	0.005	0.455		0.002	0.363	<0.001	0.533	<0.001	0.459	0.047	<0.001	0.139	0.724
MEPE	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.04	0.001	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL16	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001
IL8	0.84	0.002	0.53	0.014	0.02	0.47	<0.001	0.025	<0.001	<0.001	0.045	0.222		0.189	<0.001	0.002	0.705	<0.001	0.235	0.535	<0.001	0.866	<0.001
VEGFA	<0.001	<0.001	0.065	<0.001	0.919	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.036	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.026	<0.001
CD8A	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.243	0.001	<0.001	<0.001	0.495	0.542	<0.001	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.212	0.474	<0.001	<0.001	0.007	0.036
MCP3	0.013	<0.001	0.89	0.006	0.006	0.757	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	0.052	<0.001		<0.001	<0.001	0.001	0.074	<0.001	<0.001	0.945	<0.001	0.069	<0.001
CDCP1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.032	<0.001	0.257	0.073	0.353	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	<0.001	<0.001	0.001	0.029	<0.001
CD244	0.175	0.008	0.066	0.232	0.023	0.172	<0.001	0.648	0.002	<0.001	0.01	0.093		<0.001	0.864	0.018	0.389	<0.001	0.004	0.608	<0.001	<0.001	0.661
IL7	<0.001	0.912	<0.001	0.048	<0.001	0.019	<0.001	0.327	<0.001	<0.001	0.314	0.71		0.233	0.087	0.089	0.196	<0.001	0.056	0.92	<0.001	0.001	0.68
OPG	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.044	<0.001	0.073	0.481	0.287	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.889	<0.001	<0.001	0.004	0.001	<0.001
LAP_TGFB1	0.482	<0.001	0.038	0.567	0.011	0.585	<0.001	0.029	<0.001	<0.001	0.024	0.049		<0.001	0.008	<0.001	0.667	<0.001	0.871	0.7	<0.001	0.005	0.193
UPA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.811	<0.001	0.029	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.696	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001
IL6	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.17	0.063	0.415	<0.001	0.292	0.001	0.726	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	0.395	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	0.508	<0.001
MCP1	<0.001	<0.001	0.001	0.005	0.262	0.064	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	0.049	0.115		0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.89	<0.001	0.284	0.199	0.072	<0.001
CXCL11	0.002	0.84	0.056	0.717	0.002	0.244	<0.001	0.661	<0.001	<0.001	0.181	0.01		0.061	0.043	0.003	0.128	<0.001	0.041	0.846	<0.001	0.014	0.315
AXIN1	<0.001	0.106	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.209	0.062		0.696	0.008	0.316	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.396
TRAIL	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.747	0.091	0.004		<0.001	0.014	0.922	<0.001	0.032	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001
CXCL9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.231	<0.001	0.001	<0.001	0.047	0.745	0.605	<0.001		0.007	<0.001	0.206	0.002	0.81	0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001
CST5	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.058	<0.001	0.232	0.014	0.537	<0.001		<0.001	<0.001	0.111	<0.001	0.039	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	<0.001
OSM	0.621	0.05	0.125	0.19	0.001	0.639	<0.001	0.043	<0.001	<0.001	0.026	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	0.967	<0.001	0.023	0.27	<0.001	<0.001	0.001
CXCL1	<0.001	0.522	<0.001	0.008	<0.001	0.013	<0.001	0.012	0.001	<0.001	0.106	0.17		0.499	0.098	0.184	0.008	<0.001	<0.001	0.186	<0.001	0.021	0.586
CCL4	0.036	<0.001	0.278	0.725	0.699	0.033	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	0.019	0.051	<0.001	0.012	0.002
CD6	0.04	0.971	0.04	0.321	0.219	0.886	<0.001	0.461	<0.001	<0.001	0.391	0.477		0.163	0.53	0.009	0.665	<0.001	0.016	0.774	<0.001	<0.001	0.384
TGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.045	<0.001		<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.483	<0.001

MCP4	0.005	0.342	0.006	0.391	0.007	0.142	<0.001	0.224	<0.001	<0.001	0.011	0.763	0.07	0.326	0.135	0.286	<0.001	0.675	0.378	<0.001	0.028	0.073
CCL11	0.269	0.004	0.012	0.002	0.269	0.167	<0.001	0.237	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.002	<0.001	<0.001	0.575	<0.001	<0.001	0.028	<0.001	0.802	<0.001
TNFSF14	0.002	0.175	<0.001	0.304	<0.001	0.272	<0.001	0.373	<0.001	<0.001	0.022	0.04	<0.001	0.541	0.002	0.466	<0.001	0.041	0.155	<0.001	<0.001	0.391
MMP1	0.281	0.055	0.001	0.324	<0.001	0.083	<0.001	0.743	<0.001	<0.001	0.373	0.006	0.004	0.001	0.028	0.252	<0.001	0.883	0.834	<0.001	0.285	0.659
LIFR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.535	<0.001	0.625	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.024	0.516	0.01
FGF21	<0.001	0.001	0.441	<0.001	0.333	0.602	0.443	<0.001	0.948	<0.001	0.678	0.082	0.351	<0.001	<0.001	0.057	0.378	<0.001	0.004	0.094	0.642	0.359
CCL19	<0.001	0.004	0.005	0.007	0.006	0.019	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.102	0.006	0.009	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	0.04	<0.001	0.855	0.001
IL15RA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.105	0.357	0.278	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL10RB	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.571	0.137	0.374	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.11	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL18R1	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.071	<0.001	0.169	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.237
PDL1	0.043	<0.001	0.595	0.77	<0.001	0.204	<0.001	0.84	<0.001	<0.001	0.024	0.008	<0.001	<0.001	0.003	0.025	<0.001	0.926	0.282	<0.001	0.361	0.017
CXCL5	<0.001	0.837	<0.001	0.051	<0.001	0.074	<0.001	0.506	<0.001	<0.001	0.213	0.237	0.799	0.107	0.866	0.13	<0.001	0.02	0.479	<0.001	0.251	0.914
TRANCE	<0.001	0.13	0.022	0.095	0.038	0.15	<0.001	<0.001	0.759	0.125	0.269	0.483	0.717	<0.001	0.994	<0.001	0.498	0.271	0.055	0.023	0.242	0.004
HGF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.531	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.052	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL12B	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.753	0.681	0.931	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.688	<0.001	<0.001	<0.001	0.07	<0.001
MMP10	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.108	<0.001	0.235	0.047	0.468	0.056	<0.001	<0.001	0.062	<0.001	0.286	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001
IL10	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	0.002	<0.001	0.113	0.47	0.011	0.003	0.001	<0.001	<0.001	0.009	0.968	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001
TNF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.033	<0.001	0.098	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	0.017	<0.001
CCL23	<0.001	<0.001	0.062	<0.001	0.874	0.005	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	0.215	0.001	0.033	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD5	0.652	<0.001	0.018	0.485	0.003	0.19	<0.001	0.471	0.001	<0.001	0.28	0.058	0.007	0.022	0.044	0.246	<0.001	0.113	0.977	<0.001	0.015	0.108
CCL3	<0.001	<0.001	0.019	0.026	0.379	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	0.135	<0.001
FLT3L	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.832	<0.001	0.513	0.213	0.854	0.082	0.041	<0.001	0.278	<0.001	0.309	<0.001	0.002	0.55	0.009	<0.001
CXCL6	0.002	0.694	<0.001	0.031	<0.001	0.122	<0.001	0.346	<0.001	<0.001	0.03	0.365	0.145	0.758	0.013	0.65	<0.001	0.001	0.242	<0.001	0.02	0.617
CXCL10	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.1	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.048	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.304	<0.001
4EBP1	0.001	0.78	<0.001	0.064	<0.001	0.019	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	0.023	0.321	0.081	0.467	0.012	0.038	<0.001	0.001	0.103	<0.001	<0.001	0.798
SIRT2	<0.001	0.697	<0.001	0.02	<0.001	0.015	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.055	1	0.168	0.067	0.208	0.013	<0.001	<0.001	0.027	<0.001	0.001	0.709
CCL28	0.652	0.215	0.004	<0.001	0.136	0.739	0.002	0.469	0.001	<0.001	<0.001	0.858	0.089	<0.001	0.006	0.025	0.001	0.351	0.85	0.012	0.022	0.001
DNER	0.052	0.596	<0.001	0.074	<0.001	<0.001	0.758	0.627	<0.001	0.007	0.01	<0.001	0.105	0.221	0.015	0.002	0.113	<0.001	<0.001	0.074	0.018	0.031
ENRAGE	0.317	<0.001	0.19	0.051	<0.001	0.706	<0.001	0.392	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	0.956	<0.001	0.375	0.438	<0.001	0.006	0.003
CD40	0.132	0.001	<0.001	0.35	<0.001	0.303	<0.001	0.367	<0.001	<0.001	0.23	0.195	0.001	0.324	0.31	0.867	<0.001	0.005	0.354	<0.001	0.119	0.664
IFNG	0.013	0.106	<0.001	0.292	0.324	0.005	0.268	0.024	0.33	0.23	0.378	<0.001	0.418	<0.001	0.007	0.613	0.708	0.27	0.484	0.346	0.615	<0.001
FGF19	0.021	0.073	0.141	<0.001	0.005	0.002	0.251	0.008	0.002	0.735	0.159	0.029	0.035	<0.001	0.085	0.17	0.672	<0.001	0.001	0.025	0.008	0.094
MCP2	0.581	0.009	0.442	0.032	0.295	0.274	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.528	0.015	0.029	0.005	0.506	<0.001	0.006	0.16	<0.001	0.15	0.057
CASP8	0.04	0.05	0.001	0.541	<0.001	0.931	<0.001	0.244	<0.001	<0.001	0.003	0.025	0.003	0.191	0.039	0.518	<0.001	0.077	0.293	<0.001	<0.001	0.436
CCL25	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.783	<0.001	0.028	0.001	0.166	0.051	0.066	<0.001	<0.001	0.002	0.357	<0.001	0.005	0.005	<0.001	0.006
CX3CL1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.142	<0.001	0.712	0.003	<0.001	<0.001	0.049	<0.001	0.168	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.153	0.573	0.509	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	0.209	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
NT3	0.007	0.056	0.005	0.036	<0.001	0.002	0.673	0.041	0.142	0.131	0.251	0.027	0.319	0.001	0.221	0.072	0.099	<0.001	0.165	0.38	0.006	0.002
TWEAK	0.013	0.026	<0.001	0.254	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.435	0.001	0.005	0.003	0.149	<0.001	0.003	0.022	0.013	<0.001	0.154	0.005
CCL20	0.008	0.006	0.028	<0.001	0.766	0.087	0.017	<0.001	<0.001	<0.001	0.267	0.003	0.151	<0.001	<0.001	0.037	<0.001	0.003	0.161	0.001	0.334	0.033
ST1A1	<0.001	0.405	<0.001	0.009	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.041	0.181	0.454	0.028	0.779	0.009	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.002	0.53
STAMBP	<0.001	0.541	<0.001	0.003	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.126	0.602	0.25	0.037	0.301	0.012	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	0.001	0.457
ADA	0.293	0.045	0.025	0.302	<0.001	0.444	<0.001	0.156	<0.001	<0.001	0.007	0.088	0.052	0.391	0.003	0.734	<0.001	0.098	0.386	<0.001	<0.001	0.552
TNFB	<0.001	<0.001	<0.001	0.061	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.1	0.19	0.176	0.008	<0.001	0.026	0.105	<0.001	0.168	0.001	<0.001	0.003	0.068	0.002
CSF1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.203	0.184	0.676	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.582	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
Age	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.044	0.035	0.121	<0.001	0.172	0.985	0.238	0.01	0.023	<0.001	0.21	<0.001	0.508	0.016	0.782	0.007	<0.001	<0.001

Body mass index	<0.001	0.165	0.057	0.002	0.822	0.004	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.717	0.007	0.151	0.02	<0.001	<0.001	0.006	0.353	0.061	0.005	<0.001	0.531
Waist circumference	0.001	0.351	0.291	0.857	<0.001	0.829	0.806	<0.001	0.002	<0.001	0.373	0.195	0.413	<0.001	<0.001	0.02	<0.001	0.044	0.583	0.004	<0.001	0.607
Educational attainment	at 0.72	0.45	0.021	<0.001	0.004	0.007	0.002	<0.001	0.673	0.977	0.411	0.038	0.016	0.004	0.507	0.109	0.799	0.003	0.118	0.853	0.298	0.003
Alcohol consumption	0.013	0.007	<0.001	0.022	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.088	0.051	0.624	<0.001	<0.001	0.013	0.005	<0.001	0.906	<0.001	0.017	<0.001	<0.001	0.064
Systolic blood pressure	0.404	0.334	0.279	0.418	0.144	0.571	0.864	0.514	0.144	<0.001	0.074	0.022	0.008	0.012	<0.001	0.819	0.028	0.02	0.865	0.355	<0.001	0.258
Diastolic blood pressure	0.423	0.519	0.202	0.596	0.412	0.636	0.556	0.443	0.262	<0.001	0.093	0.022	0.098	0.191	<0.001	0.828	0.03	0.009	0.162	0.538	<0.001	0.249
Hemoglobin A1c	0.078	0.108	0.751	0.032	0.085	0.275	0.994	<0.001	0.85	0.011	0.415	0.012	0.059	<0.001	0.022	0.006	0.07	0.011	0.552	0.308	0.015	0.31
Duration of known diabetes	0.598	0.643	0.681	0.311	0.025	0.025	0.923	<0.001	0.546	0.691	0.715	<0.001	0.045	<0.001	0.011	0.575	0.034	0.005	0.042	0.223	<0.001	0.278
High-density lipoprotein cholesterol	0.223	0.497	<0.001	<0.001	0.002	0.946	0.033	0.355	0.371	<0.001	0.38	0.001	0.072	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.526	1	<0.001	<0.001	0.107
Low-density lipoprotein cholesterol	0.445	0.508	0.169	0.554	0.02	0.047	0.998	0.156	<0.001	0.362	0.56	0.175	0.855	0.015	0.198	0.011	0.338	0.37	0.21	0.609	0.351	0.51
Triglycerides	0.049	0.905	<0.001	0.047	0.658	0.971	0.204	<0.001	0.454	<0.001	0.059	0.146	0.53	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.007	0.674	0.036	<0.001	0.433
Albumin	0.005	<0.001	0.002	<0.001	0.074	0.828	0.82	<0.001	0.522	0.087	0.404	0.16	0.097	<0.001	0.659	0.271	0.745	<0.001	0.72	0.065	0.003	0.475
Fibrinogen	0.176	0.331	0.099	<0.001	0.421	0.698	0.027	<0.001	0.001	<0.001	0.787	<0.001	0.002	<0.001	0.762	0.24	0.001	0.001	0.536	<0.001	0.986	0.004
C-reactive protein	0.008	<0.001	0.159	0.002	<0.001	0.996	0.004	<0.001	0.21	<0.001	0.355	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.987	<0.001	0.003	0.889	<0.001	0.007	0.007
Serum amyloid A	0.007	0.018	0.725	<0.001	0.681	0.321	0.057	<0.001	0.058	0.001	0.753	<0.001	<0.001	<0.001	0.099	0.084	0.037	0.003	0.744	0.01	0.327	0.91
Leucocyte count	0.08	0.079	<0.001	<0.001	<0.001	0.042	0.24	<0.001	0.02	<0.001	0.817	0.062	0.768	0.572	<0.001	0.158	0.008	0.01	0.138	0.191	<0.001	0.867
Serum adiponectin	0.854	0.05	<0.001	0.003	<0.001	0.159	<0.001	0.001	0.358	<0.001	0.6	0.104	<0.001	<0.001	<0.001	0.027	<0.001	0.014	0.668	<0.001	0.002	0.679
Uric acid	<0.001	0.067	0.023	0.178	<0.001	0.391	0.375	0.666	0.029	<0.001	0.985	0.717	0.83	<0.001	<0.001	0.365	<0.001	0.072	0.993	<0.001	<0.001	0.232
Creatinine	<0.001	<0.001	0.158	0.303	<0.001	0.336	0.39	0.005	0.806	0.868	0.647	0.018	0.043	<0.001	0.467	<0.001	0.001	0.454	0.734	<0.001	0.845	0.029
Rényi4, baseline	0.652	0.072	0.383	0.001	0.498	0.423	0.018	<0.001	0.16	0.006	0.026	0.083	<0.001	0.001	<0.001	0.039	<0.001	0.177	0.389	0.001	0.011	0.729
TP, baseline	0.467	0.063	0.25	0.001	0.292	0.293	0.024	<0.001	0.081	0.002	0.002	0.016	<0.001	0.001	<0.001	0.03	<0.001	0.083	0.126	0.002	0.022	0.717
SDWS, baseline	0.27	0.139	0.146	0.037	0.361	0.719	0.125	<0.001	0.198	0.082	0.052	0.102	0.001	0.001	0.011	0.005	0.005	0.169	0.662	0.007	0.094	0.686
SDSA, baseline	0.435	0.117	0.41	0.131	0.825	0.338	0.107	0.596	0.024	0.091	0.249	0.218	0.017	0.341	0.008	0.262	<0.001	0.214	0.736	0.009	0.035	0.756
CE, baseline	0.56	0.007	0.692	0.001	0.85	0.802	0.018	0.013	0.107	0.042	0.261	0.033	0.001	<0.001	0.001	0.332	0.001	0.027	0.647	0.001	0.212	0.517

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	TRAP	GP6	PSPD	EPCAM	APN	AXL	IL1RT1	MMP2	FAS	MB	TNFSF1	PCSK9	UPAR	OPN	PGLYRI	CPA1	JAMA	GAL4	IL1RT2	SHPS1	CCL15	CASP3
BMP6	0.1	0.7	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.6	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.7
ANGPT1	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.6	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.7
ADM	0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	-0.2	0.3	0.1	0.2	0.4	-0.2
CD40L	<0.1	0.9	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.9
PGF	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.3	0.4	0.3	0.2	-0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	-0.2
ADAMTS13	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1
BOC	0.1	-0.2	0.1	0.1	0.2	0.4	0.3	0.5	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	-0.2
IL4RA	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.4	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.4	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	-0.2
SRC	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.4
IL1RA	0.1	0.5	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.1	0.3	0.1	0.4	0.2	0.1	0.2	0.1	0.5
TNFRSF10A	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2
STK4	<0.1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.8
IDUA	0.2	0.4	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.2	0.1	0.1	0.1	0.4
TNFRSF11A	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.4	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	<0.1
PAR1	0.1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.8	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.8
TRAILR2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.2	0.5	0.3	0.3	0.1	0.1	0.4	0.1	0.2	0.3	0.1
PRSS27	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
TIE2	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	-0.2
TF	<0.1	-0.1	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	-0.2
IL1RL2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1
PDGFB	<0.1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.7
IL27	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1
IL17D	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1
LOX1	0.1	0.3	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.1	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3
GAL9	0.1	0.4	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.1	0.4	0.2	0.3	<0.1	0.4	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.4
GIF	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1
SCF	-0.1	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.2
IL18	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2
PLGR	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	-0.2
RAGE	<0.1	-0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.2
SOD2	0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.5	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.5
CTRC	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
FGF23	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.2
SPON2	0.2	-0.3	0.1	<0.1	0.2	0.4	0.3	0.4	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	-0.3	0.3	0.1	0.2	0.4	-0.3
GH	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
FS	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
GLO1	<0.1	0.9	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.9
CD84	<0.1	0.8	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.8
SERPINA12	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1
REN	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1
DECR1	<0.1	0.9	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.9

MERTK	0.2	-0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	-0.2
KIM1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	<0.1
THBS2	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	-0.1
TM	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.4	0.3	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1
VSIG2	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.4	-0.1
AMBP	0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	-0.2
PRELP	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.4	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	-0.1
HO1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
XCL1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1
IL16	0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.7
SORT1	0.1	0.7	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.6	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.6
CEACAM8	0.1	0.3	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	0.5	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3
PTX3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1
PSGL1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3
CCL17	0.1	0.7	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.6	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.7
MMP7	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	-0.1
IGGFC	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
ITGB1BP2	<0.1	0.9	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.9
DCN	0.1	-0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.5	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	0.4	0.2	0.1	-0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	-0.2
DKK1	<0.1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.7
LPL	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.2
PRSS8	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1
AGRP	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	-0.1
HBEGF	<0.1	0.8	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.7
GDF2	0.3	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	-0.1
FABP2	0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.2	-0.1
THPO	<0.1	0.5	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4
MARCO	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1
GT	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1
MMP12	0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	<0.1
ACE2	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1
PDL2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	-0.1
CTSL1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	-0.1
HOSCAR	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	-0.1
TNFRSF13B	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1
TGM2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
LEP	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1
CA5A	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1
HSP27	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CD4	0.1	0.4	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	0.2	0.1	0.4	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.4
NEMO	<0.1	0.9	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.9
VEGFD	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.4	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
PARP1	0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.7
HAOX1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.1
TNFRSF14	0.3	0.7	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.6	0.2	0.3	0.3	0.7	0.3	0.4	0.1	0.7	0.3	0.2	0.4	0.3	0.7
LDL_RC	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	0.4	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.4	0.2	0.2	0.1

ITGB2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.5	0.1	0.3	0.3	0.7	0.2	0.2	0.1	0.4	0.2	0.2	0.4	0.1	0.3
IL17RA	0.3	0.5	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.4	0.1	0.3	0.3	0.5	0.2	0.2	0.1	0.5	0.2	0.2	0.4	0.2	0.5
TNFR2	0.4	0.2	0.2	<0.1	0.4	0.6	0.5	0.4	0.7	0.4	0.5	0.4	0.7	0.5	0.5	0.2	0.2	0.4	0.3	0.5	0.4	0.1
MMP9	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.4	0.2	0.5	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3
EPHB4	0.4	<0.1	0.2	<0.1	0.4	0.6	0.6	0.5	0.5	0.4	0.4	0.3	0.4	0.6	0.5	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.4	0.5	-0.1
IL2RA	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.5	0.5	0.4	0.5	0.2	0.5	0.3	0.4	0.4	0.4	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.4	0.4	<0.1
ALCAM	0.4	<0.1	0.3	0.1	0.6	0.6	0.6	0.6	0.6	0.3	0.6	0.5	0.4	0.5	0.4	0.2	<0.1	0.4	0.5	0.5	0.4	-0.1
SELP	0.2	0.9	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.4	<0.1	0.2	<0.1	0.9	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.9
CSTB	0.3	0.7	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.5	0.2	0.3	0.3	0.6	0.2	0.3	0.1	0.7	0.2	0.1	0.3	0.2	0.7
CD163	0.4	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.6	0.4	0.4	0.4	0.2	0.4	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.4	0.4	0.4	0.2	<0.1
GRN	0.4	<0.1	0.2	0.1	0.5	0.5	0.5	0.4	0.5	0.2	0.5	0.5	0.4	0.4	0.4	0.4	<0.1	0.4	0.3	0.4	0.3	<0.1
NTPROBNP	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	0.3	0.2	0.4	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.1
PLC	0.3	-0.1	0.2	0.1	0.4	0.6	0.5	0.6	0.5	0.5	0.4	0.4	0.4	0.6	0.5	0.3	-0.1	0.4	0.3	0.4	0.5	-0.1
LTBR	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.5	0.6	0.5	0.7	0.4	0.5	0.4	0.6	0.5	0.4	0.2	0.1	0.3	0.3	0.6	0.4	0.1
NOTCH3	0.3	-0.1	0.2	0.1	0.5	0.6	0.5	0.8	0.4	0.3	0.4	0.4	0.3	0.5	0.3	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.4	0.3	-0.1
TIMP4	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.4	0.3	0.4	0.3	0.2	0.3	0.4	0.3	0.4	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	<0.1
CNTN1	0.3	-0.1	0.2	0.2	0.5	0.5	0.5	0.6	0.4	0.2	0.4	0.4	0.2	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.4	0.3	0.3	-0.1
CDH5	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.5	0.6	0.5	0.5	0.4	0.3	0.4	0.4	0.3	0.4	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.4	0.4	<0.1
TLT2	0.2	0.5	0.1	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.2	0.5	0.2	0.4	0.4	0.5	0.3	0.4	0.1	0.5	0.2	0.2	0.4	0.2	0.5
FABP4	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.4	0.2	0.3	0.3	0.2	0.4	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	-0.1
TFPI	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.4	0.2	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2
PAI	0.2	0.7	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.6	0.2	0.2	0.1	0.1	0.7
CCL24	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
TR	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1
TNFRSF10C	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.4	0.3	0.4	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1
GDF15	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.3	0.4	0.5	0.4	0.5	0.3	0.4	0.2	0.5	0.5	0.4	0.2	<0.1	0.5	0.3	0.3	0.5	<0.1
SELE	0.4	0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.4	0.4	0.2	0.2	0.1
DLK1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.4	0.4	0.4	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	-0.1
MPO	0.3	0.5	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.6	0.1	0.3	<0.1	0.6	0.1	0.1	0.3	0.1	0.5
CXCL16	0.4	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.4	0.5	0.5	0.5	0.3	0.5	0.5	0.4	0.4	0.3	0.2	<0.1	0.4	0.4	0.4	0.4	-0.1
IL6RA	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.4	0.4	0.3	0.4	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	<0.1
RETN	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.5	0.3	0.4	0.3	0.6	0.3	0.7	0.2	0.3	0.3	0.2	0.4	0.3	0.2
IGFBP1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1
CHIT1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
TRAP	1	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.4	0.3	0.5	0.2	0.4	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.4	0.4	0.3	0.1
GP6	0.1	1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.9	0.1	0.1	0.1	<0.1	1
PSPD	0.2	<0.1	1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1
EPCAM	<0.1	<0.1	<0.1	1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1
APN	0.4	<0.1	0.2	0.1	1	0.4	0.5	0.5	0.4	0.2	0.4	0.4	0.3	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.3	0.5	0.3	0.3	<0.1
AXL	0.3	-0.1	0.2	<0.1	0.4	1	0.6	0.5	0.5	0.3	0.4	0.3	0.4	0.4	0.4	0.2	-0.1	0.3	0.4	0.4	0.4	-0.1
IL1RT1	0.4	<0.1	0.2	0.1	0.5	0.6	1	0.6	0.5	0.3	0.5	0.4	0.4	0.4	0.3	0.3	<0.1	0.4	0.4	0.4	0.4	-0.1
MMP2	0.3	-0.1	0.3	0.1	0.5	0.5	0.6	1	0.4	0.3	0.4	0.4	0.3	0.5	0.3	0.2	-0.1	0.3	0.4	0.4	0.4	-0.1
FAS	0.5	0.2	0.2	<0.1	0.4	0.5	0.5	0.4	1	0.3	0.5	0.4	0.6	0.4	0.4	0.2	0.3	0.4	0.3	0.5	0.4	0.2
MB	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	<0.1
TNFSF13B	0.4	0.1	0.3	<0.1	0.4	0.4	0.5	0.4	0.5	0.2	1	0.4	0.5	0.4	0.4	0.2	0.1	0.3	0.3	0.4	0.3	0.1
PCSK9	0.3	0.2	0.2	0.2	0.4	0.3	0.4	0.4	0.4	0.2	0.4	1	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	0.4	0.4	0.3	0.3	0.1

UPAR	0.4	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.4	0.3	0.6	0.2	0.5	0.4	1	0.4	0.5	0.2	0.4	0.3	0.2	0.5	0.4	0.3
OPN	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.4	0.4	0.5	0.4	0.3	0.4	0.3	0.4	1	0.4	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.4	<0.1
PGLYRP1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.3	0.3	0.4	0.3	0.4	0.3	0.5	0.4	1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.1
CPA1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1
JAMA	0.1	0.9	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.4	<0.1	0.1	<0.1	1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.9
GAL4	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.4	0.3	0.4	0.2	0.3	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	1	0.4	0.3	0.4	0.1
IL1RT2	0.4	0.1	0.2	0.2	0.5	0.4	0.4	0.4	0.3	0.2	0.3	0.4	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.4	1	0.3	0.2	<0.1
SHPS1	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.4	0.4	0.5	0.3	0.4	0.3	0.5	0.3	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	1	0.3	0.1
CCL15	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.4	0.4	0.4	0.4	0.3	0.3	0.3	0.4	0.4	0.3	0.2	<0.1	0.4	0.2	0.3	1	<0.1
CASP3	0.1	1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.9	0.1	<0.1	0.1	<0.1	1
CPB1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.9	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	<0.1
CHI3L1	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.4	0.3	0.2	0.3	<0.1
ST2	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.4	0.2	0.2	0.1
TPA	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2
SCGB3A2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1
EGFR	0.4	<0.1	0.2	0.2	0.6	0.4	0.5	0.5	0.3	0.2	0.4	0.5	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.5	0.3	0.2	-0.1
IGFBP7	0.4	<0.1	0.3	0.1	0.5	0.6	0.6	0.6	0.6	0.4	0.5	0.4	0.4	0.6	0.4	0.3	<0.1	0.5	0.5	0.4	0.5	<0.1
CD93	0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.4	0.6	0.6	0.6	0.6	0.4	0.5	0.3	0.5	0.5	0.4	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.5	0.4	<0.1
IL18BP	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.4	0.7	0.7	0.5	0.6	0.3	0.5	0.3	0.5	0.6	0.5	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.5	0.4	-0.1
COL1A1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.4	0.3	0.5	0.4	0.2	0.3	0.3	0.2	0.7	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1
PON3	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1
CTSZ	0.5	0.2	0.3	<0.1	0.4	0.5	0.5	0.4	0.6	0.3	0.5	0.4	0.5	0.4	0.4	0.2	0.2	0.4	0.3	0.5	0.4	0.1
MMP3	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1
RARRES2	0.3	0.4	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.5	0.2	0.5	0.5	0.5	0.4	0.5	0.2	0.4	0.4	0.3	0.3	0.4	0.4
ICAM2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.4	0.4	0.6	0.4	0.4	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.1	0.4	0.3	0.4	0.3	<0.1
KLK6	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.4	0.4	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.4	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	<0.1
PDGFA	0.1	0.8	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.8	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.8
TNFR1	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.6	0.6	0.5	0.7	0.4	0.5	0.4	0.6	0.6	0.5	0.2	0.1	0.4	0.3	0.5	0.5	<0.1
IGFBP2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.5	0.3	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	-0.1
VWF	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	0.4	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1
PECAM1	0.2	0.9	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.5	<0.1	0.2	<0.1	1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.9
MEPE	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.4	0.4	0.4	0.4	0.4	0.2	0.3	0.2	0.5	0.4	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	<0.1
CCL16	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.3	0.3	0.4	0.3	0.3	0.3	0.3	0.4	0.4	0.3	0.1	0.4	0.4	0.3	0.3	0.1
IL8	0.2	0.5	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.2	0.1	0.1	0.5
VEGFA	0.1	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.1	0.4	0.3	0.1	0.1	0.2	0.4
CD8A	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1
MCP3	0.1	0.3	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3
CDCP1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1
CD244	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	-0.1	0.7	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.7
IL7	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.7
OPG	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	-0.1
LAP_TGFB1	0.1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.7	0.1	0.1	0.1	0.1	0.7
UPA	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1
IL6	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1
MCP1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1
CXCL11	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.6	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.7

AXIN1	<0.1	0.9	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.9
TRAIL	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
CXCL9	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1
CST5	0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1
OSM	<0.1	0.4	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.4
CXCL1	<0.1	0.8	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.8
CCL4	0.1	0.5	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.4	0.2	0.1	0.1	0.1	0.4
CD6	0.1	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.5
TGFA	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.4	0.2	0.4	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1
MCP4	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.7	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.7
CCL11	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3
TNFSF14	0.1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.8
MMP1	<0.1	0.5	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.5	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.5
LIFR	0.1	-0.3	0.1	0.1	0.3	0.4	0.4	0.4	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	-0.3
FGF21	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1
CCL19	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
IL15RA	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3	<0.1
IL10RB	0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	-0.2	0.3	0.1	0.3	0.3	-0.2
IL18R1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1
PDL1	0.1	0.6	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.6	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.6
CXCL5	<0.1	0.8	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.8
TRANCE	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
HGF	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.2	0.3	0.1	0.4	0.3	0.2	0.2	0.2	0.4
IL12B	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	-0.1
MMP10	0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1
IL10	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1
TNF	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1
CCL23	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
CD5	<0.1	0.5	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.5	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.5
CCL3	0.2	0.4	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3
FLT3L	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1
CXCL6	0.1	0.7	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.7	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.7
CXCL10	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2
4EBP1	0.1	0.9	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.8	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.9
SIRT2	<0.1	0.9	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.9
CCL28	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
DNER	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1
ENRAGE	0.1	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	<0.1	0.4	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4
CD40	<0.1	0.8	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	-0.1	0.8	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.8
IFNG	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
FGF19	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1
MCP2	0.1	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.5
CASP8	0.1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.7	0.1	<0.1	0.1	<0.1
CCL25	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	-0.1
CX3CL1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.4	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	-0.2
TNFRSF9	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.4	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	0.3	0.4	0.3	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	-0.1

NT3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
TWEAK	<0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
CCL20	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
ST1A1	<0.1	0.8	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.9
STAMBP	<0.1	0.9	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.9
ADA	0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.7	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.7
TNFB	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
CSF1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.4	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	-0.1
Age	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1
Body mass ind	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
Waist circumf	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
Educational at	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Alcohol consu	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1
Systolic blood	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
Diastolic blood	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
Hemoglobin A	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1
Duration of kn	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1
High-density li	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
Low-density li	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Triglycerides	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1
Albumin	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
Fibrinogen	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1
C-reactive prot	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
Serum amyloid	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
Leucocyte count	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Serum adiponectin	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2
Uric acid	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
Creatinine	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.4	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1
Rényi4, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
TP, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDWS, baseline	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDSA, baseline	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
CE, baseline	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	TRAP	GP6	PSPD	EPCAM	APN	AXL	IL1RT1	MMP2	FAS	MB	TNFSF1	PCSK9	UPAR	OPN	PGLYRI	CPA1	JAMA	GAL4	IL1RT2	SHPS1	CCL15	CASP3
BMP6	0.634	<0.001	0.699	1	1	1	1	1	<0.001	1	0.839	0.068	<0.001	1	0.001	1	<0.001	0.007	1	0.056	1	<0.001
ANGPT1	1	<0.001	1	1	1	0.001	0.115	0.022	0.094	1	1	0.001	<0.001	1	0.014	0.962	<0.001	1	1	1	1	<0.001
ADM	0.045	<0.001	0.019	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
CD40L	1	<0.001	1	1	0.533	<0.001	<0.001	<0.001	0.295	1	1	1	<0.001	0.063	0.741	0.147	<0.001	1	1	1	0.4	<0.001

PGF	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.266	<0.001	<0.001	<0.001
ADAMTS13	1	0.308	0.344	1	<0.001	<0.001	0.042	<0.001	0.11	0.597	0.006	0.004	1	1	0.011	0.044	1	0.071	<0.001	1	0.794	0.831
BOC	0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	1	0.269	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL4RA	<0.001	0.001	0.011	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.001	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	<0.001
SRC	1	<0.001	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	<0.001	1	0.061	1	1	<0.001
IL1RA	<0.001	<0.001	0.41	1	0.326	0.05	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.092	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.149	<0.001	0.06	<0.001
TNFRSF10A	0.019	<0.001	0.122	0.122	0.272	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	0.83	<0.001	<0.001	<0.001
STK4	1	<0.001	1	1	1	<0.001	0.001	<0.001	1	1	0.192	1	0.005	0.152	1	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001
IDUA	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.097	1	1	0.813	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.495	<0.001
TNFRSF11A	0.271	1	0.123	1	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.116	1	<0.001	0.033	<0.001	<0.001	1
PAR1	1	<0.001	1	1	1	1	1	0.484	<0.001	1	1	0.002	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.064	1	0.008	1	<0.001
TRAILR2	<0.001	0.064	<0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.017	0.041	<0.001	0.092	<0.001	<0.001	0.231
PRSS27	0.378	<0.001	1	1	1	0.202	<0.001	0.007	<0.001	0.034	0.098	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.958	1	0.009	1	<0.001
TIE2	<0.001	<0.001	0.862	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.993	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	0.001	1	0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TF	1	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.447	0.024	0.003	<0.001	0.072	0.789	0.002	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
IL1RL2	1	0.004	1	0.123	0.017	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.01	0.09	1	0.055	0.039	<0.001	0.04	0.239	0.001
PDGFB	1	<0.001	1	1	1	<0.001	0.024	<0.001	0.201	1	1	0.016	<0.001	0.962	0.01	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001
IL27	1	<0.001	0.991	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.05	0.004	<0.001	0.2	<0.001	<0.001	<0.001
IL17D	1	1	0.287	1	0.041	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	0.003	<0.001	<0.001	0.083	1	1	0.006	1	0.008	<0.001	1
LOX1	1	<0.001	<0.001	1	0.9	1	0.875	0.499	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.013	0.009	0.034	<0.001
GAL9	0.03	<0.001	0.195	1	1	<0.001	0.913	1	<0.001	0.028	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
GIF	0.067	0.535	1	1	0.037	0.006	0.001	<0.001	0.018	0.003	1	1	0.856	0.086	0.069	1	0.984	1	1	1	0.006	0.878
SCF	1	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.038	<0.001	1	0.24	1	<0.001	0.84	1	<0.001	0.411	0.023	0.065	1	<0.001
IL18	0.001	<0.001	0.004	1	0.282	<0.001	0.001	0.141	<0.001	0.463	<0.001	0.003	<0.001	0.01	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.006	<0.001
PLGR	0.003	<0.001	<0.001	1	0.106	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
RAGE	1	<0.001	<0.001	1	0.067	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	0.006	<0.001	<0.001	0.284	<0.001	0.002	1	<0.001	<0.001	<0.001
SOD2	0.009	<0.001	1	1	0.35	1	1	1	0.01	0.1	0.075	0.007	<0.001	1	0.118	1	<0.001	0.092	<0.001	1	1	<0.001
CTRC	0.904	1	1	0.233	0.048	1	0.298	0.023	1	1	0.222	<0.001	0.178	1	1	<0.001	1	1	0.014	1	1	1
FGF23	1	<0.001	0.029	0.111	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.122	<0.001	<0.001	0.173	0.001	<0.001	<0.001
SPON2	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001
GH	1	0.001	1	0.332	1	0.924	0.193	<0.001	1	0.022	0.018	1	1	0.004	1	1	0.004	0.893	0.172	1	0.033	0.002
FS	0.002	0.043	0.054	1	<0.001	0.001	0.001	<0.001	0.021	0.058	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.05	0.141	0.018	<0.001	0.382	0.129	0.008	0.001
GLO1	1	<0.001	1	1	0.221	<0.001	<0.001	<0.001	0.52	1	1	1	<0.001	0.01	1	1	<0.001	1	1	1	0.059	<0.001
CD84	1	<0.001	1	1	1	1	1	0.002	0.001	1	1	0.03	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	1	1	0.127	1	<0.001
SERPINA12	1	0.488	1	1	0.723	1	1	0.05	0.017	1	0.596	0.765	1	1	1	1	0.745	0.009	1	1	<0.001	0.36
REN	<0.001	1	0.096	1	0.066	1	0.129	0.147	0.002	0.001	0.079	0.077	<0.001	0.197	<0.001	0.004	1	<0.001	<0.001	0.246	0.003	1
DECR1	1	<0.001	1	1	0.686	<0.001	0.001	<0.001	0.442	1	0.866	1	<0.001	0.285	0.537	0.55	<0.001	1	1	1	0.607	<0.001
MERTK	<0.001	<0.001	0.02	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	<0.001
KIM1	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.233	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	0.004	1	<0.001	0.003	0.002	<0.001	1
THBS2	0.004	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.077	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.195	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TM	<0.001	0.001	0.064	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.07	0.013	<0.001	0.13	<0.001	<0.001	0.126
VSIG2	<0.001	0.044	0.006	1	0.174	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.076	0.323	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.013
AMBP	0.001	<0.001	1	1	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.144	0.001	<0.001	<0.001
PRELP	0.002	0.095	0.269	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.181	0.613	<0.001	0.023	<0.001	<0.001	0.01
HO1	<0.001	<0.001	0.462	1	<0.001	0.017	0.514	0.022	0.002	<0.001	0.841	1	<0.001	0.044	0.101	0.004	<0.001	0.042	0.003	0.611	1	<0.001
XLCL1	<0.001	0.035	<0.001	1	0.017	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.209	0.003	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.045

IL16	0.026	<0.001	1	1	1	0.246	1	0.006	<0.001	1	1	0.699	<0.001	1	0.034	1	<0.001	1	1	0.153	1	<0.001
SORT1	0.007	<0.001	0.322	1	0.701	1	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	0.013	1	<0.001
CEACAM8	0.93	<0.001	0.295	1	1	0.052	0.141	1	<0.001	0.11	<0.001	0.002	<0.001	0.001	<0.001	1	<0.001	0.004	0.875	0.001	0.005	<0.001
PTX3	1	1	0.067	1	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.306	0.017	0.026	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.703	<0.001	<0.001	1
PSGL1	0.347	<0.001	1	1	0.065	0.398	0.303	1	0.045	0.038	1	0.002	0.006	0.001	1	0.873	<0.001	0.001	<0.001	1	1	<0.001
CCL17	0.584	<0.001	0.794	1	1	<0.001	0.187	0.009	0.004	1	1	0.006	<0.001	1	0.073	1	<0.001	0.147	1	1	1	<0.001
MMP7	<0.001	0.092	0.002	1	0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.036	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.039	<0.001	0.947	<0.001	1	0.002	<0.001	0.019
IGGFC	1	1	1	1	1	0.818	1	1	0.182	1	1	1	1	0.99	1	0.988	1	1	1	1	0.179	1
ITGB1BP2	1	<0.001	1	1	0.136	<0.001	<0.001	<0.001	0.809	1	1	0.671	<0.001	0.264	0.508	0.622	<0.001	1	1	1	0.776	<0.001
DCN	0.005	<0.001	<0.001	0.168	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.167	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
DKK1	1	<0.001	1	1	1	0.043	0.679	0.006	0.001	1	1	0.001	<0.001	1	<0.001	0.754	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001
LPL	0.116	<0.001	1	0.007	1	<0.001	0.196	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.591	1	<0.001	1	0.254	0.144	0.02	<0.001
PRSS8	<0.001	1	<0.001	1	0.006	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
AGRP	<0.001	0.754	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.737	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.126
HBEGF	1	<0.001	1	1	1	0.02	0.025	<0.001	0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001
GDF2	<0.001	<0.001	0.24	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.397	<0.001	1	0.729	0.013	<0.001	<0.001	0.002	0.001	<0.001
FABP2	0.338	0.052	1	<0.001	1	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.172	<0.001	0.078	0.468	0.349	<0.001	1	0.773	<0.001	0.008
THPO	1	<0.001	1	0.719	1	0.453	1	1	0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	0.265	0.459	1	<0.001	1	1	0.028	1	<0.001
MARCO	<0.001	1	0.004	0.988	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
GT	1	0.002	1	1	1	0.007	1	0.013	0.633	<0.001	1	0.285	1	0.005	0.255	0.081	0.03	<0.001	1	0.847	0.191	0.002
MMP12	<0.001	1	<0.001	0.092	1	0.077	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.035	<0.001	<0.001	<0.001	0.279	1	<0.001	1	0.012	<0.001	1
ACE2	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	0.048	0.01	<0.001	0.619	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.034	0.008	1
PDL2	0.003	0.011	0.276	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.161	0.122	<0.001	0.327	<0.001	<0.001	0.002
CTSL1	0.001	0.166	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.026	0.996	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.047
HOSCAR	<0.001	0.873	0.063	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.032	1	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.185
TNFRSF13B	0.125	1	0.134	0.676	0.309	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.039	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
TGM2	0.424	0.44	1	1	1	0.007	0.623	0.001	0.001	0.391	1	0.301	<0.001	0.003	0.001	1	1	0.712	0.091	0.008	0.895	0.818
LEP	1	0.007	1	<0.001	1	<0.001	1	0.004	<0.001	0.677	<0.001	<0.001	0.058	0.83	0.001	1	0.021	<0.001	0.37	0.049	<0.001	0.001
CA5A	<0.001	1	<0.001	1	0.001	<0.001	0.059	1	<0.001	0.001	0.901	0.072	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.032	0.068	1
HSP27	1	<0.001	1	1	1	1	1	0.249	1	0.149	1	1	0.413	1	1	1	0.002	1	1	1	1	0.001
CD4	0.001	<0.001	0.033	1	1	0.058	0.48	1	<0.001	0.084	<0.001	0.005	<0.001	0.03	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
NEMO	1	<0.001	1	1	0.195	<0.001	<0.001	<0.001	0.491	1	0.808	1	<0.001	0.029	1	1	<0.001	1	1	1	0.276	<0.001
VEGFD	1	0.003	<0.001	0.109	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.012	0.001	<0.001	0.119	0.696	0.006	0.006	0.635	0.867	0.002	0.001
PARP1	0.55	<0.001	1	1	1	<0.001	0.079	<0.001	0.016	1	1	1	<0.001	0.138	0.397	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001
HAOX1	<0.001	<0.441	0.069	1	<0.001	1	1	1	0.234	1	1	0.026	1	0.114	1	<0.001	0.295	<0.001	<0.001	1	1	0.411
TNFRSF14	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LDL_RC	<0.001	0.204	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.446	<0.001	<0.001	0.085	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
ITGB2	<0.001	<0.001	0.013	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL17RA	<0.001	<0.001	0.028	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFR2	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP9	0.02	<0.001	0.005	1	<0.001	0.021	0.001	0.022	<0.001	0.488	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001
EPHB4	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.644
IL2RA	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
ALCAM	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
SELP	<0.001	<0.001	1	1	1	0.082	1	0.047	<0.001	1	0.007	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.001	0.067	<0.001	1	<0.001
CSTB	<0.001	<0.001	0.002	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.163	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.049	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

CD163	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
GRN	<0.001	1	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
NTPROBNP	1	0.4	<0.001	0.487	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.213	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.086	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.061
PLC	<0.001	1	<0.001	0.697	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.127	
LTBR	<0.001	0.002	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.198	
NOTCH3	<0.001	0.011	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	
TIMP4	<0.001	1	0.002	0.043	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	
CNTN1	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	
CDH5	<0.001	1	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	
TLT2	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.536	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
FABP4	0.004	1	0.002	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.86	<0.001	<0.001	<0.001	0.098	
TFPI	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
PAI	<0.001	<0.001	0.625	1	0.011	1	1	1	<0.001	0.382	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.924	<0.001	<0.001	0.002	0.139	<0.001	
CCL24	0.001	0.153	0.125	0.04	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.28	0.002	<0.001	<0.001	0.121	0.004	0.002	1	0.163	<0.001	0.005	0.833	0.131
TR	1	1	1	1	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.212	1	0.001	0.315	<0.001	<0.001	1
TNFRSF10C	<0.001	0.013	0.001	0.882	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.048	0.164	<0.001	<0.001	<0.001	0.342	
GDF15	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	
SELE	<0.001	0.09	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.755	<0.001	<0.001	<0.001	0.576	
DLK1	<0.001	1	0.01	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	
MPO	<0.001	<0.001	0.116	1	<0.001	0.241	0.001	1	<0.001	0.318	<0.001	<0.001	<0.001	0.028	<0.001	1	<0.001	0.001	0.015	<0.001	0.132	<0.001
CXCL16	<0.001	1	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.745	
IL6RA	<0.001	1	<0.001	0.147	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
RETN	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
IGFBP1	0.242	1	0.046	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.074	<0.001	<0.001	0.001	0.001	<0.001	0.084	0.223	0.7	0.052	1	0.001	<0.001	0.858
CHIT1	<0.001	1	0.029	0.84	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.805	1	0.445	0.976	<0.001	0.001	1
TRAP	<0.001	0.006	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.038	
GP6	<0.001	<0.001	1	1	1	0.12	1	0.011	<0.001	1	0.208	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.188	1	<0.001	1	<0.001
PSPD	<0.001	0.581	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1
EPCAM	0.973	0.873	0.417	<0.001	0.01	1	1	0.001	1	1	1	<0.001	1	1	1	0.919	1	<0.001	<0.001	1	0.249	1
APN	<0.001	0.394	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
AXL	<0.001	0.007	<0.001	0.521	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002
IL1RT1	<0.001	0.731	<0.001	0.09	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
MMP2	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
FAS	<0.001	<0.001	<0.001	0.39	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MB	<0.001	0.068	<0.001	0.587	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
TNFSF13B	<0.001	0.012	<0.001	0.563	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.607	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
PCSK9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
UPAR	<0.001	<0.001	<0.001	0.688	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
OPN	<0.001	0.741	<0.001	0.459	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
PGLYRP1	<0.001	<0.001	<0.001	0.795	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
CPA1	<0.001	0.634	0.001	0.061	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	1
JAMA	<0.001	<0.001	0.811	0.896	0.848	0.001	0.224	<0.001	<0.001	0.594	0.038	<0.001	<0.001	0.2								

CASP3	0.002	<0.001	0.807	0.961	0.921	<0.001	0.073	<0.001	<0.001	0.631	0.088	<0.001	<0.001	0.15	<0.001	0.204	<0.001	0.068	0.306	<0.001	0.947	<0.001
CPB1	<0.001	0.963	0.001	0.178	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.976	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.427
CHI3L1	<0.001	0.049	<0.001	0.945	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.122
ST2	<0.001	0.001	<0.001	0.257	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.021
TPA	<0.001	<0.001	<0.001	0.508	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SCGB3A2	<0.001	0.521	<0.001	0.485	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.332	<0.001	0.003	0.002	<0.001	0.203
EGFR	<0.001	0.291	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.036	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.029
IGFBP7	<0.001	0.47	<0.001	0.017	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.737	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.767
CD93	<0.001	0.789	<0.001	0.26	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.94	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.635
IL18BP	<0.001	0.586	<0.001	0.456	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.26	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.08
COL1A1	<0.001	0.852	0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.448	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.351
PON3	<0.001	0.019	0.075	0.113	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.489	<0.001	0.028	0.005	0.001	0.031	<0.001	<0.001	0.004	0.002
CTSZ	<0.001	<0.001	<0.001	0.615	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP3	<0.001	0.015	0.008	0.871	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.791	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.062	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.097
RARRES2	<0.001	<0.001	<0.001	0.332	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ICAM2	<0.001	0.003	0.02	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.083	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.119
KLK6	<0.001	0.954	<0.001	0.28	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.282	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.225
PDGFA	0.004	<0.001	0.845	0.479	0.114	0.066	0.881	0.042	<0.001	0.277	<0.001	<0.001	<0.001	0.564	<0.001	0.484	<0.001	0.001	0.001	<0.001	0.34	<0.001
TNFR1	<0.001	0.006	<0.001	0.743	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.028	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.332
IGFBP2	0.001	0.342	<0.001	0.776	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.042	0.176	0.001	0.913	<0.001	<0.001	0.069
VWF	<0.001	0.043	<0.001	0.431	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004
PECAM1	<0.001	<0.001	0.121	0.527	0.046	0.019	0.532	0.019	<0.001	0.128	<0.001	<0.001	<0.001	0.874	<0.001	0.817	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	0.152	<0.001
MEPE	<0.001	0.132	<0.001	0.851	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.287	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.651
CCL16	<0.001	0.011	<0.001	0.837	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.035	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.099
IL8	<0.001	<0.001	0.056	0.007	0.184	0.332	0.08	0.801	<0.001	0.787	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.001	0.151	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001
VEGFA	0.001	<0.001	0.159	0.786	0.246	<0.001	0.002	0.295	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001
CD8A	0.013	0.167	0.289	0.15	0.01	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.075	<0.001	0.017	<0.001	<0.001	<0.001	0.483	0.28	<0.001	0.17	<0.001	<0.001	0.168
MCP3	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	0.672	0.053	0.519	0.654	<0.001	0.186	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.596	<0.001	<0.001	0.393	0.007	0.018	<0.001
CDCP1	<0.001	0.519	<0.001	0.15	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.38	0.456	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.351
CD244	0.403	<0.001	0.263	0.947	0.274	0.237	0.42	0.001	<0.001	0.417	0.139	0.004	<0.001	0.703	<0.001	0.062	<0.001	0.061	0.757	<0.001	0.738	<0.001
IL7	0.269	<0.001	0.291	0.749	0.06	0.001	0.001	<0.001	0.007	0.942	0.201	<0.001	<0.001	0.078	0.011	0.213	<0.001	0.144	0.961	0.731	0.107	<0.001
OPG	<0.001	0.004	<0.001	0.095	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.072	0.046	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002
LAP_TGFB1	0.054	<0.001	0.436	0.945	0.945	0.188	0.459	0.009	<0.001	0.524	0.006	<0.001	<0.001	0.333	<0.001	0.584	<0.001	<0.001	0.117	0.008	0.045	<0.001
UPA	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL6	<0.001	0.401	<0.001	0.53	0.03	0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.039	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.271	<0.001	0.1	0.014	<0.001	0.123
MCP1	0.011	<0.001	0.001	0.285	0.222	0.025	0.255	0.001	<0.001	0.109	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.666	0.007	<0.001	0.122	0.048	<0.001	0.016
CXCL11	0.133	<0.001	0.438	0.149	0.222	0.174	0.109	0.001	<0.001	0.386	0.002	<0.001	<0.001	0.245	<0.001	0.266	<0.001	<0.001	0.762	0.088	0.803	<0.001
AXIN1	0.913	<0.001	0.467	0.38	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.114	0.312	0.062	0.552	<0.001	<0.001	0.158	0.059	<0.001	0.642	0.201	0.843	0.011	<0.001
TRAIL	0.08	0.698	0.03	0.801	0.055	<0.001	<0.001	0.226	<0.001	0.024	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	0.593	0.99	0.377	0.061	<0.001	0.003	0.358
CXCL9	0.023	0.492	0.001	<0.001	0.35	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.081	<0.001	<0.001	<0.001	0.053	0.506	<0.001	0.421	<0.001	<0.001	0.263
CST5	0.063	<0.001	0.024	0.085	0.398	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.04	0.001	<0.001	<0.001	0.056	0.003	0.002	0.24	<0.001	<0.001	<0.001
OSM																						

MCP4	0.164	<0.001	0.746	0.523	0.394	<0.001	0.064	0.001	<0.001	0.916	0.093	0.001	<0.001	0.295	0.004	0.154	<0.001	0.084	0.624	0.331	0.477	<0.001
CCL11	<0.001	<0.001	0.003	0.173	0.043	0.642	0.019	0.011	<0.001	0.981	0.002	<0.001	<0.001	0.004	0.001	0.04	<0.001	<0.001	0.017	0.041	<0.001	<0.001
TNFSF14	0.081	<0.001	0.843	0.275	0.144	0.003	0.003	<0.001	<0.001	0.542	0.061	0.005	<0.001	0.166	<0.001	0.336	<0.001	0.217	0.811	0.056	0.907	<0.001
MMP1	0.526	<0.001	0.093	0.751	0.278	0.051	0.768	0.013	0.001	0.051	0.119	<0.001	<0.001	0.904	<0.001	0.551	<0.001	0.001	0.671	0.317	0.254	<0.001
LIFR	<0.001	<0.001	0.079	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
FGF21	<0.001	0.68	0.065	0.37	0.003	0.005	0.09	0.125	0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	0.063	0.142	<0.001	0.698	<0.001	<0.001	0.098	<0.001	0.455
CCL19	0.001	0.002	0.002	0.233	0.025	0.012	0.02	0.044	<0.001	0.446	<0.001	0.003	<0.001	0.012	<0.001	0.031	0.005	<0.001	0.094	0.093	0.025	0.015
IL15RA	0.001	0.959	<0.001	0.641	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	0.802	<0.001	0.61	<0.001	<0.001	0.538
IL10RB	<0.001	<0.001	<0.001	0.267	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL18R1	<0.001	0.003	0.004	0.547	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.04	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.089	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.015
PDL1	0.005	<0.001	0.017	0.254	0.638	0.003	0.071	0.097	<0.001	0.003	0.185	0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.737	<0.001	<0.001	0.995	<0.001	0.001	<0.001
CXCL5	0.258	<0.001	0.621	0.192	0.07	<0.001	0.001	<0.001	0.002	0.126	0.177	0.003	<0.001	0.057	0.018	0.024	<0.001	0.419	0.291	0.697	0.441	<0.001
TRANCE	0.995	0.317	0.5	0.906	0.146	0.035	0.59	0.774	0.351	0.529	0.001	0.253	0.365	0.008	<0.001	0.446	0.167	0.008	0.188	0.304	0.758	0.169
HGF	<0.001	<0.001	<0.001	0.501	0.005	0.002	0.008	0.001	<0.001	0.161	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.029	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL12B	0.045	0.003	0.23	0.572	0.027	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.064	0.012	<0.001	0.327	<0.001	<0.001	0.001
MMP10	<0.001	0.002	0.005	0.006	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.058	<0.001	<0.001	<0.001
IL10	<0.001	0.165	0.139	0.027	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	0.162	<0.001	<0.001	0.019	<0.001	0.096
TNF	0.005	0.002	0.002	0.012	0.037	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.083	0.016	<0.001	0.196	<0.001	<0.001	0.019
CCL23	0.851	0.001	0.735	<0.001	0.888	<0.001	<0.001	0.176	<0.001	<0.001	0.046	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	0.029	<0.001	0.628	0.131	<0.001	0.041
CD5	0.275	<0.001	0.062	0.616	0.382	0.067	0.931	0.036	<0.001	0.272	0.046	0.071	<0.001	0.475	<0.001	0.486	<0.001	0.008	0.296	<0.001	0.084	<0.001
CCL3	<0.001	<0.001	0.005	0.113	0.012	<0.001	0.014	0.379	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001
FLT3L	<0.001	0.005	<0.001	0.215	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.331	0.344	0.028	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.01
CXCL6	0.009	<0.001	0.214	0.953	0.086	0.156	0.12	<0.001	<0.001	0.883	0.605	0.004	<0.001	0.277	<0.001	0.361	<0.001	0.001	0.909	0.179	0.742	<0.001
CXCL10	0.003	<0.001	<0.001	0.151	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.239	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	<0.001
4EBP1	0.109	<0.001	0.795	0.322	0.158	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.983	0.595	0.011	<0.001	0.14	<0.001	0.336	<0.001	0.174	0.65	0.088	0.782	<0.001
SIRT2	0.632	<0.001	0.397	0.433	0.026	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.447	0.47	0.02	<0.001	0.014	0.008	0.049	<0.001	0.889	0.486	0.286	0.147	<0.001
CCL28	<0.001	<0.001	0.344	0.668	0.313	0.619	0.054	0.071	0.04	0.35	0.057	0.01	<0.001	0.009	0.38	0.011	<0.001	<0.001	0.954	0.092	0.004	<0.001
DNER	<0.001	<0.001	0.146	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.059	0.683	0.004	<0.001	0.168	0.002	0.271	0.026	0.005	0.471	<0.001	0.061	0.173	0.001
ENRAGE	0.003	<0.001	0.276	0.241	0.568	0.608	0.157	0.551	<0.001	0.074	0.018	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.932	<0.001	<0.001	0.483	0.003	0.015	<0.001
CD40	0.605	<0.001	0.981	0.657	0.076	0.014	0.035	<0.001	<0.001	0.179	0.648	0.004	<0.001	0.94	<0.001	0.093	<0.001	0.029	0.463	0.001	0.364	<0.001
IFNG	0.064	0.265	0.006	0.164	0.002	<0.001	0.002	0.002	0.1	0.513	<0.001	0.004	<0.001	0.011	0.366	0.129	0.113	0.002	0.628	0.062	0.07	0.18
FGF19	<0.001	0.217	0.128	0.013	0.003	0.018	0.013	0.024	0.009	0.006	0.001	<0.001	0.004	0.731	0.032	<0.001	0.205	<0.001	0.021	0.196	<0.001	0.099
MCP2	0.011	<0.001	0.385	0.649	0.631	0.51	0.239	0.456	<0.001	0.079	<0.001	<0.001	<0.001	0.079	<0.001	0.615	<0.001	<0.001	0.28	0.08	0.358	<0.001
CASP8	0.087	<0.001	0.64	0.431	0.582	0.023	0.266	<0.001	<0.001	0.718	0.383	0.002	<0.001	0.446	<0.001	0.313	<0.001	0.067	0.44	0.007	0.767	<0.001
CCL25	0.002	<0.001	0.386	0.003	0.05	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.004	0.001	0.002	<0.001	0.108	0.001	<0.001	<0.001
CX3CL1	0.001	<0.001	0.059	0.439	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	0.04	<0.001	<0.001	0.231	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF9	0.003	0.166	<0.001	0.003	0.037	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.055	0.253	<0.001	0.199	<0.001	<0.001	0.072
NT3	0.692	0.32	0.222	0.214	0.125	0.118	0.067	<0.001	0.305	0.036	0.144	0.012	0.205	<0.001	0.083	0.106	0.825	0.01	0.534	0.381	0.015	0.449
TWEAK	0.403	<0.001	0.332	0.109	0.931	0.015	0.322	0.07	0.023	0.419	0.033	0.001	0.189	0.012	<0.001	0.311	<0.001	0.148	0.806	0.03	0.816	<0.001
CCL20	<0.001	<0.001	0.033	<0.001	0.008	0.232	0.041	0.022	<0.001	0.874	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.038	0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.007	<0.001	<0.001
ST1A1	0.602	<0.001	0.171	0.502	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	0.017	0.416	0.135	0.573	<0.001	<0.001	0.051	0.06	<0.001	0.978	0.48	0.665	0.029	<0.001
STAMBP	0.624	<0.001	0.391	0.441	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.613	0.272	0.084	<0.001	0.009	0.016	0.035	<0.001	0.944	0.551	0.364	0.061	<0.001
ADA	0.015	<0.001	0.934	0.87	0.904	0.05	0.108	0.007	<0.001	0.017	0.197	0.001	<0.001	0.605	<0.001	0.585	<0.001	0.049	0.291	0.002	0.33	<0.001
TNFB	0.086	0.001	<0.001	0.113	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.358	<0.001	0.001	0.048	0.005	0.003	0.147	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.006	<0.001
CSF1	0.001	<0.001	0.001	0.323	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	<0.001	<0.001	0.093	<0.001	<0.001	<0.001
Age	0.008	0.941	0.114	0.001	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	0.541	<0.001	<0.001	<0.001	0.943	0.768	<0.001	0.066	0.001	<0.001	0.798

Body mass index	0.551	0.616	0.467	0.4	0.944	<0.001	0.038	0.808	<0.001	0.271	0.099	0.053	0.005	0.799	<0.001	0.091	0.391	<0.001	0.003	0.073	0.19	0.495
Waist circumference	0.001	0.014	0.89	0.01	0.882	0.111	0.259	0.511	<0.001	0.001	0.491	0.271	<0.001	0.444	0.001	0.891	0.004	<0.001	0.002	0.117	0.365	0.008
Educational attainment	0.763	0.632	0.554	0.018	0.672	0.217	0.474	0.433	0.408	0.01	<0.001	<0.001	0.03	0.232	0.958	<0.001	0.643	0.018	0.272	0.089	0.273	0.636
Alcohol consumption	0.003	0.043	0.126	0.009	0.395	<0.001	0.005	0.048	<0.001	0.34	<0.001	0.234	0.002	0.001	<0.001	<0.001	0.199	0.001	0.003	0.008	<0.001	0.071
Systolic blood pressure	0.011	0.036	0.747	0.075	0.439	0.218	0.026	0.949	0.051	0.002	0.233	0.37	0.164	0.147	0.129	0.048	0.136	0.015	0.004	0.699	0.846	0.095
Diastolic blood pressure	0.003	0.021	0.428	0.592	0.053	0.217	0.265	0.008	0.299	0.121	0.026	0.475	0.795	0.742	0.526	0.021	0.067	0.267	0.012	0.585	0.406	0.029
Hemoglobin A1c	0.922	0.681	0.028	0.762	0.437	0.041	0.03	0.251	0.003	0.224	0.003	0.015	<0.001	0.652	0.393	0.169	0.715	<0.001	0.017	0.094	<0.001	0.944
Duration of known diabetes	0.511	0.313	0.686	0.154	0.041	<0.001	<0.001	0.039	0.011	0.364	0.41	0.335	<0.001	0.154	0.236	0.411	0.545	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	0.368
High-density lipoprotein cholesterol	0.057	0.022	0.012	<0.001	0.079	0.002	0.282	0.006	<0.001	0.003	0.633	0.003	<0.001	0.584	<0.001	0.062	0.006	<0.001	0.355	0.001	0.005	0.013
Low-density lipoprotein cholesterol	0.181	0.397	0.846	0.004	0.048	0.002	0.074	0.037	0.174	0.731	0.947	<0.001	0.511	0.219	0.186	0.616	0.306	0.003	0.957	0.127	0.013	0.363
Triglycerides	<0.001	0.013	0.001	0.15	0.001	0.195	0.223	0.082	<0.001	0.643	0.074	<0.001	<0.001	0.012	0.068	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	0.013
Albumin	0.97	0.014	0.382	0.247	0.096	0.358	0.34	0.003	0.018	0.288	0.312	0.054	<0.001	<0.001	0.265	0.878	0.03	0.09	<0.001	0.15	0.008	0.015
Fibrinogen	0.224	0.01	0.025	0.613	0.789	0.819	0.877	0.757	0.003	0.595	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.557	0.003	<0.001	0.101	0.168	0.02	0.024
C-reactive protein	0.01	0.023	0.364	<0.001	0.666	0.106	0.597	0.032	0.012	0.298	<0.001	0.014	<0.001	0.003	<0.001	0.092	0.031	<0.001	0.752	0.135	0.012	0.102
Serum amyloid A	0.3	0.652	0.55	0.691	0.114	0.126	0.661	0.908	0.177	0.497	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	0.899	0.788	0.001	0.914	0.626	0.005	0.51
Leucocyte count	0.003	0.009	0.905	0.006	0.356	0.213	0.101	<0.001	0.001	0.009	0.007	0.002	0.62	<0.001	0.236	0.127	0.003	0.039	<0.001	0.313	0.121	0.007
Serum adiponectin	0.589	<0.001	0.014	0.854	0.315	0.01	0.53	0.047	0.027	0.308	<0.001	0.423	<0.001	0.075	<0.001	0.084	<0.001	<0.001	0.72	0.678	0.014	<0.001
Uric acid	0.006	0.002	0.059	0.014	0.58	0.605	0.29	0.153	0.001	<0.001	0.229	0.512	<0.001	0.384	<0.001	0.018	0.002	<0.001	0.001	0.167	0.025	0.001
Creatinine	0.021	0.001	0.765	0.001	0.677	0.093	0.134	0.707	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	0.004	<0.001	0.002	0.003	0.15	0.17	0.035	<0.001	0.003
Rényi4, baseline	0.001	0.182	0.084	0.96	0.156	0.018	0.06	0.663	0.014	0.249	0.01	0.001	<0.001	0.249	<0.001	0.305	0.143	<0.001	0.019	0.061	0.217	0.195
TP, baseline	0.031	0.231	0.09	0.323	0.129	0.05	0.102	0.551	0.011	0.167	0.005	<0.001	<0.001	0.236	<0.001	0.465	0.156	<0.001	0.008	0.043	0.398	0.222
SDWS, baseline	0.331	0.701	0.033	0.94	0.395	0.002	0.155	0.426	0.005	0.683	0.095	0.006	0.002	0.376	<0.001	0.731	0.562	<0.001	0.102	0.059	0.318	0.622
SDSA, baseline	<0.001	0.357	0.865	0.836	0.096	0.395	0.09	0.314	0.008	0.535	0.102	0.003	0.022	0.969	0.027	0.556	0.125	0.011	0.011	0.036	0.862	0.234
CE, baseline	<0.001	0.224	0.47	0.413	0.056	0.06	0.006	0.789	0.002	0.795	0.005	0.001	<0.001	0.183	<0.001	0.182	0.144	<0.001	0.005	0.009	0.461	0.22

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	CPB1	CHI3L1	ST2	TPA	SCGB3/EGFR	IGFBP7	CD93	IL18BP	COL1A1	PON3	CTSZ	MMP3	RARRES1	ICAM2	KLK6	PDGFA	TNFR1	IGFBP2	VWF	PECAM	
BMP6	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.7	0.1	<0.1	0.1	0.6
ANGPT1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.9	<0.1	-0.1	<0.1	0.6
ADM	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.4	0.3	0.4	0.2	-0.1	0.3	0.1	0.4	0.1	0.3	-0.1	0.5	0.2	0.2	-0.2
CD40L	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.8	<0.1	-0.1	<0.1	0.7
PGF	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.4	0.5	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.5	0.2	0.2	-0.1
ADAMTS13	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
BOC	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1
IL4RA	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.4	0.4	0.5	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	-0.1	0.5	0.4	0.1	-0.1
SRC	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.3
IL1RA	0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.3	0.3	<0.1	0.4	0.1	-0.1	0.5	0.3	-0.2	0.1	0.4
TNFRSF10A	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.3	0.3	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2
STK4	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.6	-0.1	-0.1	<0.1	0.7
IDUA	<0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.2	0.4	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.4	0.1	-0.1	0.1	0.4
TNFRSF11A	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.4	0.4	0.4	0.2	-0.1	0.4	0.1	0.4	0.2	0.2	0.1	0.6	0.2	0.2	<0.1
PAR1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.7	0.1	<0.1	<0.1	0.7
TRAILR2	0.2	0.4	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.4	0.4	0.4	0.2	-0.2	0.4	0.2	0.4	0.2	0.2	0.1	0.6	0.2	0.2	0.1
PRSS27	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2
TIE2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1
TF	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.3	0.3	0.1	-0.1
IL1RL2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.2	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
PDGFB	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.9	<0.1	-0.1	<0.1	0.6
IL27	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.4	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.2	-0.1
IL17D	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1
LOX1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.5	0.2	0.1	0.2	0.3
GAL9	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	-0.2	0.3	0.1	0.4	0.2	0.1	0.4	0.4	0.1	0.1	0.4
GIF	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SCF	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.4	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	-0.1	0.2	0.3	<0.1	-0.1
IL18	0.2	0.2	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	-0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2
PLGR	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.1	-0.1
RAGE	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.5	0.3	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	-0.1	0.3	0.3	<0.1	-0.2
SOD2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.1	0.4
CTRC	0.5	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1
FGF23	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	-0.2	0.3	0.2	0.2	-0.2
SPON2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.5	0.4	0.5	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.3	-0.2	0.5	0.3	0.2	-0.2
GH	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1
FS	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.1
GLO1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	0.8
CD84	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.8	0.1	<0.1	<0.1	0.7
SERPINA12	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1
REN	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1
DECR1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	0.8

MERTK	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.2	-0.1
KIM1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1
THBS2	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.4	0.2	0.3	0.2	-0.2	0.3	<0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	-0.1
TM	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.5	0.5	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.5	0.2	0.2	0.1
VSIG2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.4	0.2	0.1	-0.1
AMBP	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.4	0.4	0.2	0.1	0.3	0.1	0.4	0.2	0.3	-0.1	0.5	0.2	0.2	-0.1
PRELP	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.4	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.4	0.2	0.2	-0.1
HO1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2
XCL1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	-0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1
IL16	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.6	<0.1	-0.1	<0.1	0.6
SORT1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	-0.1	0.7	0.1	-0.1	0.1	0.6
CEACAM8	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.4	0.3	0.1	0.1	0.3
PTX3	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1
PSGL1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.3	<0.1	-0.2	0.1	0.3
CCL17	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	0.6
MMP7	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.1	0.2	-0.1
IGGFC	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
ITGB1BP2	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.7	<0.1	-0.1	<0.1	0.8
DCN	0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.5	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.2	-0.1
DKK1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.4	0.1	-0.1	0.9	0.1	<0.1	<0.1	0.6
LPL	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.1
PRSS8	0.2	0.5	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3	<0.1	-0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.1	<0.1
AGRP	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	-0.1
HBEGF	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.4	0.1	-0.1	0.9	0.1	-0.1	<0.1	0.7
GDF2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
FABP2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1
THPO	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.1	0.6	0.1	0.1	<0.1	0.4
MARCO	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1
GT	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
MMP12	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1
ACE2	0.2	0.4	0.3	0.3	-0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.2	<0.1
PDL2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.4	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.4	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.1	-0.1
CTSL1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.4	0.3	0.4	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.2	<0.1
HOSCAR	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.4	0.4	0.5	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.5	0.2	0.2	<0.1
TNFRSF13B	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.4	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1
TGM2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1
LEP	0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	-0.3	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.2	0.1	-0.1
CA5A	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.3	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.2	0.1	<0.1
HSP27	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1
CD4	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.2	0.3	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.4
NEMO	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	0.8
VEGFD	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.1
PARP1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.6	<0.1	-0.1	<0.1	0.6
HAOX1	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.3	0.1	0.1
TNFRSF14	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	0.4	0.4	0.4	0.2	<0.1	0.5	0.2	0.6	0.3	0.3	0.6	0.6	0.2	0.3	0.7
LDL_RC	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.4	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1

ITGB2	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.4	0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.3	0.5
IL17RA	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.4	0.1	0.3	0.3	0.2	0.4	0.3	0.1	0.2	0.5
TNFR2	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	0.3	0.6	0.7	0.8	0.3	<0.1	0.7	0.3	0.5	0.4	0.4	0.2	0.9	0.4	0.3	0.2
MMP9	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.5	0.3	0.1	0.2	0.3
EPHB4	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	0.4	0.6	0.8	0.7	0.4	0.3	0.5	0.3	0.4	0.5	0.5	<0.1	0.8	0.5	0.1	<0.1
IL2RA	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.5	0.5	0.6	0.2	0.1	0.5	0.2	0.4	0.3	0.3	0.1	0.6	0.3	0.2	<0.1
ALCAM	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.6	0.6	0.6	0.7	0.4	0.3	0.5	<0.1	0.4	0.5	0.4	<0.1	0.6	0.3	0.2	<0.1
SELP	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.8	0.1	-0.1	0.2	0.9
CSTB	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	-0.1	0.4	0.2	0.5	0.2	0.2	0.6	0.4	0.1	0.2	0.7
CD163	0.2	0.3	0.4	0.2	<0.1	0.3	0.5	0.3	0.5	0.2	<0.1	0.4	0.1	0.3	0.4	0.1	0.1	0.4	<0.1	0.2	0.1
GRN	0.4	0.2	0.3	0.2	0.1	0.5	0.5	0.5	0.5	0.3	0.2	0.5	0.1	0.5	0.4	0.3	0.1	0.5	0.2	0.2	0.1
NTPROBNP	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.4	0.1	-0.1
PLC	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.4	0.7	0.7	0.6	0.5	0.2	0.5	0.2	0.5	0.4	0.5	<0.1	0.7	0.3	0.3	<0.1
LTBR	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.6	0.7	0.6	0.4	0.2	0.6	0.3	0.5	0.4	0.5	0.1	0.8	0.4	0.3	0.2
NOTCH3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.4	0.7	0.6	0.5	0.5	0.3	0.3	0.2	0.3	0.4	0.4	-0.1	0.5	0.4	0.2	-0.1
TIMP4	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.5	0.3	0.4	0.3	0.2	0.3	0.2	0.4	0.3	0.3	<0.1	0.4	0.4	0.2	<0.1
CNTN1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.7	0.5	0.5	0.4	0.4	0.4	0.3	<0.1	0.3	0.4	0.4	-0.1	0.3	0.2	0.1	-0.1
CDH5	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.5	0.5	0.7	0.6	0.4	0.2	0.4	0.1	0.3	0.5	0.4	<0.1	0.5	0.2	0.3	0.1
TLT2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.4	0.5	0.5	0.3	0.1	0.4	<0.1	0.6	0.4	0.3	0.5	0.5	0.2	0.1	0.5
FABP4	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.4	-0.1	0.5	0.2	0.2	<0.1	0.5	0.1	0.2	<0.1
TFPI	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.4	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.4	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	0.3
PAI	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.3	<0.1	0.5	0.1	-0.1	0.8	0.2	-0.2	0.1	0.6
CCL24	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
TR	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1
TNFRSF10C	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.4	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.4	0.2	0.2	0.1
GDF15	0.2	0.5	0.4	0.3	0.3	0.1	0.6	0.4	0.6	0.2	<0.1	0.5	0.3	0.4	0.3	0.3	<0.1	0.6	0.4	0.3	<0.1
SELE	0.2	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.2	0.5	0.1	0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.1
DLK1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.4	0.5	0.4	0.3	0.1	0.4	<0.1	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.4	0.1	0.1	<0.1
MPO	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.5	0.2	<0.1	0.2	0.6
CXCL16	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.5	0.6	0.5	0.5	0.4	0.3	0.4	0.1	0.5	0.3	0.4	<0.1	0.6	0.3	0.2	<0.1
IL6RA	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.4	0.4	0.4	0.4	0.3	0.2	0.3	0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	0.4	0.2	0.3	0.1
RETN	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	0.5	0.5	0.2	<0.1	0.5	0.1	0.5	0.3	0.3	0.3	0.6	0.2	0.3	0.3
IGFBP1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.6	0.1	<0.1
CHIT1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.4	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1
TRAP	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.4	0.4	0.3	0.4	0.3	0.2	0.5	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.4	0.1	0.2	0.2
GP6	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.8	0.1	<0.1	0.1	0.9
PSPD	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
EPCAM	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
APN	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.6	0.5	0.4	0.4	0.3	0.3	0.4	0.2	0.3	0.4	0.3	0.1	0.4	0.2	0.2	0.1
AXL	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	0.4	0.6	0.6	0.7	0.4	0.2	0.5	0.2	0.3	0.4	0.4	-0.1	0.6	0.3	0.2	-0.1
IL1RT1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	0.5	0.6	0.6	0.7	0.3	0.3	0.5	0.3	0.3	0.6	0.4	<0.1	0.6	0.4	0.2	<0.1
MMP2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.5	0.6	0.6	0.5	0.5	0.3	0.4	0.3	0.2	0.4	0.4	-0.1	0.5	0.4	0.2	-0.1
FAS	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	0.3	0.6	0.6	0.6	0.4	0.1	0.6	0.2	0.5	0.4	0.3	0.2	0.7	0.2	0.3	0.3
MB	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.4	0.4	0.3	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.4	0.2	0.1	<0.1
TNFSF13B	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.4	0.5	0.5	0.5	0.3	0.2	0.5	<0.1	0.5	0.3	0.3	0.1	0.5	0.2	0.3	0.1
PCSK9	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.5	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	0.4	0.1	0.5	0.3	0.3	0.2	0.4	0.1	0.2	0.2

UPAR	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.4	0.5	0.5	0.2	<0.1	0.5	0.2	0.5	0.3	0.2	0.3	0.6	0.2	0.4	0.5
OPN	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.6	0.5	0.6	0.7	0.2	0.4	0.2	0.4	0.3	0.4	<0.1	0.6	0.5	0.3	<0.1
PGLYRP1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.4	0.4	0.5	0.3	0.1	0.4	0.2	0.5	0.3	0.3	0.2	0.5	0.3	0.2	0.2
CPA1	0.9	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
JAMA	<0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.8	0.1	<0.1	0.2	1
GAL4	0.3	0.4	0.3	0.2	0.1	0.2	0.5	0.3	0.4	0.1	-0.1	0.4	0.1	0.4	0.4	0.2	0.1	0.4	0.1	0.2	0.1
IL1RT2	0.3	0.3	0.4	0.2	0.1	0.5	0.5	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.1
SHPS1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.4	0.5	0.5	0.2	0.1	0.5	0.2	0.3	0.4	0.3	0.1	0.5	0.2	0.2	0.2
CCL15	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.5	0.4	0.4	0.2	0.1	0.4	0.2	0.4	0.3	0.3	<0.1	0.5	0.3	0.2	<0.1
CASP3	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.8	<0.1	-0.1	0.1	0.9
CPB1	1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1
CHI3L1	0.2	1	0.4	0.3	<0.1	<0.1	0.4	0.2	0.4	0.1	-0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.4	0.1	0.2	0.1
ST2	0.2	0.4	1	0.2	<0.1	0.2	0.4	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.3	0.4	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1
TPA	0.1	0.3	0.2	1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	-0.1	0.5	0.3
SCGB3A2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1
EGFR	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	1	0.4	0.4	0.3	0.3	0.5	0.3	0.1	0.4	0.4	0.4	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1
IGFBP7	0.3	0.4	0.4	0.2	0.2	0.4	1	0.6	0.7	0.4	0.2	0.6	0.3	0.4	0.4	0.4	<0.1	0.7	0.4	0.3	0.1
CD93	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.4	0.6	1	0.7	0.5	0.3	0.5	0.2	0.4	0.4	0.5	<0.1	0.7	0.4	0.2	0.1
IL18BP	0.3	0.4	0.3	0.1	0.2	0.3	0.7	0.7	1	0.4	0.2	0.6	0.2	0.4	0.5	0.4	<0.1	0.7	0.4	0.2	<0.1
COL1A1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.4	0.5	0.4	1	0.3	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.3	0.1	<0.1
PON3	0.1	-0.2	<0.1	-0.2	0.3	0.5	0.2	0.3	0.2	0.3	1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.4	<0.1	0.1	0.5	<0.1	-0.1
CTSZ	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.3	0.6	0.5	0.6	0.3	<0.1	1	0.2	0.5	0.3	0.3	0.2	0.7	0.1	0.3	0.2
MMP3	0.2	0.3	0.4	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1
RARRES2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.4	0.4	0.4	0.4	0.3	<0.1	0.5	0.1	1	0.3	0.3	0.4	0.5	0.2	0.2	0.4
ICAM2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.4	0.4	0.4	0.5	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	1	0.3	0.1	0.4	0.2	<0.1	0.1
KLK6	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.5	0.4	0.3	0.4	0.3	0.3	0.3	0.3	1	<0.1	0.5	0.4	0.1	<0.1
PDGFA	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	<0.1	1	0.1	<0.1	0.1	0.7
TNFR1	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	0.3	0.7	0.7	0.7	0.3	0.1	0.7	0.3	0.5	0.4	0.5	0.1	1	0.4	0.3	0.1
IGFBP2	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.4	0.4	0.4	0.3	0.5	0.1	0.3	0.2	0.2	0.4	<0.1	0.4	1	0.1	<0.1
VWF	0.1	0.2	0.2	0.5	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	1	0.2
PECAM1	<0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.7	0.1	<0.1	0.2	1
MEPE	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.4	0.5	0.5	0.4	0.5	0.3	0.4	0.3	0.4	0.3	0.4	<0.1	0.5	0.3	0.1	0.1
CCL16	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.5	0.4	0.4	0.2	<0.1	0.5	0.3	0.5	0.2	0.3	0.1	0.5	0.2	0.2	0.1
IL8	<0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.5	0.2	<0.1	0.1	0.4
VEGFA	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.2	0.3	0.1	0.5	0.1	0.1	0.5	0.3	<0.1	0.1	0.3
CD8A	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
MCP3	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.4	0.2	<0.1	0.1	0.2
CDCP1	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.5	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1
CD244	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1	-0.1	0.6	0.1	-0.1	<0.1	0.6
IL7	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.8	<0.1	-0.1	<0.1	0.6
OPG	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.4	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	-0.1
LAP_TGFB1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.2	<0.1	0.4	0.1	-0.1	0.8	0.1	-0.1	0.1	0.7
UPA	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1
IL6	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	-0.3	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1
MCP1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1
CXCL11	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	0.6

AXIN1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	0.8
TRAIL	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1
CXCL9	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1
CST5	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.1	0.1	-0.1
OSM	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.5	0.2	<0.1	0.1	0.3
CXCL1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.7	<0.1	-0.1	<0.1	0.7
CCL4	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.5	0.2	<0.1	0.1	0.4
CD6	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.4	<0.1	-0.1	<0.1	0.4
TGFA	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.4	0.2	0.1	0.1
MCP4	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	0.6
CCL11	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.1	0.1	0.3
TNFSF14	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.7	0.1	-0.1	<0.1	0.7
MMP1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.7	0.1	<0.1	<0.1	0.4
LIFR	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.4	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	-0.2	0.3	0.1	0.1	-0.2
FGF21	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
CCL19	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1
IL15RA	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.4	0.5	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.5	0.3	0.1	<0.1
IL10RB	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	0.5	0.5	0.2	<0.1	0.4	0.1	0.3	0.3	0.3	-0.1	0.5	0.2	0.2	-0.2
IL18R1	0.1	0.2	0.3	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	-0.2	0.3	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.3	-0.1	0.2	0.1
PDL1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.5	0.2	<0.1	0.1	0.5
CXCL5	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.7	<0.1	-0.1	<0.1	0.7
TRANCE	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1
HGF	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	-0.3	0.3	0.1	0.4	0.1	-0.1	0.4	0.3	-0.1	0.3	0.3
IL12B	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.3	0.3	0.4	0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1	-0.1
MMP10	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.1	-0.1
IL10	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1
TNF	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.4	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.4	0.1	0.1	0.1
CCL23	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.1
CD5	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.4	0.1	<0.1	<0.1	0.5
CCL3	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	-0.2	0.3	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.3
FLT3L	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.1
CXCL6	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	-0.1	0.7	<0.1	-0.1	<0.1	0.6
CXCL10	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2
4EBP1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.7	<0.1	-0.1	<0.1	0.7
SIRT2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.7	<0.1	-0.1	<0.1	0.8
CCL28	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2
DNER	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1
ENRAGE	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.4	0.2	0.1	0.1	0.3
CD40	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.7	0.1	<0.1	<0.1	0.7
IFNG	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
FGF19	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
MCP2	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.6	0.1	<0.1	<0.1	0.4
CASP8	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.7	0.1	<0.1	<0.1	0.7
CCL25	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.1	-0.1
CX3CL1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.5	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	-0.1	0.4	0.4	0.1	-0.1
TNFRSF9	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	0.4	0.6	0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.5	0.3	0.1	<0.1

NT3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
TWEAK	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.2
CCL20	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2
ST1A1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.7	<0.1	-0.1	<0.1	0.7
STAMBP	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.8	<0.1	-0.1	<0.1	0.8
ADA	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.6	0.1	-0.1	<0.1	0.6
TNFB	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1
CSF1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.4	0.5	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.5	0.2	0.2	-0.1
Age	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1
Body mass ind	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.4	0.2	-0.1	0.3	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.3	0.1	<0.1
Waist circumf	<0.1	0.2	0.2	0.2	-0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.4	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.2	-0.3	0.1	0.1
Educational at	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
Alcohol consu	0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
Systolic blood	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1
Diastolic blood	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.1
Hemoglobin A	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1
Duration of kn	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1
High-density li	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.4	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1
Low-density li	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Triglycerides	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.3	0.2	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.3	0.1	0.1
Albumin	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.1
Fibrinogen	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1
C-reactive pro	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.3	0.2	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.3	-0.1	0.2	0.1
Serum amyloid	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
Leucocyte cou	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.4	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1
Serum adipone	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2
Uric acid	0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.3	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.2	0.1	0.1
Creatinine	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1
Rényi4, baseli	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
TP, baseline	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1
SDWS, baseli	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
SDSA, baseli	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1
CE, baseline	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	CPB1	CHI3L1	ST2	TPA	SCGB3/EGFR	IGFBP7	CD93	IL18BP	COL1A1	PON3	CTSZ	MMP3	RARRES1	ICAM2	KLK6	PDGFA	TNFR1	IGFBP2	VWF	PECAM	
BMP6	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.109	0.016	1	1	1	<0.001	0.001	0.076	<0.001	0.066	1	<0.001	0.12	1	0.006	<0.001
ANGPT1	0.417	1	1	1	1	1	1	1	0.634	1	0.654	1	1	<0.001	1	0.084	<0.001	1	0.691	1	<0.001
ADM	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.005	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.19	<0.001	0.064	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD40L	0.139	1	1	1	0.518	<0.001	0.14	0.044	0.002	0.119	<0.001	1	1	<0.001	1	0.004	<0.001	1	0.047	1	<0.001

PGF	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.062	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	0.011
ADAMTS13	0.025	1	1	1	1	<0.001	<0.001	0.121	0.234	0.096	1	0.018	0.367	1	0.076	1	1	1	0.706	1	1
BOC	0.027	1	0.001	1	0.049	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.022	<0.001
IL4RA	<0.001	<0.001	<0.001	0.209	<0.001	0.669	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.64	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.128	<0.001	<0.001	<0.001	0.004
SRC	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	<0.001	1	1	1	<0.001
IL1RA	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	0.308	1	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.548	0.52	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF10A	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	0.691	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.116	<0.001	0.007	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001
STK4	1	1	1	0.51	1	<0.001	0.137	0.103	0.004	1	0.009	1	1	<0.001	1	0.621	<0.001	1	0.224	1	<0.001
IDUA	1	<0.001	0.001	<0.001	0.259	1	<0.001	1	0.052	0.619	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.118	0.387	<0.001	0.007	0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF11A	<0.001	<0.001	0.093	0.842	0.184	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.033	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	0.153	<0.001	<0.001	<0.001	1
PAR1	1	0.068	0.419	<0.001	1	0.002	1	0.64	1	1	<0.001	0.002	0.52	<0.001	0.29	1	<0.001	0.007	1	1	<0.001
TRAILR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	0.039
PRSS27	1	0.719	1	0.643	0.004	0.805	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	0.26	<0.001	0.006	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
TIE2	0.067	0.099	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	1	<0.001	0.521	1	<0.001	0.133	0.344	<0.001	0.628	<0.001	0.174
TF	0.06	0.06	1	1	0.005	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.04	<0.001	<0.001	0.437	0.024
IL1RL2	0.215	1	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.007	<0.001	<0.001	0.016	0.008	1	<0.001	0.966	0.159	0.119
PDGFB	0.715	1	0.472	1	1	0.935	0.826	0.131	0.106	1	0.064	1	1	<0.001	1	0.017	<0.001	1	0.342	1	<0.001
IL27	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.04	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	1	<0.001	<0.001	0.15	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.03
IL17D	1	0.001	1	0.258	0.003	0.042	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.062	1	0.163	0.017	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	1
LOX1	1	<0.001	<0.001	0.002	0.049	1	<0.001	0.016	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.592	<0.001	<0.001
GAL9	0.017	<0.001	0.001	0.001	1	0.1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.985	<0.001	<0.001
GIF	0.171	1	1	1	1	0.002	<0.001	0.012	0.02	0.642	1	0.05	1	0.341	0.025	<0.001	1	0.005	1	1	1
SCF	1	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.239	0.272	<0.001	0.175	<0.001	<0.001	1	<0.001
IL18	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001
PLGR	<0.001	<0.001	0.2	0.832	<0.001	0.254	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.248	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.017	<0.001	<0.001	0.015	<0.001
RAGE	0.001	1	1	0.834	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.017	0.191	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
SOD2	1	1	0.014	1	1	1	0.1	1	1	1	1	0.198	1	<0.001	0.199	1	<0.001	1	1	0.343	<0.001
CTRC	<0.001	1	1	1	1	0.003	1	1	1	1	1	1	1	0.405	0.008	0.512	0.035	1	1	0.013	0.505
FGF23	0.001	<0.001	0.609	0.012	0.005	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.126	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SPON2	<0.001	<0.001	0.007	0.111	0.002	0.02	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.184	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GH	1	1	0.01	0.004	<0.001	1	1	0.026	0.409	0.001	<0.001	0.827	<0.001	1	1	1	0.113	1	<0.001	1	0.006
FS	0.799	<0.001	0.973	0.002	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.06	0.242	<0.001	1	<0.001	0.014	0.551	1	<0.001	1	<0.001	0.086
GLO1	1	1	0.846	0.003	0.895	<0.001	0.024	0.002	0.001	0.07	<0.001	1	1	<0.001	1	0.005	<0.001	0.251	0.002	1	<0.001
CD84	1	1	1	1	1	0.241	1	1	1	1	0.02	0.414	1	<0.001	0.082	1	<0.001	0.599	1	1	<0.001
SERPINA12	1	1	0.456	0.978	1	1	0.48	1	1	1	1	0.444	0.117	0.031	1	1	1	0.416	0.025	1	0.691
REN	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	0.098	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	1	1	1	<0.001	1	<0.001	1
DECR1	0.728	1	1	0.051	1	<0.001	0.371	0.058	0.004	0.165	<0.001	1	1	<0.001	1	0.134	<0.001	1	0.055	1	<0.001
MERTK	0.224	0.002	0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.373	0.082	<0.001	<0.001	0.443	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	0.003
KIM1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.486	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.704	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	1	1	<0.001	1	<0.001	1
THBS2	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.03	1	0.438	<0.001	1	<0.001	0.014
TM	<0.001	<0.001	0.015	1	0.418	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
VSIG2	<0.001	<0.001	0.002	0.023	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.026	<0.001	<0.001	<0.001	0.196	<0.001	<0.001	<0.001	1
AMBIP	<0.001	<0.001	0.042	0.068	0.476	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.507	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.079	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PRELP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.19	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
HO1	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	1	1	<0.001	0.055	0.004	1	1	<0.001	<0.001	0.79	0.493	1	<0.001	0.003	1	0.925	<0.001
XLCL1	0.003	<0.001	0.008	<0.001	0.34	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.042	<0.001	<0.001	0.377	<0.001	<0.001	1	0.001	<0.001	0.08	<0.001	0.004

IL16	1	1	0.05	0.027	1	0.87	1	1	1	1	<0.001	0.017	0.056	<0.001	1	1	<0.001	1	0.035	1	<0.001
SORT1	0.845	<0.001	<0.001	0.004	1	1	0.121	1	1	1	0.001	<0.001	0.35	<0.001	0.006	0.758	<0.001	0.001	1	0.011	<0.001
CEACAM8	0.042	<0.001	0.002	0.464	0.129	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	1	<0.001	<0.001	0.018	0.037	<0.001
PTX3	1	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	0.007	0.27	0.202	<0.001	<0.001	<0.001	1
PSGL1	0.84	0.007	0.001	<0.001	1	1	1	0.013	0.213	0.851	<0.001	0.088	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.408	<0.001
CCL17	1	0.04	0.012	0.129	1	0.105	1	1	1	1	0.027	0.118	0.072	<0.001	1	0.594	<0.001	1	1	1	<0.001
MMP7	<0.001	<0.001	0.012	0.028	0.003	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	1	<0.001	0.491	<0.001	0.075	<0.001	1	<0.001	0.004	<0.001	1
IGGFC	0.057	0.591	1	1	1	1	0.175	0.058	0.005	0.2	1	0.126	1	0.191	1	0.423	1	0.007	0.515	1	1
ITGB1BP2	0.913	1	1	0.52	1	<0.001	0.022	0.057	0.002	0.54	<0.001	1	1	<0.001	1	0.073	<0.001	1	0.196	1	<0.001
DCN	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.081	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
DKK1	1	1	0.242	1	1	1	1	1	1	1	0.044	0.254	1	<0.001	1	0.628	<0.001	1	1	1	<0.001
LPL	1	0.037	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.293	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.071	0.034	<0.001	0.139	0.005	<0.001	1	<0.001
PRSS8	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.251	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.16	1	<0.001	0.743	0.001	1
AGRP	<0.001	<0.001	<0.001	0.157	0.059	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.129	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.896
HBEGF	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0.001	0.169	1	<0.001	1	0.41	<0.001	0.65	0.377	1	<0.001
GDF2	0.485	1	1	1	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.024	0.019	0.278	0.003	0.074	1	0.046	0.002	0.062	0.166
FABP2	0.084	1	0.989	1	<0.001	0.049	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.031	0.001	0.309	0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.2
THPO	1	1	1	1	0.017	0.002	1	0.001	1	0.104	<0.001	0.045	1	<0.001	1	0.482	<0.001	0.001	<0.001	1	<0.001
MARCO	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.113	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.89	0.17	<0.001	1	<0.001	1
GT	0.023	1	1	1	0.115	1	<0.001	0.004	<0.001	0.001	0.005	1	1	1	0.926	<0.001	0.085	0.001	0.001	1	0.062
MMP12	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.1	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.004	0.083	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
ACE2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.037	1	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.044	0.524	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
PDL2	0.001	0.002	<0.001	0.924	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.716	<0.001	0.016	0.162	<0.001	<0.001	0.177	<0.001	<0.001	0.034	1
CTSL1	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.016	0.357	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
HOSCAR	<0.001	<0.001	<0.001	0.97	0.08	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
TNFRSF13B	<0.001	<0.001	0.252	0.511	0.258	0.878	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.694	<0.001	0.104	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.09	1
TGM2	1	0.002	<0.001	0.005	1	1	<0.001	0.022	0.006	1	<0.001	0.006	0.001	0.02	0.202	1	0.044	<0.001	1	1	1
LEP	0.115	1	0.049	0.239	1	0.001	0.007	0.941	0.065	0.042	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.524	1	1	<0.001	<0.001	0.002	0.021
CA5A	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.318	1	<0.001	0.494	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.119	0.002	0.004	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
HSP27	1	1	1	0.567	1	1	0.924	1	0.104	1	0.056	1	1	0.062	1	1	<0.001	1	0.062	1	<0.001
CD4	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.481	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.019	<0.001
NEMO	1	1	1	0.108	1	<0.001	0.047	0.068	0.001	0.036	<0.001	1	1	<0.001	1	0.415	<0.001	1	0.023	1	<0.001
VEGFD	0.052	1	0.213	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.01	1	<0.001	<0.001	0.099	0.003	<0.001	1	0.06
PARP1	1	1	0.098	0.026	1	0.07	1	1	0.068	0.139	<0.001	0.208	0.237	<0.001	1	0.382	<0.001	1	0.004	1	<0.001
HAOX1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.359	1	0.01	0.046	1	0.002	<0.001	<0.001	1	1	1	0.001	1	1	<0.001	0.445	0.133
TNFRSF14	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.117	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LDL_RC	<0.001	0.001	0.005	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.005	0.002	<0.001	0.002	0.153	0.003
ITGB2	0.058	0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.197	<0.001	<0.001	0.137	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001
IL17RA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.113	<0.001	<0.001
TNFR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP9	1	0.001	<0.001	0.329	0.073	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	1	<0.001	0.001	<0.001	0.001	1	<0.001	<0.001	0.18	<0.001	<0.001
EPHB4	<0.001	<0.001	<0.001	0.088	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
IL2RA	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.145	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.187	<0.001	<0.001	<0.001	1
ALCAM	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
SELP	1	0.061	0.004	<0.001	1	1	1	1	1	1	0.075	<0.001	0.348	<0.001	0.003	1	<0.001	0.019	1	<0.001	<0.001
CSTB	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.443	0.032	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.616	<0.001	<0.001

CD163	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	0.001	0.246	<0.001	1	<0.001	0.446
GRN	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.135	<0.001	<0.001	<0.001	0.154
NTPROBNP	0.564	<0.001	<0.001	1	0.026	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.708	0.004	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	0.93	<0.001	<0.001	0.026	0.062
PLC	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
LTBR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
NOTCH3	<0.001	<0.001	<0.001	0.105	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.814	<0.001	<0.001	<0.001	0.157
TIMP4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
CNTN1	<0.001	1	0.003	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.008	0.354
CDH5	<0.001	<0.001	<0.001	0.027	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.607
TLT2	0.001	0.037	0.016	0.25	0.02	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001
FABP4	<0.001	<0.001	0.432	0.001	0.102	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.602	<0.001	1
TFPI	<0.001	0.363	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
PAI	0.658	<0.001	0.001	<0.001	1	0.435	0.011	1	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.66	0.602	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
CCL24	0.004	0.765	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.059	0.001	0.458	0.289	0.014	0.009	0.006	<0.001	0.831	0.369	0.047	0.038	1	0.087
TR	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.133	<0.001	<0.001	<0.001	0.252	<0.001	<0.001	1	1
TNFRSF10C	0.001	<0.001	<0.001	0.012	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.194	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.04
GDF15	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
SELE	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.671	<0.001	0.057	<0.001	<0.001	0.945	0.293	<0.001	0.05	1	<0.001
DLK1	<0.001	0.006	0.204	0.082	0.273	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.806	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.017	0.007	1
MPO	0.65	0.002	<0.001	<0.001	1	0.041	<0.001	<0.001	<0.001	0.976	0.763	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001
CXCL16	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
IL6RA	<0.001	0.03	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.739	<0.001	<0.001	<0.001	0.732
RETN	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IGFBP1	1	0.015	1	0.531	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.648	0.001	1	0.004	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.896	1
CHIT1	1	0.128	0.064	0.006	0.182	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.144	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.059	1
TRAP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.067	<0.001	0.021	<0.001	<0.001
GP6	1	0.756	0.026	<0.001	1	1	1	1	1	1	0.311	<0.001	0.25	<0.001	0.052	1	<0.001	0.113	1	0.677	<0.001
PSPD	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	1	<0.001	0.15	0.001	0.336	<0.001	1	<0.001	0.003	<0.001	1
EPCAM	1	1	1	1	1	<0.001	0.29	1	1	0.088	1	1	1	1	0.272	1	1	1	1	1	1
APN	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.709
AXL	<0.001	<0.001	<0.001	0.222	0.179	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.989	<0.001	<0.001	<0.001	0.322
IL1RT1	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
MMP2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.655	<0.001	<0.001	<0.001	0.311
FAS	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.034	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MB	<0.001	<0.001	<0.001	0.352	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.047	1
TNFSF13B	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004
PCSK9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
UPAR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
OPN	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
PGLYRP1	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.456	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CPA1	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.021	0.09	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.655	0.008	1
JAMA	1	0.311	0.195	<0.001	1	0.567	1	1	1	1	0.028	<0.001	0.941	<0.001	1	1	<0.001	0.448	1	<0.001	<0.001
GAL4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.493	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	0.021	<0.001	0.001
IL1RT2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.064	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	1	<0.001	0.24
SHPS1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.034	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.0.			

CASP3	1	1	0.342	<0.001	1	0.468	1	1	1	1	0.046	0.003	1	<0.001	1	1	<0.001	1	1	0.069	<0.001
CPB1	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.21	0.063	1
CHI3L1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.093	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.183	<0.001	<0.001	<0.001	0.202
ST2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.029	<0.001	<0.001	<0.001	0.006
TPA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.011	<0.001	0.652	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	0.69	1	0.273	<0.001	0.418	<0.001	<0.001
SCGB3A2	<0.001	0.574	0.421	0.147	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.033	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1
EGFR	<0.001	0.333	<0.001	0.128	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.036	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.004	0.065	1
IGFBP7	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
CD93	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
IL18BP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
COL1A1	<0.001	0.005	0.189	0.042	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
PON3	0.086	<0.001	0.782	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.108	1	<0.001	<0.001	1	0.376	<0.001	1	0.635
CTSZ	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.383	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP3	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.456	0.006	<0.001	<0.001	0.36	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.373
RARRES2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.281	<0.001	0.022	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ICAM2	<0.001	<0.001	<0.001	0.044	0.117	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.143	<0.001	<0.001	1	<0.001
KLK6	<0.001	<0.001	<0.001	0.363	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.293	

MCP4	0.074	0.008	0.007	0.037	0.81	0.004	0.917	0.23	0.243	0.164	0.003	0.017	0.328	<0.001	0.705	0.034	<0.001	0.311	0.191	0.837	<0.001
CCL11	0.14	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.271	<0.001	0.023	<0.001	0.186	0.117	<0.001	<0.001	<0.001	0.21	0.776	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001
TNFSF14	0.693	0.121	0.009	0.004	0.066	<0.001	0.478	0.233	0.236	0.04	<0.001	<0.001	0.402	<0.001	0.793	0.001	<0.001	0.107	0.001	0.552	<0.001
MMP1	0.389	0.068	<0.001	0.685	0.109	0.19	0.828	0.54	0.679	0.127	0.005	0.003	0.013	<0.001	0.023	0.445	<0.001	<0.001	0.5	0.541	<0.001
LIFR	<0.001	<0.001	<0.001	0.224	0.261	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.336	<0.001	0.003	0.057	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
FGF21	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	0.235	<0.001	0.779	0.002	0.776	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.3	0.679	0.833	<0.001	0.009	0.002	0.327
CCL19	0.014	<0.001	0.014	0.026	0.633	0.391	<0.001	0.018	<0.001	0.554	<0.001	<0.001	0.571	<0.001	0.008	0.407	<0.001	<0.001	0.785	0.001	0.007
IL15RA	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	0.194	0.91	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.336	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.832	<0.001	<0.001	<0.001	0.951
IL10RB	<0.001	<0.001	0.004	0.167	0.057	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.165	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL18R1	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.181	<0.001	<0.001	0.46	<0.001	<0.001	0.322	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
PDL1	0.415	<0.001	<0.001	<0.001	0.149	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.514	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.474	<0.001	<0.001	0.162	0.019	<0.001
CXCL5	0.028	0.655	0.753	0.194	0.212	0.001	0.022	0.037	0.015	0.113	0.053	0.175	0.092	<0.001	0.397	0.055	<0.001	0.494	0.064	0.608	<0.001
TRANCE	0.016	0.006	0.054	0.998	0.728	0.128	0.009	0.003	0.009	<0.001	0.464	0.955	0.176	<0.001	0.617	0.201	0.4	0.001	0.729	0.084	0.078
HGF	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.845	0.009	<0.001	0.003	<0.001	0.242	<0.001	<0.001	0.036	<0.001	0.001	0.076	<0.001	<0.001	0.063	<0.001	<0.001
IL12B	<0.001	<0.001	0.809	0.78	0.011	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.341	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.162	<0.001	0.005	<0.001	0.011
MMP10	<0.001	<0.001	<0.001	0.213	<0.001	0.036	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	0.341	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	0.005	<0.001
IL10	<0.001	<0.001	<0.001	0.04	0.004	0.053	<0.001	<0.001	<0.001	0.138	0.452	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.003	0.151	<0.001	<0.001	0.014	0.127
TNF	<0.001	<0.001	<0.001	0.054	0.036	0.727	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.097
CCL23	<0.001	0.001	0.005	0.076	<0.001	0.216	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.748	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.155	0.101
CD5	0.061	0.041	0.064	0.063	0.927	0.004	0.026	0.004	0.002	0.835	<0.001	<0.001	0.159	<0.001	0.009	0.954	<0.001	<0.001	0.51	0.383	<0.001
CCL3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.738	0.007	<0.001	0.001	<0.001	0.943	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.174	<0.001	<0.001	0.781	0.001	<0.001
FLT3L	0.095	<0.001	0.022	<0.001	0.02	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.112	<0.001	0.269	<0.001	0.737	0.023	0.087	<0.001	0.599	<0.001	0.088
CXCL6	0.973	0.061	0.001	0.005	0.059	<0.001	0.791	0.037	0.544	0.026	<0.001	0.005	0.653	<0.001	0.099	0.062	<0.001	0.725	0.026	0.995	<0.001
CXCL10	0.005	<0.001	<0.001	0.026	0.477	0.894	<0.001	0.003	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	0.753	<0.001	0.001	0.219	<0.001	<0.001	0.086	<0.001	<0.001
4EBP1	0.881	0.004	0.001	<0.001	0.249	<0.001	0.503	0.045	0.018	0.012	<0.001	0.002	0.005	<0.001	0.986	0.011	<0.001	0.444	0.005	0.982	<0.001
SIRT2	0.153	0.58	0.251	0.01	0.137	<0.001	0.011	0.008	<0.001	0.017	<0.001	0.274	0.464	<0.001	0.937	0.018	<0.001	0.265	0.008	0.522	<0.001
CCL28	0.042	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.321	0.146	0.578	0.046	0.421	0.451	0.037	<0.001	0.001	0.029	0.409	<0.001	0.054	0.003	0.05	<0.001
DNER	0.199	0.016	0.523	0.585	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.035	<0.001	<0.001	0.849	0.515	0.364	0.031	<0.001	0.034	0.242	0.004	0.142	0.02
ENRAGE	0.203	<0.001	<0.001	<0.001	0.163	0.048	0.001	0.068	0.023	0.176	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.145	0.618	<0.001	<0.001	0.044	0.008	<0.001
CD40	0.468	0.024	0.005	0.002	0.315	<0.001	0.767	0.903	0.796	0.211	<0.001	<0.001	0.08	<0.001	0.234	0.389	<0.001	0.01	0.874	0.819	<0.001
IFNG	0.046	<0.001	0.003	0.866	0.955	0.806	0.001	0.186	<0.001	0.305	0.079	0.004	0.601	0.004	0.045	0.712	0.856	0.001	0.396	0.285	0.103
FGF19	<0.001	0.001	0.019	0.001	0.004	0.001	0.003	0.092	0.002	0.426	0.003	0.002	0.186	0.084	0.015	0.235	0.472	<0.001	0.003	0.031	0.407
MCP2	0.897	<0.001	0.001	0.055	0.164	0.341	0.125	0.815	0.129	0.524	0.001	<0.001	0.278	<0.001	0.208	0.16	<0.001	<0.001	0.232	0.154	<0.001
CASP8	0.836	0.01	<0.001	0.018	0.23	0.006	0.744	0.727	0.593	0.106	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.105	0.193	<0.001	0.004	0.156	0.813	<0.001
CCL25	<0.001	<0.001	0.005	0.074	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.046	0.014
CX3CL1	0.002	0.001	0.073	0.628	<0.001	0.02	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.001
TNFRSF9	<0.001	<0.001	0.376	0.242	<0.001	0.69	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.384	<0.001	0.131	<0.001	<0.001	<0.001	0.458	<0.001	<0.001	<0.001	0.167
NT3	0.113	0.004	0.028	0.009	<0.001	0.002	<0.001	0.001	0.046	0.001	0.044	0.341	0.429	0.007	0.134	0.055	0.139	0.04	0.006	0.172	0.658
TWEAK	0.953	<0.001	0.11	0.001	0.699	<0.001	0.164	<0.001	0.048	<0.001	<0.001	0.929	0.115	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.178	0.001	0.382	<0.001
CCL20	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.328	0.727	<0.001	0.569	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	0.061	<0.001	0.009	0.379	<0.001	<0.001	0.64	<0.001	<0.001
ST1A1	0.139	0.567	0.032	0.037	0.048	<0.001	0.014	0.005	<0.001	0.001	<0.001	0.46	0.205	<0.001	0.603	0.006	<0.001	0.23	0.017	0.206	<0.001
STAMBP	0.133	0.665	0.115	0.006	0.071	<0.001	0.012	0.006	<0.001	0.012	<0.001	0.255	0.302	<0.001	0.702	0.019	<0.001	0.211	0.003	0.411	<0.001
ADA	0.958	0.005	<0.001	0.002	0.039	0.039	0.272	0.495	0.537	0.332	<0.001	0.001	0.004	<0.001	0.092	0.265	<0.001	0.017	0.006	0.557	<0.001
TNFB	0.002	0.575	0.39	0.32	0.803	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.409	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	0.173	0.211	0.002
CSF1	<0.001	<0.001	0.062	0.09	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.151	<0.001	0.026	<0.001	<0.001	<0.001	0.047	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
Age	0.21	<0.001	0.002	0.001	0.603	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.04	0.022	<0.001	0.002	<0.001	0.003	<0.001	0.678	<0.001	<0.001	<0.001	0.876

Body mass index	0.963	0.001	0.163	<0.001	<0.001	0.552	0.003	0.141	0.104	0.173	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.144	<0.001	0.25	<0.001	<0.001	0.002	0.337
Waist circumference	0.205	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.016	0.039	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.145	<0.001	0.113	<0.001	<0.001	0.001	0.002
Educational attainment	0.008	0.847	0.021	0.81	0.858	0.173	0.384	0.554	0.069	0.028	0.58	0.228	<0.001	<0.001	0.588	0.086	0.1	0.617	0.277	0.057	0.644
Alcohol consumption	0.012	<0.001	<0.001	0.012	0.04	0.02	0.037	<0.001	0.001	<0.001	0.281	0.004	<0.001	<0.001	0.824	0.124	0.677	<0.001	<0.001	0.048	0.196
Systolic blood pressure	0.002	<0.001	<0.001	0.035	<0.001	0.102	0.001	0.202	0.085	0.218	<0.001	0.004	0.017	0.117	0.063	0.06	0.003	0.008	0.001	0.095	0.136
Diastolic blood pressure	0.002	0.274	0.011	0.198	<0.001	0.592	0.258	0.026	0.753	0.415	0.04	0.029	0.976	0.208	0.242	0.336	0.004	0.87	<0.001	0.679	0.062
Hemoglobin A1c	0.633	<0.001	0.049	0.013	0.323	0.34	0.015	0.818	0.194	0.037	<0.001	<0.001	0.456	<0.001	0.506	0.149	0.119	<0.001	0.01	0.001	0.923
Duration of known diabetes	0.888	0.001	<0.001	0.415	0.008	0.014	0.005	0.644	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	0.292	<0.001	0.045	0.159	0.998	<0.001	0.084	0.049	0.31
High-density lipoprotein cholesterol	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.001	0.492	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	0.063	0.217	0.22	<0.001	<0.001	0.103	0.008
Low-density lipoprotein cholesterol	0.876	<0.001	0.001	0.107	0.247	0.001	0.064	0.065	0.022	0.363	<0.001	0.263	0.553	0.04	0.05	0.323	0.403	0.074	0.99	0.586	0.255
Triglycerides	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	0.165	0.021	0.076	0.12	<0.001	<0.001	<0.001	0.373	<0.001	0.434	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	0.004
Albumin	0.873	0.004	0.241	0.659	0.123	0.005	0.137	0.002	0.001	0.201	0.086	<0.001	0.324	0.079	0.893	0.99	0.049	<0.001	<0.001	0.001	0.055
Fibrinogen	0.118	0.004	0.567	0.009	0.295	0.145	0.072	0.208	0.033	0.177	0.001	0.001	0.198	<0.001	0.315	0.254	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	0.013
C-reactive protein	0.036	<0.001	0.009	<0.001	0.116	0.285	0.347	0.954	<0.001	0.064	<0.001	<0.001	0.982	<0.001	0.552	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.032
Serum amyloid A	0.383	0.022	0.638	0.015	0.089	0.399	0.942	0.489	0.007	0.723	<0.001	0.007	0.962	<0.001	0.721	0.422	0.091	<0.001	0.042	0.004	0.932
Leucocyte count	0.033	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.669	0.001	0.789	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.416	0.353	0.009	0.065	0.185	<0.001	0.928	0.006
Serum adiponectin	0.107	<0.001	0.059	<0.001	0.001	0.032	0.799	0.479	0.917	0.055	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.987	0.144	<0.001	<0.001	0.368	<0.001	<0.001
Uric acid	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.001	0.575	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.241	0.843	0.042	<0.001	<0.001	0.03	0.002
Creatinine	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.315	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.056	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	0.181	<0.001	0.67	<0.001	0.003	0.106	0.016
Rényi4, baseline	0.192	0.001	0.018	0.008	0.042	0.443	0.069	0.574	0.003	0.885	0.048	0.001	0.565	<0.001	0.219	0.3	0.168	<0.001	0.164	0.011	0.107
TP, baseline	0.308	0.001	0.096	0.008	0.031	0.166	0.092	0.851	0.01	0.996	0.082	<0.001	0.174	<0.001	0.156	0.417	0.12	<0.001	0.108	0.004	0.076
SDWS, baseline	0.802	0.046	0.304	0.148	0.076	0.518	0.043	0.698	0.006	0.795	0.071	0.007	0.322	0.012	0.362	0.761	0.536	0.001	0.446	0.097	0.433
SDSA, baseline	0.619	0.212	0.084	0.026	0.083	0.123	0.962	0.336	0.083	0.781	0.927	0.004	0.303	0.02	0.53	0.867	0.536	0.028	0.016	0.338	0.091
CE, baseline	0.158	0.002	0.001	0.009	0.236	0.445	0.069	0.582	0.003	0.973	0.502	<0.001	0.21	<0.001	0.184	0.795	0.354	<0.001	0.361	0.026	0.117

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

1	MEPE	CCL16	IL8	VEGFA	CD8A	MCP3	CDCP1	CD244	IL7	OPG	LAP_TC	UPA	IL6	MCP1	CXCL11	AXIN1	TRAIL	CXCL9	CST5	OSM	CXCL1	CCL4
BMP6	<0.1	0.1	0.5	0.4	0.1	0.4	0.1	0.6	0.6	0.1	0.7	0.1	0.1	0.2	0.6	0.7	<0.1	0.1	<0.1	0.4	0.6	0.5
ANGPT1	<0.1	<0.1	0.5	0.5	-0.1	0.4	<0.1	0.5	0.7	<0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.4	0.6	0.6	<0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.6	0.5
ADM	0.2	0.4	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.2	0.3	<0.1	0.2	0.4	0.2	-0.1	-0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	-0.2	0.1
CD40L	-0.1	<0.1	0.5	0.4	-0.1	0.3	<0.1	0.7	0.8	-0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.2	0.7	0.9	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.8	0.5
PGF	0.3	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.3	0.3	0.2	-0.1	-0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	-0.1	0.1
ADAMTS13	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
BOC	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.3	-0.1	0.4	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.3	-0.1	-0.2	<0.1
IL4RA	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.2	-0.1	-0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	-0.1	0.1
SRC	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1
IL1RA	<0.1	0.2	0.5	0.5	0.2	0.4	0.2	0.5	0.4	0.1	0.6	0.1	0.3	0.2	0.5	0.5	0.1	0.1	-0.1	0.5	0.4	0.5
TNFRSF10A	0.1	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2
STK4	<0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.6	0.6	-0.1	0.6	-0.1	-0.1	0.1	0.6	0.8	-0.1	-0.1	-0.1	0.3	0.7	0.3
IDUA	<0.1	0.1	0.4	0.3	0.1	0.2	0.2	0.4	0.3	0.1	0.5	0.1	0.2	0.2	0.4	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.4
TNFRSF11A	0.3	0.3	0.1	0.4	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.2
PAR1	<0.1	0.1	0.4	0.5	<0.1	0.3	0.1	0.7	0.7	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.2	0.7	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.7	0.4
TRAILR2	0.2	0.4	0.3	0.4	0.3	0.3	0.4	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.4	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2
PRSS27	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2
TIE2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
TF	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1
IL1RL2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
PDGFB	<0.1	<0.1	0.5	0.4	-0.1	0.4	<0.1	0.6	0.8	-0.1	0.8	-0.2	<0.1	0.3	0.7	0.7	<0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.7	0.5
IL27	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.1
IL17D	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1
LOX1	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.1	0.4	0.2	0.3	0.3	0.2	0.4	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.7	0.2	0.4
GAL9	0.1	0.3	0.4	0.5	0.2	0.4	0.3	0.5	0.4	0.1	0.5	0.2	0.3	0.2	0.5	0.4	0.2	0.3	0.1	0.4	0.4	0.5
GIF	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1
SCF	0.3	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.3	0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1
IL18	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3
PLGR	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.1	<0.1
RAGE	0.3	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	-0.1	0.3	<0.1	0.1	-0.2	-0.2	0.2	0.2	0.3	-0.1	-0.2	-0.1
SOD2	0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.4	<0.1	0.5	0.1	<0.1	0.2	0.4	0.5	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.5	0.3
CTRC	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
FGF23	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.2	<0.1
SPON2	0.3	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	-0.2	-0.2	0.4	-0.1	0.4	0.3	0.3	-0.1	-0.3	0.2	0.3	0.3	<0.1	-0.3	<0.1
GH	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
FS	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1
GLO1	-0.1	<0.1	0.5	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.7	0.7	-0.1	0.7	-0.2	<0.1	0.1	0.7	0.9	-0.1	-0.1	-0.2	0.4	0.8	0.4
CD84	<0.1	<0.1	0.5	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.8	0.7	-0.1	0.8	<0.1	-0.1	0.1	0.7	0.8	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.7	0.5
SERPINA12	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
REN	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1
DECR1	-0.1	<0.1	0.5	0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.7	0.7	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.1	0.7	0.9	<0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.8	0.4

MERTK	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.2	<0.1
KIM1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1
THBS2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	<0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1	-0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1
TM	0.3	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2
VSIG2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	-0.1	0.1
AMBP	0.3	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	-0.1	<0.1
PRELP	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.3	0.2	0.3	<0.1	-0.2	0.1	0.3	0.3	<0.1	-0.1	0.1
HO1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3
XCL1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.3
IL16	<0.1	0.1	0.5	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.7	0.6	-0.1	0.6	-0.1	<0.1	<0.1	0.6	0.7	<0.1	-0.1	-0.1	0.3	0.7	0.4
SORT1	<0.1	0.1	0.5	0.5	0.1	0.4	0.1	0.6	0.7	0.1	0.8	0.1	0.1	0.3	0.6	0.6	0.1	0.1	<0.1	0.5	0.6	0.6
CEACAM8	0.1	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.4	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1	0.6	0.2	0.3
PTX3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1
PSGL1	-0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.3	-0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.2
CCL17	<0.1	0.1	0.5	0.4	-0.1	0.4	0.1	0.5	0.7	<0.1	0.7	-0.1	0.1	0.2	0.6	0.7	<0.1	0.1	-0.1	0.4	0.6	0.5
MMP7	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.1
IGGFC	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
ITGB1BP2	-0.1	<0.1	0.5	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.7	0.7	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.1	0.7	0.9	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.8	0.5
DCN	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	-0.1	-0.2	0.4	<0.1	0.4	0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	-0.2	<0.1
DKK1	<0.1	0.1	0.5	0.5	<0.1	0.4	<0.1	0.6	0.8	<0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.3	0.7	0.7	<0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.7	0.5
LPL	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.1	0.2	-0.2	-0.2	-0.1
PRSS8	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1
AGRP	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1
HBEGF	<0.1	0.1	0.5	0.5	<0.1	0.4	<0.1	0.7	0.8	<0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.3	0.7	0.7	0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.7	0.5
GDF2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1
FABP2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1
THPO	0.1	0.1	0.3	0.4	-0.1	0.3	<0.1	0.3	0.5	0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.4	0.4
MARCO	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.4	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2
GT	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	<0.1
MMP12	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	<0.1	0.2
ACE2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
PDL2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.1
CTSL1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.4	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	-0.1	0.2
HOSCAR	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.2
TNFRSF13B	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1
TGM2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2
LEP	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
CA5A	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
HSP27	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.2	0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CD4	0.1	0.2	0.4	0.5	0.2	0.3	0.2	0.5	0.4	<0.1	0.5	0.1	0.2	0.2	0.5	0.4	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.4	0.4
NEMO	-0.1	<0.1	0.4	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.7	0.7	-0.1	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	0.7	1	<0.1	-0.1	-0.1	0.3	0.8	0.4
VEGFD	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1
PARP1	-0.1	<0.1	0.5	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.7	0.5	-0.1	0.6	-0.1	<0.1	<0.1	0.6	0.8	-0.1	-0.1	-0.1	0.4	0.7	0.4
HAOX1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
TNFRSF14	0.3	0.3	0.4	0.5	0.1	0.3	0.1	0.6	0.5	0.1	0.6	<0.1	0.1	0.2	0.5	0.5	0.1	0.2	0.1	0.3	0.5	0.4
LDL_RC	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1

ITGB2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2
IL17RA	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.4	0.3	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3
TNFR2	0.4	0.5	0.2	0.4	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.4	0.2	0.2	0.1	0.3
MMP9	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.4	-0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.8	0.1	0.3
EPHB4	0.6	0.4	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	-0.1	0.1
IL2RA	0.3	0.4	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2
ALCAM	0.4	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.4	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1
SELP	<0.1	0.1	0.5	0.4	-0.1	0.3	<0.1	0.7	0.7	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.1	0.7	0.8	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.7	0.5
CSTB	0.2	0.3	0.5	0.5	0.1	0.4	0.2	0.6	0.5	<0.1	0.6	<0.1	0.1	0.2	0.6	0.6	<0.1	0.1	<0.1	0.4	0.6	0.5
CD163	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	<0.1	0.4	0.1	0.4	0.3	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2
GRN	0.3	0.4	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1
NTPROBNP	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	-0.1	<0.1
PLC	0.6	0.5	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.3	0.3	<0.1	-0.1	0.1
LTBR	0.5	0.4	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1
NOTCH3	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.3	-0.1	0.4	0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.2	<0.1
TIMP4	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	<0.1
CNTN1	0.3	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.3	-0.1	0.3	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	<0.1
CDH5	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.4	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1
TLT2	0.3	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	0.1	0.5	0.4	0.1	0.5	0.1	<0.1	0.1	0.4	0.4	0.2	0.1	0.1	0.2	0.4	0.4
FABP4	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1
TFPI	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
PAI	0.1	0.2	0.5	0.5	<0.1	0.4	0.1	0.5	0.7	<0.1	0.7	-0.1	0.1	0.3	0.6	0.6	<0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.5	0.5
CCL24	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
TR	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1
TNFRSF10C	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1
GDF15	0.2	0.5	0.3	0.3	0.2	0.3	0.4	<0.1	-0.1	0.4	0.1	0.2	0.4	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.2
SELE	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
DLK1	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1
MPO	0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.3	<0.1	0.4	<0.1	0.1	<0.1	0.4	0.4	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.4	0.3
CXCL16	0.4	0.4	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1
IL6RA	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
RETN	0.4	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2
IGFBP1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	-0.2	-0.1	-0.1
CHIT1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.4	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1
TRAP	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
GP6	<0.1	0.1	0.5	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.7	0.7	-0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.1	0.7	0.9	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.8	0.5
PSPD	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
EPCAM	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
APN	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
AXL	0.4	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1
IL1RT1	0.4	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	<0.1
MMP2	0.4	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.3	-0.1	0.3	0.1	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.2	<0.1
FAS	0.4	0.4	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2
MB	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1
TNFSF13B	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1
PCSK9	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2

UPAR	0.2	0.3	0.3	0.4	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3
OPN	0.5	0.4	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1
PGLYRP1	0.4	0.4	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2
CPA1	0.2	0.3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
JAMA	<0.1	0.1	0.4	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.7	0.7	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.1	0.6	0.8	<0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.7	0.4
GAL4	0.2	0.4	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2
IL1RT2	0.2	0.4	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
SHPS1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
CCL15	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1
CASP3	<0.1	0.1	0.5	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.7	0.7	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.1	0.7	0.9	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.8	0.4
CPB1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
CHI3L1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1
ST2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2
TPA	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
SCGB3A2	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
EGFR	0.4	0.3	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1
IGFBP7	0.5	0.5	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.4	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1
CD93	0.5	0.4	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	-0.1	<0.1
IL18BP	0.4	0.4	0.1	0.2	0.3	0.2	0.5	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.4	0.2	0.1	-0.1	0.2
COL1A1	0.5	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1
PON3	0.3	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	-0.2	0.1	-0.3	-0.1	-0.2	-0.2	0.2	<0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1
CTSZ	0.4	0.5	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2
MMP3	0.3	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
RARRES2	0.4	0.5	0.3	0.5	0.2	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	0.4	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.3
ICAM2	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
KLK6	0.4	0.3	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1
PDGFA	<0.1	0.1	0.5	0.5	<0.1	0.4	<0.1	0.6	0.8	<0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.3	0.7	0.7	<0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.7	0.5
TNFR1	0.5	0.5	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.2
IGFBP2	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
VWF	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1
PECAM1	0.1	0.1	0.4	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.6	0.6	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.1	0.6	0.8	<0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.7	0.4
MEPE	1	0.4	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1
CCL16	0.4	1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2
IL8	-0.1	0.2	1	0.5	0.1	0.4	0.3	0.5	0.5	0.2	0.6	0.1	0.2	0.4	0.5	0.5	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.5	0.6
VEGFA	0.1	0.3	0.5	1	0.3	0.5	0.2	0.5	0.5	0.3	0.6	0.2	0.3	0.4	0.5	0.4	0.3	0.3	0.2	0.4	0.4	0.5
CD8A	0.2	0.2	0.1	0.3	1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2
MCP3	<0.1	0.2	0.4	0.5	0.1	1	0.4	0.3	0.3	0.2	0.5	0.2	0.3	0.4	0.4	0.2	0.2	0.3	0.1	0.4	0.2	0.4
CDCP1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.4	1	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.4	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2
CD244	<0.1	<0.1	0.5	0.5	0.2	0.3	0.1	1	0.6	0.1	0.7	0.1	<0.1	0.2	0.7	0.8	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.7	0.5
IL7	-0.1	<0.1	0.5	0.5	<0.1	0.3	<0.1	0.6	1	<0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.2	0.7	0.7	0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.8	0.5
OPG	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.4	0.1	<0.1	1	0.1	0.5	0.3	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.4	0.2	0.1	-0.1	0.2
LAP_TGFB1	<0.1	0.1	0.6	0.6	0.1	0.5	0.1	0.7	0.8	0.1	1	0.1	0.1	0.4	0.7	0.7	0.1	0.1	<0.1	0.5	0.7	0.6
UPA	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.4	0.1	-0.1	0.5	0.1	1	0.2	0.3	<0.1	-0.1	0.4	0.3	0.3	<0.1	-0.1	0.2
IL6	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.2
MCP1	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.3	0.4	0.3	0.3	1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.4	0.1	0.4
CXCL11	-0.1	0.1	0.5	0.5	0.1	0.4	0.1	0.7	0.7	0.1	0.7	<0.1	0.1	0.2	1	0.7	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.7	0.6

AXIN1	-0.1	<0.1	0.5	0.4	<0.1	0.2	<0.1	0.8	0.7	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.1	0.7	1	<0.1	-0.1	-0.1	0.4	0.8	0.5
TRAIL	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	0.2	0.1	<0.1	1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2
CXCL9	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.2	1	0.2	0.1	<0.1	0.2
CST5	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.2	1	<0.1	-0.1	<0.1
OSM	<0.1	0.1	0.4	0.4	0.1	0.4	0.1	0.4	0.4	0.1	0.5	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.4	0.1	0.1	<0.1	1	0.3	0.4
CXCL1	-0.1	<0.1	0.5	0.4	<0.1	0.2	<0.1	0.7	0.8	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.1	0.7	0.8	<0.1	<0.1	-0.1	0.3	1	0.4
CCL4	<0.1	0.2	0.6	0.5	0.2	0.4	0.2	0.5	0.5	0.2	0.6	0.2	0.2	0.4	0.6	0.5	0.2	0.2	<0.1	0.4	0.4	1
CD6	<0.1	<0.1	0.4	0.4	0.2	0.2	0.1	0.7	0.4	0.1	0.6	0.1	<0.1	0.1	0.5	0.6	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.5	0.4
TGFA	0.2	0.3	0.4	0.5	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.4	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.6	0.1	0.4
MCP4	-0.1	0.1	0.6	0.5	<0.1	0.4	0.1	0.6	0.7	<0.1	0.8	<0.1	<0.1	0.4	0.7	0.7	0.1	0.1	<0.1	0.5	0.7	0.6
CCL11	<0.1	0.1	0.5	0.4	0.1	0.4	0.2	0.3	0.3	0.3	0.5	0.1	0.1	0.5	0.5	0.3	0.2	0.3	0.1	0.4	0.2	0.4
TNFSF14	<0.1	0.1	0.5	0.5	0.1	0.4	0.1	0.8	0.7	<0.1	0.8	<0.1	0.1	0.2	0.7	0.8	0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.7	0.6
MMP1	<0.1	0.1	0.4	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.4	0.6	<0.1	0.6	-0.1	0.1	0.3	0.5	0.5	<0.1	0.1	<0.1	0.4	0.4	0.4
LIFR	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	-0.1	-0.2	0.5	<0.1	0.5	0.2	0.2	-0.1	-0.3	0.2	0.3	0.3	<0.1	-0.2	0.1
FGF21	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
CCL19	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.3
IL15RA	0.2	0.2	0.2	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.4	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.4	0.3	0.1	<0.1	0.3
IL10RB	0.3	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	<0.1	-0.1	0.4	0.1	0.4	0.3	0.3	-0.1	-0.2	0.3	0.3	0.4	0.1	-0.2	0.1
IL18R1	0.1	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3
PDL1	0.1	0.2	0.5	0.5	0.2	0.4	0.2	0.7	0.6	0.1	0.7	0.1	0.2	0.2	0.6	0.6	0.1	0.2	0.1	0.4	0.6	0.5
CXCL5	-0.1	<0.1	0.5	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.7	0.8	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.1	0.7	0.8	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.8	0.5
TRANCE	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
HGF	<0.1	0.3	0.6	0.6	0.2	0.5	0.3	0.5	0.4	0.5	0.6	0.3	0.4	0.4	0.5	0.4	0.2	0.3	0.1	0.6	0.3	0.5
IL12B	0.2	0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.4	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.4	0.2	<0.1	-0.1	0.2
MMP10	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	-0.1	0.1
IL10	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2
TNF	0.1	0.2	0.3	0.5	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.4	0.3	0.1	0.3	0.5	0.2	0.2	0.1	0.4
CCL23	0.2	0.3	0.2	0.4	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2
CD5	<0.1	0.1	0.4	0.4	0.2	0.3	0.1	0.7	0.4	<0.1	0.6	0.1	0.1	0.1	0.5	0.6	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.6	0.4
CCL3	0.1	0.3	0.6	0.5	0.3	0.4	0.4	0.5	0.4	0.2	0.5	0.3	0.3	0.4	0.5	0.4	0.2	0.4	0.1	0.4	0.3	0.8
FLT3L	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.4	0.2	0.4	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.2
CXCL6	<0.1	<0.1	0.5	0.4	0.1	0.3	0.1	0.7	0.7	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.2	0.7	0.8	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.8	0.5
CXCL10	0.1	0.2	0.4	0.4	0.2	0.4	0.4	0.3	0.3	0.3	0.4	0.3	0.3	0.4	0.4	0.1	0.2	0.6	0.2	0.3	0.2	0.4
4EBP1	<0.1	0.1	0.5	0.5	<0.1	0.3	<0.1	0.8	0.7	<0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.1	0.7	0.9	<0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.8	0.5
SIRT2	-0.1	<0.1	0.5	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.8	0.8	-0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.1	0.7	1	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.9	0.5
CCL28	<0.1	0.1	0.4	0.3	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.4	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3
DNER	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.3	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1
ENRAGE	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.1	0.4	0.1	0.4	0.3	0.1	0.5	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.4	0.1	0.1	<0.1	0.5	0.4	0.4
CD40	<0.1	0.1	0.5	0.5	0.1	0.3	<0.1	0.8	0.7	<0.1	0.8	<0.1	<0.1	0.2	0.7	0.9	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.8	0.5
IFNG	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.4	0.1	0.1	<0.1	0.2
FGF19	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1
MCP2	<0.1	0.1	0.5	0.5	<0.1	0.4	0.1	0.5	0.6	0.1	0.6	<0.1	0.1	0.5	0.5	0.5	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.4	0.5
CASP8	<0.1	0.1	0.5	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.8	0.6	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.1	0.7	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.8	0.5
CCL25	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.1	<0.1
CX3CL1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.4	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.3	0.3	<0.1	-0.1	0.1
TNFRSF9	0.3	0.2	0.2	0.4	0.4	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.4	0.3	0.3	0.1	-0.1	0.4	0.5	0.3	0.1	<0.1	0.2

NT3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1
TWEAK	0.1	-0.1	0.2	0.4	0.1	0.2	0.1	0.4	0.3	0.2	0.4	0.3	-0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3
CCL20	<0.1	0.2	0.4	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3
ST1A1	-0.1	<0.1	0.4	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.7	0.7	-0.1	0.7	-0.2	-0.1	<0.1	0.7	0.9	-0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.8	0.4
STAMBP	-0.1	<0.1	0.5	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.8	0.8	-0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.1	0.7	1	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.9	0.5
ADA	<0.1	0.1	0.5	0.4	<0.1	0.3	0.1	0.7	0.6	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.1	0.6	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.7	0.5
TNFB	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.4	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	-0.1	0.1
CSF1	0.2	0.3	0.2	0.4	0.3	0.3	0.4	0.1	<0.1	0.5	0.1	0.5	0.4	0.3	<0.1	-0.2	0.4	0.4	0.3	0.2	-0.1	0.2
Age	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.2	<0.1	<0.1	0.1
Body mass ind	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
Waist circumf	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
Educational at	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
Alcohol consu	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.3	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Systolic blood	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
Diastolic blood	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
Hemoglobin A	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
Duration of kn	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
High-density li	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.2	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2
Low-density li	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Triglycerides	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2
Albumin	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1
Fibrinogen	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
C-reactive prot	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.5	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.2
Serum amyloid	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1
Leucocyte count	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1
Serum adipone	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.1	0.1
Uric acid	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
Creatinine	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1
Rényi4, baseline	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
TP, baseline	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
SDWS, baseline	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDSA, baseline	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CE, baseline	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

1	MEPE	CCL16	IL8	VEGFA	CD8A	MCP3	CDCP1	CD244	IL7	OPG	LAP_TC	UPA	IL6	MCP1	CXCL11	AXIN1	TRAIL	CXCL9	CST5	OSM	CXCL1	CCL4
BMP6	1	0.009	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.113	<0.001	0.707	0.413	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.425	1	<0.001	<0.001	<0.001
ANGPT1	1	1	<0.001	<0.001	0.257	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.183	<0.001	<0.001	<0.001
ADM	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.517	<0.001	0.606
CD40L	0.221	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.206	<0.001	0.004	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.003	<0.001	<0.001	<0.001

PGF	<0.001	<0.001	0.07	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.079	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.608	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.15	0.001	0.006
ADAMTS13	0.042	0.635	1	1	0.177	1	1	1	1	<0.001	1	<0.001	1	0.562	1	0.912	0.003	1	0.747	1	1	1
BOC	<0.001	0.041	1	1	0.605	1	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.125	<0.001	1	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	1	<0.001	1
IL4RA	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	1	0.092	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.62	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.872	<0.001	0.419
SRC	1	1	0.304	1	1	1	1	0.001	<0.001	1	0.001	1	0.7	1	<0.001	<0.001	1	1	1	0.217	<0.001	1
IL1RA	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.92	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.454	<0.001	0.874	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF10A	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001
STK4	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	0.178	1	<0.001	<0.001	1	0.294	0.292	<0.001	<0.001	<0.001
IDUA	1	0.002	<0.001	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF11A	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	0.852	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.35	0.799	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
PAR1	1	0.188	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001
TRAILR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.262	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.074	<0.001
PRSS27	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.073	<0.001	<0.001	0.51	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	0.003	0.011	<0.001	<0.001	<0.001
TIE2	<0.001	0.001	1	0.022	<0.001	1	<0.001	1	0.09	<0.001	1	<0.001	0.01	0.019	0.596	<0.001	0.195	0.023	0.001	1	0.012	1
TF	<0.001	0.662	1	0.097	1	1	<0.001	0.115	0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	0.439	<0.001	1
IL1RL2	0.067	1	1	0.045	0.001	1	1	1	0.576	<0.001	1	<0.001	1	0.002	1	<0.001	<0.001	1	0.021	1	0.033	1
PDGFB	1	1	<0.001	<0.001	0.825	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.005	<0.001	<0.001	<0.001
IL27	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.011	0.002
IL17D	<0.001	0.098	1	<0.001	0.381	0.04	<0.001	1	1	<0.001	0.252	<0.001	1	<0.001	1	1	0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.642
LOX1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.062	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.245	0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
GAL9	0.134	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.029	<0.001	<0.001	<0.001
GIF	<0.001	0.042	1	1	1	1	0.39	1	1	0.025	1	0.021	1	1	1	0.923	0.319	0.756	<0.001	1	1	1
SCF	<0.001	1	<0.001	1	1	0.851	0.861	0.03	0.199	0.008	0.017	<0.001	0.002	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.167	<0.001	0.003	0.001	0.773
IL18	0.248	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.674	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001
PLGR	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.004	0.009	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.281	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1
RAGE	<0.001	0.001	0.063	0.243	1	1	1	0.019	<0.001	<0.001	0.064	<0.001	1	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.06	<0.001	1
SOD2	1	0.246	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.149	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.394	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.292	1	1	<0.001	<0.001	<0.001
CTRC	1	1	0.333	0.034	1	1	1	0.57	0.022	0.013	0.008	<0.001	1	0.491	0.047	1	0.712	1	1	1	1	0.003
FGF23	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.167	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.028	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1
SPON2	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.658	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1
GH	1	0.011	1	1	1	1	1	0.065	0.101	<0.001	1	<0.001	1	1	1	<0.001	0.031	0.023	1	0.009	0.044	0.007
FS	0.021	<0.001	0.886	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.184	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.184	<0.001	0.01	0.761	0.037	0.183
GLO1	0.317	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.703	<0.001	<0.001	0.098	0.303	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD84	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.466	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.936	<0.001	<0.001	<0.001
SERPINA12	1	1	1	0.166	1	1	1	1	1	<0.001	1	1	1	0.465	1	0.114	1	1	0.113	1	1	1
REN	1	<0.001	0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	0.001	0.446	0.036	<0.001	0.018	1	1	1	0.007	<0.001	<0.001	1	0.018
DECR1	0.495	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.041	<0.001	0.045	1	0.503	<0.001	<0.001	1	1	0.007	<0.001	<0.001	<0.001
MERTK	<0.001	<0.001	1	0.054	1	1	<0.001	0.01	0.002	<0.001	1	<0.001	0.003	<0.001	0.068	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	1	<0.001	1
KIM1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.02	0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	0.006	0.002	1	0.106
THBS2	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.088	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.61	<0.001	<0.001	0.006	0.008	<0.001
TM	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.004	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.327	<0.001
VSIG2	<0.001	<0.001	0.145	<0.001	0.003	0.001	<0.001	1	0.203	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.002	0.005	<0.001	<0.001	1	0.187	1
AMBP	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.034	0.58	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.16	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1
PRELP	<0.001	<0.001	0.353	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.289	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.016	0.027
HO1	0.129	<0.001	<0.001	<0.001	0.308	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.074	0.825	<0.001	<0.001	1	0.428	1	<0.001	<0.001	<0.001
XLCL1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.17	<0.001	<0.001	0.125	<0.001	0.032	<0.001

IL16	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.032	<0.001	0.585	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.083	<0.001	<0.001	<0.001
SORT1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.17	<0.001	0.473	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	0.192	0.126	1	<0.001	<0.001	<0.001
CEACAM8	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.198	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.085	0.001	0.437	<0.001	<0.001	<0.001
PTX3	0.003	<0.001	0.064	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.138	1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.414	1	1	<0.001	0.031	<0.001	1	<0.001
PSGL1	0.787	0.005	<0.001	<0.001	0.051	0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.485	1	0.002	<0.001	<0.001	0.051	1	0.939	<0.001	<0.001	<0.001
CCL17	1	0.079	<0.001	<0.001	0.198	<0.001	0.643	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.201	0.912	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.606	0.286	<0.001	<0.001	<0.001
MMP7	0.047	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.022	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.441
IGGFC	0.991	1	1	0.002	0.128	0.419	1	0.446	1	0.043	1	0.019	1	0.001	1	1	1	1	0.686	1	1	1
ITGB1BP2	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	0.009	1	0.048	<0.001	<0.001	1	1	0.022	<0.001	<0.001	<0.001
DCN	<0.001	<0.001	1	0.005	0.002	0.349	<0.001	0.063	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001
DKK1	1	0.995	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.021	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.37	<0.001	<0.001	<0.001
LPL	0.013	0.762	0.001	0.773	1	0.92	1	<0.001	0.025	0.001	0.014	<0.001	0.182	0.611	0.002	<0.001	<0.001	0.028	<0.001	<0.001	<0.001	0.009
PRSS8	0.075	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
AGRP	<0.001	<0.001	0.644	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	1	1	<0.001	0.125	<0.001	0.122	<0.001	1	0.01	0.051	<0.001	<0.001	0.694	0.483	0.001
HBEGF	1	0.381	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.02	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001
GDF2	0.01	1	1	0.24	1	1	<0.001	0.012	0.723	<0.001	1	<0.001	1	0.001	0.018	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.006	0.002	1
FABP2	<0.001	<0.001	1	0.004	0.225	1	0.106	0.313	1	0.061	1	0.012	1	0.01	0.539	0.002	0.01	0.051	0.01	1	0.022	1
THPO	0.047	0.322	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.259	1	<0.001	<0.001	<0.001
MARCO	0.436	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.124	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	1	<0.001
GT	<0.001	0.023	0.203	0.729	0.119	1	1	0.253	0.346	1	0.422	0.044	1	1	0.449	<0.001	0.037	<0.001	0.064	0.001	0.019	1
MMP12	0.5	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.12	<0.001	<0.001	<0.001	0.266	1	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
ACE2	1	<0.001	<0.001	0.004	0.006	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.012	0.118	<0.001	<0.001	1	1	0.128	0.821	0.614	<0.001	1	<0.001
PDL2	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.126	<0.001	1	0.018	<0.001	1	<0.001	0.062	0.003	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.059	0.148
CTSL1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.267	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.067	<0.001
HOSCAR	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.13	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
TNFRSF13B	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.342	1	<0.001	0.03	<0.001	<0.001	<0.001	0.037	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	1	0.001
TGM2	0.21	0.017	0.002	0.002	0.157	0.001	<0.001	0.001	0.587	0.011	<0.001	1	0.134	0.001	0.011	1	1	0.791	0.029	<0.001	0.262	<0.001
LEP	1	0.024	1	<0.001	0.002	0.012	1	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	1	<0.001	<0.001	0.066	0.001	1	0.113	1
CA5A	0.149	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	1	<0.001	0.006	0.001	<0.001	0.009	0.068	1	1	0.035	0.183	0.003	1	<0.001
HSP27	1	1	0.008	0.009	0.346	0.28	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	0.583	1	0.649	0.039	0.002	<0.001
CD4	0.026	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.065	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
NEMO	0.75	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.612	0.003	<0.001	<0.001	<0.001
VEGFD	0.024	1	1	1	1	1	0.832	0.001	<0.001	0.001	0.327	<0.001	1	0.524	0.079	<0.001	0.858	0.069	0.058	1	<0.001	0.1
PARP1	0.28	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.071	1	1	<0.001	<0.001	0.895	0.527	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
HAOX1	1	0.035	<0.001	0.142	0.052	0.665	<0.001	0.09	0.259	0.138	0.007	0.696	0.042	1	0.009	0.08	0.465	1	1	0.206	0.789	<0.001
TNFRSF14	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.659	<0.001	1	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	0.038	<0.001	0.193	<0.001	<0.001	<0.001
LDL_RC	<0.001	<0.001	0.644	<0.001	0.058	<0.001	0.717	1	0.676	0.451	0.02	0.283	0.665	0.033	1	1	<0.001	1	1	0.519	1	0.001
ITGB2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.179	0.613	<0.001	<0.001	<0.001
IL17RA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.022	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001
TNFR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.099	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.596	<0.001
MMP9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.678	<0.001	0.044	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.243	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001
EPHB4	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.211	<0.001	1	0.037	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.019	0.202	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.045	0.899
IL2RA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.626	1	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	0.438	0.655	<0.001	<0.001	0.004	0.004	1	<0.001
ALCAM	<0.001	<0.001	0.88	<0.001	0.002	0.077	<0.001	1	0.083	<0.001	1	<0.001	0.193	0.008	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.006	0.073
SELP	1	0.019	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.004	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.049	<0.001	<0.001	<0.001
CSTB	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.283	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001

CD163	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	1	0.012	<0.001	0.002	<0.001	1	<0.001
GRN	<0.001	<0.001	0.186	<0.001	0.001	0.002	<0.001	1	1	<0.001	0.92	<0.001	<0.001	0.009	1	0.004	<0.001	<0.001	0.002	0.689	1	0.02
NTPROBNP	<0.001	<0.001	1	0.067	0.002	0.612	<0.001	0.784	0.006	<0.001	1	0.001	<0.001	0.747	1	<0.001	0.972	<0.001	<0.001	1	0.008	1
PLC	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.217	<0.001	1	0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.046	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.577
LTBR	<0.001	<0.001	0.047	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.146	1	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.005	1	1	0.001	<0.001	<0.001	0.774	1	0.001
NOTCH3	<0.001	<0.001	1	0.979	<0.001	1	<0.001	0.989	0.001	<0.001	0.608	<0.001	0.048	0.028	0.86	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1
TIMP4	<0.001	<0.001	0.236	<0.001	0.001	0.108	<0.001	1	0.745	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.085	1	0.004	0.331	<0.001	<0.001	1	0.149	1
CNTN1	<0.001	<0.001	0.326	1	1	0.116	0.007	0.381	<0.001	<0.001	0.192	<0.001	1	1	0.033	<0.001	<0.001	1	0.001	0.012	<0.001	1
CDH5	<0.001	<0.001	1	0.01	0.019	1	<0.001	1	0.318	<0.001	1	<0.001	0.951	0.973	1	0.002	<0.001	0.006	<0.001	1	0.217	0.529
TLT2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.508	<0.001	<0.001	0.689	<0.001	0.002	1	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	0.884	<0.001	<0.001	<0.001
FABP4	<0.001	<0.001	0.407	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	1	<0.001	0.463	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.668	0.207	0.001
TFPI	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	0.12	1	0.039	<0.001	1	<0.001	1	1	0.232	<0.001	0.005	<0.001	0.726	1	0.003	0.011	<0.001
PAI	0.624	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.002	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.245	<0.001	<0.001	<0.001
CCL24	0.018	0.003	0.707	0.57	0.007	0.808	1	0.175	1	1	0.392	0.472	1	0.758	1	1	1	1	1	0.419	1	0.012
TR	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.764	0.005	0.009	1	0.167	0.935	0.071	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.009
TNFRSF10C	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.009	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	0.93	1	<0.001	0.12	<0.001	<0.001	1	<0.001
GDF15	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.137	<0.001	<0.001	<0.001	0.674	0.141	0.239	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
SELE	<0.001	<0.001	0.038	0.001	<0.001	0.021	<0.001	0.309	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.04	0.053	1	1	1	0.005	1	<0.001	<0.001
DLK1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.01	1	0.005	1	1	<0.001	1	<0.001	1	0.002	1	0.006	<0.001	0.043	<0.001	1	0.134	0.274
MPO	0.033	0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.334	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.295	1	<0.001	<0.001	0.515	1	0.62	<0.001	<0.001	<0.001
CXCL16	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.002	<0.001	0.082	0.863	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.646	<0.001	<0.001	0.017	<0.001	0.373	0.002	0.323
IL6RA	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.009	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	0.044	<0.001	0.235	<0.001	1	1	0.793
RETN	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.028	<0.001	<0.001	0.079	<0.001	0.072	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IGFBP1	<0.001	0.066	1	0.423	0.121	1	0.468	0.008	0.029	0.029	0.093	<0.001	1	1	0.24	0.003	0.058	<0.001	0.225	<0.001	0.347	0.212
CHIT1	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.569	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.002	0.024	1	0.045
TRAP	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	0.227	0.002	<0.001	1	1	<0.001	0.825	<0.001	<0.001	0.191	1	1	1	0.374	0.949	1	1	<0.001
GP6	1	0.194	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.067	<0.001	<0.001	1	0.004	<0.001	<0.001	1	1	0.007	<0.001	<0.001	<0.001
PSPD	<0.001	<0.001	0.863	1	1	0.009	<0.001	1	1	0.003	1	0.001	<0.001	0.023	1	1	0.488	0.014	0.396	1	1	0.179
EPCAM	1	1	0.121	1	1	0.303	1	1	1	1	1	0.243	1	1	1	1	1	0.005	1	1	1	1
APN	<0.001	<0.001	1	1	0.177	1	<0.001	1	0.909	<0.001	1	<0.001	0.487	1	1	0.064	0.839	1	1	1	1	0.86
AXL	<0.001	<0.001	1	0.004	<0.001	0.816	<0.001	1	0.012	<0.001	1	<0.001	0.029	0.409	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.002	0.036
IL1RT1	<0.001	<0.001	1	0.034	<0.001	1	<0.001	1	0.011	<0.001	1	<0.001	0.003	1	1	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	1	0.007	1
MMP2	<0.001	<0.001	1	1	0.028	1	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	0.164	<0.001	0.038	0.013	0.025	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1
FAS	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.133	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.903	<0.001
MB	<0.001	<0.001	1	0.014	1	1	0.009	1	1	0.147	1	0.009	0.614	1	1	1	0.394	<0.001	<0.001	1	1	0.589
TNFSF13B	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.108	<0.001	<0.001	0.002	0.032	0.937	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	1	<0.001
PCSK9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.283	<0.001	0.017	0.068	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	0.056	<0.001	0.007	1	0.167	1	0.632	0.015	0.757	<0.001
UPAR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	<0.001
OPN	<0.001	<0.001	0.037	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	0.806	0.221	0.651
PGLYRP1	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.196	0.038	<0.001	0.003	<0.001	0.011	0.004	1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.753	<0.001
CPA1	<0.001	<0.001	1	0.215	1	1	1	0.937	1	1	1	0.043	0.009	1	1	0.898	1	0.813	0.855	1	1	0.283
JAMA	1	0.556	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.709	<0.001	0.006	1	0.128	<0.001	<0.001	1	1	0.062	<0.001	<0.001	<0.001
GAL4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.919	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	1	1	<0.001	0.037	0.18	1	<0.001
IL1RT2	<0.001	<0.001	0.006	0.241	1	1	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	1	1	1	1	0.922	1	1	0.794	1	0.066
SHPS1	<0.001	<0.001	0.022	<0.001	0.006	0.131	<0.001	0.001	1	<0.001	0.139	<0.001	0.237	0.749	1	1	0.009	0.001	0.001	1	1	<0.001
CCL15	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.304	<0.001	1	1	<0.001	0.699	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.195	0.058	<0.001	<0.001	0.793	1	0.167

CASP3	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.042	<0.001	<0.001	1	0.263	<0.001	<0.001	1	1	0.01	<0.001	<0.001	<0.001
CPB1	<0.001	<0.001	1	0.007	0.002	1	0.769	1	1	0.05	1	<0.001	0.004	1	1	1	1	0.015	0.017	1	1	0.072
CHI3L1	0.05	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.541	1	0.005	<0.001	0.042	0.001	1	0.001	
ST2	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.018	<0.001	<0.001	0.143	1	<0.001	0.004	0.002	<0.001	0.077	<0.001	1	0.47	<0.001	0.077	0.019	1	<0.001
TPA	0.001	<0.001	0.011	<0.001	1	0.009	<0.001	0.106	1	0.005	0.026	0.031	<0.001	0.25	0.227	0.046	1	1	1	0.346	0.913	0.036
SCGB3A2	<0.001	<0.001	1	0.246	1	1	1	0.06	1	0.858	1	0.139	0.021	0.263	0.459	0.496	0.002	0.197	0.129	1	1	1
EGFR	<0.001	<0.001	0.022	1	1	0.013	1	0.04	0.242	0.058	0.129	0.023	0.081	1	0.021	<0.001	0.002	0.809	0.583	1	0.001	1
IGFBP7	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	1	0.18	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.006	0.008	<0.001	<0.001	1	0.116	<0.001
CD93	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.01	1	<0.001	1	0.017	<0.001	1	<0.001	0.253	0.13	0.266	0.002	<0.001	0.002	<0.001	1	0.127	1
IL18BP	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.258	0.778	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.448	0.324	<0.001
COL1A1	<0.001	<0.001	1	0.916	0.001	1	0.793	1	0.183	<0.001	1	<0.001	1	0.012	0.266	0.014	<0.001	1	<0.001	1	0.117	1
PON3	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.025	1	<0.001	1	<0.001	0.862	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.002	0.002
CTSZ	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.212	1	0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001
MMP3	<0.001	<0.001	0.162	0.464	1	0.08	0.001	1	1	1	1	1	<0.001	1	1	1	1	0.037	0.055	0.011	1	0.357
RARRES2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001
ICAM2	<0.001	<0.001	1	0.018	<0.001	1	<0.001	0.041	1	0.001	0.047	<0.001	0.941	1	0.852	1	1	0.003	<0.001	1	1	0.09
KLK6	<0.001	<0.001	0.359	1	0.335	1	1	1	0.076	0.239	0.699	0.003	1	1	0.087	0.048	<0.001	<0.001	<0.001	0.034	0.441	1
PDGFA	1	0.012	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.038	<0.001	<0.001	<0.001
TNFR1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.073	1	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.181	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
IGFBP2	<0.001	<0.001	1	1	0.693	1	0.189	0.485	0.004	<0.001	1	<0.001	1	1	1	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.122	1
VWF	0.001	<0.001	0.036	<0.001	0.276	0.038	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.113	1	1	0.005	<0.001	0.262	0.001	1	0.863
PECAM1	0.511	0.171	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.424	1	0.281	<0.001	<0.001	1	1	0.28	<0.001	<0.001	<0.001
MEPE	<0.001	<0.001	1	0.12	<0.001	1	0.522	1	0.699	0.089	1	0.003	1	1	0.097	0.333	<0.001	1	<0.001	1	0.893	1
CCL16	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.001	0.015	<0.001	<0.001	1	1	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
IL8	0.084	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.331	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
VEGFA	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD8A	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.033	<0.001	<0.001	<0.001	0.017	1	<0.001	<0.001	0.002	0.001	1	<0.001
MCP3	0.216	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.054	<0.001	<0.001	<0.001
CDCP1	0.033	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.035	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	1	0.02	<0.001	0.001	<0.001	1	<0.001
CD244	0.767	0.24	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.004	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	0.386	1	<0.001	<0.001	<0.001
IL7	0.045	0.178	<0.001	<0.001	0.956	<0.001	0.272	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.593	1	0.587	<0.001	<0.001	<0.001
OPG	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.101	0.545	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	0.892	<0.001
LAP_TGFB1	0.798	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.203	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	0.027	0.003	1	<0.001	<0.001	<0.001
UPA	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.078	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.532	<0.001
IL6	0.999	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.432	0.16	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.054	1	<0.001	<0.001	0.028	<0.001	1	<0.001
MCP1	0.375	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.327	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
CXCL11	0.005	0.067	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.111	<0.001	0.868	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.061	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
AXIN1	0.02	0.952	<0.001	<0.001	0.376	<0.001	0.232	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.204	0.02	<0.001	<0.001	1	1	0.006	<0.001	<0.001	<0.001
TRAIL	<0.001	<0.001	0.02	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.037	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.839	<0.001	<0.001	<0.001	0.235	1	<0.001
CXCL9	0.069	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.023	0.243	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.09	<0.001	<0.001	<0.001	0.153	1	<0.001
CST5	<0.001	<0.001	0.426	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.147	0.037	<0.001	0.901	<0.001	0.001	<0.001	0.131	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.013	1
OSM	0.887	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.409	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	0.009	0.219	<0.001	<0.001	<0.001
CXCL1	0.059	0.935	<0.001	<0.001	0.813	<0.001	0.916	<0.001	<0.001	0.059	<0.001	0.033	0.974	0.069	<0.001	<0.001	0.54	0.66	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL4	0.331	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.197	<0.001	<0.001	<0.001
CD6	0.382	0.709	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	0.047	<0.001	<0.001	0.892	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.408	0.393	<0.001	<0.001	<0.001
TGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

MCP4	0.079	0.054	<0.001	<0.001	0.801	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	0.172	<0.001	0.53	0.272	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	0.01	0.269	<0.001	<0.001	<0.001
CCL11	0.719	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001
TNFSF14	0.326	0.025	<0.001	<0.001	0.02	<0.001	0.06	<0.001	<0.001	0.898	<0.001	0.656	0.049	<0.001	<0.001	<0.001	0.032	0.375	0.078	<0.001	<0.001	<0.001
MMP1	0.517	0.002	<0.001	<0.001	0.596	<0.001	0.155	<0.001	<0.001	0.987	<0.001	<0.001	0.051	<0.001	<0.001	<0.001	0.345	<0.001	0.428	<0.001	<0.001	<0.001
LIFR	<0.001	<0.001	0.165	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.35	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.882	<0.001	0.007
FGF21	0.597	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.293	0.159	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.348	0.641	0.127	<0.001	<0.001	0.001	0.664	<0.001
CCL19	0.32	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	0.045	<0.001	0.004	<0.001
IL15RA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.094	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.561	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.146	<0.001
IL10RB	<0.001	<0.001	0.041	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.816	0.006	<0.001	0.068	<0.001	<0.001	<0.001	0.017	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001
IL18R1	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.034	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.049	<0.001
PDL1	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.056	<0.001	<0.001	<0.001
CXCL5	0.024	0.869	<0.001	<0.001	0.734	<0.001	0.421	<0.001	<0.001	0.559	<0.001	0.225	0.569	<0.001	<0.001	<0.001	0.11	0.757	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TRANCE	<0.001	0.003	0.376	<0.001	<0.001	0.004	0.961	0.033	0.418	<0.001	0.1	0.001	0.005	0.001	0.552	0.442	<0.001	0.015	0.001	0.166	0.706	0.002
HGF	0.584	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL12B	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	0.856	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.507	0.1	<0.001
MMP10	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.297	0.045	<0.001	0.319	<0.001	<0.001	<0.001	0.974	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	0.003	0.001
IL10	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.761	0.347	<0.001	0.025	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.019	<0.001	<0.001	0.001	0.005	0.849	<0.001
TNF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL23	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.246	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001
CD5	0.889	0.022	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	0.712	<0.001	0.099	0.047	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	0.008	0.478	<0.001	<0.001	<0.001
CCL3	0.05	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
FLT3L	0.031	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.412	0.384	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.331	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.228	<0.001
CXCL6	0.119	0.149	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	0.604	<0.001	0.377	0.545	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	0.024	0.019	<0.001	<0.001	<0.001
CXCL10	0.051	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
4EBP1	0.191	0.039	<0.001	<0.001	0.619	<0.001	0.19	<0.001	<0.001	0.297	<0.001	0.038	0.462	<0.001	<0.001	<0.001	0.886	0.732	0.023	<0.001	<0.001	<0.001
SIRT2	0.106	0.86	<0.001	<0.001	0.53	<0.001	0.702	<0.001	<0.001	0.036	<0.001	0.009	0.416	0.001	<0.001	<0.001	0.804	0.449	0.003	<0.001	<0.001	<0.001
CCL28	0.876	0.063	<0.001	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
DNER	<0.001	0.641	0.544	0.009	0.031	0.99	<0.001	0.052	0.12	<0.001	0.906	<0.001	0.004	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	0.722	<0.001	0.906	0.007	0.209
ENRAGE	0.501	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.56	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.28	<0.001	<0.001	<0.001
CD40	0.716	0.019	<0.001	<0.001	0.056	<0.001	0.208	<0.001	<0.001	0.948	<0.001	0.908	0.232	<0.001	<0.001	<0.001	0.059	0.014	0.423	<0.001	<0.001	<0.001
IFNG	0.664	0.059	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.105	0.033	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.306	<0.001	<0.001	0.001	0.01	0.573	<0.001
FGF19	0.096	0.011	<0.001	<0.001	0.001	0.144	0.013	0.924	0.092	<0.001	0.514	<0.001	0.078	<0.001	0.931	0.014	0.074	<0.001	<0.001	0.011	0.024	0.001
MCP2	0.927	<0.001	<0.001	<0.001	0.955	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.261	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.286	<0.001	<0.001	<0.001
CASP8	0.649	0.031	<0.001	<0.001	0.39	<0.001	0.127	<0.001	<0.001	0.522	<0.001	0.343	0.887	<0.001	<0.001	<0.001	0.701	0.327	0.148	<0.001	<0.001	<0.001
CCL25	<0.001	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	0.199	<0.001	0.053	0.025	<0.001	0.807	<0.001	0.019	<0.001	0.062	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.927	<0.001	0.141
CX3CL1	<0.001	<0.001	0.063	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.157	0.185	<0.001	0.037	<0.001	<0.001	<0.001	0.706	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.643	0.01	<0.001
TNFRSF9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.98	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.022	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.693	<0.001
NT3	<0.001	0.037	0.002	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	0.003	0.763	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.275	0.328	<0.001	0.016	<0.001	0.009	0.427	0.001
TWEAK	<0.001	0.07	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	0.028	<0.001	<0.001													

Body mass index	0.603	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	0.088	<0.001	0.001	0.485	<0.001	0.028	0.038	0.616	0.254	0.979	0.894	0.001	0.366	<0.001
Waist circumference	0.711	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.066	0.149	0.001	0.023	<0.001	0.083	0.004	0.011	0.03	0.874	0.399	<0.001	0.024	<0.001
Educational attainment	0.019	0.456	0.133	0.163	0.615	0.002	<0.001	0.142	0.98	<0.001	0.107	<0.001	0.655	0.013	0.057	0.695	0.084	0.385	0.396	0.022	0.718	0.115
Alcohol consumption	0.277	0.016	0.169	0.009	0.013	0.05	0.266	0.2	0.184	<0.001	0.801	<0.001	0.988	0.099	0.823	0.046	<0.001	0.049	0.283	0.25	0.204	0.664
Systolic blood pressure	0.545	0.007	<0.001	0.019	0.001	0.001	0.001	0.027	0.012	<0.001	<0.001	0.7	0.034	0.102	0.016	0.028	0.834	0.063	0.736	<0.001	0.15	<0.001
Diastolic blood pressure	0.097	0.16	0.031	0.275	0.007	0.176	0.363	0.021	0.002	0.975	0.004	0.297	0.945	0.68	0.025	0.005	0.543	0.07	0.304	0.011	0.005	0.009
Hemoglobin A1c	0.013	0.01	<0.001	<0.001	0.041	<0.001	<0.001	0.151	0.761	<0.001	0.004	0.469	<0.001	0.031	0.016	0.703	0.955	0.089	0.03	<0.001	0.961	0.056
Duration of known diabetes	0.003	0.01	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.492	0.127	<0.001	0.191	0.982	0.015	0.092	0.179	0.117	0.496	0.282	0.104	<0.001	0.371	0.25
High-density lipoprotein	0.123	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.136	0.118	<0.001	0.239	<0.001	0.058	<0.001	0.001	0.72	0.071	0.635	<0.001	0.043	<0.001
Low-density lipoprotein	0.184	0.274	0.184	0.079	0.016	0.773	0.166	0.232	0.569	0.32	0.38	0.544	0.009	0.441	0.55	0.903	<0.001	0.112	0.78	0.249	0.799	0.358
Triglycerides	0.824	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.002	0.017	0.014	<0.001	0.804	<0.001	<0.001	0.001	0.009	0.295	0.519	0.999	<0.001	0.006	<0.001
Albumin	0.946	0.084	0.952	0.012	0.389	<0.001	0.014	0.06	0.037	0.001	0.166	0.181	<0.001	0.206	0.607	0.004	0.387	0.004	0.042	0.402	0.028	0.702
Fibrinogen	0.274	<0.001	<0.001	<0.001	0.075	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	0.072	<0.001	0.022	<0.001
C-reactive protein	0.262	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.559	<0.001	<0.001	<0.001	0.108	<0.001	<0.001	0.954	<0.001	0.031	<0.001
Serum amyloid A	0.972	0.001	0.028	<0.001	0.004	<0.001	0.136	0.808	0.086	0.002	0.018	0.219	<0.001	0.004	0.166	0.181	0.001	<0.001	0.414	<0.001	0.61	0.029
Leucocyte count	0.672	0.007	0.019	0.071	0.046	<0.001	0.065	0.001	0.042	0.201	0.001	<0.001	0.002	0.061	0.113	0.001	0.002	0.018	0.062	<0.001	0.041	<0.001
Serum adiponectin	0.256	<0.001	0.035	<0.001	0.008	<0.001	0.606	<0.001	0.001	0.229	<0.001	0.005	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.214	0.929	0.858	<0.001	<0.001	<0.001
Uric acid	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.002	0.041	0.025	<0.001	0.103	<0.001	0.029	0.001	<0.001	0.008	0.008	0.06	<0.001	0.003	<0.001
Creatinine	<0.001	<0.001	0.739	0.001	0.018	0.561	0.57	0.131	0.923	0.005	0.284	0.055	0.044	0.432	0.491	0.004	0.714	0.001	<0.001	0.157	0.081	0.118
Rényi4, baseline	0.782	0.031	0.007	0.001	0.002	0.003	0.001	0.107	0.051	0.002	0.013	0.072	<0.001	0.017	0.029	0.518	0.63	0.068	0.928	0.007	0.484	0.014
TP, baseline	0.458	0.023	0.005	0.001	0.001	0.001	0.008	0.077	0.096	0.005	0.008	0.146	<0.001	0.056	0.024	0.647	0.497	0.177	0.976	0.004	0.564	0.04
SDWS, baseline	0.828	0.041	0.052	0.016	0.01	0.011	0.047	0.288	0.44	0.083	0.235	0.505	0.004	0.009	0.052	0.81	0.731	0.058	0.526	0.036	0.921	0.128
SDSA, baseline	0.999	0.427	0.038	0.105	0.048	0.241	0.083	0.363	0.165	0.403	0.178	0.204	0.014	0.298	0.522	0.895	0.831	0.767	0.387	0.433	0.355	0.133
CE, baseline	0.901	0.035	0.005	0.001	0.007	0.001	<0.001	0.475	0.176	0.006	0.053	0.01	<0.001	0.021	0.179	0.97	0.64	0.05	0.968	0.055	0.618	0.04

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	CD6	TGFA	MCP4	CCL11	TNFSF1	MMP1	LIFR	FGF21	CCL19	IL15RA	IL10RB	IL18R1	PDL1	CXCL5	TRANC	HGF	IL12B	MMP10	IL10	TNF	CCL23	CD5
BMP6	0.5	0.3	0.6	0.4	0.7	0.4	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.6	0.6	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.5
ANGPT1	0.4	0.3	0.8	0.4	0.6	0.7	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.4	0.7	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.4
ADM	-0.1	0.3	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.4	0.3	0.2	0.4	0.5	0.2	<0.1	-0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.4	0.3	-0.1
CD40L	0.5	0.2	0.8	0.4	0.8	0.6	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.6	0.8	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.5
PGF	<0.1	0.4	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.4	0.5	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1
ADAMTS13	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
BOC	-0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1
IL4RA	-0.1	0.3	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.4	0.5	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	<0.1
SRC	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL1RA	0.5	0.4	0.5	0.3	0.6	0.4	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.4	0.5	0.4	<0.1	0.6	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.5
TNFRSF10A	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.4	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.4
STK4	0.4	0.1	0.6	0.2	0.6	0.4	-0.3	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.5	0.6	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.4
IDUA	0.4	0.2	0.4	0.3	0.5	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.4	0.3	<0.1	0.5	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3
TNFRSF11A	<0.1	0.5	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.4	0.5	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.2	0.2	0.4	0.3	0.1
PAR1	0.5	0.2	0.7	0.3	0.7	0.5	-0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.7	0.7	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.6
TRAILR2	0.2	0.5	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.4	0.4	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.5	0.3	0.3	0.2	0.4	0.3	0.3
PRSS27	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2
TIE2	<0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.5	0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1
TF	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.2	0.4	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1
IL1RL2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
PDGFB	0.4	0.3	0.8	0.4	0.7	0.7	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.5	0.7	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.5
IL27	<0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1
IL17D	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1
LOX1	0.3	0.5	0.4	0.4	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.6	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3
GAL9	0.4	0.4	0.4	0.3	0.5	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.2	0.3	0.5	0.4	0.1	0.5	0.3	0.1	0.1	0.5	0.3	0.5
GIF	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
SCF	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.2	-0.2	<0.1	0.2	0.3	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1
IL18	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.4	0.2	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2
PLGR	-0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1
RAGE	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.4	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	-0.1
SOD2	0.3	0.2	0.4	0.3	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.5	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
CTRC	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
FGF23	-0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	<0.1
SPON2	-0.2	0.3	-0.2	0.1	-0.2	-0.1	0.4	0.3	0.2	0.4	0.6	0.2	<0.1	-0.2	0.1	0.2	0.4	0.3	0.3	0.4	0.2	-0.1
GH	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
FS	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1
GLO1	0.5	0.1	0.7	0.3	0.8	0.5	-0.4	<0.1	0.1	<0.1	-0.3	<0.1	0.6	0.7	-0.1	0.4	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.6
CD84	0.5	0.3	0.7	0.3	0.8	0.5	-0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.6	0.7	0.1	0.4	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.5
SERPINA12	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
REN	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
DECR1	0.5	0.1	0.7	0.3	0.8	0.4	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.6	0.8	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.6

MERTK	-0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.4	0.1	0.1	0.2	0.4	0.2	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1
KIM1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1
THBS2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.4	0.3	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1
TM	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.5	0.5	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2
VSIG2	<0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.4	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1
AMBP	-0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.5	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	<0.1
PRELP	<0.1	0.3	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.4	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	<0.1
HO1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
XCL1	0.2	0.3	0.2	0.4	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2
IL16	0.7	0.2	0.6	0.3	0.8	0.4	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.5	0.7	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.7
SORT1	0.5	0.3	0.7	0.4	0.7	0.5	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.5	0.6	0.1	0.6	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.5
CEACAM8	0.3	0.5	0.3	0.3	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.5	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.3
PTX3	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
PSGL1	0.4	0.1	0.3	0.3	0.4	0.3	<0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.3	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3
CCL17	0.4	0.2	0.7	0.4	0.6	0.5	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.5	0.6	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.4
MMP7	<0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1
IGGFC	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
ITGB1BP2	0.5	0.1	0.7	0.3	0.8	0.5	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.6	0.8	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.5
DCN	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.4	0.1	0.1	0.3	0.4	0.2	<0.1	-0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1
DKK1	0.4	0.3	0.8	0.4	0.7	0.6	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.6	0.7	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.5
LPL	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2
PRSS8	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.4	0.2	0.3	0.4	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1
AGRP	<0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1
HBEGF	0.5	0.3	0.8	0.4	0.7	0.6	-0.2	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.5	0.7	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.5
GDF2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
FABP2	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1
THPO	0.3	0.2	0.5	0.3	0.4	0.4	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.5	0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3
MARCO	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.4	0.1	0.2
GT	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1
MMP12	<0.1	0.3	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.4	0.2	0.1
ACE2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
PDL2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.4	0.1	0.1	0.4	0.4	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1
CTSL1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.4	0.3	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1
HOSCAR	<0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.4	0.5	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1
TNFRSF13B	0.1	0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.4	0.3	0.1
TGM2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
LEP	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1
CA5A	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1
HSP27	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.2
CD4	0.5	0.3	0.5	0.4	0.6	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.5	0.4	0.1	0.5	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.6
NEMO	0.6	0.1	0.7	0.3	0.8	0.4	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.6	0.8	<0.1	0.3	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.6
VEGFD	-0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PARP1	0.7	0.2	0.6	0.3	0.8	0.4	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.5	0.6	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.7
HAOX1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
TNFRSF14	0.4	0.3	0.5	0.3	0.6	0.4	-0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.6	0.5	<0.1	0.4	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.5
LDL_RC	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1

ITGB2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
IL17RA	0.3	0.1	0.3	0.2	0.4	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.4	0.3	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3
TNFR2	0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.5	0.5	0.3	0.3	0.1	0.1	0.3	0.4	0.3	0.3	0.4	0.3	0.2
MMP9	0.2	0.5	0.3	0.3	0.3	0.4	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2
EPHB4	<0.1	0.3	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.4	0.5	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1
IL2RA	<0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.4	0.4	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.3	0.3	0.4	0.2	0.2
ALCAM	<0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.4	0.1	0.1	0.3	0.4	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1
SELP	0.5	0.2	0.7	0.3	0.7	0.5	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.6	0.7	-0.1	0.4	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.5
CSTB	0.5	0.3	0.6	0.3	0.7	0.4	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.6	0.5	<0.1	0.5	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.6
CD163	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.3	0.4	0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.3	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.1
GRN	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1
NTPROBNP	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1
PLC	-0.1	0.3	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.4	0.5	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	0.3	0.3	<0.1
LTBR	<0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.4	0.4	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1
NOTCH3	-0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1
TIMP4	<0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1
CNTN1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
CDH5	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
TLT2	0.3	0.3	0.4	0.2	0.4	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.4	0.4	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	0.3	0.2	0.4
FABP4	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.4	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	0.2	0.4	0.2	<0.1
TFPI	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
PAI	0.3	0.3	0.7	0.4	0.6	0.6	-0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.4	0.6	<0.1	0.5	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.4
CCL24	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
TR	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
TNFRSF10C	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1
GDF15	<0.1	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.4	0.2	0.2	-0.1	-0.1	0.4	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1
SELE	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1
DLK1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.4	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
MPO	0.4	0.2	0.4	0.2	0.5	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.4	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4
CXCL16	-0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1
IL6RA	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
RETN	0.1	0.4	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2
IGFBP1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1
CHIT1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1
TRAP	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1
GP6	0.5	0.2	0.7	0.3	0.8	0.5	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.6	0.8	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.5
PSPD	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
EPCAM	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
APN	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
AXL	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.4	0.1	0.1	0.4	0.4	0.3	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.4	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1
IL1RT1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.4	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1
MMP2	-0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1
FAS	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2
MB	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1
TNFSF13B	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1
PCSK9	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1

UPAR	0.2	0.4	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.4	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3
OPN	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1
PGLYRP1	0.1	0.4	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1
CPA1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
JAMA	0.5	0.1	0.7	0.3	0.7	0.5	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.6	0.7	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.5
GAL4	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1
IL1RT2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SHPS1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1
CCL15	<0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1
CASP3	0.5	0.1	0.7	0.3	0.8	0.5	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.6	0.8	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.5
CPB1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
CHI3L1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1
ST2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
TPA	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1
SCGB3A2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1
EGFR	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
IGFBP7	<0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.2	0.1	0.4	0.4	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1
CD93	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.4	0.5	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1
IL18BP	<0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.5	0.5	0.3	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.4	0.3	0.3	0.4	0.2	0.1
COL1A1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
PON3	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1	-0.3	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2
CTSZ	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.4	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2
MMP3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	<0.1
RARRES2	0.2	0.4	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.4	0.3	0.1	0.1	0.3	0.3	0.3
ICAM2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
KLK6	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1
PDGFA	0.4	0.3	0.8	0.4	0.7	0.7	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.5	0.7	<0.1	0.4	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.4
TNFR1	<0.1	0.4	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.5	0.5	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.4	0.3	0.1
IGFBP2	-0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1
VWF	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
PECAM1	0.4	0.1	0.6	0.3	0.7	0.4	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.5	0.7	-0.1	0.3	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.5
MEPE	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1
CCL16	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1
IL8	0.4	0.4	0.6	0.5	0.5	0.4	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.3	0.5	0.5	<0.1	0.6	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.4
VEGFA	0.4	0.5	0.5	0.4	0.5	0.4	0.2	0.3	0.3	0.4	0.3	0.4	0.5	0.4	0.1	0.6	0.3	0.2	0.2	0.5	0.4	0.4
CD8A	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2
MCP3	0.2	0.4	0.4	0.4	0.4	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.4	0.3	0.1	0.5	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	0.3
CDCP1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1
CD244	0.7	0.2	0.6	0.3	0.8	0.4	-0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.7	0.7	0.1	0.5	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.7
IL7	0.4	0.2	0.7	0.3	0.7	0.6	-0.2	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.6	0.8	<0.1	0.4	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.4
OPG	0.1	0.3	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.5	0.2	0.2	0.3	0.4	0.3	0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1
LAP_TGFB1	0.6	0.4	0.8	0.5	0.8	0.6	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.7	0.7	0.1	0.6	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.6
UPA	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.1	0.2	0.4	0.4	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1
IL6	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1
MCP1	0.1	0.4	0.4	0.5	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	0.1
CXCL11	0.5	0.3	0.7	0.5	0.7	0.5	-0.1	<0.1	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.6	0.7	<0.1	0.5	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.5

AXIN1	0.6	0.1	0.7	0.3	0.8	0.5	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.6	0.8	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.6
TRAIL	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1
CXCL9	<0.1	0.3	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.3	0.3	0.5	0.3	0.1
CST5	<0.1	0.3	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	<0.1
OSM	0.3	0.6	0.5	0.4	0.5	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.4	0.3	<0.1	0.6	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.3
CXCL1	0.5	0.1	0.7	0.2	0.7	0.4	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.6	0.8	<0.1	0.3	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.6
CCL4	0.4	0.4	0.6	0.4	0.6	0.4	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.3	0.5	0.5	0.1	0.5	0.2	0.1	0.2	0.4	0.2	0.4
CD6	1	0.2	0.5	0.3	0.7	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.5	0.5	0.1	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.8
TGFA	0.2	1	0.3	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.4	0.5	0.3	0.3	0.1	0.1	0.6	0.3	0.3	0.3	0.4	0.4	0.3
MCP4	0.5	0.3	1	0.6	0.7	0.6	-0.1	0.1	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.6	0.7	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.5
CCL11	0.3	0.4	0.6	1	0.4	0.3	0.1	0.2	0.4	0.2	0.1	0.2	0.4	0.3	<0.1	0.5	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3
TNFSF14	0.7	0.3	0.7	0.4	1	0.5	-0.2	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.3	0.7	0.7	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.7
MMP1	0.3	0.3	0.6	0.3	0.5	1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.4	0.5	<0.1	0.4	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3
LIFR	<0.1	0.3	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	1	0.2	0.2	0.3	0.5	0.3	<0.1	-0.2	0.1	0.2	0.4	0.2	0.3	0.3	0.2	-0.1
FGF21	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1
CCL19	0.1	0.3	0.3	0.4	0.2	0.1	0.2	0.1	1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2
IL15RA	0.1	0.4	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	1	0.5	0.3	0.3	0.1	0.2	0.3	0.4	0.3	0.3	0.5	0.2	0.2
IL10RB	<0.1	0.5	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.5	0.2	0.2	0.5	1	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.3	0.5	0.4	0.3	0.4	0.3	<0.1
IL18R1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	1	0.3	0.1	0.1	0.5	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2
PDL1	0.5	0.3	0.6	0.4	0.7	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	1	0.5	<0.1	0.5	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.6
CXCL5	0.5	0.1	0.7	0.3	0.7	0.5	-0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.5	1	<0.1	0.4	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.5
TRANCE	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
HGF	0.4	0.6	0.5	0.5	0.6	0.4	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.5	0.5	0.4	0.1	1	0.2	0.2	0.2	0.4	0.3	0.4
IL12B	<0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.3	0.4	0.5	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.2	1	0.2	0.3	0.5	0.3	0.1
MMP10	<0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.4	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	1	0.3	0.3	0.2	<0.1
IL10	<0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	1	0.4	0.2	<0.1
TNF	0.1	0.4	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.5	0.4	0.3	0.3	0.1	0.2	0.4	0.5	0.3	0.4	1	0.3	0.2
CCL23	0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	1	0.1
CD5	0.8	0.3	0.5	0.3	0.7	0.3	-0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.6	0.5	0.1	0.4	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	1
CCL3	0.4	0.5	0.5	0.4	0.5	0.3	0.2	0.2	0.3	0.4	0.3	0.4	0.5	0.4	0.1	0.6	0.3	0.2	0.3	0.5	0.3	0.5
FLT3L	0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1
CXCL6	0.6	0.2	0.7	0.4	0.7	0.5	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.6	0.7	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.6
CXCL10	0.2	0.4	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.3	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.4	0.4	0.2	0.3	0.5	0.3	0.2
4EBP1	0.6	0.3	0.7	0.4	0.9	0.5	-0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.7	0.7	<0.1	0.5	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.6
SIRT2	0.6	0.2	0.7	0.3	0.8	0.5	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.7	0.8	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.6
CCL28	0.3	0.2	0.3	0.5	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.4	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3
DNER	0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.1
ENRAGE	0.3	0.4	0.4	0.3	0.5	0.4	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.4	0.3	0.1	0.5	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.4
CD40	0.6	0.2	0.7	0.3	0.8	0.5	-0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.8	0.7	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.6
IFNG	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1
FGF19	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
MCP2	0.3	0.3	0.6	0.4	0.5	0.4	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.4	0.5	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.3
CASP8	0.6	0.3	0.7	0.3	0.9	0.5	-0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.6	0.7	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.7
CCL25	<0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1
CX3CL1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.5	0.6	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.4	0.3	0.3	0.4	0.3	0.1
TNFRSF9	0.1	0.4	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.6	0.6	0.3	0.3	<0.1	0.3	0.3	0.6	0.4	0.4	0.6	0.4	0.2

NT3	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1
TWEAK	0.3	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2
CCL20	0.2	0.2	0.3	0.5	0.2	0.1	0.2	0.3	0.4	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2
ST1A1	0.5	0.1	0.7	0.3	0.8	0.4	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.6	0.7	<0.1	0.3	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.6
STAMBP	0.6	0.2	0.8	0.3	0.8	0.5	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.7	0.8	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.6
ADA	0.6	0.3	0.6	0.3	0.8	0.4	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.6	0.6	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.7
TNFB	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.5	0.1	0.3	0.4	0.1	0.1
CSF1	<0.1	0.4	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.2	0.2	0.5	0.6	0.4	0.2	-0.1	0.2	0.4	0.5	0.3	0.4	0.5	0.4	0.1
Age	-0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
Body mass ind	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
Waist circumf	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
Educational at	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Alcohol consu	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
Systolic blood	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
Diastolic blood	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Hemoglobin A	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
Duration of kn	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
High-density li	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2	<0.1	<0.1	-0.3	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2
Low-density li	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Triglycerides	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
Albumin	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Fibrinogen	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
C-reactive pro	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1
Serum amyloid	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
Leucocyte cou	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Serum adipone	0.2	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.4	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2
Uric acid	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
Creatinine	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1
Rényi4, baseli	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
TP, baseline	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
SDWS, baseli	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDSA, baseli	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CE, baseline	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	CD6	TGFA	MCP4	CCL11	TNFSF1	MMP1	LIFR	FGF21	CCL19	IL15RA	IL10RB	IL18R1	PDL1	CXCL5	TRANC	HGF	IL12B	MMP10	IL10	TNF	CCL23	CD5
BMP6	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	1	<0.001	0.004	<0.001
ANGPT1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.059	0.034	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001
ADM	0.002	<0.001	0.004	0.171	0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
CD40L	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.002	1	<0.001	0.11	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.059	0.116	0.45	0.006	0.17	<0.001

PGF	1	<0.001	1	<0.001	0.88	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
ADAMTS13	0.668	0.12	1	0.089	1	0.237	<0.001	0.387	<0.001	1	0.005	<0.001	1	1	1	0.001	0.001	1	1	1	1
BOC	0.274	0.005	0.002	0.781	<0.001	1	<0.001	1	0.025	<0.001	<0.001	0.04	1	<0.001	0.273	0.533	<0.001	<0.001	<0.001	0.077	1
IL4RA	0.775	<0.001	0.492	0.097	0.116	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
SRC	0.146	1	<0.001	0.644	<0.001	0.044	0.733	1	1	1	1	1	0.215	<0.001	1	1	1	1	1	1	1
IL1RA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.06	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.211	0.03	<0.001	<0.001
TNFRSF10A	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001
STK4	<0.001	0.176	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.018	0.163	1	1	<0.001
IDUA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	<0.001	0.115	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.764	1	1	<0.001	<0.001
TNFRSF11A	1	<0.001	0.3	<0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005
PAR1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.002	<0.001	1	0.002	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	1	<0.001	0.002
TRAILR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.335	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PRSS27	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.835	<0.001	<0.001	0.626	<0.001	0.006	<0.001	1	<0.001	<0.001
TIE2	1	<0.001	0.143	0.078	0.214	1	<0.001	0.007	0.039	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.006	0.376	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1
TF	0.798	<0.001	0.379	1	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.112	1	0.81	<0.001	<0.001	0.028	0.023	0.225
IL1RL2	1	0.005	1	1	0.111	1	<0.001	0.132	0.092	0.001	<0.001	<0.001	0.025	1	1	0.063	<0.001	1	0.137	0.001	0.008
PDGFB	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.061	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.324	1	1	0.002	<0.001
IL27	1	<0.001	1	0.001	0.61	1	<0.001	0.035	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.391	0.138	1	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001
IL17D	1	<0.001	0.115	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.276	1	1	0.001	<0.001	<0.001	0.16	<0.001	<0.001
LOX1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.113	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.005	1	<0.001	<0.001
GAL9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001
GIF	1	0.001	1	0.014	1	1	<0.001	1	1	0.107	<0.001	0.214	1	1	0.428	0.094	0.044	0.276	1	0.733	1
SCF	0.01	0.069	0.276	1	<0.001	0.981	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.79	0.54	0.344	<0.001	0.002	<0.001	0.012	1	0.434	0.001
IL18	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.057	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PLGR	0.36	<0.001	0.182	0.061	0.001	1	<0.001	<0.001	0.318	<0.001	<0.001	1	1	0.001	1	0.164	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	<0.001
RAGE	0.031	0.001	0.001	1	<0.001	0.052	<0.001	1	0.707	<0.001	<0.001	1	0.454	<0.001	0.002	1	<0.001	<0.001	0.06	<0.001	<0.001
SOD2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.158	0.011	1	1	0.046	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	1	0.001	<0.001
CTRC	1	0.614	0.098	<0.001	0.505	0.275	<0.001	1	0.019	1	1	0.034	1	1	1	0.013	0.065	1	1	1	1
FGF23	0.76	<0.001	0.001	0.344	0.002	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
SPON2	<0.001	<0.001	<0.001	0.342	<0.001	0.296	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01
GH	0.027	1	0.132	1	0.002	0.074	0.014	0.086	1	1	1	0.385	0.011	1	1	0.126	0.134	1	0.121	1	0.029
FS	1	0.003	1	0.139	1	1	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.87	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GLO1	<0.001	0.073	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.261	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.757	<0.001	<0.001	0.002	0.039	1	<0.001
CD84	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.012	0.067	0.933	0.002	<0.001	<0.001	0.913	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001
SERPINA12	1	0.227	1	1	1	0.794	0.148	1	1	1	0.008	0.336	1	1	1	0.387	0.008	1	1	1	1
REN	1	<0.001	1	<0.001	0.541	1	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	1	1	<0.001	0.708	0.001	0.005	0.002	0.203
DECR1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.027	1	<0.001	0.389	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.002	0.027	0.233	0.136	<0.001
MERTK	0.033	<0.001	0.005	1	0.012	1	<0.001	0.268	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.067	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.027
KIM1	1	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	1	<0.001	0.045	<0.001	<0.001	<0.001	0.01
THBS2	1	<0.001	1	0.222	1	0.647	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.004	0.367	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.981
TM	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.372	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
VSIG2	1	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.091	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	0.741	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
AMBP	0.004	<0.001	1	<0.001	0.005	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.01	0.01	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PRELP	1	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.575	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
HO1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	1	0.082	0.515	0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.951	0.195	0.042	<0.001
XCL1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.049	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

IL16	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.009	1	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.057	0.529	0.894	0.37	0.285	<0.001
SORT1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.912	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001
CEACAM8	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.049	<0.001	1	0.001	0.221	<0.001	<0.001	<0.001
PTX3	1	<0.001	1	0.055	0.02	0.982	<0.001	1	0.413	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.001	0.036	<0.001	<0.001	0.468
PSGL1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.002	0.387	0.029	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.254	1	1	1	1	<0.001
CCL17	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.081	0.135	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001
MMP7	1	<0.001	1	<0.001	1	0.129	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.319	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.099	1
IGGFC	1	0.175	1	1	1	0.859	0.045	0.608	0.391	0.113	0.001	1	0.011	1	0.488	0.262	0.002	0.046	1	0.147	0.031	1
ITGB1BP2	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.122	1	<0.001	0.51	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.061	0.035	1	0.008	0.397	<0.001
DCN	0.432	<0.001	0.011	1	<0.001	0.443	<0.001	0.338	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.037	<0.001	0.009	0.156
DKK1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.357	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001
LPL	0.001	1	0.018	1	<0.001	0.005	<0.001	0.028	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.694	0.758	<0.001	<0.001	1	1	0.259	1	<0.001
PRSS8	0.423	<0.001	0.436	<0.001	0.511	0.03	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
AGRP	1	<0.001	1	0.001	1	0.646	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.031	0.334	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.429
HBEGF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.334	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001
GDF2	1	0.149	1	1	0.001	0.858	<0.001	1	0.183	0.337	<0.001	0.453	0.018	0.618	1	0.79	<0.001	0.001	0.034	0.684	1	<0.001
FABP2	0.352	0.448	0.331	1	0.017	1	<0.001	0.092	1	<0.001	<0.001	1	1	1	0.291	1	<0.001	<0.001	1	0.003	0.525	1
THPO	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.234	1	<0.001	0.09	1	0.202	<0.001	<0.001	0.706	<0.001	1	0.874	1	<0.001	<0.001	<0.001
MARCO	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.035	0.292	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.031	<0.001
GT	0.12	1	0.119	1	0.001	0.471	0.001	1	1	0.004	<0.001	1	1	0.582	0.07	0.638	<0.001	0.026	0.62	0.001	<0.001	1
MMP12	1	<0.001	0.105	<0.001	1	0.329	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009
ACE2	1	<0.001	1	0.002	1	1	<0.001	<0.001	0.008	0.467	<0.001	<0.001	0.012	0.788	1	<0.001	0.308	0.001	<0.001	0.001	1	1
PDL2	1	<0.001	1	0.012	0.333	1	<0.001	0.542	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	0.043	0.155	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	1
CTSL1	1	<0.001	1	<0.001	1	0.528	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.308	0.057	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
HOSCAR	1	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.417
TNFRSF13B	0.465	<0.001	1	<0.001	1	0.017	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TGM2	0.006	<0.001	0.144	0.037	<0.001	<0.001	0.002	0.644	1	0.059	0.001	0.001	<0.001	1	0.128	<0.001	1	0.014	1	0.006	0.022	<0.001
LEP	1	<0.001	1	1	1	0.207	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.487	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.871	<0.001	1	1
CA5A	0.393	<0.001	1	0.003	0.298	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.044	<0.001	<0.001	0.258	0.011
HSP27	0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.007	0.255	1	1	1	0.01	0.96	<0.001	<0.001	1	0.003	0.373	0.013	0.051	1	1	<0.001
CD4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	0.001	0.061	0.06	<0.001	<0.001	<0.001
NEMO	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.301	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	0.003	0.166	0.398	1	<0.001
VEGFD	0.953	0.785	0.093	0.303	0.001	0.579	<0.001	1	1	0.648	0.017	1	0.072	0.004	1	1	1	0.005	1	1	1	1
PARP1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.227	1	<0.001	0.061	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.206	0.02	1	1	<0.001
HAOX1	0.156	0.877	0.418	0.019	0.071	1	<0.001	<0.001	0.017	1	1	<0.001	0.019	1	0.39	<0.001	1	1	0.016	0.175	1	1
TNFRSF14	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.591	0.15	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.251	0.145	<0.001	<0.001	<0.001
LDL_RC	0.476	0.033	1	0.035	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	<0.001	1	1	0.097	0.001	<0.001	0.309	0.003	0.001	<0.001	1
ITGB2	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.002	0.026	1	0.598	<0.001	0.245	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	0.002	1	<0.001
IL17RA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.438	0.006	1	0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.902	1	1	0.001	0.664	<0.001
TNFR2	0.062	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.249	0.065	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.001	0.423	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	1	0.003	<0.001	<0.001
EPHB4	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	0.083	1	<0.001	<0.001	0.001	0.001	0.054	0.043	0.227	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.158
IL2RA	1	<0.001	0.626	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ALCAM	1	<0.001	1	0.592	1	0.597	<0.001	0.704	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.515	0.953	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	1
SELP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.004	1	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.138	0.066	1	0.071	0.015	<0.001
CSTB	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.042	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.181	1	1	<0.001	<0.001	<0.001

CD163	0.011	<0.001	1	<0.001	0.389	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.055
GRN	1	<0.001	1	0.071	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.249	1	0.149	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
NTPROBNP	0.001	<0.001	0.319	1	0.04	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.014	1	0.294	<0.001	0.074	0.044	<0.001	<0.001	0.898
PLC	0.628	<0.001	0.098	1	0.03	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.672	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	
LTBR	1	<0.001	1	0.081	1	0.843	<0.001	0.012	0.073	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	
NOTCH3	0.626	<0.001	0.109	0.199	<0.001	0.019	<0.001	1	0.085	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	0.367	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.943	0.307
TIMP4	1	<0.001	1	0.04	1	1	<0.001	<0.001	0.125	<0.001	<0.001	0.156	1	0.791	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
CNTN1	1	0.003	0.118	1	<0.001	0.003	<0.001	1	0.112	0.003	<0.001	<0.001	0.001	0.002	0.604	1	<0.001	0.047	0.142	0.057	1	0.06
CDH5	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	1	0.312	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	0.01	<0.001	0.004	0.006	<0.001	0.099	1
TLT2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.031	<0.001	<0.001	<0.001
FABP4	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
TFPI	0.01	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	1	0.088	1	1	1	0.002	<0.001	1	0.094	1	1	1	0.533	0.072	0.027
PAI	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.735	1	<0.001	0.003	<0.001
CCL24	1	0.704	0.184	<0.001	0.364	1	0.014	1	1	1	1	1	0.392	1	1	0.802	1	1	0.184	1	0.197	1
TR	1	<0.001	1	0.071	0.634	0.117	<0.001	1	0.105	<0.001	<0.001	<0.001	0.142	1	1	<0.001	<0.001	0.852	0.063	<0.001	<0.001	0.881
TNFRSF10C	1	<0.001	1	0.04	0.004	0.083	<0.001	1	0.159	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	0.117
GDF15	1	<0.001	1	<0.001	1	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.364
SELE	0.154	<0.001	1	0.006	0.034	0.449	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.055	1	1	<0.001	0.084	0.935	<0.001	0.017	1	0.691
DLK1	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	0.873	0.17	<0.001	<0.001	<0.001	0.412	1	0.009	0.001	<0.001	<0.001	0.154	<0.001	0.024	1
MPO	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.11	1	0.005	0.342	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	1	0.091	0.52	<0.001
CXCL16	0.274	<0.001	1	0.004	0.642	1	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.337	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
IL6RA	1	<0.001	1	0.46	1	1	<0.001	0.074	0.623	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.837	0.009	<0.001	0.225	0.001	<0.001	<0.001	1
RETN	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.398	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.374	<0.001	<0.001	0.002	0.031	<0.001	<0.001	<0.001
IGFBP1	<0.001	1	0.459	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	0.004	<0.001	1	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.293	0.004	0.248
CHIT1	1	<0.001	1	0.005	1	1	0.171	1	0.022	<0.001	<0.001	1	0.292	1	0.076	0.004	0.003	<0.001	0.006	<0.001	0.005	1
TRAP	0.866	1	1	<0.001	1	1	0.001	<0.001	0.017	0.012	<0.001	<0.001	0.086	1	1	<0.001	0.706	<0.001	<0.001	0.091	1	1
GP6	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.039	1	<0.001	0.056	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.051	0.034	1	0.037	0.011	<0.001
PSPD	1	0.02	1	0.054	1	1	1	0.983	0.031	0.007	0.001	0.08	0.283	1	1	<0.001	1	0.097	1	0.037	1	0.937
EPCAM	1	1	1	1	1	1	<0.001	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0.11	0.446	0.202	0.007	1
APN	1	0.286	1	0.673	1	1	<0.001	0.061	0.407	0.02	0.001	<0.001	1	1	1	0.09	0.446	0.017	0.002	0.583	1	1
AXL	1	<0.001	0.001	1	0.058	0.785	<0.001	0.093	0.213	<0.001	<0.001	<0.001	0.051	0.001	0.555	0.034	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
IL1RT1	1	<0.001	0.972	0.321	0.058	1	<0.001	1	0.33	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.015	1	0.149	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
MMP2	0.852	<0.001	0.011	0.197	<0.001	0.228	<0.001	1	0.683	<0.001	<0.001	0.007	1	<0.001	1	0.016	<0.001	<0.001	0.006	0.058	1	0.567
FAS	0.002	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.03	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MB	1	<0.001	1	1	1	0.788	0.002	0.092	1	<0.001	<0.001	0.633	0.049	1	1	1	0.004	<0.001	0.092	<0.001	<0.001	1
TNFSF13B	1	<0.001	1	0.039	0.93	1	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.023	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.716	0.713
PCSK9	0.515	<0.001	0.023	<0.001	0.083	0.004	<0.001	<0.001	0.049	<0.001	<0.001	<0.001	0.026	0.059	1	<0.001	0.001	0.153	0.036	<0.001	0.043	1
UPAR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001
OPN	1	<0.001	1	0.069	1	1	<0.001	0.959	0.209	<0.001	<0.001	0.001	0.042	0.874	0.134	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
PGLYRP1	0.392	<0.001	0.08	0.02	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.295	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001
CPA1	1	0.794	1	0.629	1	1	0.002	<0.001	0.502	0.254	0.005	1	1	0.397	1	0.462	0.963	0.006	0.109	1	0.322	1
JAMA	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.085	1	<0.001	0.084	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.21	0.023	1	0.271	0.461	<0.001
GAL4	1	<0.001	1	<0.001	1	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.147	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	0.143
IL1RT2	1	0.003	1	0.287	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.005	<0.001	1	1	1	<0.001	1	0.878	0.009	1	1	1
SHPS1	0.42	<0.001	1	0.64	0.853	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.001	0.319	<0.001	1	0.001
CCL15	1	<0.001	1	0.006	1	1	<0.001	<0.001	0.415	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	1

CASP3	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.252	1	<0.001	0.256	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.018	0.007	1	0.323	0.637	<0.001
CPB1	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	<0.001	0.232	<0.001	<0.001	0.036	1	0.46	0.266	0.024	<0.001	0.01	0.003	0.003	0.001	0.93
CHI3L1	1	<0.001	0.145	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.1	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	0.648
ST2	0.978	<0.001	0.126	<0.001	0.166	0.009	<0.001	<0.001	0.241	0.004	0.079	<0.001	<0.001	1	0.824	<0.001	1	0.002	<0.001	0.007	0.094	0.963
TPA	1	1	0.59	<0.001	0.08	1	1	<0.001	0.426	0.166	1	<0.001	0.001	1	1	<0.001	1	1	0.624	0.823	1	0.955
SCGB3A2	1	0.043	1	0.008	0.993	1	1	0.249	1	1	0.87	0.009	1	1	1	1	0.187	<0.001	0.083	0.568	<0.001	1
EGFR	1	1	0.072	1	0.01	1	<0.001	1	1	1	0.034	0.012	<0.001	0.024	1	0.162	0.074	0.565	0.818	1	1	0.077
IGFBP7	1	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.356	0.156	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.431
CD93	1	<0.001	1	0.372	1	1	<0.001	1	0.306	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	0.581	0.048	0.062	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.072
IL18BP	1	<0.001	1	0.004	1	1	<0.001	0.045	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.251	0.162	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.032
COL1A1	1	0.035	1	1	0.625	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	0.001	1	<0.001	0.194	1	0.077	0.078	1
PON3	0.002	0.001	0.049	1	<0.001	0.097	1	<0.001	0.009	1	1	<0.001	<0.001	0.821	1	<0.001	1	1	1	0.001	1	<0.001
CTSZ	0.173	<0.001	0.285	<0.001	0.003	0.05	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP3	1	<0.001	1	0.006	1	0.226	0.055	0.079	1	0.069	0.026	1	0.002	1	1	0.573	<0.001	<0.001	0.079	1	<0.001	1
RARRES2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.872	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	0.003	<0.001	<0.001	<0.001
ICAM2	1	<0.001	1	1	1	0.382	<0.001	1	0.139	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	1	1	0.017	<0.001	0.036	0.001	<0.001	<0.001	0.156
KLK6	0.625	<0.001	0.539	1	0.016	1	0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.839	1	1	<0.001	<0.001	0.058	<0.001	<0.001	1
PDGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.004	0.002	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.247	1	<0.001	<0.001	<0.001
TNFR1	1	<0.001	1	<0.001	1	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IGFBP2	0.134	<0.001	1	0.098	0.028	1	0.003	0.159	1	<0.001	<0.001	0.01	1	0.961	1	0.957	0.088	<0.001	0.001	0.003	<0.001	1
VWF	1	0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	0.03	0.013	<0.001	<0.001	0.324	1	1	1	<0.001	0.002	0.088	0.244	0.003	1	1
PECAM1	<0.001	0.017	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.126	1	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.188	0.01	1	1	1	<0.001
MEPE	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.31	0.179	0.394	<0.001	1	<0.001	0.002	0.001	0.001	<0.001	1
CCL16	1	<0.001	0.834	0.001	0.408	0.033	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.062	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.361
IL8	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.648	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
VEGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD8A	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.334	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.004	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MCP3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.03	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.074	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CDCP1	0.12	<0.001	0.3	<0.001	0.907	1	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.203
CD244	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.028	1	0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.522	<0.001	0.135	1	1	<0.001	0.001	<0.001
IL7	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.117	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.702	1	<0.001	<0.001	<0.001
OPG	0.735	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
LAP_TGFB1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.004	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.105	1	0.41	<0.001	<0.001	<0.001
UPA	0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.004	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	1	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
IL6	1	<0.001	1	<0.001	0.76	0.785	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.091	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.731
MCP1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.027	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007
CXCL11	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.036	1	<0.001	<0.001	0.281	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.065	1	0.064	<0.001	0.001	<0.001
AXIN1	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.17	1	<0.001	0.542	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	0.006	0.314	0.189	1	<0.001
TRAIL	0.026	<0.001	0.239	<0.001	0.508	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.178
CXCL9	1	<0.001	0.176	<0.001	1	0.006	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.251	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.145
CST5	1	<0.001	1	0.225	1	1	<0.001	0.007	0.705	<0.001	<0.001	0.002	0.858	0.012	0.013	0.012	<0.001	<0.001	0.02	<0.001	<0.001	1
OSM	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.023	<0.001	0.001	0.036	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.116	0.089	<0.001	<0.001	<0.001
CXCL1	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.072	1	<0.001	0.757	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.051	1	0.002	0.039	<0.001
CCL4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.125	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.03	<0.001	<0.001	0.027	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD6	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.003	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.917	<0.001	1	1	1	<0.001	0.941	<0.001
TGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

MCP4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	<0.001	0.112	0.659	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001
CCL11	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.048	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
TNFSF14	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.024	0.202	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001
MMP1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	0.849	<0.001	0.551	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.143	1	<0.001	<0.001	<0.001
LIFR	0.144	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	
FGF21	0.187	<0.001	0.113	<0.001	0.266	0.055	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.439	1	1	<0.001	0.205	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.828
CCL19	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.042	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
IL15RA	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	0.001	0.035	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
IL10RB	0.375	<0.001	0.042	<0.001	0.012	0.46	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	
IL18R1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.038	0.039	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
PDL1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.942	0.027	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	0.035	0.001	<0.001	<0.001	
CXCL5	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.772	0.002	0.098	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.082	1	<0.001	0.001	
TRANCE	0.06	<0.001	0.178	0.865	0.667	0.767	<0.001	0.08	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.271	0.737	<0.001	0.692	<0.001	0.674	0.004	<0.001	<0.001	0.481
HGF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.044	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
IL12B	0.473	<0.001	0.882	0.003	0.309	0.91	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.531	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.527	
MMP10	0.933	<0.001	0.85	<0.001	0.216	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.004	0.043	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	
IL10	0.499	<0.001	0.678	<0.001	0.963	0.302	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.999	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	
TNF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
CCL23	0.062	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
CD5	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.054	<0.001	<0.001	0.128	<0.001	<0.001	<0.001	0.03	<0.001	0.033	0.133	0.29	<0.001	<0.001	
CCL3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
FLT3L	0.025	<0.001	0.014	<0.001	0.292	0.898	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.97	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.073	
CXCL6	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.027	<0.001	<0.001	0.132	<0.001	<0.001	<0.001	0.181	<0.001	0.213	0.407	0.018	<0.001	<0.001	
CXCL10	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
4EBP1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.219	<0.001	0.084	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.693	<0.001	0.012	0.182	0.314	<0.001	<0.001	
SIRT2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.575	0.002	0.498	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.99	<0.001	0.006	0.004	0.097	<0.001	0.01	
CCL28	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.016	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.223	<0.001	0.06	<0.001	<0.001	<0.001	0.072	
DNER	0.09	0.001	0.698	<0.001	0.04	0.183	<0.001	0.928	0.141	0.037	<0.001	0.001	0.237	0.073	0.022	0.002	0.001	<0.001	<0.001	0.233	0.028	
ENRAGE	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.949	0.016	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	0.036	<0.001	0.771	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	
CD40	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.55	<0.001	<0.001	0.034	<0.001	<0.001	<0.001	0.48	<0.001	0.584	0.431	0.734	<0.001	<0.001	
IFNG	0.112	<0.001	0.194	<0.001	0.181	0.005	<0.001	0.082	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.893	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.05	
FGF19	0.083	<0.001	0.596	<0.001	0.947	0.182	<0.001	<0.001	0.047	0.091	<0.001	0.021	0.315	0.034	0.723	0.001	0.454	<0.001	<0.001	0.029	0.01	
MCP2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.925	<0.001	<0.001	<0.001	0.037	<0.001	<0.001	<0.001	0.05	<0.001	0.002	0.407	<0.001	<0.001	<0.001	
CASP8	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.742	0.001	0.001	0.033	<0.001	<0.001	<0.001	0.5	<0.001	0.15	0.433	0.254	<0.001	<0.001	
CCL25	0.679	<0.001	0.209	<0.001	0.002	0.719	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.036	0.304	0.009	0.261	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.492	
CX3CL1	0.256	<0.001	0.417	<0.001	0.351	0.255	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.049	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	
TNFRSF9	0.001	<0.001	0.069	<0.001	0.065	0.034	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.727	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
NT3	<0.001	<0.001	0.37	<0.001	0.001	0.722	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.855	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	
TWEAK	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	0.006	<0.001	<0.001	
CCL20	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.575	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	
ST1A1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.467	0.041	0.547	<0.001	0.161	<0.001	<0.001	0.21	<0.001	<0.001	0.002	0.017	0.107	0.362	
STAMBP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.695	0.008	0.751	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.76	<0.001	0.001	0.001	0.024	0.001	0.036	
ADA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	&lt																

Body mass index	0.044	<0.001	0.33	0.785	0.002	0.505	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.023	0.504	<0.001	<0.001	<0.001	0.679	0.618	<0.001	0.537	0.017	
Waist circumference	0.007	0.001	0.066	0.035	<0.001	0.127	0.053	<0.001	<0.001	0.016	0.013	<0.001	<0.001	0.815	0.013	<0.001	0.171	0.572	0.409	0.002	0.552	<0.001
Educational attainment	0.076	0.094	0.082	0.051	0.249	0.294	0.08	0.572	0.012	0.557	0.004	0.049	0.994	0.477	0.579	0.001	<0.001	0.527	0.23	0.014	0.524	0.554
Alcohol consumption	0.849	0.001	0.463	0.774	0.794	0.254	<0.001	0.011	0.128	<0.001	<0.001	<0.001	0.183	0.455	0.138	0.001	<0.001	0.263	0.22	<0.001	0.026	0.882
Systolic blood pressure	0.345	0.007	0.037	0.001	0.022	0.057	0.004	0.002	0.175	0.331	0.138	<0.001	<0.001	0.533	0.362	<0.001	0.052	0.592	0.019	0.104	0.251	0.403
Diastolic blood pressure	0.099	0.987	0.093	0.31	0.027	0.055	0.257	0.016	0.632	0.609	0.435	0.003	0.019	0.134	0.014	0.018	0.696	0.06	0.4	0.802	0.708	0.373
Hemoglobin A1c	0.037	<0.001	0.005	0.001	0.041	0.326	<0.001	0.004	0.001	0.019	0.001	<0.001	0.013	0.136	0.073	<0.001	0.039	0.252	0.21	<0.001	0.223	0.001
Duration of known diabetes	0.033	<0.001	0.454	<0.001	0.132	0.022	<0.001	0.584	0.02	0.025	0.001	<0.001	0.009	0.115	0.002	<0.001	0.009	0.093	0.107	0.046	0.602	0.004
High-density lipoprotein cholesterol	<0.001	<0.001	0.058	0.006	<0.001	0.007	0.567	<0.001	<0.001	0.13	0.03	<0.001	<0.001	0.798	0.513	<0.001	<0.001	0.164	0.694	<0.001	<0.001	<0.001
Low-density lipoprotein cholesterol	0.729	0.122	0.908	0.861	0.469	0.993	0.049	0.358	0.505	0.037	0.283	0.657	0.012	0.353	0.048	0.008	0.454	0.982	0.023	0.294	0.26	0.029
Triglycerides	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.76	0.003	<0.001	0.006	0.084	0.041	<0.001	0.012	0.378	0.084	<0.001	<0.001	<0.001
Albumin	0.071	0.01	0.037	0.324	0.111	0.835	0.171	0.312	0.002	<0.001	<0.001	0.415	0.039	0.088	0.602	0.345	0.029	0.003	0.243	0.003	0.995	0.92
Fibrinogen	0.227	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.088	0.089	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	0.002	0.465	<0.001	<0.001	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	0.009
C-reactive protein	0.299	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	0.835	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	0.067	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
Serum amyloid A	0.245	<0.001	0.879	0.212	0.056	0.002	0.028	<0.001	0.002	0.001	<0.001	<0.001	0.031	0.382	0.053	<0.001	0.006	0.094	0.001	<0.001	<0.001	0.576
Leucocyte count	0.012	0.086	0.001	0.05	<0.001	0.006	0.015	<0.001	0.246	0.143	0.453	<0.001	<0.001	0.316	0.892	<0.001	0.112	0.68	0.767	0.147	0.622	<0.001
Serum adiponectin	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.244	<0.001	0.001	0.966	0.281	<0.001	<0.001	<0.001	0.918	<0.001	0.007	0.037	0.376	0.156	<0.001	<0.001
Uric acid	0.013	<0.001	0.003	0.009	<0.001	<0.001	0.397	<0.001	0.04	0.015	0.014	<0.001	<0.001	0.593	0.024	<0.001	0.918	0.008	0.167	<0.001	0.001	<0.001
Creatinine	0.742	<0.001	0.101	0.014	0.023	0.015	0.318	0.039	0.374	<0.001	<0.001	0.805	<0.001	0.403	0.706	0.183	0.723	<0.001	0.184	0.002	<0.001	<0.001
Rényi4, baseline	0.239	0.001	0.699	0.004	0.035	0.43	0.087	0.001	0.002	0.13	0.028	<0.001	0.022	0.419	0.252	<0.001	0.032	0.851	0.007	0.011	0.633	0.084
TP, baseline	0.2	<0.001	0.473	0.004	0.022	0.559	0.036	0.001	0.003	0.146	0.02	<0.001	0.095	0.344	0.302	<0.001	0.014	0.978	0.022	0.019	0.825	0.092
SDWS, baseline	0.611	<0.001	0.767	0.061	0.232	0.695	0.161	0.049	0.062	0.044	0.053	<0.001	0.064	0.875	0.276	0.004	0.023	0.333	0.027	0.002	0.593	0.167
SDSA, baseline	0.771	0.243	0.964	0.029	0.181	0.751	0.662	0.002	0.026	0.747	0.544	<0.001	0.083	0.702	0.408	0.139	0.551	0.901	0.136	0.736	0.135	0.2
CE, baseline	0.815	0.018	0.783	0.007	0.169	0.732	0.042	<0.001	0.002	0.27	0.023	<0.001	0.047	0.791	0.257	<0.001	0.131	0.701	0.001	0.051	0.631	0.463

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	CCL3	FLT3L	CXCL6	CXCL11	4EBP1	SIRT2	CCL28	DNER	ENRAG	CD40	IFNG	FGF19	MCP2	CASP8	CCL25	CX3CL1	TNFRSF10A	TNFRSF10B	TWEAK	CCL20	ST1A1	STAMBP2
BMP6	0.4	<0.1	0.6	0.3	0.7	0.7	0.4	<0.1	0.4	0.7	<0.1	-0.1	0.5	0.7	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.6	0.7
ANGPT1	0.4	<0.1	0.6	0.2	0.6	0.7	0.2	-0.1	0.4	0.6	<0.1	<0.1	0.6	0.6	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.6	0.7
ADM	0.2	0.3	-0.1	0.2	-0.2	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.4	0.4	0.1	<0.1	0.1	-0.2	-0.2
CD40L	0.4	-0.1	0.7	0.2	0.9	0.9	0.3	-0.1	0.4	0.8	<0.1	-0.1	0.5	0.8	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.9	0.9
PGF	0.2	0.3	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.4	0.5	0.2	<0.1	0.1	-0.2	-0.2
ADAMTS13	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
BOC	<0.1	0.3	-0.2	0.1	-0.2	-0.2	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.2	-0.2
IL4RA	0.2	0.2	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.4	0.4	0.2	<0.1	0.1	-0.2	-0.2
SRC	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.4	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.3
IL1RA	0.6	0.1	0.5	0.4	0.6	0.5	0.2	-0.1	0.5	0.5	0.1	<0.1	0.4	0.6	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.5
TNFRSF10A	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2
STK4	0.2	-0.1	0.6	0.1	0.8	0.8	0.2	-0.1	0.3	0.7	<0.1	<0.1	0.3	0.7	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.8	0.8
IDUA	0.4	0.1	0.4	0.2	0.5	0.4	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.1	<0.1	0.3	0.4	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.4
TNFRSF11A	0.3	0.2	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.4	0.5	0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1
PAR1	0.4	<0.1	0.7	0.2	0.8	0.9	0.3	-0.1	0.4	0.8	<0.1	<0.1	0.5	0.8	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.8	0.8
TRAILR2	0.4	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.5	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1
PRSS27	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2
TIE2	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.2	-0.2
TF	<0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.4	0.3	0.1	0.2	<0.1	-0.2	-0.2
IL1RL2	<0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.2	-0.1
PDGFB	0.4	-0.1	0.7	0.2	0.8	0.8	0.2	-0.1	0.4	0.7	<0.1	<0.1	0.6	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.7	0.8
IL27	0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1	-0.2	-0.2
IL17D	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	-0.1	<0.1
LOX1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.4	0.3	0.2	<0.1	0.5	0.3	0.1	0.1	0.3	0.4	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3
GAL9	0.6	0.1	0.5	0.5	0.5	0.4	0.2	-0.2	0.4	0.5	0.2	<0.1	0.4	0.5	0.1	0.2	0.4	0.1	0.2	0.2	0.4	0.4
GIF	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SCF	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.4	0.3	0.1	0.3	-0.1	-0.2	-0.1
IL18	0.4	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2
PLGR	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.1	-0.2	-0.2
RAGE	<0.1	0.2	-0.2	0.1	-0.2	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.4	0.3	0.2	0.2	<0.1	-0.2	-0.2
SOD2	0.2	<0.1	0.4	0.2	0.5	0.5	0.1	0.1	0.2	0.5	<0.1	<0.1	0.3	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.5	0.5
CTRC	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1
FGF23	0.1	0.2	-0.1	0.2	-0.2	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.1	-0.2	-0.2
SPON2	0.2	0.3	-0.2	0.3	-0.3	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.3	0.3	0.4	0.5	0.1	<0.1	0.2	-0.3	-0.3
GH	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1
FS	0.2	0.2	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1
GLO1	0.3	-0.1	0.7	0.1	0.9	0.9	0.3	-0.2	0.4	0.8	-0.1	-0.1	0.4	0.8	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.8	0.9
CD84	0.4	-0.1	0.7	0.2	0.8	0.8	0.3	-0.1	0.4	0.8	<0.1	<0.1	0.5	0.8	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.8	0.8
SERPINA12	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1
REN	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
DECR1	0.3	-0.1	0.7	0.1	0.9	0.9	0.3	-0.1	0.4	0.8	<0.1	-0.1	0.4	0.8	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.9	0.9

MERTK	0.1	0.3	-0.1	0.2	-0.2	-0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.2	-0.2
KIM1	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1
THBS2	0.2	0.3	<0.1	0.3	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	-0.1	0.2	-0.2	-0.2
TM	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.5	0.4	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1
VSIG2	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.4	0.2	<0.1	0.2	-0.1	-0.1
AMBP	0.1	0.2	-0.1	0.2	-0.2	-0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.4	0.4	0.1	0.1	0.1	-0.2	-0.2
PRELP	0.2	0.3	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	-0.2	-0.1
HO1	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3
XCL1	0.3	0.1	0.2	0.4	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1
IL16	0.4	<0.1	0.7	0.2	0.8	0.8	0.3	-0.1	0.5	0.7	<0.1	<0.1	0.4	0.9	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.7	0.8
SORT1	0.5	0.1	0.6	0.3	0.7	0.7	0.3	<0.1	0.4	0.7	0.1	0.1	0.5	0.7	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.6	0.7
CEACAM8	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.4	0.3	0.1	-0.1	0.5	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3
PTX3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
PSGL1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.4	<0.1	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.3
CCL17	0.4	<0.1	0.6	0.2	0.7	0.7	0.3	-0.1	0.4	0.6	<0.1	<0.1	0.5	0.6	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.6	0.7
MMP7	0.2	0.2	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1
IGGFC	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
ITGB1BP2	0.3	-0.1	0.7	0.2	0.9	0.9	0.3	-0.1	0.4	0.9	<0.1	-0.1	0.5	0.8	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.9	0.9
DCN	0.1	0.3	-0.1	0.2	-0.2	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	-0.2	-0.2
DKK1	0.4	<0.1	0.7	0.3	0.7	0.7	0.3	-0.1	0.4	0.7	<0.1	<0.1	0.6	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.2	0.7	0.8
LPL	-0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.2	-0.2	<0.1	0.2	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.2	-0.2
PRSS8	0.3	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1
AGRP	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1
HBEGF	0.4	<0.1	0.7	0.3	0.7	0.8	0.2	-0.1	0.4	0.7	<0.1	<0.1	0.6	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.2	0.7	0.8
GDF2	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.2	-0.2
FABP2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1
THPO	0.2	0.1	0.4	0.2	0.4	0.5	0.2	0.1	0.3	0.5	0.1	<0.1	0.4	0.4	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.4	0.2	0.4	0.5
MARCO	0.3	0.2	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1
GT	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1
MMP12	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.4	0.2	<0.1	0.3	<0.1	<0.1
ACE2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.2	<0.1	<0.1
PDL2	0.2	0.2	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.4	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1
CTSL1	0.3	0.2	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1
HOSCAR	0.2	0.2	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1
TNFRSF13B	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.5	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1
TGM2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
LEP	0.1	0.2	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.2	-0.1
CA5A	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1
HSP27	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	-0.2	-0.2	-0.2	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2
CD4	0.5	<0.1	0.5	0.3	0.5	0.5	0.3	-0.1	0.4	0.5	0.1	0.1	0.3	0.6	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.4	0.5
NEMO	0.3	-0.1	0.7	0.1	0.9	0.9	0.3	-0.1	0.4	0.8	<0.1	-0.1	0.4	0.8	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.9	0.9
VEGFD	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2
PARP1	0.4	<0.1	0.7	0.1	0.8	0.8	0.2	-0.1	0.5	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.9	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.8
HAOX1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.1	0.1
TNFRSF14	0.4	<0.1	0.5	0.3	0.6	0.6	0.2	-0.1	0.4	0.6	0.1	<0.1	0.4	0.6	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.5	0.6
LDL_RC	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1

ITGB2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2
IL17RA	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.4	<0.1	<0.1	0.2	0.4	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.3
TNFR2	0.4	0.2	0.1	0.4	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.4	0.6	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
MMP9	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.4	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.3	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2
EPHB4	0.2	0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.5	0.4	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1
IL2RA	0.2	0.2	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.5	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
ALCAM	0.1	0.3	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	-0.2	-0.1
SELP	0.4	-0.1	0.7	0.2	0.8	0.8	0.2	-0.1	0.4	0.8	<0.1	<0.1	0.5	0.8	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.8	0.8
CSTB	0.5	<0.1	0.6	0.3	0.7	0.7	0.2	-0.1	0.5	0.7	<0.1	<0.1	0.4	0.7	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.6	0.6
CD163	0.3	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1
GRN	0.2	0.2	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1
NTPROBNP	0.1	0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
PLC	0.2	0.3	-0.1	0.2	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.4	0.5	0.1	0.1	0.1	-0.2	-0.2
LTBR	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.4	0.4	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
NOTCH3	0.1	0.3	-0.1	0.2	-0.2	-0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1	-0.2	-0.2
TIMP4	0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1
CNTN1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.2	-0.2	<0.1	0.3	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.2	-0.2
CDH5	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1
TLT2	0.3	<0.1	0.4	0.2	0.4	0.4	0.1	<0.1	0.3	0.5	<0.1	<0.1	0.3	0.4	<0.1	0.2	0.4	<0.1	0.3	0.1	0.4	0.4
FABP4	0.2	0.2	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1
TFPI	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1
PAI	0.4	<0.1	0.6	0.3	0.6	0.6	0.2	-0.1	0.3	0.6	<0.1	<0.1	0.6	0.6	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.6	0.6
CCL24	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
TR	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
TNFRSF10C	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
GDF15	0.3	0.3	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1
SELE	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1
DLK1	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1
MPO	0.3	<0.1	0.4	0.2	0.5	0.4	0.1	-0.1	0.4	0.4	<0.1	<0.1	0.2	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.4	0.4
CXCL16	0.1	0.3	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	-0.2	-0.2
IL6RA	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1
RETN	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
IGFBP1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CHIT1	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
TRAP	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
GP6	0.4	-0.1	0.7	0.2	0.9	0.9	0.2	-0.1	0.4	0.8	<0.1	<0.1	0.5	0.8	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.8	0.9
PSPD	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
EPCAM	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1
APN	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1
AXL	0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.4	0.4	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	-0.2
IL1RT1	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1
MMP2	<0.1	0.3	-0.1	0.1	-0.2	-0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.2	-0.2
FAS	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
MB	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TNFSF13B	0.2	0.3	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1
PCSK9	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1

UPAR	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2
OPN	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1
PGLYRP1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
CPA1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1
JAMA	0.3	-0.1	0.7	0.2	0.8	0.8	0.2	-0.1	0.4	0.8	-0.1	<0.1	0.4	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.8	0.8
GAL4	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1
IL1RT2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
SHPS1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
CCL15	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1
CASP3	0.3	-0.1	0.7	0.2	0.9	0.9	0.2	-0.1	0.4	0.8	<0.1	-0.1	0.5	0.8	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.9	0.9
CPB1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
CHI3L1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1
ST2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1
TPA	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1
SCGB3A2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
EGFR	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.3	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	-0.1
IGFBP7	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1
CD93	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.5	0.4	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1
IL18BP	0.3	0.2	<0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.4	0.6	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1
COL1A1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1
PON3	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.3	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.2	-0.1
CTSZ	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1
MMP3	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
RARRES2	0.4	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.4	0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3
ICAM2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
KLK6	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	<0.1	-0.1	-0.1
PDGFA	0.4	-0.1	0.7	0.3	0.7	0.7	0.2	-0.1	0.4	0.7	<0.1	<0.1	0.6	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.7	0.8
TNFR1	0.3	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.4	0.5	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
IGFBP2	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.4	0.3	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1
VWF	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
PECAM1	0.3	-0.1	0.6	0.2	0.7	0.8	0.2	-0.1	0.3	0.7	-0.1	<0.1	0.4	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.7	0.8
MEPE	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CCL16	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1
IL8	0.6	0.2	0.5	0.4	0.5	0.5	0.4	<0.1	0.4	0.5	0.2	0.1	0.5	0.5	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.4	0.4	0.5
VEGFA	0.5	0.2	0.4	0.4	0.5	0.4	0.3	0.1	0.4	0.5	0.2	0.1	0.5	0.4	0.2	0.2	0.4	0.2	0.4	0.3	0.3	0.4
CD8A	0.3	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1
MCP3	0.4	0.2	0.3	0.4	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.4	0.3	0.2	<0.1	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3
CDCP1	0.4	0.3	0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1
CD244	0.5	<0.1	0.7	0.3	0.8	0.8	0.3	-0.1	0.4	0.8	0.1	<0.1	0.5	0.8	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	0.2	0.7	0.8
IL7	0.4	<0.1	0.7	0.3	0.7	0.8	0.3	<0.1	0.3	0.7	0.1	-0.1	0.6	0.6	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.7	0.8
OPG	0.2	0.4	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	-0.1	-0.1
LAP_TGFB1	0.5	0.1	0.7	0.4	0.8	0.8	0.4	<0.1	0.5	0.8	0.1	<0.1	0.6	0.7	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.4	0.3	0.7	0.8
UPA	0.3	0.4	<0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.3	0.3	0.1	-0.2	-0.1
IL6	0.3	0.2	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1
MCP1	0.4	0.4	0.2	0.4	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.5	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.1
CXCL11	0.5	<0.1	0.7	0.4	0.7	0.7	0.3	-0.1	0.4	0.7	0.2	<0.1	0.5	0.7	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.7	0.7

AXIN1	0.4	-0.1	0.8	0.1	0.9	1	0.3	-0.1	0.4	0.9	<0.1	-0.1	0.5	0.8	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.9	1
TRAIL	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.1	-0.1	<0.1
CXCL9	0.4	0.3	0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.5	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1
CST5	0.1	0.3	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	-0.1	-0.1
OSM	0.4	0.1	0.3	0.3	0.5	0.4	0.2	<0.1	0.5	0.4	0.1	0.1	0.4	0.5	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.4
CXCL1	0.3	<0.1	0.8	0.2	0.8	0.9	0.2	-0.1	0.4	0.8	<0.1	-0.1	0.4	0.8	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.8	0.9
CCL4	0.8	0.2	0.5	0.4	0.5	0.5	0.3	<0.1	0.4	0.5	0.2	0.1	0.5	0.5	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.4	0.5
CD6	0.4	0.1	0.6	0.2	0.6	0.6	0.3	0.1	0.3	0.6	0.1	0.1	0.3	0.6	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.5	0.6
TGFA	0.5	0.3	0.2	0.4	0.3	0.2	0.2	0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2
MCP4	0.5	0.1	0.7	0.3	0.7	0.7	0.3	<0.1	0.4	0.7	<0.1	<0.1	0.6	0.7	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	0.3	0.7	0.8
CCL11	0.4	0.2	0.4	0.3	0.4	0.3	0.5	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	0.4	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.5	0.3	0.3
TNFSF14	0.5	<0.1	0.7	0.3	0.9	0.8	0.3	-0.1	0.5	0.8	<0.1	<0.1	0.5	0.9	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.8	0.8
MMP1	0.3	<0.1	0.5	0.3	0.5	0.5	0.2	<0.1	0.4	0.5	0.1	<0.1	0.4	0.5	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.5
LIFR	0.2	0.3	-0.1	0.2	-0.2	-0.3	0.1	0.3	<0.1	-0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.2	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	0.2	-0.3	-0.3
FGF21	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.3	<0.1	<0.1
CCL19	0.3	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.4	0.1	0.1
IL15RA	0.4	0.3	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.5	0.6	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1
IL10RB	0.3	0.3	<0.1	0.3	-0.1	-0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.6	0.6	0.2	0.2	0.1	-0.2	-0.2
IL18R1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1
PDL1	0.5	0.1	0.6	0.3	0.7	0.7	0.4	<0.1	0.4	0.8	0.1	<0.1	0.4	0.6	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.6	0.7
CXCL5	0.4	<0.1	0.7	0.2	0.7	0.8	0.2	-0.1	0.3	0.7	<0.1	-0.1	0.5	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.7	0.8
TRANCE	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1
HGF	0.6	0.3	0.4	0.4	0.5	0.4	0.3	0.1	0.5	0.5	0.2	0.1	0.4	0.5	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.4	0.3	0.4
IL12B	0.3	0.3	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.4	0.6	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1
MMP10	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1
IL10	0.3	0.2	0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.2	0.1	0.2	-0.1	-0.1
TNF	0.5	0.3	0.2	0.5	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.4	0.6	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1
CCL23	0.3	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1
CD5	0.5	0.1	0.6	0.2	0.6	0.6	0.3	-0.1	0.4	0.6	0.1	<0.1	0.3	0.7	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.6	0.6
CCL3	1	0.2	0.5	0.5	0.4	0.4	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.3	0.1	0.4	0.4	0.1	0.2	0.4	0.1	0.2	0.3	0.3	0.4
FLT3L	0.2	1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.1
CXCL6	0.5	<0.1	1	0.3	0.8	0.8	0.3	<0.1	0.4	0.7	<0.1	<0.1	0.5	0.7	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.7	0.8
CXCL10	0.5	0.3	0.3	1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.1	0.4	0.2	0.1	0.2	0.4	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2
4EBP1	0.4	<0.1	0.8	0.2	1	0.9	0.3	-0.1	0.5	0.9	<0.1	<0.1	0.5	0.9	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.8	0.9
SIRT2	0.4	-0.1	0.8	0.2	0.9	1	0.3	-0.1	0.4	0.9	<0.1	-0.1	0.5	0.9	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.9	1
CCL28	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3
DNER	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	-0.2	-0.1
ENRAGE	0.3	<0.1	0.4	0.2	0.5	0.4	0.2	<0.1	1	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.6	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.4	0.4
CD40	0.4	<0.1	0.7	0.2	0.9	0.9	0.3	-0.1	0.4	1	<0.1	<0.1	0.5	0.8	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.8	0.9
IFNG	0.3	0.2	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
FGF19	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1
MCP2	0.4	0.1	0.5	0.4	0.5	0.5	0.3	<0.1	0.3	0.5	0.1	0.1	1	0.5	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.4	0.5
CASP8	0.4	<0.1	0.7	0.2	0.9	0.9	0.3	-0.1	0.6	0.8	<0.1	<0.1	0.5	1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.8	0.9
CCL25	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	-0.2	-0.1
CX3CL1	0.2	0.3	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	1	0.5	0.2	0.3	0.1	-0.1	-0.1
TNFRSF9	0.4	0.3	0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.5	1	0.2	0.2	0.2	-0.1	<0.1

NT3	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	1	0.2	0.1	<0.1	<0.1
TWEAK	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	1	0.1	0.2	0.3
CCL20	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	1	0.1	0.2
ST1A1	0.3	-0.1	0.7	0.1	0.8	0.9	0.2	-0.2	0.4	0.8	<0.1	-0.1	0.4	0.8	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	1	0.9
STAMBP	0.4	-0.1	0.8	0.2	0.9	1	0.3	-0.1	0.4	0.9	<0.1	-0.1	0.5	0.9	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.9	1
ADA	0.4	0.1	0.7	0.2	0.8	0.8	0.3	<0.1	0.5	0.7	<0.1	<0.1	0.5	0.8	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.7	0.8
TNFB	0.2	0.3	<0.1	0.3	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1
CSF1	0.3	0.4	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.5	0.6	0.2	0.2	0.2	-0.2	-0.1
Age	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
Body mass ind	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1
Waist circumf	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1
Educational at	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Alcohol consu	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1
Systolic blood	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
Diastolic blood	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
Hemoglobin A	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
Duration of kn	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
High-density li	-0.2	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	-0.1	-0.1
Low-density li	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
Triglycerides	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
Albumin	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1
Fibrinogen	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1
C-reactive pro	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1
Serum amyloid	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
Leucocyte cou	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1
Serum adipone	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.3	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2
Uric acid	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1
Creatinine	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1
Rényi4, baseli	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
TP, baseline	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDWS, baseli	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDSA, baseli	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CE, baseline	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	CCL3	FLT3L	CXCL6	CXCL11	4EBP1	SIRT2	CCL28	DNER	ENRAG	CD40	IFNG	FGF19	MCP2	CASP8	CCL25	CX3CL1	TNFRSF	NT3	TWEAK	CCL20	ST1A1	STAMBP
BMP6	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.613	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ANGPT1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.154	0.119	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ADM	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	0.014	<0.001	0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	1	<0.001	<0.001	<0.001
CD40L	<0.001	0.59	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

PGF	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.439	<0.001	0.29	0.181	<0.001	1	0.008	0.086	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	<0.001	<0.001
ADAMTS13	0.721	1	1	0.653	0.724	1	1	0.003	1	1	1	1	1	1	1	1	0.134	0.005	<0.001	1	1	
BOC	1	<0.001	<0.001	0.044	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	1	0.289	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	1	<0.001	<0.001
IL4RA	<0.001	<0.001	0.043	<0.001	0.011	<0.001	0.253	0.569	0.87	1	<0.001	0.009	1	0.528	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.135	<0.001	<0.001
SRC	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.182	1	<0.001	1	1	0.021	<0.001	1	0.244	1	1	1	1	<0.001	<0.001
IL1RA	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF10A	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.469	<0.001	<0.001	0.663	0.693	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.03	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
STK4	<0.001	0.198	<0.001	0.452	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.151	1	<0.001	0.326	<0.001	<0.001
IDUA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.011	1	<0.001	<0.001	1	1	0.012	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF11A	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	0.261	1	<0.001	0.017	0.004	0.035	<0.001	0.964	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.001	<0.001	1	1
PAR1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.072	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.092	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TRAILR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.073	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.083	0.036	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.482	0.145
PRSS27	<0.001	0.258	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.055	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.417	<0.001	1	<0.001	<0.001
TIE2	0.411	<0.001	1	0.002	0.019	<0.001	1	<0.001	1	0.014	0.157	0.029	1	0.508	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.056	0.183	<0.001	<0.001
TF	1	<0.001	0.14	1	0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.369	1	0.247	1	0.079	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	1	<0.001	<0.001
IL1RL2	1	<0.001	1	0.031	0.001	0.003	0.215	<0.001	1	0.298	1	0.638	1	0.039	0.337	<0.001	0.001	0.15	<0.001	1	<0.001	0.001
PDGFB	<0.001	0.887	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.199	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.048	0.005	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL27	<0.001	0.008	1	<0.001	0.002	<0.001	0.128	0.007	1	0.892	<0.001	0.451	1	0.025	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	0.417	0.002	<0.001	<0.001
IL17D	0.238	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	0.541	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.73	1
LOX1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.593	0.382	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.059	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GAL9	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.509	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GIF	1	0.026	1	1	1	1	1	0.014	1	1	1	1	1	1	0.213	0.001	<0.001	0.144	0.047	1	1	1
SCF	0.041	0.357	0.001	1	<0.001	0.001	1	<0.001	0.469	0.213	1	1	0.275	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.023	<0.001	0.093	<0.001	<0.001
IL18	<0.001	0.221	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.405	0.157	<0.001	0.126	0.995	<0.001	<0.001	<0.001
PLGR	0.17	<0.001	0.006	0.019	<0.001	<0.001	1	0.055	0.291	0.006	0.08	0.007	1	0.118	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.044	<0.001	<0.001
RAGE	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.006	1	0.115	0.042	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001
SOD2	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.808	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	0.934	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CTRC	0.742	0.464	0.168	0.012	1	1	0.279	0.002	1	1	1	0.225	0.446	1	0.094	1	1	1	<0.001	0.023	1	1
FGF23	0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	0.046	0.002	0.053	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.028	<0.001	<0.001
SPON2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.061	1	<0.001	<0.001	0.166	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
GH	0.156	1	0.077	1	<0.001	0.002	1	1	0.01	0.286	1	1	1	<0.001	0.011	<0.001	0.073	1	0.419	1	<0.001	<0.001
FS	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.012	0.001	0.149	1	1	0.279	<0.001	<0.001	0.356	0.058	1	0.001	<0.001	0.408	1	0.009	<0.001	<0.001
GLO1	<0.001	0.002	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.113	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.039	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD84	<0.001	0.075	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.134	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.404	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SERPINA12	1	<0.001	1	1	1	0.892	1	0.916	1	1	1	1	1	1	1	0.065	1	0.229	1	1	0.079	0.458
REN	<0.001	0.001	1	0.001	0.172	1	0.107	1	<0.001	1	1	0.647	1	0.236	0.183	1	0.003	0.125	1	0.002	1	1
DECR1	<0.001	0.162	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	1	0.103	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MERTK	0.577	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.027	0.189	0.054	1	0.03	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.303	1	<0.001	<0.001
KIM1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	0.071	1	<0.001	1	0.032	0.011	1	1	0.005	0.111	<0.001	0.026	0.563	<0.001	1	1
THBS2	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.042	<0.001	1	1	1	0.06	<0.001	1	1	0.041	0.007	0.007	<0.001	0.031	0.817	<0.001	<0.001	<0.001
TM	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.034	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.035	0.568	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.059	1	0.034
VSIG2	<0.001	<0.001	1	0.046	1	0.05	0.001	0.139	0.157	1	1	0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.017	0.038
AMBP	0.001	<0.001	0.045	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.883	0.72	0.118	0.015	1	1	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	0.566	0.053	<0.001	<0.001
PRELP	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.161	0.009	0.393	1	1	1	0.002	0.223	0.072	0.586	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.002
HO1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	<0.001	<0.001	0.008	0.553	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001
XCL1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	0.744	<0.001	<0.001	0.1	<0.001	<0.001	0.002	0.023	<0.001	0.382	0.076

IL16	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.301	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.034	0.303	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SORT1	<0.001	0.747	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.057	0.366	<0.001	<0.001	1	1	0.858	0.113	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CEACAM8	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.751	<0.001	<0.001	1	0.23	<0.001	<0.001	1	0.122	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PTX3	<0.001	1	0.207	<0.001	0.106	1	0.102	1	<0.001	0.155	0.187	1	0.061	0.036	0.559	<0.001	<0.001	0.018	1	0.704	1	1
PSGL1	<0.001	0.061	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.023	0.193	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.063	1	1	<0.001	<0.001	<0.001
CCL17	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.623	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.195	0.51	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP7	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.04	0.022	<0.001	0.838	1	1	0.006	0.815	0.263	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.002	0.011
IGGFC	0.885	1	1	0.638	1	1	1	1	1	1	0.966	1	0.3	1	0.772	0.002	<0.001	1	0.07	1	1	1
ITGB1BP2	<0.001	0.097	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.266	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	1	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001
DCN	0.129	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.006	<0.001	1	1	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.022	0.136	<0.001	<0.001
DKK1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.814	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.724	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LPL	0.041	0.044	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.199	<0.001	1	<0.001	<0.001
PRSS8	<0.001	<0.001	0.252	<0.001	0.094	1	<0.001	1	<0.001	0.568	<0.001	0.609	0.004	0.559	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.181	<0.001	1	1
AGRP	<0.001	<0.001	0.426	<0.001	1	0.161	1	<0.001	0.03	1	0.123	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.475	<0.001	0.034	0.131
HBEGF	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.562	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.697	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GDF2	1	<0.001	0.152	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.429	0.002	1	0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001
FABP2	1	0.064	1	1	0.005	0.001	1	0.005	1	0.935	1	1	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.017	1	0.135	0.002	0.005
THPO	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.043	<0.001	<0.001	0.803	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.259	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MARCO	<0.001	<0.001	0.069	<0.001	1	1	<0.001	0.015	0.011	0.1	<0.001	0.002	<0.001	0.354	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	1	1
GT	1	1	1	0.05	<0.001	<0.001	1	0.854	1	0.449	1	1	1	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.041	0.086	1	0.005	<0.001
MMP12	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.001	0.032	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1
ACE2	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.905	1	0.362	0.37	0.162	1	<0.001	0.032	1	1	1	1	1	0.951	<0.001	<0.001	1	1
PDL2	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.022	0.002	0.689	0.041	1	1	<0.001	0.148	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.046	0.001	0.002	0.002
CTSL1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.078	0.056	0.007	<0.001	1	<0.001	0.005	0.146	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.655	<0.001	0.003	0.015
HOSCAR	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.34	0.563	0.005	0.006	1	<0.001	0.419	0.537	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	0.001	0.081	0.093
TNFRSF13B	<0.001	0.001	0.29	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	0.349	0.003	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	1	1
TGM2	<0.001	0.052	0.005	0.001	<0.001	0.015	1	0.862	<0.001	0.006	0.091	0.588	0.045	<0.001	1	1	0.008	0.003	1	1	0.294	0.009
LEP	0.032	<0.001	0.238	<0.001	0.011	0.018	0.492	1	1	0.122	0.585	1	0.706	0.25	0.103	<0.001	<0.001	1	0.103	0.148	<0.001	<0.001
CA5A	<0.001	0.02	0.017	<0.001	0.116	1	1	1	0.656	0.298	0.001	0.004	0.136	0.263	0.321	1	<0.001	0.788	0.031	<0.001	1	1
HSP27	0.003	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.161	0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.259	1	0.155	1	0.173	<0.001
CD4	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.06	<0.001	<0.001	0.118	1	<0.001	<0.001	0.542	<0.001	<0.001	0.074	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
NEMO	<0.001	0.012	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.273	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.602	1	<0.001	0.002	<0.001	<0.001
VEGFD	0.51	<0.001	0.002	1	<0.001	<0.001	0.566	<0.001	1	0.005	1	0.041	0.066	0.007	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	1	1	<0.001	<0.001
PARP1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.031	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
HAOX1	<0.001	0.115	0.002	0.002	0.01	0.747	1	1	1	0.956	0.046	0.136	1	0.179	1	<0.001	0.497	1	<0.001	<0.001	1	0.476
TNFRSF14	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.017	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LDL_RC	<0.001	<0.001	0.416	<0.001	1	1	1	0.004	1	1	0.254	0.119	0.018	1	0.192	1	1	1	0.304	<0.001	1	1
ITGB2	<0.001	0.142	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.194	1	<0.001	<0.001	1	1	0.028	1	0.07	0.49	<0.001	<0.001
IL17RA	<0.001	1	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.048	1	0.057	<0.001	<0.001	<0.001
TNFR2	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.003	0.632	0.013	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.457	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.682	<0.001	1	0.898
MMP9	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.077	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.317	0.04	1	0.011	0.003	<0.001	<0.001
EPHB4	<0.001	<0.001	0.865	<0.001	0.341	0.017	1	1	0.571	1	1	0.026	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.132	0.017	1	0.01	0.005
IL2RA	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	0.022	1	<0.001	0.503	<0.001	0.131	0.005	1	0.015	<0.001	<0.001	1	1	0.03	1	1
ALCAM	0.001	<0.001	0.522	<0.001	0.01	0.006	1	<0.001	1	0.639	0.07	0.003	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.154	<0.001	<0.001
SELP	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.278	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.066	0.006	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CSTB	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

CD163	<0.001	<0.001	0.817	<0.001	1	1	0.012	0.071	0.099	1	<0.001	0.076	0.006	0.691	0.004	0.023	<0.001	0.791	1	<0.001	1	1
GRN	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.24	1	0.031	1	1	0.001	0.285	1	1	0.003	<0.001	<0.001	0.02	1	<0.001	0.138	0.142
NTPROBNP	0.807	0.004	0.04	<0.001	0.053	0.037	0.535	0.174	1	1	0.031	1	1	1	0.025	<0.001	<0.001	0.002	1	1	0.004	0.003
PLC	<0.001	<0.001	0.033	<0.001	0.013	<0.001	1	0.794	1	1	0.228	0.345	1	0.636	<0.001	<0.001	<0.001	0.121	0.216	0.14	<0.001	<0.001
LTBR	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	1	1	0.003	0.019	1	1	0.154	0.777	<0.001	<0.001	<0.001	0.862	0.419	0.109	1	1
NOTCH3	0.31	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	0.076	<0.001	1	0.004	0.004	1	1	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	0.096	0.001	0.452	<0.001	<0.001
TIMP4	0.421	0.006	0.498	0.033	0.969	0.33	<0.001	1	0.791	1	1	0.002	0.518	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.576	1	0.001	0.157	0.048
CNTN1	1	<0.001	0.003	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.003	<0.001	1	0.085	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001
CDH5	0.03	<0.001	1	0.004	0.313	0.26	1	<0.001	1	1	0.091	0.044	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.039	<0.001	1	0.02	0.056
TLT2	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.03	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.278	<0.001	<0.001
FABP4	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.323	0.04	1	1	1	1	0.394	0.144	0.014	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.644	0.03	0.001	<0.001	0.002
TFPI	0.004	1	<0.001	0.079	<0.001	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.042	0.005	<0.001	0.455	1	1	1	<0.001	<0.001	0.004	<0.001
PAI	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.118	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL24	0.161	1	0.488	0.743	0.375	0.837	0.005	0.176	0.012	1	1	1	0.079	0.051	1	1	1	1	1	1	0.65	1
TR	0.003	1	1	<0.001	1	1	1	0.002	<0.001	1	0.008	0.47	1	0.41	0.791	0.063	<0.001	0.445	0.02	0.057	1	1
TNFRSF10C	<0.001	0.647	1	0.013	1	1	1	1	<0.001	0.011	1	0.562	0.261	0.055	0.989	<0.001	<0.001	1	0.095	1	1	1
GDF15	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.004	0.463	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.023	0.063	<0.001	0.452	0.59
SELE	<0.001	1	0.221	0.001	0.212	1	0.116	0.248	0.129	1	0.121	1	0.1	0.61	0.009	0.76	0.274	1	1	<0.001	1	1
DLK1	0.004	<0.001	1	0.006	0.603	0.226	0.403	0.039	1	1	1	1	1	1	0.033	<0.001	<0.001	1	0.009	0.582	0.155	0.202
MPO	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	0.048	0.001	<0.001	<0.001
CXCL16	0.005	<0.001	0.013	0.001	0.015	<0.001	1	<0.001	1	0.097	1	<0.001	0.107	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.361	0.051	<0.001	<0.001
IL6RA	0.117	0.041	1	<0.001	1	0.434	1	<0.001	1	1	1	0.011	1	1	0.093	<0.001	<0.001	1	0.229	1	0.019	0.27
RETN	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.207	1	<0.001	<0.001	1	0.409	0.001	<0.001	0.095	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.017	0.001	<0.001
IGFBP1	1	0.164	0.331	1	<0.001	0.014	0.363	0.303	0.104	1	1	0.138	1	0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.104	1	1	0.045	0.011
CHIT1	<0.001	0.005	1	<0.001	1	1	0.027	0.503	0.055	1	<0.001	1	0.871	1	0.1	<0.001	<0.001	0.038	0.093	0.532	1	1
TRAP	<0.001	0.003	0.161	0.064	1	1	0.005	0.001	0.061	1	0.968	0.006	0.191	1	0.047	0.014	0.051	1	1	<0.001	1	1
GP6	<0.001	0.095	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.003	0.002	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PSPD	0.083	<0.001	1	<0.001	1	1	1	1	1	1	0.101	1	1	1	1	0.896	0.002	1	1	0.533	1	1
EPCAM	1	1	1	1	1	1	1	0.05	1	1	1	0.218	1	1	0.061	1	0.064	1	1	0.006	1	1
APN	0.207	0.001	1	0.078	1	0.418	1	<0.001	1	1	0.039	0.065	1	1	0.774	0.102	0.591	1	1	0.148	0.095	0.277
AXL	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.003	1	0.234	<0.001	0.306	1	0.373	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.253	1	<0.001	<0.001
IL1RT1	0.242	<0.001	1	0.003	0.015	0.001	0.829	<0.001	1	0.564	0.031	0.226	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.641	0.001	<0.001
MMP2	1	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.041	0.39	1	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	0.363	<0.001	<0.001
FAS	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.001	0.073	0.628	0.899	<0.001	<0.001	1	0.152	0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	1	0.376	<0.001	0.292	0.09
MB	0.031	0.071	1	0.001	1	1	1	1	1	1	1	0.107	1	1	0.005	<0.001	<0.001	0.567	1	1	1	1
TNFSF13B	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	0.864	0.077	0.306	1	<0.001	0.025	0.003	1	0.007	<0.001	<0.001	1	0.533	<0.001	1	1
PCSK9	<0.001	<0.001	0.074	<0.001	0.183	0.33	0.179	<0.001	0.015	0.075	0.081	0.006	<0.001	0.032	0.114	0.313	0.027	0.203	0.011	0.002	1	1
UPAR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.003	0.077	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001
OPN	<0.001	0.042	1	<0.001	1	0.232	0.156	0.038	0.001	1	0.194	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	0.2	0.043	0.008	0.152
PGLYRP1	<0.001	1	0.008	<0.001	0.004	0.14	1	1	<0.001	<0.001	1	0.51	0.004	<0.001	0.068	<0.001	<0.001	1	0.003	0.596	0.78	0.272
CPA1	0.094	1	1	1	1	0.754	0.184	0.431	1	1	1	0.003	1	1	0.021	0.633	0.845	1	1	0.018	0.916	0.559
JAMA	<0.001	0.449	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.094	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.037	0.002	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GAL4	<0.001	<0.001	0.021	<0.001	1	1	0.006	1	0.001	0.462	0.032	0.001	0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.182	1	<0.001	1	1
IL1RT2	0.218	0.017	1	0.299	1	1	1	<0.001	1	1	1	0.349	1	1	1	1	1	1	1	0.051	1	1
SHPS1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	1	0.924	0.064	0.027	0.942	1	1	0.13	0.012	<0.001	<0.001	1	0.482	0.125	1	1
CCL15	<0.001	<0.001	1	0.01	1	1	0.081	1	0.262	1	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.254	1	0.006	0.466	0.928

CASP3	<0.001	0.167	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001
CPB1	0.001	1	1	0.091	1	1	0.657	1	1	1	0.715	<0.001	1	1	0.001	0.044	<0.001	1	1	0.036	1	1
CHI3L1	<0.001	<0.001	0.93	<0.001	0.072	1	0.001	0.263	0.001	0.4	<0.001	0.016	<0.001	0.183	0.001	0.015	<0.001	0.076	0.002	<0.001	1	1
ST2	<0.001	0.356	0.017	<0.001	0.014	1	0.001	1	<0.001	0.083	0.057	0.315	0.023	0.01	0.092	1	1	0.454	1	<0.001	0.513	1
TPA	0.002	<0.001	0.1	0.431	0.006	0.172	<0.001	1	0.005	0.039	1	0.029	0.837	0.309	1	1	1	0.156	0.019	<0.001	0.585	0.112
SCGB3A2	1	0.338	0.901	1	1	1	0.008	<0.001	1	1	1	0.082	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	1	1	0.747	1
EGFR	0.129	0.027	<0.001	1	0.001	<0.001	1	<0.001	0.747	<0.001	1	0.018	1	0.103	0.2	0.34	1	0.037	0.001	1	<0.001	<0.001
IGFBP7	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.191	1	0.001	0.028	1	0.016	0.061	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.237	0.203
CD93	0.017	<0.001	0.59	0.053	0.708	0.145	1	<0.001	1	1	1	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	0.001	1	0.083	0.101
IL18BP	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.302	0.007	0.716	0.557	0.371	1	<0.001	0.046	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.719	0.741	0.003	0.008	0.003
COL1A1	1	0.082	0.424	0.247	0.206	0.29	1	<0.001	1	1	1	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.022	0.001	0.275	0.012	0.212
PON3	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.052	0.021	<0.001	0.071	<0.001	1	0.689	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CTSZ	<0.001	<0.001	0.088	<0.001	0.043	1	0.589	1	<0.001	0.006	0.08	0.034	0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	1
MMP3	0.112	1	1	1	0.088	1	0.009	1	<0.001	1	1	1	1	0.071	0.004	0.059	1	1	1	0.929	1	1
RARRES2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	1	<0.001	<0.001	0.072	1	<0.001	<0.001	0.058	0.001	<0.001	0.127	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ICAM2	<0.001	1	1	0.028	1	1	0.461	0.491	1	1	0.707	0.252	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.064	0.162	1	1
KLK6	1	0.379	0.944	1	0.191	0.294	1	<0.001	1	1	1	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.848	<0.001	1	0.116	0.32
PDGFA	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.544	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.027	0.011	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFR1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	0.822	1	<0.001	0.17	0.016	<0.001	0.007	0.079	<0.001	<0.001	<0.001	0.624	1	<0.001	1	1
IGFBP2	1	1	0.42	1	0.091	0.143	0.054	0.073	0.69	1	1	0.064	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.111	0.014	1	0.283	0.061
VWF	0.015	<0.001	1	<0.001	1	1	0.767	1	0.145	1	1	0.496	1	1	0.722	0.046	<0.001	1	1	<0.001	1	1
PECAM1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.327	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.241	0.022	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MEPE	0.772	0.494	1	0.789	1	1	1	<0.001	1	1	1	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.494	1
CCL16	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.611	1	0.953	1	<0.001	0.322	0.898	0.189	0.002	0.494	<0.001	<0.001	<0.001	0.583	1	<0.001	1	1
IL8	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.387	0.959	<0.001	0.031	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
VEGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.152	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD8A	<0.001	0.053	<0.001	<0.001	1	1	0.353	0.495	0.031	0.851	<0.001	0.012	1	1	0.001	<0.001	<0.001	0.236	0.144	<0.001	1	1
MCP3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CDCP1	<0.001	<0.001	0.313	<0.001	1	1	<0.001	0.009	<0.001	1	<0.001	0.229	0.026	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.453	<0.001	1	1
CD244	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.795	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.808	1	<0.001	0.055	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL7	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.521	1	<0.001	<0.001	0.412	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
OPG	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.579	<0.001	<0.001	0.04	1	<0.001	<0.001	0.005	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.064
LAP_TGFB1	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.036	1	<0.001	<0.001	1	0.59	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
UPA	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.597	0.157	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.02
IL6	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	0.002	0.074	<0.001	1	<0.001	1	0.004	1	0.314	0.001	<0.001	0.026	0.104	<0.001	0.838	1
MCP1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.039
CXCL11	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.324	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.939	1	0.036	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
AXIN1	<0.001	0.077	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	1	0.242	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.365	1	<0.001	<0.001	<0.001
TRAIL	<0.001	<0.001	0.415	<0.001	1	1	0.007	<0.001	0.006	0.892	<0.001	1	0.069	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.079	0.172	1
CXCL9	<0.001	<0.001	0.393	<0.001	1	1	<0.001	1	0.018	0.239	<0.001	0.003	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.264	<0.001	<0.001	1	1
CST5	0.018	<0.001	0.319	<0.001	0.385	0.065	<0.001	<0.001	1	1	0.023	0.004	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	0.022
OSM	<0.001	0.031	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.175	0.187	<0.001	<0.001	1	1	0.002	0.159	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CXCL1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.131	<0.001	<0.001	1	0.4	<0.001	<0.001	0.003	0.176	1	1	<0.001	0.002	<0.001	<0.001
CCL4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.023	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD6	<0.001	0.41	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.021	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001

MCP4	<0.001	0.24	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
CCL11	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001		
TNFSF14	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.633	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.033	1	0.979	0.027	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
MMP1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.085	1	<0.001	<0.001	1	1	0.536	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	
LIFR	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001		
FGF21	<0.001	<0.001	0.442	<0.001	1	1	0.27	1	0.277	1	1	<0.001	<0.001	1	0.002	0.206	<0.001	0.005	0.027	<0.001	1	1	
CCL19	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.031	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.737	<0.001	0.017	0.019	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.651	0.14	
IL15RA	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	1	1	<0.001	0.592	0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.028	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1		
IL10RB	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	0.049	<0.001	0.109	0.547	<0.001	<0.001	0.584	0.531	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	
IL18R1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.024	0.005	0.02	<0.001	<0.001	<0.001	0.341	<0.001	<0.001	0.578	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	1	0.071	
PDL1	<0.001	0.07	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
CXCL5	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.549	<0.001	<0.001	0.161	0.757	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
TRANCE	0.001	0.052	1	<0.001	1	1	1	0.366	0.566	1	0.05	1	0.775	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	
HGF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.034	<0.001	<0.001	<0.001	0.029	<0.001	<0.001	0.01	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
IL12B	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.213	0.112	0.914	0.029	1	1	<0.001	1	0.038	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.035	<0.001	0.001	0.002	0.012	
MMP10	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.081	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.134	<0.001	0.03	0.013
IL10	<0.001	<0.001	0.295	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.168	1	<0.001	<0.001	0.006	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.293	0.392	
TNF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.473	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.019	
CCL23	<0.001	0.068	<0.001	<0.001	0.001	0.175	1	0.002	<0.001	<0.001	0.007	0.172	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.09	1	0.57	
CD5	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.452	<0.001	<0.001	0.768	1	<0.001	<0.001	1	0.156	<0.001	0.057	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
CCL3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.051	<0.001	<0.001	0.029	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
FLT3L	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	0.008	<0.001	1	1	<0.001	0.098	0.003	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.049	0.48	
CXCL6	<0.001	0.697	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.146	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
CXCL10	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.345	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	
4EBP1	<0.001	0.583	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.323	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.09	0.051	1	0.298	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
SIRT2	<0.001	0.091	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.107	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.002	0.022	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
CCL28	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.031	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
DNER	0.53	<0.001	0.148	0.576	0.019	0.006	<0.001	<0.001	1	0.097	1	<0.001	1	0.323	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.02
ENRAGE	<0.001	0.126	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.67	<0.001	<0.001	1	0.091	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.124	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
CD40	<0.001	0.77	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.562	1	0.015	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
IFNG	<0.001	<0.001	0.225	<0.001	0.752	0.706	<0.001	0.152	0.81	0.432	<0.001	0.684	0.009	1	0.092	0.007	<0.001	0.288	0.743	0.007	1	1	
FGF19	0.003	0.005	0.695	0.109	0.899	0.096	0.002	<0.001	0.005	0.328	0.044	<0.001	0.903	1	<0.001	0.116	0.104	0.005	0.064	0.003	0.202	1	
MCP2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.751	<0.001	<0.001	<0.001	0.059	<0.001	<0.001	1	0.923	0.003	0.173	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
CASP8	<0.001	0.511	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	0.35	0.263	<0.001	<0.001	0.413	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
CCL25	0.001	<0.001	0.359	0.021	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	0.182	0.035	0.005	<0.001	0.273	0.025	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.001	
CX3CL1	<0.001	<0.001	0.904	<0.001	0.003	0.001	<0.001	<0.001	0.609	0.726	<0.001	0.006	0.061	0.447	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.004	
TNFRSF9	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	0.583	0.332	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.006	<0.001	0.077	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.247	1	
NT3	<0.001	<0.001	0.336	<0.001	0.018	0.08	<0.001	<0.001	0.007	0.001	0.017	<0.001	0.01	0.071	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	1	1	
TWEAK	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.048	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.4	<0.001	<0.001	
CCL20	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.189	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.114	<0.001	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	
ST1A1	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.191	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	0.344	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
STAMBP	<0.001	0.03	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.401	0.066	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.189	0.197	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	
ADA	<0.001	0.092	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.636	<0.001	<0.001	0.346	0.468	<0.001	<0.001	0.07	0.51							

Body mass ind	<0.001	0.001	0.043	<0.001	0.028	0.302	<0.001	<0.001	0.033	0.141	0.436	0.017	0.001	0.029	0.356	0.213	0.001	0.036	0.03	<0.001	0.798	0.418
Waist circumf	<0.001	0.19	0.001	<0.001	<0.001	0.027	0.061	<0.001	<0.001	0.02	0.551	0.144	0.008	<0.001	0.092	<0.001	0.178	0.011	<0.001	<0.001	0.008	0.017
Educational at	0.517	0.005	0.965	0.38	0.884	0.791	0.456	0.971	0.444	0.447	0.886	0.872	0.568	0.884	0.023	0.628	0.002	0.084	0.022	0.111	0.455	0.996
Alcohol consu	0.828	0.003	0.451	0.311	0.007	0.216	0.237	0.019	0.901	0.918	0.078	0.499	0.403	0.144	0.013	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.712	0.007	0.102
Systolic blood	0.005	0.171	0.002	0.021	0.002	0.027	0.206	0.326	0.003	0.025	0.898	0.027	0.02	0.012	0.515	0.551	0.554	0.435	0.041	0.012	0.069	0.019
Diastolic bloo	0.265	0.009	<0.001	0.807	0.002	0.007	0.505	0.331	0.142	0.027	0.199	0.156	0.152	0.019	0.484	0.46	0.125	0.239	0.18	0.144	0.025	0.004
Hemoglobin A	0.001	<0.001	0.283	0.083	0.355	0.762	0.253	0.057	0.001	0.521	0.811	0.148	0.064	0.157	0.1	0.892	0.048	0.129	0.008	<0.001	0.987	0.897
Duration of kn	0.02	0.008	0.732	0.144	0.032	0.75	0.588	0.26	<0.001	0.844	0.231	<0.001	0.087	0.001	0.213	0.421	0.249	0.064	0.024	0.026	0.345	0.489
High-density li	<0.001	0.223	<0.001	0.001	<0.001	0.006	0.416	<0.001	<0.001	<0.001	0.561	0.489	0.192	<0.001	0.987	0.008	<0.001	0.884	0.022	<0.001	<0.001	0.001
Low-density li	0.329	0.871	0.541	0.581	0.976	0.857	0.481	<0.001	0.993	0.34	0.325	0.033	0.219	0.735	0.37	0.325	0.003	0.309	0.02	0.752	0.783	0.879
Triglycerides	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	0.395	0.339	<0.001	0.02	0.099	0.003	<0.001	<0.001	0.211	0.071	0.444	0.517	0.247	<0.001	0.031	0.006
Albumin	0.845	0.069	0.007	0.025	0.023	0.025	0.108	0.003	0.037	0.211	0.004	0.676	0.796	0.144	0.205	<0.001	<0.001	0.654	0.022	0.057	0.007	0.008
Fibrinogen	<0.001	0.006	0.019	<0.001	0.001	0.004	0.132	0.249	<0.001	<0.001	0.013	0.975	0.001	0.009	0.378	0.628	<0.001	0.022	0.046	<0.001	0.153	0.01
C-reactive pro	<0.001	0.004	0.036	<0.001	0.002	0.066	0.012	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.084	<0.001	0.003	0.869	0.93	<0.001	0.523	0.001	<0.001	0.326	0.145
Serum amyloid	<0.001	0.012	0.521	<0.001	0.637	0.587	0.5	0.068	<0.001	0.439	<0.001	0.966	0.003	0.693	0.929	0.494	0.001	0.375	0.131	<0.001	0.156	0.27
Leucocyte cou	<0.001	0.652	0.001	0.909	<0.001	0.009	0.1	0.003	<0.001	0.004	0.646	0.783	0.02	0.002	0.015	<0.001	0.126	0.644	<0.001	0.003	0.001	0.002
Serum adipone	<0.001	0.929	0.001	0.786	<0.001	<0.001	<0.001	0.026	<0.001	<0.001	0.011	0.162	<0.001	<0.001	0.75	0.006	0.363	0.165	0.178	<0.001	<0.001	<0.001
Uric acid	<0.001	0.186	<0.001	0.001	<0.001	0.001	0.598	<0.001	<0.001	<0.001	0.221	0.87	0.001	<0.001	0.717	0.039	0.025	0.172	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
Creatinine	<0.001	0.305	0.011	0.964	<0.001	0.011	0.902	0.002	<0.001	<0.001	0.006	0.034	0.39	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.781	0.035	0.709	<0.001	0.003
Rényi4, baseli	0.009	0.289	0.121	0.002	0.043	0.216	0.012	0.045	0.006	0.035	0.204	0.126	0.012	0.017	0.166	0.133	0.26	0.364	0.995	0.091	0.211	0.251
TP, baseline	0.027	0.364	0.155	0.001	0.04	0.196	0.055	0.088	0.023	0.035	0.481	0.037	0.006	0.008	0.033	0.057	0.169	0.686	0.801	0.115	0.138	0.294
SDWS, baseli	0.019	0.263	0.734	<0.001	0.295	0.647	0.4	0.005	0.06	0.106	0.388	0.331	0.053	0.091	0.666	0.161	0.062	0.7	0.445	0.26	0.59	0.692
SDSA, baselin	0.171	0.664	0.143	0.421	0.238	0.59	0.108	0.539	0.038	0.225	0.652	0.412	0.625	0.085	0.566	0.212	0.849	0.286	0.768	0.145	0.379	0.617
CE, baseline	0.015	0.418	0.183	0.007	0.172	0.524	0.048	0.511	0.006	0.125	0.124	0.11	0.099	0.067	0.118	0.015	0.18	0.63	0.957	0.119	0.618	0.601

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

P	ADA	TNFB	CSF1	Age	Body mass index	Waist circumference	Educational attainment	Alcohol consumption	Systolic blood pressure	Diastolic blood pressure	Hemoglobin A1c
BMP6	0.6	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
ANGPT1	0.5	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
ADM	-0.1	0.2	0.5	0.3	0.3	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
CD40L	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
PGF	<0.1	0.2	0.5	0.3	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
ADAMTS13	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
BOC	-0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1
IL4RA	-0.1	0.2	0.5	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1
SRC	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
IL1RA	0.6	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
TNFRSF10A	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2
STK4	0.6	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
IDUA	0.4	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
TNFRSF11A	<0.1	0.2	0.5	0.2	0.2	0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2
PAR1	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
TRAILR2	0.2	0.1	0.4	0.3	0.2	0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2
PRSS27	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
TIE2	-0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
TF	-0.1	0.2	0.3	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL1RL2	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.3	<0.1	<0.1	0.1
PDGFB	0.6	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
IL27	-0.1	0.2	0.4	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
IL17D	<0.1	0.2	0.2	0.3	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
LOX1	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
GAL9	0.5	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
GIF	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
SCF	-0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.3	<0.1	<0.1	-0.1
IL18	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
PLGR	-0.1	0.1	0.3	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
RAGE	-0.2	0.2	0.3	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1
SOD2	0.4	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
CTRC	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
FGF23	-0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1
SPON2	-0.2	0.3	0.6	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.1
GH	-0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.3	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	<0.1
FS	-0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
GLO1	0.7	-0.2	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
CD84	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
SERPINA12	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1
REN	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2
DECR1	0.7	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1

MERTK	-0.1	0.2	0.4	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
KIM1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2
THBS2	-0.1	0.3	0.4	0.1	0.3	0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
TM	0.2	0.2	0.4	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
VSIG2	-0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1
AMBP	-0.1	0.2	0.4	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
PRELP	-0.1	0.2	0.4	0.3	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1
HO1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1
XCL1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
IL16	0.8	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
SORT1	0.6	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CEACAM8	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
PTX3	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
PSGL1	0.3	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
CCL17	0.6	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MMP7	-0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
IGGFC	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
ITGB1BP2	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
DCN	-0.1	0.2	0.4	0.3	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1
DKK1	0.6	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
LPL	-0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	-0.3	-0.1	-0.3	-0.2	-0.1	<0.1
PRSS8	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1
AGRP	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
HBEGF	0.6	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
GDF2	-0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
FABP2	-0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
THPO	0.4	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MARCO	0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
GT	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
MMP12	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2
ACE2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1
PDL2	-0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
CTSL1	<0.1	0.2	0.4	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
HOSCAR	<0.1	0.2	0.5	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
TNFRSF13B	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
TGM2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
LEP	-0.1	0.3	0.4	0.1	0.6	0.2	-0.2	-0.3	<0.1	<0.1	0.2
CA5A	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
HSP27	-0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CD4	0.5	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
NEMO	0.7	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
VEGFD	-0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.2	-0.2	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
PARP1	0.8	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
HAOX1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
TNFRSF14	0.6	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
LDL_RC	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1

ITGB2	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
IL17RA	0.3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TNFR2	0.2	0.2	0.5	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
MMP9	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
EPHB4	<0.1	0.2	0.4	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL2RA	0.1	0.2	0.4	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
ALCAM	-0.1	0.3	0.4	0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.3	<0.1	<0.1	0.1
SELP	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
CSTB	0.7	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CD163	0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	0.3	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
GRN	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
NTPROBNP	-0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1
PLC	<0.1	0.2	0.4	0.3	0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
LTBR	0.1	0.1	0.4	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
NOTCH3	-0.1	0.3	0.4	0.3	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TIMP4	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
CNTN1	-0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1
CDH5	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TLT2	0.4	0.2	0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1
FABP4	<0.1	0.3	0.5	0.2	0.4	0.1	-0.2	-0.3	<0.1	<0.1	0.2
TFPI	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PAI	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
CCL24	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
TR	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1
TNFRSF10C	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1
GDF15	<0.1	0.1	0.4	0.4	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2
SELE	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
DLK1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
MPO	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CXCL16	-0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1
IL6RA	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
RETN	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IGFBP1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.4	-0.4	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CHIT1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TRAP	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
GP6	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
PSPD	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
EPCAM	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
APN	<0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
AXL	-0.1	0.3	0.4	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
IL1RT1	-0.1	0.2	0.3	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
MMP2	-0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
FAS	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
MB	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
TNFSF13B	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1
PCSK9	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1

UPAR	0.3	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
OPN	<0.1	0.1	0.4	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PGLYRP1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CPA1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
JAMA	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
GAL4	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2
IL1RT2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
SHPS1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
CCL15	<0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
CASP3	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
CPB1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
CHI3L1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1
ST2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
TPA	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
SCGB3A2	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.3	-0.2	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2	<0.1
EGFR	-0.1	0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
IGFBP7	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
CD93	<0.1	0.2	0.4	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
IL18BP	<0.1	0.3	0.5	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
COL1A1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
PON3	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.4	-0.4	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2
CTSZ	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
MMP3	0.1	-0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1
RARRES2	0.3	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2
ICAM2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
KLK6	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
PDGFA	0.6	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
TNFR1	0.1	0.2	0.5	0.3	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
IGFBP2	-0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.3	-0.3	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1
VWF	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
PECAM1	0.6	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
MEPE	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
CCL16	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
IL8	0.5	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
VEGFA	0.4	0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
CD8A	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
MCP3	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2
CDCP1	0.1	0.2	0.4	0.3	0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2
CD244	0.7	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
IL7	0.6	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
OPG	<0.1	0.3	0.5	0.3	0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1
LAP_TGFB1	0.7	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
UPA	<0.1	0.4	0.5	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1
IL6	<0.1	0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
MCP1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
CXCL11	0.6	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1

AXIN1	0.7	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
TRAIL	<0.1	0.2	0.4	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.3	<0.1	<0.1	<0.1
CXCL9	<0.1	0.3	0.4	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1
CST5	<0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
OSM	0.4	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CXCL1	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
CCL4	0.5	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CD6	0.6	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
TGFA	0.3	0.2	0.4	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
MCP4	0.6	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CCL11	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
TNFSF14	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
MMP1	0.4	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
LIFR	-0.1	0.4	0.5	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
FGF21	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
CCL19	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
IL15RA	0.1	0.3	0.5	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
IL10RB	<0.1	0.3	0.6	0.2	0.2	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
IL18R1	0.2	0.2	0.4	0.1	0.3	0.2	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.2
PDL1	0.6	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CXCL5	0.6	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TRANCE	<0.1	0.3	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
HGF	0.5	0.2	0.4	0.2	0.3	0.3	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2
IL12B	<0.1	0.5	0.5	0.2	0.2	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1
MMP10	<0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
IL10	<0.1	0.3	0.4	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
TNF	0.2	0.4	0.5	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
CCL23	0.1	0.1	0.4	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CD5	0.7	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
CCL3	0.4	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
FLT3L	0.1	0.3	0.4	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1
CXCL6	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
CXCL10	0.2	0.3	0.4	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
4EBP1	0.8	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
SIRT2	0.8	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
CCL28	0.3	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
DNER	<0.1	0.2	0.2	-0.1	-0.2	-0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
ENRAGE	0.5	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
CD40	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
IFNG	<0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
FGF19	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
MCP2	0.5	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
CASP8	0.8	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
CCL25	-0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
CX3CL1	<0.1	0.3	0.5	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1
TNFRSF9	0.1	0.4	0.6	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1

NT3	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TWEAK	0.3	0.2	0.2	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	-0.1
CCL20	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
ST1A1	0.7	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
STAMBP	0.8	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
ADA	1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
TNFB	<0.1	1	0.4	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1
CSF1	<0.1	0.4	1	0.2	0.2	0.1	-0.1	-0.3	<0.1	<0.1	0.1
Age	<0.1	<0.1	0.2	1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1
Body mass index	0.1	0.2	0.2	0.1	1	0.8	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1
Waist circumference	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.8	1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1
Educational attainment	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	1	0.2	<0.1	0.1	-0.1
Alcohol consumption	0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1	0.2	0.2	1	0.1	0.1	-0.1
Systolic blood pressure	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	1	0.7	0.1
Diastolic blood pressure	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.7	1	<0.1
Hemoglobin A1c	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	1
Duration of known diabetes	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.4
High-density lipoprotein	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.3	-0.4	<0.1	0.1	-0.2	-0.1	-0.1
Low-density lipoprotein	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1
Triglycerides	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2
Albumin	<0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
Fibrinogen	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2
C-reactive protein	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.3	0.3	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
Serum amyloid A	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
Leucocyte count	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2
Serum adiponectin	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2
Uric acid	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.5	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1
Creatinine	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1
Rényi4, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1
TP, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1
SDWS, baseline	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1
SDSA, baseline	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
CE, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.1	<0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

P	ADA	TNFB	CSF1	Age	Body mass index	Waist circumference	Educational attainment	Alcohol consumption	Systolic blood pressure	Diastolic blood pressure	Hemoglobin A1c
BMP6	<0.001	1	1	1	0.201	0.001	1	1	0.002	0.037	0.112
ANGPT1	<0.001	0.41	1	1	1	1	0.689	1	0.082	0.192	1
ADM	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.192	0.004	1	1	0.005
CD40L	<0.001	0.024	0.002	1	1	0.09	1	0.408	0.272	0.447	1

PGF	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	0.023
ADAMTS13	1	<0.001	0.299	1	0.059	1	1	0.007	1	0.473
BOC	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.793	1	0.019	1	0.245
IL4RA	0.04	<0.001	<0.001	<0.001	0.766	1	1	1	1	0.118
SRC	<0.001	1	1	1	1	1	1	1	1	1
IL1RA	<0.001	0.919	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.053	1	0.003	0.065
TNFRSF10A	<0.001	0.329	<0.001	0	<0.001	<0.001	0.038	1	0.066	1
STK4	<0.001	0.012	<0.001	1	1	0.796	1	1	1	0.754
IDUA	<0.001	0.334	1	0.5	<0.001	<0.001	0.103	1	0.041	0.1
TNFRSF11A	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.684	1
PAR1	<0.001	0.318	1	1	1	0.862	1	1	0.314	0.643
TRAILR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.31	0.803	0.77	1
PRSS27	<0.001	1	<0.001	1	0.005	0.013	1	1	0.048	1
TIE2	0.299	<0.001	<0.001	1	0.072	0.7	0.893	0.172	0.759	1
TF	0.144	<0.001	<0.001	<0.001	0.805	<0.001	0.293	<0.001	1	1
IL1RL2	0.004	<0.001	<0.001	0.1	<0.001	1	0.009	<0.001	1	1
PDGFB	<0.001	0.031	0.068	1	1	0.912	1	1	0.017	0.023
IL27	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.248	<0.001	0.149	1
IL17D	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.289	0.001	0.801	0.137	1	1
LOX1	<0.001	1	<0.001	0.2	1	0.102	0.001	0.095	0.103	1
GAL9	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.238	0.994	0.046	1
GIF	1	0.037	0.022	1	1	1	1	1	1	1
SCF	0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	<0.001	1	1
IL18	<0.001	0.557	<0.001	0.1	0.023	<0.001	1	1	<0.001	0.009
PLGR	0.006	0.006	<0.001	<0.001	1	1	1	0.074	1	1
RAGE	<0.001	<0.001	<0.001	0.2	0.001	<0.001	1	<0.001	0.062	0.003
SOD2	<0.001	1	1	1	1	1	1	1	0.825	0.2
CTRC	1	0.043	1	1	1	0.644	1	0.316	0.659	1
FGF23	<0.001	<0.001	<0.001	0.1	0.009	1	1	<0.001	1	1
SPON2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	0.599
GH	<0.001	0.477	<0.001	0	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
FS	0.156	0.155	<0.001	0	0.158	1	0.243	1	1	1
GLO1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.018	1	0.024	0.014	0.021
CD84	<0.001	1	1	1	1	1	1	1	0.209	0.48
SERPINA12	0.757	0.001	<0.001	0.2	0.011	1	1	<0.001	1	1
REN	0.28	1	0.002	<0.001	0.024	<0.001	0.368	1	1	<0.001
DECR1	<0.001	0.006	<0.001	1	1	0.055	1	1	0.325	0.127
MERTK	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.963	<0.001	0.181	1
KIM1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.168	1	<0.001	0.006
THBS2	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.081	0.033	0.298	1
TM	<0.001	<0.001	<0.001	0	0.487	1	1	0.021	0.007	1
VSIG2	1	0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	0.023	1	0.309
AMBP	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.137	1	0.019	0.799	1
PRELP	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.452	0.002	<0.001	0.785	1
HO1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	0.485	<0.001	<0.001	<0.001
XCL1	0.001	<0.001	<0.001	0	<0.001	<0.001	1	1	1	1

IL16	<0.001	0.218	0.003	1	1	<0.001	1	0.142	0.21	0.045	1
SORT1	<0.001	1	0.359	1	0.088	0.019	1	1	0.001	0.254	0.268
CEACAM8	<0.001	1	<0.001	0.2	0.036	<0.001	1	1	0.03	1	0.003
PTX3	0.71	0.011	<0.001	0	1	1	1	0.005	0.53	1	0.204
PSGL1	<0.001	1	0.6	0	0.001	<0.001	1	0.061	0.165	0.072	<0.001
CCL17	<0.001	0.081	0.261	1	1	0.349	1	1	1	1	1
MMP7	0.236	0.001	<0.001	<0.0	0.502	0.856	1	0.032	1	1	0.018
IGGFC	1	1	0.024	1	1	1	1	1	1	1	0.734
ITGB1BP2	<0.001	0.019	0.001	1	1	0.901	1	1	1	0.463	1
DCN	0.032	<0.001	<0.001	<0.0	0.001	0.901	0.973	0.018	1	0.581	0.77
DKK1	<0.001	0.658	1	1	1	1	1	1	0.026	0.193	0.444
LPL	<0.001	<0.001	<0.001	0.6	0.944	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.001	1
PRSS8	0.216	1	<0.001	0	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
AGRP	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1	0.283	0.875	1
HBEGF	<0.001	1	1	1	0.142	0.22	1	1	0.009	0.018	1
GDF2	0.002	<0.001	<0.001	0.5	0.285	<0.001	0.025	<0.001	1	1	0.749
FABP2	0.022	1	<0.001	1	1	0.657	1	0.098	0.215	1	1
THPO	<0.001	1	0.031	1	0.086	<0.001	0.337	0.031	1	1	1
MARCO	0.11	<0.001	<0.001	0.2	<0.001	0.004	0.185	0.276	1	1	<0.001
GT	0.016	0.003	0.009	1	1	0.09	1	0.169	1	1	0.942
MMP12	1	0.001	<0.001	<0.0	0.18	<0.001	0.087	0.967	0.191	1	<0.001
ACE2	0.986	0.01	0.17	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.003	0.296
PDL2	0.811	<0.001	<0.001	<0.0	1	1	1	0.019	1	1	0.155
CTSL1	1	<0.001	<0.001	<0.0	0.082	0.001	0.903	0.001	0.18	1	0.213
HOSCAR	1	<0.001	<0.001	0	0.243	1	0.018	0.001	1	1	1
TNFRSF13B	1	<0.001	<0.001	0	0.001	0.004	1	0.142	1	1	0.153
TGM2	<0.001	1	0.001	0.6	<0.001	<0.001	1	1	0.009	0.083	0.135
LEP	0.072	<0.001	<0.001	0.3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001
CA5A	0.117	0.011	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.012	0.048
HSP27	<0.001	0.126	0.634	1	0.94	1	1	1	1	1	1
CD4	<0.001	0.67	0.003	1	<0.001	<0.001	1	1	0.042	0.268	0.001
NEMO	<0.001	0.001	<0.001	1	1	0.031	1	0.418	0.434	0.108	1
VEGFD	0.004	0.002	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.029	0.66	0.004	1
PARP1	<0.001	0.013	<0.001	1	1	<0.001	1	0.03	0.663	0.173	1
HAOX1	0.047	0.151	1	<0.0	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.12	0.017	0.858
TNFRSF14	<0.001	1	<0.001	0	0.276	0.002	1	1	0.343	1	0.704
LDL_RC	1	0.003	0.133	0.2	<0.001	<0.001	1	1	0.629	0.048	0.062
ITGB2	<0.001	0.005	0.005	1	<0.001	0.003	1	1	1	1	0.018
IL17RA	<0.001	1	0.734	1	1	1	1	1	1	1	1
TNFR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.0	<0.001	<0.001	1	0.053	1	1	0.064
MMP9	<0.001	1	0.017	1	0.882	0.028	0.062	1	0.32	1	0.044
EPHB4	1	<0.001	<0.001	<0.0	1	1	1	0.33	1	1	1
IL2RA	0.891	<0.001	<0.001	0	0.747	0.166	1	0.887	1	1	0.024
ALCAM	1	<0.001	<0.001	0	0.248	0.022	<0.001	<0.001	1	1	0.233
SELP	<0.001	0.011	0.031	1	1	0.021	1	0.562	0.781	0.355	1
CSTB	<0.001	1	0.018	0	0.004	<0.001	1	1	0.308	1	0.177

CD163	0.074	<0.001	<0.001	0	<0.001	<0.001	0.002	1	0.001	0.187	0.005
GRN	1	<0.001	<0.001	1	0.038	1	0.868	0.001	1	1	1
NTPROBNP	1	0.002	<0.001	<0.001	1	1	1	0.005	0.085	1	1
PLC	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	1	0.231	1	1	1
LTBR	0.694	0.003	<0.001	<0.001	1	1	1	0.123	1	1	1
NOTCH3	0.411	<0.001	<0.001	<0.001	0.868	1	0.347	0.004	1	1	1
TIMP4	1	0.923	<0.001	<0.001	0.034	1	0.001	0.359	1	1	0.51
CNTN1	0.003	<0.001	<0.001	0.7	1	<0.001	0.083	<0.001	1	1	1
CDH5	1	<0.001	<0.001	0.6	0.072	1	0.12	0.004	1	1	1
TLT2	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.079	1	0.03	<0.001	1	1	1
FABP4	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001
TFPI	<0.001	1	1	1	0.007	0.04	1	1	1	1	1
PAI	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	1	0.791	0.001	0.002	0.194
CCL24	0.131	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
TR	1	0.135	<0.001	0.2	0.118	1	0.607	<0.001	0.357	0.359	0.204
TNFRSF10C	0.802	0.005	<0.001	0.4	1	1	0.274	<0.001	0.136	1	0.901
GDF15	1	0.42	<0.001	<0.001	0.333	<0.001	0.07	0.218	0.213	1	<0.001
SELE	0.064	1	0.004	1	<0.001	<0.001	1	0.086	<0.001	<0.001	0.358
DLK1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.335	1	0.001	1	1	0.117
MPO	<0.001	1	1	1	0.101	<0.001	1	1	0.446	0.486	1
CXCL16	1	0.021	<0.001	0.3	1	0.681	0.064	0.007	0.338	0.166	0.186
IL6RA	1	<0.001	<0.001	1	0.92	1	1	0.288	1	1	1
RETN	<0.001	0.065	<0.001	0.1	0.1	0.068	1	<0.001	1	1	1
IGFBP1	0.009	1	0.001	0	<0.001	<0.001	1	0.005	0.001	<0.001	0.255
CHIT1	1	0.036	<0.001	<0.001	1	1	0.055	0.96	1	1	1
TRAP	0.26	1	0.016	0.1	1	0.012	1	0.06	0.183	0.059	1
GP6	<0.001	0.012	0.006	1	1	0.232	1	0.667	0.577	0.347	1
PSPD	1	0.001	0.015	1	1	1	1	1	1	1	0.455
EPCAM	1	1	1	0	1	0.177	0.298	0.165	1	1	1
APN	1	<0.001	0.001	0.3	1	1	1	1	1	0.819	1
AXL	0.771	<0.001	<0.001	0	0.007	1	1	0.01	1	1	0.647
IL1RT1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.595	1	1	0.09	0.422	1	0.484
MMP2	0.131	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	0.738	1	0.146	1
FAS	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	0.002	0.786	1	0.063
MB	0.281	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	0.181	1	0.038	1	1
TNFSF13B	1	<0.001	<0.001	0.1	1	1	0.005	0.001	1	0.418	0.051
PCSK9	0.029	0.02	<0.001	1	0.816	1	0.003	1	1	1	0.25
UPAR	<0.001	0.742	<0.001	<0.001	0.084	0.002	0.489	0.047	1	1	0.002
OPN	1	0.09	<0.001	<0.001	1	1	1	0.011	1	1	1
PGLYRP1	0.01	0.058	<0.001	0	0.006	0.025	1	<0.001	1	1	1
CPA1	1	1	0.331	1	1	1	0.008	0.01	0.745	0.345	1
JAMA	<0.001	0.01	0.004	1	1	0.073	1	1	1	1	1
GAL4	0.759	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	0.296	0.021	0.25	1	<0.001
IL1RT2	1	0.035	1	1	0.051	0.031	1	0.064	0.068	0.215	0.282
SHPS1	0.034	<0.001	<0.001	0	1	1	1	0.144	1	1	1
CCL15	1	0.111	<0.001	<0.001	1	1	1	0.001	1	1	0.004

CASP3	<0.001	0.008	<0.001	1	1	0.135	1	1	1	0.475	1
CPB1	1	0.042	<0.001	1	1	1	0.148	0.21	0.036	0.032	1
CHI3L1	0.09	1	<0.001	<0.001	0.017	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.008
ST2	0.009	1	0.934	0	1	<0.001	0.34	<0.001	0.001	0.192	0.753
TPA	0.045	1	1	0	<0.001	<0.001	1	0.2	0.556	1	0.221
SCGB3A2	0.617	1	0.005	1	<0.001	<0.001	1	0.63	<0.001	<0.001	1
EGFR	0.621	<0.001	0.015	<0.001	1	0.003	1	0.326	1	1	1
IGFBP7	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.062	0.014	1	0.584	0.013	1	0.25
CD93	1	<0.001	<0.001	0	1	0.263	1	0.001	1	0.418	1
IL18BP	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.615	1	0.022	1	1	1
COL1A1	1	<0.001	<0.001	0.6	1	<0.001	0.451	0.004	1	1	0.586
PON3	<0.001	1	1	0.4	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.632	<0.001
CTSZ	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.073	0.073	0.466	<0.001
MMP3	0.075	<0.001	0.425	0	0.04	<0.001	0.001	<0.001	0.287	1	1
RARRES2	<0.001	<0.001	<0.001	0	<0.001	<0.001	0.006	0.003	1	1	<0.001
ICAM2	1	<0.001	<0.001	0	1	1	1	1	0.95	1	1
KLK6	1	0.01	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	1	0.905	1	1
PDGFA	<0.001	0.238	0.736	1	1	1	1	1	0.063	0.074	1
TNFR1	0.28	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.009	0.141	1	0.007
IGFBP2	0.115	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.009	0.016	<0.001	0.178
VWF	1	1	<0.001	<0.001	0.033	0.026	0.869	0.745	1	1	0.022
PECAM1	<0.001	0.045	0.007	1	1	0.047	1	1	1	0.934	1
MEPE	1	0.019	<0.001	1	1	1	0.317	1	1	1	0.227
CCL16	0.289	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.273	0.121	1	0.177
IL8	<0.001	0.888	<0.001	<0.001	0.17	<0.001	1	1	0.001	0.502	<0.001
VEGFA	<0.001	<0.001	<0.001	0	<0.001	<0.001	1	0.159	0.319	1	<0.001
CD8A	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.221	0.011	0.126	0.638
MCP3	<0.001	0.061	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.041	0.779	0.029	1	<0.001
CDCP1	0.418	<0.001	<0.001	<0.001	0.206	<0.001	<0.001	1	0.025	1	<0.001
CD244	<0.001	0.567	0.78	1	0.002	0.001	1	1	0.444	0.341	1
IL7	<0.001	1	1	1	1	0.995	1	1	0.202	0.046	1
OPG	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	0.001	<0.001	0.002	1	<0.001
LAP_TGFB1	<0.001	1	0.002	1	0.029	0.011	1	1	0.007	0.074	0.073
UPA	1	<0.001	<0.001	0	1	0.377	0.002	<0.001	1	1	1
IL6	1	0.574	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.539	1	<0.001
MCP1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.45	1	0.226	1	1	1	0.493
CXCL11	<0.001	1	1	1	0.597	0.082	0.877	1	0.272	0.402	0.273
AXIN1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.197	1	0.717	0.455	0.092	1
TRAIL	1	<0.001	<0.001	1	1	0.482	1	<0.001	1	1	1
CXCL9	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	0.757	0.952	1	1
CST5	1	0.002	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1	1	0.49
OSM	<0.001	1	<0.001	1	0.013	<0.001	0.368	1	0.002	0.193	0.007
CXCL1	<0.001	1	0.07	1	1	0.387	1	1	1	0.086	1
CCL4	<0.001	0.002	<0.001	0	0.008	0.001	1	1	<0.001	0.163	0.851
CD6	<0.001	0.379	1	0.9	0.686	0.129	1	1	1	1	0.579
TGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.012	1	0.018	0.118	1	<0.001

MCP4	<0.001	1	1	1	1	0.99	1	1	0.58	1	0.09
CCL11	<0.001	1	<0.001	0	1	0.55	0.786	1	0.028	1	0.024
TNFSF14	<0.001	1	1	1	0.047	0.001	1	1	0.361	0.435	0.644
MMP1	<0.001	0.765	1	1	1	1	1	1	0.866	0.843	1
LIFR	<0.001	<0.001	<0.001	0	<0.001	0.821	1	0.003	0.067	1	<0.001
FGF21	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.188	0.034	0.278	0.079
CCL19	0.048	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.005	0.201	1	1	1	0.019
IL15RA	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.268	1	<0.001	1	1	0.312
IL10RB	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.226	0.083	<0.001	1	1	0.015
IL18R1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.759	<0.001	0.001	0.064	<0.001
PDL1	<0.001	1	<0.001	0.2	0.378	<0.001	1	1	0.008	0.312	0.224
CXCL5	<0.001	1	0.786	1	1	1	1	1	1	1	1
TRANCE	1	<0.001	<0.001	0	<0.001	0.22	1	1	1	0.241	1
HGF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	0.016	<0.001	0.299	<0.001
IL12B	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.799	1	0.615
MMP10	1	0.005	<0.001	0.1	1	1	1	1	1	0.912	1
IL10	1	<0.001	<0.001	0.1	1	1	1	1	0.321	1	1
TNF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.035	0.231	0.001	1	1	0.003
CCL23	0.003	0.008	<0.001	0	1	1	1	0.42	1	1	1
CD5	<0.001	0.361	1	1	0.286	0.001	1	1	1	1	0.016
CCL3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.087	1	0.023
FLT3L	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	1	0.095	0.058	1	0.157	0.004
CXCL6	<0.001	1	1	1	0.673	0.025	1	1	0.03	0.001	1
CXCL10	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	1	1	0.344	1	1
4EBP1	<0.001	0.03	0.442	1	0.446	<0.001	1	0.13	0.035	0.034	1
SIRT2	<0.001	0.06	0.018	1	1	0.439	1	1	0.441	0.131	1
CCL28	<0.001	1	0.001	<0.001	0.007	0.927	1	1	1	1	1
DNER	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.324	1	1	0.868
ENRAGE	<0.001	1	0.001	0.1	0.524	<0.001	1	1	0.055	1	0.014
CD40	<0.001	0.797	1	1	1	0.329	1	1	0.414	0.432	1
IFNG	1	<0.001	<0.001	0.4	1	1	1	1	1	1	1
FGF19	1	0.901	0.003	1	0.291	1	1	1	0.432	1	1
MCP2	<0.001	1	0.025	1	0.023	0.145	1	1	0.336	1	0.972
CASP8	<0.001	1	1	1	0.475	0.001	1	1	0.211	0.314	1
CCL25	1	0.011	<0.001	0	1	1	0.384	0.219	1	1	1
CX3CL1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.004	1	<0.001	1	1	1
TNFRSF9	0.9	<0.001	<0.001	<0.001	0.022	1	0.031	<0.001	1	1	0.75
NT3	1	0.004	<0.001	1	0.574	0.186	1	0.043	1	1	1
TWEAK	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.485	<0.001	0.361	<0.001	0.648	1	0.135
CCL20	<0.001	1	<0.001	0.1	0.008	<0.001	1	1	0.214	1	0.001
ST1A1	<0.001	0.002	<0.001	1	1	0.144	1	0.12	1	0.406	1
STAMBP	<0.001	0.005	<0.001	1	1	0.282	1	1	0.312	0.075	1
ADA	<0.001	1	1	1	0.126	<0.001	1	0.073	0.016	0.067	1
TNFB	0.289	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.032	<0.001	1	1	1
CSF1	0.421	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.521	0.006	<0.001	1	1	0.029
Age	0.762	0.962	<0.001	<0.001	0.127	0.415	0.028	0.143	<0.001	0.113	0.16

Body mass index	0.007	<0.001	<0.001	0	<0.001	<0.001	<0.001	0.164	<0.001	0.002	<0.001
Waist circumference	<0.001	0.838	0.033	0	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.003
Educational attainment	0.489	0.002	<0.001	0	<0.001	0.631	<0.001	<0.001	1	0.475	0.013
Alcohol consumption	0.004	<0.001	<0.001	0	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.076	0.006
Systolic blood pressure	0.001	0.75	0.496	<0.001	<0.001	<0.001	0.817	0.101	<0.001	<0.001	0.032
Diastolic blood pressure	0.004	0.443	0.389	0	<0.001	<0.001	0.029	0.004	<0.001	<0.001	1
Hemoglobin A1c	0.339	0.701	0.001	0	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.002	0.287	<0.001
Duration of known diabetes	0.08	0.525	<0.001	0.4	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	0.008	<0.001
High-density lipoprotein cholesterol	<0.001	0.074	0.054	0.4	<0.001	<0.001	0.702	0.108	<0.001	<0.001	<0.001
Low-density lipoprotein cholesterol	0.439	0.007	0.074	0.7	0.408	0.732	0.568	0.102	0.179	0.094	0.219
Triglycerides	<0.001	0.03	0.373	0.5	<0.001	<0.001	0.814	0.937	<0.001	<0.001	<0.001
Albumin	0.346	0.88	<0.001	<0.001	0.081	0.222	0.058	0.135	0.004	0.001	0.245
Fibrinogen	0.142	0.221	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.098	0.73	<0.001
C-reactive protein	0.005	0.481	<0.001	0	<0.001	<0.001	0.068	0.174	0.003	0.206	<0.001
Serum amyloid A	0.611	0.797	<0.001	0	<0.001	<0.001	0.054	<0.001	0.114	0.864	0.034
Leucocyte count	<0.001	0.08	0.004	0	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
Serum adiponectin	<0.001	<0.001	0.001	0.7	0.006	<0.001	0.985	0.011	0.027	0.473	<0.001
Uric acid	<0.001	0.01	0.705	0.5	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	0.078
Creatinine	<0.001	<0.001	0.157	0.1	0.585	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01
Rényi4, baseline	0.071	0.424	0.003	<0.001	0.002	0.04	0.028	0.026	<0.001	0.012	0.183
TP, baseline	0.019	0.223	0.002	<0.001	<0.001	0.036	0.033	0.042	0.003	0.038	0.103
SDWS, baseline	0.168	0.098	0.011	<0.001	0.001	0.16	0.046	0.004	0.003	0.377	0.111
SDSA, baseline	0.066	0.369	0.5	0.5	0.143	0.136	0.575	0.396	<0.001	<0.001	0.814
CE, baseline	0.089	0.992	0.008	<0.001	0.02	0.004	0.593	0.393	<0.001	<0.001	0.125

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	Duration of known T2D	High-density lipoprotein cholesterol	Low-density lipoprotein cholesterol	Triglycerides	Albumin	Fibrinogen	C-reactive protein	Serum amyloid A	Leucocyte count
BMP6	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
ANGPT1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
ADM	0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.2	0.1	0.3	0.2	0.1
CD40L	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
PGF	0.1	-0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
ADAMTS13	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
BOC	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1
IL4RA	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
SRC	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
IL1RA	0.2	-0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.2	-0.2
TNFRSF10A	0.1	-0.2	-0.1	0.3	-0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1
STK4	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1
IDUA	0.1	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
TNFRSF11A	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1
PAR1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
TRAILR2	0.1	-0.2	-0.1	0.2	-0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1
PRSS27	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TIE2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TF	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2
IL1RL2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1
PDGFB	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
IL27	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1
IL17D	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1
LOX1	0.1	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1
GAL9	0.1	-0.2	-0.1	0.2	-0.1	0.2	0.3	0.1	-0.1
GIF	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
SCF	<0.1	0.3	0.1	-0.3	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.3
IL18	0.1	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.2
PLGR	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
RAGE	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2
SOD2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CTRC	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
FGF23	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1
SPON2	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.2	0.1	0.2	0.2	0.1
GH	<0.1	0.2	<0.1	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3
FS	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1
GLO1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CD84	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
SERPINA12	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
REN	0.2	-0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.2
DECR1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1

MERTK	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
KIM1	0.2	-0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1
THBS2	0.1	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
TM	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
VSIG2	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
AMBP	0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
PRELP	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
HO1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1
XCL1	<0.1	-0.2	-0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
IL16	0.1	-0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1
SORT1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1
CEACAM8	0.1	-0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1
PTX3	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
PSGL1	0.2	-0.2	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.2
CCL17	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
MMP7	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1
IGGFC	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ITGB1BP2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
DCN	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1
DKK1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
LPL	-0.2	0.4	<0.1	-0.3	-0.1	0.1	-0.1	0.1	0.5
PRSS8	0.1	-0.3	-0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2
AGRP	0.1	-0.2	0.1	0.4	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
HBEGF	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
GDF2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2
FABP2	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
THPO	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
MARCO	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1
GT	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1
MMP12	0.1	-0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1
ACE2	0.1	-0.2	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.3
PDL2	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
CTSL1	0.1	-0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1
HOSCAR	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
TNFRSF13B	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
TGM2	0.1	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
LEP	0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.3	0.1
CA5A	0.1	-0.2	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.2
HSP27	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1
CD4	0.1	-0.3	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.2
NEMO	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1
VEGFD	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2
PARP1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
HAOX1	0.1	-0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.3
TNFRSF14	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1
LDL_RC	0.1	-0.3	0.3	0.6	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1

ITGB2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
IL17RA	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
TNFR2	0.1	-0.2	-0.1	0.1	-0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1
MMP9	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1
EPHB4	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
IL2RA	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
ALCAM	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2
SELP	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
CSTB	0.1	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1
CD163	0.1	-0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1
GRN	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1
NTPROBNP	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
PLC	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
LTBR	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
NOTCH3	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3
TIMP4	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.3
CNTN1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2
CDH5	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
TLT2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
FABP4	0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.3	0.1
TFPI	<0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
PAI	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.2
CCL24	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TR	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1
TNFRSF10C	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
GDF15	0.2	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1
SELE	0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1
DLK1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
MPO	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1
CXCL16	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
IL6RA	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
RETN	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1
IGFBP1	-0.2	0.2	<0.1	-0.3	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3
CHIT1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
TRAP	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1
GP6	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
PSPD	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
EPCAM	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1
APN	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
AXL	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
IL1RT1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
MMP2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2
FAS	0.1	-0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
MB	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
TNFSF13B	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1
PCSK9	<0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1

UPAR	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1
OPN	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.1	0.1	0.1
PGLYRP1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1
CPA1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
JAMA	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
GAL4	0.2	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
IL1RT2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
SHPS1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL15	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
CASP3	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
CPB1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
CHI3L1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1
ST2	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1
TPA	<0.1	-0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.2
SCGB3A2	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
EGFR	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
IGFBP7	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CD93	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
IL18BP	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
COL1A1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2
PON3	-0.2	0.4	0.2	-0.3	0.1	-0.1	-0.3	-0.1	0.4
CTSZ	0.2	-0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1
MMP3	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
RARRES2	0.1	-0.1	0.1	0.3	-0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1
ICAM2	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
KLK6	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1
PDGFA	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
TNFR1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	0.1	0.3	0.2	<0.1
IGFBP2	-0.1	0.2	<0.1	-0.3	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.3
VWF	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1
PECAM1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
MEPE	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL16	0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1
IL8	0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1
VEGFA	0.1	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.2	-0.1
CD8A	0.1	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1
MCP3	0.1	-0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.2	-0.1
CDCP1	0.1	-0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1
CD244	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
IL7	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
OPG	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
LAP_TGFB1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1
UPA	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
IL6	0.1	-0.2	-0.1	0.1	-0.2	0.3	0.5	0.3	-0.1
MCP1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
CXCL11	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1

AXIN1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
TRAIL	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
CXCL9	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
CST5	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
OSM	0.1	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.2	-0.1
CXCL1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
CCL4	<0.1	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1
CD6	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
TGFA	0.2	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1
MCP4	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
CCL11	0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
TNFSF14	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1
MMP1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1
LIFR	0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
FGF21	<0.1	-0.2	<0.1	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.2
CCL19	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1
IL15RA	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
IL10RB	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1
IL18R1	0.3	-0.2	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.2	-0.1
PDL1	0.1	-0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1
CXCL5	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
TRANCE	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
HGF	0.2	-0.3	-0.1	0.3	<0.1	0.3	0.3	0.2	-0.2
IL12B	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
MMP10	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
IL10	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
TNF	0.1	-0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1
CCL23	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1
CD5	0.1	-0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
CCL3	0.1	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	-0.1
FLT3L	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
CXCL6	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
CXCL10	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1
4EBP1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
SIRT2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
CCL28	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
DNER	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1
ENRAGE	0.2	-0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1
CD40	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
IFNG	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
FGF19	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
MCP2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1
CASP8	0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
CCL25	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
CX3CL1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
TNFRSF9	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1

NT3	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TWEAK	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1
CCL20	0.1	-0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1
ST1A1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
STAMBP	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
ADA	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1
TNFB	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
CSF1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.4	0.3	0.1
Age	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
Body mass ind	0.2	-0.3	<0.1	0.3	-0.1	0.2	0.3	0.2	-0.2
Waist circumf	0.2	-0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.1	-0.3
Educational at	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
Alcohol consu	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	-0.1
Systolic blood	0.1	-0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
Diastolic blood	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Hemoglobin A	0.4	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	-0.2
Duration of kn	1	-0.2	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
High-density li	-0.2	1	<0.1	-0.5	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.4
Low-density li	-0.1	<0.1	1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
Triglycerides	0.3	-0.5	0.2	1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.3
Albumin	<0.1	<0.1	0.1	0.1	1	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1
Fibrinogen	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	1	0.4	0.3	<0.1
C-reactive prot	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.4	1	0.6	-0.1
Serum amyloid	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.2	0.3	0.6	1	<0.1
Leucocyte cou	-0.1	0.4	<0.1	-0.3	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	1
Serum adipone	0.2	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.2	-0.2
Uric acid	0.1	-0.3	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.4
Creatinine	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.3
Rényi4, baseli	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
TP, baseline	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
SDWS, baseli	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1
SDSA, baselin	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1
CE, baseline	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	Duration of known T2D	High-density lipoprotein cholesterol	Low-density lipoprotein cholesterol	Triglycerides	Albumin	Fibrinogen	C-reactive protein	Serum amyloid A	Leucocyte count
BMP6	1	<0.001	1	<0.001	1	0.001	0.012	1	0.036
ANGPT1	1	1	1	0.006	0.695	0.007	0.014	0.591	1
ADM	0.225	1	0.334	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.045
CD40L	1	0.639	1	0.2	0.26	0.081	0.356	1	0.067

PGF	0.87	<0.001	0.291	0.002	<0.001	0.801	0.001	0.725	0.165
ADAMTS13	1	1	1	1	0.102	1	0.014	1	1
BOC	0.041	1	1	1	1	0.571	0.005	1	0.038
IL4RA	1	1	0.078	1	<0.001	1	0.007	0.085	1
SRC	1	1	1	1	0.788	1	0.056	1	1
IL1RA	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF10A	<0.001	<0.001	0.875	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.943
STK4	1	0.402	1	1	0.273	1	1	0.901	0.148
IDUA	0.892	<0.001	1	<0.001	1	0.007	0.088	1	0.001
TNFRSF11A	0.001	0.006	0.094	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	1
PAR1	1	0.099	1	0.13	1	0.012	0.376	1	0.532
TRAILR2	0.005	<0.001	0.361	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.112
PRSS27	1	1	1	1	1	1	1	1	1
TIE2	<0.001	0.039	1	0.031	1	1	1	1	1
TF	1	<0.001	1	0.014	0.044	1	<0.001	1	<0.001
IL1RL2	1	1	0.039	0.045	1	0.032	1	0.051	0.131
PDGFB	1	1	1	0.005	0.784	0.002	0.01	1	0.508
IL27	1	0.88	0.439	1	0.014	0.001	0.005	<0.001	0.08
IL17D	0.457	1	1	1	0.173	1	0.938	1	0.003
LOX1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.029	0.263
GAL9	0.151	<0.001	0.608	<0.001	0.098	<0.001	<0.001	<0.001	0.876
GIF	<0.001	1	1	0.208	1	1	0.757	1	0.625
SCF	1	<0.001	0.519	<0.001	1	0.588	<0.001	1	<0.001
IL18	0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.102	<0.001	0.522	<0.001
PLGR	0.884	0.339	1	0.313	0.048	0.238	0.282	0.991	1
RAGE	0.006	1	1	1	0.21	1	0.031	1	<0.001
SOD2	1	1	1	0.508	0.097	0.357	1	1	1
CTRC	1	1	0.586	1	1	0.058	1	1	1
FGF23	0.145	0.503	1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	1
SPON2	1	1	0.04	0.639	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.014
GH	1	<0.001	1	<0.001	0.084	0.177	1	0.314	<0.001
FS	1	1	1	0.378	0.003	0.001	<0.001	<0.001	1
GLO1	1	0.038	1	0.132	0.01	1	1	0.203	0.004
CD84	1	1	1	0.578	0.272	0.234	0.996	1	1
SERPINA12	1	1	1	<0.001	1	1	1	0.062	1
REN	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.626	<0.001	0.002	1	<0.001
DECR1	1	<0.001	1	0.53	0.323	0.235	1	0.693	0.004
MERTK	1	1	1	1	1	0.292	1	1	0.194
KIM1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.091	<0.001	<0.001	0.016	0.078
THBS2	0.113	0.002	0.002	<0.001	0.067	0.006	<0.001	<0.001	1
TM	1	0.649	1	0.446	0.032	1	0.035	1	1
VSIG2	0.001	0.121	1	0.05	0.001	0.004	0.959	1	1
AMBP	0.186	1	1	<0.001	0.002	0.004	0.002	<0.001	1
PRELP	0.256	1	1	0.181	0.014	0.014	0.638	0.816	0.008
HO1	1	1	0.002	0.684	1	1	0.143	1	0.765
XCL1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	0.44	1

IL16	1	<0.001	1	<0.001	1	1	1	1	0.002
SORT1	1	0.633	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.197	1
CEACAM8	0.002	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.085	0.006
PTX3	0.015	1	0.018	1	0.402	0.181	0.119	1	0.001
PSGL1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	0.002	0.279	<0.001
CCL17	1	1	1	0.011	1	0.047	0.112	1	0.002
MMP7	1	1	1	0.049	0.43	<0.001	<0.001	0.074	1
IGGFC	1	1	1	1	1	0.202	1	1	1
ITGB1BP2	0.763	0.264	1	0.913	0.52	0.083	0.291	1	0.366
DCN	1	1	1	1	0.018	1	0.84	1	0.28
DKK1	1	0.23	1	0.003	0.618	<0.001	0.011	1	0.337
LPL	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	1	0.085	0.09	<0.001
PRSS8	0.066	<0.001	0.041	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001
AGRP	0.069	<0.001	1	<0.001	1	1	1	1	0.049
HBEGF	1	0.08	1	0.001	0.29	<0.001	0.007	1	0.217
GDF2	1	<0.001	0.597	1	1	1	0.001	1	<0.001
FABP2	0.018	1	1	0.12	1	1	1	1	0.315
THPO	1	<0.001	0.131	1	1	<0.001	0.217	0.01	0.001
MARCO	0.155	0.013	1	0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
GT	<0.001	0.797	1	1	1	1	0.299	1	0.279
MMP12	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.059	<0.001	<0.001	0.871	0.147
ACE2	0.002	<0.001	1	<0.001	1	1	0.005	1	<0.001
PDL2	0.005	0.155	1	1	0.022	0.586	1	1	0.376
CTSL1	0.387	<0.001	1	0.084	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
HOSCAR	1	1	1	1	0.001	0.001	<0.001	0.021	0.518
TNFRSF13B	1	<0.001	1	0.005	0.124	0.059	<0.001	0.128	1
TGM2	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	0.382	1	0.003
LEP	0.061	1	1	<0.001	0.03	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CA5A	0.006	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001
HSP27	1	0.99	1	0.361	1	1	1	1	0.968
CD4	0.027	<0.001	0.512	<0.001	1	0.031	<0.001	1	<0.001
NEMO	1	0.001	1	0.108	0.27	1	1	1	0.009
VEGFD	1	0.061	0.968	0.024	1	1	0.027	0.255	<0.001
PARP1	1	<0.001	1	<0.001	0.312	1	1	1	0.002
HAOX1	0.457	<0.001	1	<0.001	0.711	1	0.006	1	<0.001
TNFRSF14	1	<0.001	1	0.001	1	0.033	<0.001	1	0.398
LDL_RC	0.14	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.001	0.001	<0.001
ITGB2	0.003	1	1	0.014	0.454	0.405	0.083	1	1
IL17RA	1	0.011	1	1	1	1	0.03	1	1
TNFR2	0.009	<0.001	0.607	0.034	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	1
MMP9	0.001	0.004	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.014	0.484
EPHB4	1	1	0.55	1	0.126	1	1	1	0.833
IL2RA	0.41	0.177	0.915	1	<0.001	0.001	<0.001	0.002	1
ALCAM	1	1	1	1	1	0.09	1	0.354	<0.001
SELP	1	0.126	1	0.003	0.491	0.021	0.039	1	0.013
CSTB	0.494	<0.001	1	<0.001	1	0.002	<0.001	0.455	0.002

CD163	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	0.046
GRN	0.254	1	1	0.025	0.021	<0.001	<0.001	0.013	1
NTPROBNP	1	1	0.073	0.284	0.027	0.096	0.974	0.128	<0.001
PLC	1	1	1	0.761	0.088	1	0.141	0.123	1
LTBR	1	1	1	1	<0.001	1	0.003	0.294	1
NOTCH3	1	<0.001	1	<0.001	0.042	1	1	1	<0.001
TIMP4	1	<0.001	1	0.737	0.001	<0.001	0.039	0.002	<0.001
CNTN1	0.401	0.037	0.335	1	1	1	0.002	1	<0.001
CDH5	0.411	1	0.726	1	1	1	1	1	0.662
TLT2	1	0.529	1	1	1	0.437	0.076	0.87	1
FABP4	0.008	1	1	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TFPI	1	1	<0.001	1	1	0.011	1	0.882	0.332
PAI	1	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.026	<0.001
CCL24	1	1	1	0.898	1	1	1	1	1
TR	<0.001	0.014	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.942
TNFRSF10C	0.699	1	1	1	1	0.037	<0.001	0.001	1
GDF15	<0.001	<0.001	0.254	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	1
SELE	0.195	<0.001	1	<0.001	1	1	0.002	1	<0.001
DLK1	1	0.098	0.183	0.09	1	1	1	1	1
MPO	0.541	<0.001	1	0.007	1	0.012	<0.001	0.593	0.15
CXCL16	0.085	1	1	0.125	<0.001	0.012	0.064	0.06	0.177
IL6RA	0.656	1	1	1	1	1	1	1	1
RETN	1	<0.001	1	0.576	0.987	<0.001	<0.001	0.181	1
IGFBP1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.061	1	0.128	1	<0.001
CHIT1	1	1	1	1	1	0.082	0.128	1	1
TRAP	1	0.872	1	<0.001	1	1	0.167	1	0.06
GP6	1	0.366	1	0.22	0.237	0.17	0.38	1	0.154
PSPD	1	0.205	1	0.015	1	0.404	1	1	1
EPCAM	1	<0.001	0.08	1	1	1	0.005	1	0.107
APN	0.647	1	0.75	0.02	1	1	1	1	1
AXL	0.005	0.04	0.044	1	1	1	1	1	1
IL1RT1	<0.001	1	1	1	1	1	1	1	1
MMP2	0.62	0.109	0.585	1	0.052	1	0.513	1	<0.001
FAS	0.184	<0.001	1	<0.001	0.295	0.062	0.214	1	0.025
MB	1	0.061	1	1	1	1	1	1	0.153
TNFSF13B	1	1	1	1	1	<0.001	<0.001	0.006	0.118
PCSK9	1	0.057	<0.001	<0.001	0.829	0.002	0.233	<0.001	0.033
UPAR	0.008	<0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
OPN	1	1	1	0.214	<0.001	<0.001	0.055	0.136	0.001
PGLYRP1	1	0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	0.01	1
CPA1	1	0.945	1	<0.001	1	1	1	1	1
JAMA	1	0.109	1	0.048	0.478	0.066	0.501	1	0.062
GAL4	<0.001	0.001	0.059	<0.001	1	0.002	0.01	0.025	0.609
IL1RT2	0.001	1	1	<0.001	0.009	1	1	1	0.009
SHPS1	0.245	0.029	1	0.271	1	1	1	1	1
CCL15	<0.001	0.083	0.228	<0.001	0.14	0.34	0.214	0.095	1

CASP3	1	0.225	1	0.22	0.26	0.396	1	1	0.131
CPB1	1	0.009	1	<0.001	1	1	0.572	1	0.531
CHI3L1	0.019	0.017	<0.001	<0.001	0.067	0.08	<0.001	0.364	0.206
ST2	0.006	0.003	0.024	<0.001	1	1	0.155	1	<0.001
TPA	1	<0.001	1	<0.001	1	0.16	<0.001	0.262	<0.001
SCGB3A2	0.149	<0.001	1	0.267	1	1	1	1	<0.001
EGFR	0.238	0.026	0.02	1	0.084	1	1	1	0.078
IGFBP7	0.087	0.021	0.965	0.352	1	1	1	1	1
CD93	1	1	0.983	1	0.036	1	1	1	0.019
IL18BP	0.086	0.001	0.362	1	0.013	0.532	<0.001	0.133	1
COL1A1	0.002	0.03	1	0.002	1	1	0.967	1	<0.001
PON3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.028	<0.001	0.006	<0.001
CTSZ	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.003	0.015	<0.001	0.124	0.008
MMP3	1	0.134	1	1	1	1	1	1	0.01
RARRES2	0.001	0.001	0.623	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
ICAM2	0.706	0.959	0.778	1	1	1	1	1	1
KLK6	1	1	1	0.24	1	1	0.099	1	0.166
PDGFA	1	1	1	0.007	0.759	<0.001	0.002	1	0.986
TNFR1	0.002	<0.001	1	0.003	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	1
IGFBP2	1	<0.001	1	<0.001	0.006	0.189	0.004	0.662	<0.001
VWF	0.757	1	1	0.326	0.017	<0.001	<0.001	0.066	1
PECAM1	1	0.148	1	0.081	0.836	0.219	0.507	1	0.102
MEPE	0.059	1	1	1	1	1	1	1	1
CCL16	0.174	0.001	1	<0.001	1	0.001	<0.001	0.018	0.133
IL8	0.002	0.025	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.452	0.322
VEGFA	0.006	<0.001	1	<0.001	0.215	<0.001	<0.001	<0.001	1
CD8A	0.101	<0.001	0.269	<0.001	1	1	<0.001	0.081	0.711
MCP3	0.001	<0.001	1	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.006
CDCP1	<0.001	<0.001	1	0.086	0.232	<0.001	<0.001	1	0.975
CD244	1	<0.001	1	0.043	0.907	0.003	0.008	1	0.028
IL7	1	1	1	0.29	0.585	0.022	0.003	1	0.652
OPG	<0.001	1	1	0.233	0.026	<0.001	0.001	0.033	1
LAP_TGFB1	1	0.002	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.298	0.02
UPA	1	1	1	1	1	<0.001	1	1	0.008
IL6	0.257	<0.001	0.154	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.031
MCP1	1	0.88	1	<0.001	1	0.002	0.008	0.074	0.924
CXCL11	1	0.004	1	0.013	1	<0.001	<0.001	1	1
AXIN1	1	0.011	1	0.166	0.08	0.31	1	1	0.015
TRAIL	1	1	0.001	1	1	<0.001	0.006	0.011	0.035
CXCL9	1	1	1	1	0.079	<0.001	<0.001	<0.001	0.296
CST5	1	1	1	1	0.658	1	1	1	0.932
OSM	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.004
CXCL1	1	0.675	1	0.112	0.454	0.362	0.505	1	0.648
CCL4	1	<0.001	1	<0.001	1	0.002	<0.001	0.469	<0.001
CD6	0.533	0.005	1	<0.001	1	1	1	1	0.212
TGFA	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.168	<0.001	<0.001	<0.001	1

MCP4	1	0.888	1	0.002	0.586	0.017	0.109	1	0.024
CCL11	0.001	0.102	1	<0.001	1	0.001	0.004	1	0.774
TNFSF14	1	<0.001	1	<0.001	1	0.001	<0.001	0.86	0.001
MMP1	0.362	0.133	1	0.001	1	0.009	<0.001	0.043	0.11
LIFR	<0.001	1	0.752	0.066	1	1	1	0.454	0.256
FGF21	1	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	0.006	<0.001
CCL19	0.338	0.001	1	0.001	0.041	<0.001	<0.001	0.035	1
IL15RA	0.414	1	0.592	1	0.001	0.002	<0.001	0.03	1
IL10RB	0.021	0.479	1	0.049	<0.001	0.169	<0.001	0.008	1
IL18R1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PDL1	0.16	<0.001	0.2	0.105	0.622	<0.001	<0.001	0.492	0.001
CXCL5	1	1	1	1	1	0.033	0.171	1	1
TRANCE	0.043	1	0.745	0.651	1	1	1	0.814	1
HGF	<0.001	<0.001	0.145	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL12B	0.155	0.003	1	0.211	0.462	0.001	<0.001	0.111	1
MMP10	1	1	1	1	0.053	0.003	<0.001	1	1
IL10	1	1	0.373	1	1	0.397	<0.001	0.011	1
TNF	0.717	<0.001	1	<0.001	0.056	<0.001	<0.001	<0.001	1
CCL23	1	0.002	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	1
CD5	0.07	<0.001	0.472	<0.001	1	0.165	0.008	1	0.001
CCL3	0.329	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
FLT3L	0.14	1	1	<0.001	1	0.107	0.073	0.203	1
CXCL6	1	<0.001	1	<0.001	0.12	0.323	0.567	1	0.014
CXCL10	1	0.013	1	0.002	0.408	<0.001	<0.001	<0.001	1
4EBP1	0.516	<0.001	1	<0.001	0.371	0.023	0.039	1	<0.001
SIRT2	1	0.109	1	0.107	0.405	0.073	1	1	0.151
CCL28	1	1	1	1	1	1	0.213	1	1
DNER	1	<0.001	0.002	1	0.058	1	<0.001	1	0.053
ENRAGE	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.585	<0.001	<0.001	0.005	0.007
CD40	1	<0.001	1	0.335	1	<0.001	0.014	1	0.07
IFNG	1	1	1	1	0.066	0.229	<0.001	<0.001	1
FGF19	<0.001	1	0.531	0.049	1	1	1	1	1
MCP2	1	1	1	0.001	1	0.023	<0.001	0.052	0.335
CASP8	0.022	0.001	1	<0.001	1	0.151	0.066	1	0.036
CCL25	1	1	1	1	1	1	1	1	0.259
CX3CL1	1	0.14	1	1	0.001	1	1	1	<0.001
TNFRSF9	1	0.001	0.062	1	0.005	<0.001	<0.001	0.024	1
NT3	0.961	1	1	1	1	0.364	1	1	1
TWEAK	0.398	0.366	0.331	1	0.362	0.714	0.012	1	0.002
CCL20	0.423	<0.001	1	<0.001	0.865	<0.001	<0.001	0.006	0.063
ST1A1	1	0.009	1	0.502	0.122	1	1	1	0.028
STAMBP	1	0.025	1	0.102	0.145	0.181	1	1	0.042
ADA	1	0.008	1	0.002	1	1	0.085	1	0.002
TNFB	1	1	0.131	0.483	1	1	1	1	1
CSF1	0.007	0.823	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.082
Age	1	1	1	1	<0.001	<0.001	0.364	0.615	0.14

Body mass ind	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
Waist circumf	<0.001	1	<0.001	1	0.004	<0.001	0.003	<0.001
Educational at	0.006	1	1	0.891	0.002	1	0.833	0.023
Alcohol consu	0.103	1	1	1	<0.001	1	0.006	<0.001
Systolic blood	0.001	<0.001	1	<0.001	0.073	1	0.048	<0.001
Diastolic bloo	0.148	0.005	1	<0.001	0.018	1	1	0.002
Hemoglobin A	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001
Duration of kn	<0.001	<0.001	0.195	<0.001	1	0.082	0.165	<0.001
High-density li	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.279	<0.001	<0.001
Low-density li	0.011	0.141	<0.001	<0.001	0.32	0.302	1	1
Triglycerides	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.568	1	<0.001	0.024
Albumin	0.212	0.419	0.019	0.036	<0.001	1	<0.001	<0.001
Fibrinogen	0.004	0.017	0.018	0.204	0.33	<0.001	<0.001	<0.001
C-reactive pro	0.009	<0.001	0.958	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
Serum amyloic	0.032	0.339	0.091	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
Leucocyte cou	<0.001	<0.001	0.987	<0.001	<0.001	0.303	0.001	0.828
Serum adipone	<0.001	<0.001	0.273	<0.001	0.225	<0.001	<0.001	<0.001
Uric acid	0.053	<0.001	0.493	<0.001	0.164	0.521	<0.001	0.065
Creatinine	0.166	<0.001	0.388	<0.001	0.035	0.011	0.895	0.241
Rényi4, baseli	0.006	0.829	0.785	0.002	0.226	<0.001	<0.001	<0.001
TP, baseline	0.005	0.753	0.785	0.001	0.213	0.001	<0.001	0.001
SDWS, baseli	0.01	0.446	0.762	0.049	0.022	0.013	0.001	0.001
SDSA, baselin	0.049	0.843	0.372	0.014	0.661	0.011	0.002	0.005
CE, baseline	0.012	0.613	0.826	0.004	0.363	<0.001	<0.001	<0.001

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	Serum adiponectin	Uric acid	Creatinine	Rényi4, baseli	TP, baseline	SDWS, baseline	SDSA, baseli	CE, baseline
BMP6	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
ANGPT1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ADM	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
CD40L	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PGF	<0.1	0.2	0.3	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
ADAMTS13	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
BOC	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL4RA	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
SRC	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
IL1RA	0.3	0.2	0.1	-0.2	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1
TNFRSF10A	0.3	0.2	0.1	-0.2	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1
STK4	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IDUA	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
TNFRSF11A	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
PAR1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TRAILR2	0.3	0.2	0.3	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
PRSS27	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TIE2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
TF	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL1RL2	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
PDGFB	0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL27	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
IL17D	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
LOX1	0.4	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
GAL9	0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
GIF	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SCF	-0.2	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL18	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
PLGR	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
RAGE	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
SOD2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CTRC	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
FGF23	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
SPON2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
GH	-0.1	-0.3	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
FS	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
GLO1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CD84	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SERPINA12	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
REN	0.2	0.3	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
DECR1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1

MERTK	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
KIM1	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
THBS2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
TM	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
VSIG2	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
AMBP	0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
PRELP	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
HO1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
XCL1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
IL16	0.2	0.2	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
SORT1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CEACAM8	0.4	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
PTX3	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
PSGL1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
CCL17	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MMP7	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IGGFC	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
ITGB1BP2	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
DCN	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
DKK1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
LPL	-0.1	-0.4	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PRSS8	0.2	0.4	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
AGRP	<0.1	0.2	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
HBEGF	0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
GDF2	-0.1	-0.3	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
FABP2	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
THPO	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MARCO	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
GT	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MMP12	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
ACE2	0.1	0.3	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
PDL2	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
CTSL1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
HOSCAR	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
TNFRSF13B	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
TGM2	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
LEP	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
CA5A	0.1	0.3	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
HSP27	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CD4	0.2	0.3	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
NEMO	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
VEGFD	<0.1	-0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
PARP1	0.2	0.2	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
HAOX1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TNFRSF14	0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
LDL_RC	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1

ITGB2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
IL17RA	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TNFR2	0.1	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
MMP9	0.5	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
EPHB4	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
IL2RA	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
ALCAM	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
SELP	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CSTB	0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CD163	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1
GRN	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
NTPROBNP	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
PLC	<0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
LTBR	0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
NOTCH3	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TIMP4	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
CNTN1	-0.1	-0.2	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CDH5	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TLT2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
FABP4	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
TFPI	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
PAI	0.2	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CCL24	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
TR	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
TNFRSF10C	0.3	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
GDF15	0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
SELE	0.2	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
DLK1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
MPO	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CXCL16	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
IL6RA	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
RETN	0.3	0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
IGFBP1	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
CHIT1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TRAP	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
GP6	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PSPD	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
EPCAM	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
APN	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
AXL	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
IL1RT1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
MMP2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
FAS	0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
MB	<0.1	0.2	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TNFSF13B	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
PCSK9	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1

UPAR	0.3	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
OPN	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PGLYRP1	0.3	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CPA1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
JAMA	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
GAL4	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
IL1RT2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
SHPS1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CCL15	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CASP3	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CPB1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CHI3L1	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
ST2	0.1	0.2	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
TPA	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
SCGB3A2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
EGFR	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IGFBP7	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
CD93	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL18BP	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
COL1A1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PON3	-0.2	-0.3	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
CTSZ	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
MMP3	0.1	0.2	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
RARRES2	0.3	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
ICAM2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
KLK6	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PDGFA	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TNFR1	0.2	0.2	0.3	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
IGFBP2	<0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
VWF	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
PECAM1	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
MEPE	<0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL16	0.1	0.3	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
IL8	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
VEGFA	0.2	0.2	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CD8A	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
MCP3	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
CDCP1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CD244	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL7	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
OPG	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
LAP_TGFB1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
UPA	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
IL6	0.3	0.2	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
MCP1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
CXCL11	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1

AXIN1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TRAIL	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CXCL9	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
CST5	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
OSM	0.5	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
CXCL1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL4	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CD6	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TGFA	0.3	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
MCP4	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL11	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
TNFSF14	0.3	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MMP1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
LIFR	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
FGF21	0.1	0.3	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CCL19	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
IL15RA	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
IL10RB	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
IL18R1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2
PDL1	0.1	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CXCL5	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TRANCE	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
HGF	0.4	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
IL12B	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
MMP10	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL10	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
TNF	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
CCL23	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CD5	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL3	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
FLT3L	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CXCL6	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CXCL10	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
4EBP1	0.2	0.2	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SIRT2	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL28	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
DNER	-0.1	-0.2	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
ENRAGE	0.3	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CD40	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
IFNG	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
FGF19	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
MCP2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
CASP8	0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CCL25	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CX3CL1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
TNFRSF9	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1

NT3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TWEAK	<0.1	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL20	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ST1A1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
STAMBP	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ADA	0.2	0.2	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
TNFB	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
CSF1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
Age	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1
Body mass ind	0.1	0.3	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
Waist circumf	0.1	0.5	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Educational at	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
Alcohol consu	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
Systolic blood	0.1	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2
Diastolic blood	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
Hemoglobin A	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Duration of kn	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
High-density li	-0.2	-0.3	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Low-density li	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Triglycerides	0.2	0.3	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
Albumin	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
Fibrinogen	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
C-reactive prot	0.3	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2
Serum amyloid	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
Leucocyte count	-0.2	-0.4	-0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
Serum adiponectin	1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Uric acid	0.2	1	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Creatinine	0.1	0.4	1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Rényi4, baseline	-0.1	<0.1	0.1	1	0.9	0.9	0.7	0.8
TP, baseline	-0.1	<0.1	0.1	0.9	1	0.8	0.7	0.7
SDWS, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	0.9	0.8	1	0.6	0.7
SDSA, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	0.7	0.7	0.6	1	0.9
CE, baseline	-0.1	<0.1	<0.1	0.8	0.7	0.7	0.9	1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	Serum adiponectin	Uric acid	Creatinine	Rényi4, baseline	TP, baseline	SDWS, baseline	SDSA, baseline	CE, baseline
BMP6	<0.001	0.002	0.101	0.132	0.07	0.337	1	1
ANGPT1	<0.001	1	1	1	1	1	1	1
ADM	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	0.001	0.006	1	0.126
CD40L	<0.001	0.009	1	1	1	1	1	1

PGF	1	<0.001	<0.001	0.014	0.059	0.006	1	0.038
ADAMTS13	1	1	0.014	1	1	1	1	1
BOC	0.024	0.055	1	1	1	1	1	1
IL4RA	1	1	<0.001	1	1	1	1	1
SRC	1	1	1	1	1	1	0.587	1
IL1RA	<0.001	<0.001	0.185	<0.001	<0.001	0.002	0.158	0.006
TNFRSF10A	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	0.001	0.061	0.002
STK4	0.015	0.015	0.054	1	1	1	1	1
IDUA	<0.001	0.005	1	0.241	0.079	1	1	0.621
TNFRSF11A	0.027	0.137	<0.001	0.11	0.071	0.008	1	0.805
PAR1	<0.001	0.005	0.001	1	1	1	1	1
TRAILR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	1	0.006
PRSS27	0.274	1	0.024	1	1	1	1	1
TIE2	1	1	1	0.093	0.215	0.626	1	0.283
TF	0.959	<0.001	0.159	1	1	1	1	1
IL1RL2	1	<0.001	<0.001	0.002	0.004	0.002	0.3	0.024
PDGFB	<0.001	0.226	1	1	1	1	1	1
IL27	1	1	1	0.069	0.152	0.028	1	0.267
IL17D	1	0.008	1	1	1	1	1	1
LOX1	<0.001	0.062	1	0.016	0.004	0.016	1	0.525
GAL9	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	0.005	0.021	1	0.077
GIF	1	0.508	0.363	1	1	1	1	1
SCF	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1	1
IL18	<0.001	<0.001	<0.001	0.033	0.021	0.033	1	0.673
PLGR	0.015	0.174	<0.001	1	1	1	1	1
RAGE	0.046	0.002	1	1	1	1	0.102	1
SOD2	1	0.373	1	1	1	1	1	1
CTRC	1	0.025	1	1	1	1	1	1
FGF23	0.037	<0.001	0.025	0.157	0.116	0.071	1	0.847
SPON2	1	1	1	0.303	0.505	0.046	1	0.427
GH	0.643	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1
FS	0.048	1	1	0.568	0.101	1	1	0.518
GLO1	<0.001	<0.001	0.026	1	1	1	1	1
CD84	<0.001	0.364	1	1	1	1	1	1
SERPINA12	1	1	0.439	1	0.933	0.083	1	1
REN	<0.001	<0.001	<0.001	0.051	0.224	0.422	1	0.068
DECR1	<0.001	0.001	0.047	1	1	1	1	1
MERTK	1	1	0.39	0.006	0.025	0.001	0.71	0.002
KIM1	0.001	<0.001	0.047	1	1	1	1	1
THBS2	0.101	0.011	0.064	1	0.483	0.937	1	1
TM	1	0.174	<0.001	1	0.937	1	1	1
VSIG2	0.066	1	<0.001	1	1	1	1	1
AMBP	1	0.879	<0.001	0.081	0.079	1	1	0.051
PRELP	1	1	1	0.38	0.1	0.512	1	0.325
HO1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1
XCL1	0.057	0.001	0.468	0.199	0.233	0.508	1	0.79

IL16	<0.001	<0.001	0.001	0.502	0.364	1	0.696	1
SORT1	<0.001	<0.001	1	0.212	0.362	1	1	1
CEACAM8	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	0.01	0.012	1	0.063
PTX3	0.016	1	1	0.641	0.584	0.562	1	1
PSGL1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1	1
CCL17	<0.001	0.016	0.583	1	1	1	1	1
MMP7	0.05	0.715	0.291	1	1	1	1	1
IGGFC	1	1	1	1	1	1	1	1
ITGB1BP2	<0.001	0.017	0.441	1	1	1	1	1
DCN	0.556	1	0.202	1	1	0.411	1	1
DKK1	<0.001	1	1	0.704	0.38	1	1	1
LPL	0.002	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1
PRSS8	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	0.04	0.642	0.241	0.002
AGRP	1	<0.001	<0.001	1	0.511	1	1	0.348
HBEGF	<0.001	0.021	1	1	1	1	1	1
GDF2	0.014	<0.001	<0.001	0.551	0.551	1	1	1
FABP2	1	1	0.764	1	1	1	1	1
THPO	0.147	0.001	0.695	1	0.837	1	1	1
MARCO	1	0.069	1	0.021	0.003	0.014	1	0.15
GT	0.043	1	0.169	1	1	1	1	1
MMP12	0.001	<0.001	0.003	1	1	1	1	1
ACE2	0.687	<0.001	0.007	0.274	0.471	0.925	1	0.17
PDL2	0.34	1	0.571	1	1	0.68	1	1
CTSL1	0.245	0.015	0.039	0.008	0.003	0.013	1	0.008
HOSCAR	0.331	1	1	0.014	0.003	0.06	0.832	0.039
TNFRSF13B	0.727	0.007	<0.001	1	1	1	1	1
TGM2	0.085	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1
LEP	0.077	1	<0.001	0.009	<0.001	0.016	1	0.867
CA5A	0.394	<0.001	<0.001	0.371	0.477	1	0.912	0.127
HSP27	0.422	1	0.774	1	1	1	1	1
CD4	<0.001	<0.001	<0.001	0.028	0.008	0.841	0.726	0.04
NEMO	<0.001	<0.001	0.008	1	1	1	1	1
VEGFD	1	<0.001	0.297	0.619	0.996	1	0.012	0.271
PARP1	<0.001	<0.001	0.005	0.516	0.423	1	0.837	1
HAOX1	1	<0.001	1	1	1	1	1	1
TNFRSF14	<0.001	<0.001	<0.001	0.276	0.227	1	0.45	0.063
LDL_RC	0.238	<0.001	1	0.074	0.018	0.232	0.051	0.022
ITGB2	1	1	1	0.049	0.004	0.022	0.392	0.076
IL17RA	0.642	0.404	0.199	1	1	1	1	1
TNFR2	0.015	<0.001	<0.001	0.006	0.009	0.007	0.121	0.001
MMP9	<0.001	0.157	1	0.414	0.451	1	1	1
EPHB4	1	0.341	<0.001	1	1	1	1	1
IL2RA	0.387	0.084	0.312	0.222	0.132	0.22	1	0.067
ALCAM	1	0.001	0.001	0.286	0.077	0.177	1	0.729
SELP	<0.001	0.001	0.298	0.902	0.812	1	0.714	0.585
CSTB	<0.001	<0.001	<0.001	0.034	0.034	0.331	0.508	0.113

CD163	0.485	0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.184	<0.001
GRN	1	1	1	0.009	0.001	0.021	0.131	0.008
NTPROBNP	1	1	0.993	1	1	1	<0.001	1
PLC	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1
LTBR	0.776	1	<0.001	1	0.947	1	1	0.13
NOTCH3	0.003	0.371	1	1	1	1	1	1
TIMP4	0.058	1	1	0.014	0.012	0.592	1	0.012
CNTN1	0.008	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1
CDH5	1	1	1	1	1	1	1	1
TLT2	<0.001	1	1	0.306	0.387	1	1	0.302
FABP4	0.016	1	0.089	0.005	<0.001	0.008	1	0.218
TFPI	1	0.469	1	1	1	1	0.399	1
PAI	<0.001	<0.001	1	0.117	0.047	1	1	0.665
CCL24	1	1	1	0.42	0.039	0.799	1	1
TR	1	1	0.302	1	0.275	1	1	0.534
TNFRSF10C	<0.001	1	0.669	0.001	0.003	0.014	0.28	0.012
GDF15	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	0.017	0.019	1	0.003
SELE	<0.001	<0.001	1	0.01	0.006	0.197	0.141	0.012
DLK1	0.442	1	<0.001	0.619	0.476	0.087	1	1
MPO	<0.001	0.001	0.016	0.002	0.001	0.086	0.01	0.011
CXCL16	0.241	1	1	1	1	1	1	0.446
IL6RA	1	1	1	1	1	1	1	1
RETN	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	0.031	0.125	0.161	0.014
IGFBP1	0.047	<0.001	1	0.191	0.355	1	0.556	1
CHIT1	1	1	0.464	1	1	1	1	1
TRAP	1	0.115	0.353	0.012	0.505	1	0.001	<0.001
GP6	<0.001	0.039	0.021	1	1	1	1	1
PSPD	0.246	0.901	1	1	1	0.533	1	1
EPCAM	1	0.237	0.019	1	1	1	1	1
APN	1	1	1	1	1	1	1	0.859
AXL	0.174	1	1	0.301	0.779	0.041	1	0.913
IL1RT1	1	1	1	0.913	1	1	1	0.105
MMP2	0.732	1	1	1	1	1	1	1
FAS	0.436	0.013	<0.001	0.234	0.198	0.095	0.145	0.037
MB	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1
TNFSF13B	0.002	1	0.001	0.182	0.097	1	1	0.088
PCSK9	1	1	0.276	0.012	0.004	0.104	0.062	0.023
UPAR	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.002	0.045	0.37	0.003
OPN	1	1	0.071	1	1	1	1	1
PGLYRP1	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.003	0.006	0.432	0.008
CPA1	1	0.295	0.032	1	1	1	1	1
JAMA	<0.001	0.04	0.062	1	1	1	1	1
GAL4	0.01	0.001	1	<0.001	0.008	0.005	0.195	0.001
IL1RT2	1	0.026	1	0.322	0.145	1	0.196	0.09
SHPS1	1	1	0.555	0.92	0.669	0.893	0.574	0.152
CCL15	0.231	0.407	<0.001	1	1	1	1	1

CASP3	<0.001	0.012	0.056	1	1	1	1	1
CPB1	1	0.009	<0.001	1	1	1	1	1
CHI3L1	0.004	<0.001	0.001	0.023	0.025	0.712	1	0.036
ST2	0.901	<0.001	<0.001	0.308	1	1	1	0.014
TPA	0.001	<0.001	0.007	0.148	0.134	1	0.429	0.161
SCGB3A2	0.028	0.012	1	0.665	0.495	1	1	1
EGFR	0.518	<0.001	0.032	1	1	1	1	1
IGFBP7	1	0.011	0.002	1	1	0.675	1	1
CD93	1	1	<0.001	1	1	1	1	1
IL18BP	1	0.218	0.001	0.049	0.175	0.105	1	0.05
COL1A1	0.841	0.001	0.85	1	1	1	1	1
PON3	<0.001	<0.001	0.006	0.747	1	1	1	1
CTSZ	0.004	0.002	0.001	0.016	0.006	0.131	0.078	0.004
MMP3	0.044	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1
RARRES2	<0.001	0.001	0.322	0.001	<0.001	0.211	0.334	0.004
ICAM2	1	1	1	1	1	1	1	1
KLK6	1	1	<0.001	1	1	1	1	1
PDGFA	<0.001	0.664	1	1	1	1	1	1
TNFR1	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.009	0.015	0.454	0.001
IGFBP2	1	<0.001	0.065	1	1	1	0.275	1
VWF	<0.001	0.482	1	0.187	0.073	1	1	0.418
PECAM1	<0.001	0.046	0.278	1	1	1	1	1
MEPE	1	0.273	<0.001	1	1	1	1	1
CCL16	0.001	<0.001	<0.001	0.492	0.372	0.644	1	0.551
IL8	0.563	0.003	1	0.13	0.091	0.797	0.594	0.086
VEGFA	<0.001	<0.001	0.022	0.014	0.019	0.27	1	0.021
CD8A	0.138	0.006	0.3	0.034	0.028	0.167	0.748	0.122
MCP3	<0.001	0.002	1	0.052	0.013	0.187	1	0.024
CDCP1	1	0.058	1	0.013	0.143	0.736	1	0.001
CD244	<0.001	0.033	1	1	1	1	1	1
IL7	0.024	0.643	1	0.791	1	1	1	1
OPG	1	0.413	0.087	0.042	0.087	1	1	0.106
LAP_TGFB1	<0.001	0.002	1	0.231	0.145	1	1	0.819
UPA	0.094	1	0.845	1	1	1	1	0.179
IL6	<0.001	<0.001	0.684	0.001	0.005	0.076	0.246	0.001
MCP1	0.114	0.469	1	0.287	0.86	0.153	1	0.346
CXCL11	0.004	0.013	1	0.465	0.401	0.797	1	1
AXIN1	<0.001	0.001	0.072	1	1	1	1	1
TRAIL	1	0.147	1	1	1	1	1	1
CXCL9	1	0.148	0.013	1	1	0.89	1	0.768
CST5	1	0.913	<0.001	1	1	1	1	1
OSM	<0.001	<0.001	1	0.122	0.067	0.576	1	0.84
CXCL1	0.001	0.062	1	1	1	1	1	1
CCL4	0.006	0.001	1	0.242	0.626	1	1	0.633
CD6	<0.001	0.225	1	1	1	1	1	1
TGFA	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	0.004	0.004	1	0.299

MCP4	<0.001	0.056	1	1	1	1	1	1
CCL11	<0.001	0.154	0.242	0.074	0.078	0.929	0.475	0.127
TNFSF14	<0.001	<0.001	0.377	0.552	0.367	1	1	1
MMP1	<0.001	0.004	0.251	1	1	1	1	1
LIFR	1	1	1	1	0.572	1	1	0.659
FGF21	<0.001	<0.001	0.617	0.022	0.024	0.757	0.035	0.002
CCL19	0.017	0.624	1	0.033	0.059	0.942	0.43	0.048
IL15RA	1	0.262	<0.001	1	1	0.684	1	1
IL10RB	1	0.234	0.008	0.455	0.33	0.821	1	0.385
IL18R1	<0.001	0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	0.006	<0.001
PDL1	0.001	<0.001	<0.001	0.361	1	0.961	1	0.727
CXCL5	0.001	1	1	1	1	1	1	1
TRANCE	1	0.395	1	1	1	1	1	1
HGF	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.078	1	0.004
IL12B	0.125	1	1	0.52	0.232	0.38	1	1
MMP10	0.59	0.147	<0.001	1	1	1	1	1
IL10	1	1	1	0.122	0.366	0.437	1	0.024
TNF	1	<0.001	0.036	0.19	0.317	0.036	1	0.79
CCL23	<0.001	0.023	<0.001	1	1	1	1	1
CD5	<0.001	<0.001	0.005	1	1	1	1	1
CCL3	0.002	<0.001	0.002	0.157	0.433	0.31	1	0.252
FLT3L	1	1	1	1	1	1	1	1
CXCL6	0.018	0.001	0.188	1	1	1	1	1
CXCL10	1	0.022	1	0.043	0.025	0.004	1	0.123
4EBP1	<0.001	<0.001	<0.001	0.671	0.635	1	1	1
SIRT2	<0.001	0.027	0.196	1	1	1	1	1
CCL28	0.004	1	1	0.204	0.84	1	1	0.742
DNER	0.425	<0.001	0.042	0.701	1	0.094	1	1
ENRAGE	<0.001	<0.001	<0.001	0.115	0.383	0.917	0.598	0.1
CD40	<0.001	<0.001	0.001	0.557	0.554	1	1	1
IFNG	0.19	1	0.107	1	1	1	1	1
FGF19	1	1	0.544	1	0.586	1	1	1
MCP2	0.002	0.027	1	0.209	0.11	0.809	1	1
CASP8	<0.001	<0.001	<0.001	0.283	0.147	1	1	1
CCL25	1	1	<0.001	1	0.531	1	1	1
CX3CL1	0.107	0.615	0.01	1	0.871	1	1	0.255
TNFRSF9	1	0.403	<0.001	1	1	0.932	1	1
NT3	1	1	1	1	1	1	1	1
TWEAK	1	<0.001	0.56	1	1	1	1	1
CCL20	<0.001	0.004	1	1	1	1	1	1
ST1A1	<0.001	0.004	0.009	1	1	1	1	1
STAMBP	<0.001	0.003	0.056	1	1	1	1	1
ADA	<0.001	<0.001	0.001	1	0.309	1	0.992	1
TNFB	0.005	0.172	0.002	1	1	1	1	1
CSF1	0.023	1	1	0.051	0.046	0.193	1	0.146
Age	1	1	0.796	<0.001	0.007	<0.001	1	0.006

Body mass index	0.109	<0.001	1	0.041	0.003	0.018	1	0.339
Waist circumference	<0.001	<0.001	<0.001	0.624	0.579	1	1	0.072
Educational attainment	1	0.234	<0.001	0.45	0.52	0.722	1	1
Alcohol consumption	0.198	<0.001	<0.001	0.429	0.653	0.075	1	1
Systolic blood pressure	0.446	<0.001	<0.001	0.001	0.051	0.053	0.001	<0.001
Diastolic blood pressure	1	<0.001	<0.001	0.201	0.597	1	<0.001	0.004
Hemoglobin A1c	<0.001	1	0.175	1	1	1	1	1
Duration of known diabetes	<0.001	0.817	1	0.104	0.086	0.175	0.755	0.211
High-density lipoprotein cholesterol	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1
Low-density lipoprotein cholesterol	1	1	1	1	1	1	1	1
Triglycerides	<0.001	<0.001	<0.001	0.036	0.029	0.752	0.245	0.073
Albumin	1	1	0.56	1	1	0.357	1	1
Fibrinogen	<0.001	1	0.19	0.01	0.014	0.224	0.191	0.001
C-reactive protein	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.026	0.03	<0.001
Serum amyloid A	<0.001	0.975	1	0.01	0.015	0.016	0.089	0.007
Leucocyte count	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1
Serum adiponectin	<0.001	<0.001	0.016	0.015	0.05	1	1	0.209
Uric acid	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1
Creatinine	0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1
Rényi4, baseline	0.001	0.613	0.112	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TP, baseline	0.003	0.802	0.109	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SDWS, baseline	0.192	0.614	0.122	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SDSA, baseline	0.196	0.725	0.797	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CE, baseline	0.012	0.17	0.681	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

Table S10: Bivariable association between proteomics biomarkers and categorical covariates of S4 study sampleKruskal–Wallis rank-sum test *P*

Proteomics biomarkers	Abbreviations	Sex	Physical activity	Diuretics	Statins	Glucose-lowering drugs	Non-steroidal anti-inflammatory drugs
Bone morphogenetic protein 6	BMP6	<0.001	0.003	0.686	0.757	0.851	0.744
Angiotensin-1	ANGPT1	0.566	0.323	0.968	0.764	0.958	0.653
Adrenomedullin	ADM	<0.001	0.013	0.000	0.137	0.013	0.377
CD40 ligand	CD40L	<0.001	0.105	0.950	0.458	0.818	0.703
Placenta growth factor	PGF	<0.001	0.001	<0.001	0.028	0.063	0.585
A disintegrin and metalloproteinase with thrombospondin motifs 13	ADAMTS13	<0.001	0.993	0.025	0.014	0.299	0.834
Brother of CDO	BOC	0.560	0.403	0.234	0.248	0.022	0.621
Interleukin-4 receptor subunit alpha	IL4RA	0.220	0.591	0.003	0.022	0.271	0.211
Proto-oncogene tyrosine-protein kinase Src	SRC	0.092	0.330	0.285	0.088	0.378	0.279
Interleukin-1 receptor antagonist protein	IL1RA	0.279	<0.001	<0.001	0.373	<0.001	0.097
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A	TNFRSF10A	0.131	0.002	<0.001	0.022	<0.001	0.117
Serine/threonine-protein kinase 4	STK4	<0.001	0.284	0.525	0.484	0.763	0.948
Alpha-L-iduronidase	IDUA	0.004	0.004	0.670	0.542	0.050	0.873
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A	TNFRSF11A	<0.001	0.035	<0.001	0.026	<0.001	0.051
Proteinase-activated receptor 1	PAR1	<0.001	0.027	0.023	0.560	0.146	0.535
TNF-related apoptosis-inducing ligand receptor 2	TRAILR2	0.078	<0.001	<0.001	0.001	0.001	0.923
Serine protease 27	PRSS27	0.753	0.062	0.527	0.497	0.763	0.640
Angiotensin-1 receptor	TIE2	0.095	0.028	0.014	0.616	<0.001	0.571
Tissue factor	TF	<0.001	0.645	0.034	0.414	0.754	0.343
Interleukin-1 receptor-like 2	IL1RL2	<0.001	0.344	0.057	0.243	0.070	0.244
Platelet-derived growth factor subunit B	PDGFB	0.001	0.167	0.877	0.596	0.861	0.933
Interleukin-27	IL27	0.048	0.086	0.001	0.234	0.085	0.033
Interleukin-17D	IL17D	<0.001	0.589	0.364	0.210	0.053	0.266
Lectin-like oxidized LDL receptor 1	LOX1	0.114	<0.001	0.001	0.798	<0.001	0.209
Galectin-9	GAL9	0.532	0.002	<0.001	0.317	0.044	0.069
Gastric intrinsic factor	GIF	0.655	0.674	0.033	0.124	<0.001	0.408
Stem cell factor	SCF	<0.001	0.300	0.631	0.044	0.233	0.373
Interleukin-18	IL18	<0.001	0.001	0.154	0.869	<0.001	0.029
Polymeric immunoglobulin receptor	PLGR	0.337	0.784	0.002	0.304	0.264	0.631
Receptor for advanced glycosylation end products	RAGE	<0.001	0.258	0.745	0.536	0.001	0.959
Superoxide dismutase [Mn], mitochondrial	SOD2	0.051	0.165	0.685	0.467	0.443	0.949
Chymotrypsin C	CTRC	0.003	0.931	0.184	0.063	0.241	0.067
Fibroblast growth factor-23	FGF23	<0.001	0.114	<0.001	0.002	0.011	0.991
Spondin-2	SPON2	<0.001	0.143	<0.001	0.193	0.332	0.479
Growth hormone	GH	<0.001	0.307	0.814	0.127	0.403	0.031
Follistatin	FS	<0.001	0.047	0.198	0.854	0.436	0.650
Lactoylglutathione lyase	GLO1	<0.001	0.138	0.190	0.516	0.732	0.776
SLAM family member 5	CD84	0.007	0.153	0.122	0.259	0.949	0.652
Serpin A12	SERPINA12	<0.001	0.735	0.013	0.694	0.095	0.430
Renin	REN	<0.001	0.000	<0.001	6.39E-05	<0.001	0.802
2,4-dienoyl-CoA reductase, mitochondrial	DECR1	<0.001	0.160	0.956	0.310	0.464	0.892
Tyrosine-protein kinase Mer	MERTK	0.251	0.896	<0.001	0.142	0.093	0.162

Kidney Injury Molecule	KIM1	0.003	<0.001	<0.001	4.54E-05	<0.001	0.965
Thrombospondin-2	THBS2	<0.001	<0.001	0.002	0.791	0.022	0.548
Thrombomodulin	TM	0.281	0.036	0.002	0.185	0.223	0.508
V-set and immunoglobulin domain-containing protein 2	VSIG2	0.177	0.410	0.001	0.691	<0.001	0.386
Protein AMBP	AMBP	0.001	0.431	0.001	0.000	0.003	0.095
Prolargin	PRELP	<0.001	0.017	<0.001	0.088	0.025	0.971
Heme oxygenase 1	HO1	<0.001	0.308	0.690	0.816	0.244	0.955
Lymphotoctin	XCL1	0.484	<0.001	0.043	0.374	0.333	0.963
Pro-interleukin-16	IL16	<0.001	0.026	0.533	0.983	0.323	0.830
Sortilin	SORT1	0.051	0.014	0.012	0.550	0.137	0.418
Carcinoembryonic antigenrelated cell adhesion molecule 8	CEACAM8	<0.001	0.001	<0.001	0.979	0.000	0.460
Pentraxin-related protein 3	PTX3	0.336	0.024	0.007	0.452	0.005	0.488
P-selectin glycoprotein ligand 1	PSGL1	0.009	0.057	0.582	0.023	<0.001	0.982
C-C motif chemokine 17	CCL17	<0.001	0.016	0.188	0.911	0.507	0.416
Matrix metalloproteinase-7	MMP7	0.055	0.004	<0.001	0.002	0.883	0.945
Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b	IGGFC	0.031	0.890	0.107	0.291	0.383	0.244
Melusin	ITGB1BP2	<0.001	0.155	0.535	0.348	0.117	0.847
Decorin	DCN	0.111	0.284	<0.001	0.104	0.486	0.952
Dickkopf-related protein 1	DKK1	0.011	0.188	0.361	0.795	0.984	0.620
Lipoprotein lipase	LPL	<0.001	0.075	0.241	0.165	<0.001	0.149
Prostasin	PRSS8	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.621
Agouti-related protein	AGRP	0.196	0.014	0.004	0.500	0.002	0.162
Proheparin-binding EGF-like growth factor	HBEGF	0.067	0.343	0.051	0.802	0.851	0.641
Growth/differentiation factor 2	GDF2	<0.001	0.890	0.262	0.731	0.554	0.511
Fatty acid-binding protein, intestinal	FABP2	0.069	0.731	0.039	0.195	0.019	0.648
Thrombopoietin	THPO	<0.001	0.539	0.520	0.534	0.277	0.175
Macrophage receptor MARCO	MARCO	0.001	0.001	<0.001	0.091	0.011	0.921
Gastrotropin	GT	0.009	0.045	0.753	0.258	<0.001	0.953
Matrix metalloproteinase-12	MMP12	<0.001	<0.001	<0.001	0.000	<0.001	0.928
Angiotensin-converting enzyme 2	ACE2	<0.001	0.016	0.248	0.004	<0.001	0.692
Programmed cell death 1 ligand 2	PDL2	0.165	0.033	0.001	0.852	<0.001	0.763
Cathepsin L1	CTSL1	0.166	0.123	<0.001	0.079	0.056	0.281
Osteoclast-associated immunoglobulin-like receptor	HOSCAR	0.004	0.040	0.001	0.512	0.437	0.815
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 13B	TNFRSF13B	0.812	0.001	<0.001	0.135	0.265	0.907
Protein-glutamine gamma-glutamyltransferase 2	TGM2	<0.001	0.045	0.001	0.366	0.000	0.915
Leptin	LEP	<0.001	0.001	<0.001	0.181	0.008	0.088
Carbonic anhydrase-5A, mitochondrial	CA5A	<0.001	0.026	0.005	0.213	0.004	0.632
Heat shock 27 kDa protein	HSP27	0.631	0.330	0.651	0.064	0.788	0.449
T-cell surface glycoprotein CD4	CD4	<0.001	0.005	0.007	0.369	0.011	0.700
NF-kappa-B essential modulator	NEMO	<0.001	0.223	0.919	0.481	0.438	0.809
Vascular endothelial growth factor D	VEGFD	<0.001	0.981	0.956	0.858	0.572	0.994
Poly [ADP-ribose] polymerase 1	PARP1	<0.001	0.073	0.690	0.798	0.602	0.597
Hydroxyacid oxidase 1	HAOX1	<0.001	0.178	0.799	0.015	0.056	0.376
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 14	TNFRSF14	<0.001	0.001	0.003	0.293	0.112	0.320
Low-density lipoprotein receptor	LDL_RC	<0.001	0.232	0.168	0.011	0.001	0.989
Integrin beta-2	ITGB2	0.668	0.101	0.378	0.536	0.001	0.716

Interleukin-17 receptor A	IL17RA	0.001	0.685	0.134	0.386	0.726	0.747
Tumor necrosis factor receptor 2	TNFR2	0.189	<0.001	<0.001	0.110	0.003	0.067
Matrix metalloproteinase-9	MMP9	0.108	0.002	0.001	0.520	<0.001	0.837
Ephrin type-B receptor 4	EPHB4	0.696	0.171	0.001	0.623	0.179	0.046
Interleukin-2 receptor subunit alpha	IL2RA	0.552	0.001	<0.001	0.368	0.082	0.186
CD166 antigen	ALCAM	<0.001	0.062	0.008	0.062	0.084	0.069
P-selectin	SELP	<0.001	0.017	0.806	0.433	0.968	0.844
Cystatin-B	CSTB	<0.001	0.001	<0.001	0.359	0.140	0.217
Scavenger receptor cysteine-rich type 1 protein M130	CD163	0.898	<0.001	<0.001	0.156	<0.001	0.732
Granulins	GRN	<0.001	0.031	<0.001	0.003	0.007	0.222
N-terminal prohormone brain natriuretic peptide	NT-proBNP	0.005	0.862	<0.001	0.020	0.232	0.945
Perlecan	PLC	0.009	0.267	<0.001	0.030	0.438	0.684
Lymphotoxin-beta receptor	LTBR	0.818	0.047	0.006	0.681	0.835	0.006
Neurogenic locus notch homolog protein 3	NOTCH3	<0.001	0.240	0.020	0.041	0.596	0.451
Metalloproteinase inhibitor 4	TIMP4	<0.001	0.010	<0.001	0.090	0.385	0.091
Contactin-1	CNTN1	<0.001	0.751	0.192	0.033	0.020	0.355
Cadherin-5	CDH5	0.001	0.212	0.114	0.677	0.112	0.043
Trem-like transcript 2 protein	TLT2	<0.001	0.152	0.015	0.581	0.736	0.394
Fatty acid-binding protein 4	FABP4	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	<0.001	0.065
Tissue factor pathway inhibitor	TFPI	0.520	0.276	0.276	0.247	0.950	0.676
Plasminogen activator inhibitor 1	PAI	0.007	0.005	0.080	0.876	0.344	0.674
C-C motif chemokine 24	CCL24	0.064	0.346	0.865	0.986	0.184	0.571
Transferrin receptor protein 1	TR	0.007	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.562
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10C	TNFRSF10C	0.050	0.044	<0.001	0.589	0.091	0.010
Growth/differentiation factor 15	GDF15	0.004	<0.001	<0.001	0.083	<0.001	0.458
E-selectin	SELE	0.006	<0.001	0.043	0.394	0.002	0.148
Protein delta homolog 1	DLK1	0.002	0.109	0.001	0.067	0.680	0.692
Myeloperoxidase	MPO	<0.001	0.024	0.608	0.412	0.042	0.763
C-X-C motif chemokine 16	CXCL16	<0.001	0.020	0.054	0.136	0.003	0.181
Interleukin-6 receptor subunit alpha	IL6RA	0.008	0.572	0.009	0.274	0.458	0.965
Resistin	RETN	0.344	0.030	<0.001	0.828	0.435	0.299
Insulin-like growth factor-binding protein 1	IGFBP1	0.002	0.201	0.011	0.386	<0.001	0.835
Chitotriosidase-1	CHIT1	0.075	0.320	0.723	0.774	0.180	0.855
Tartrate-resistant acid phosphatase type 5	TRAP	<0.001	0.086	0.754	0.992	0.755	0.976
Platelet glycoprotein VI	GP6	<0.001	0.043	0.528	0.532	0.390	0.752
Pulmonary surfactant-associated protein D	PSPD	0.303	0.101	0.048	0.215	0.553	0.091
Epithelial cell adhesion molecule	EPCAM	<0.001	0.817	0.133	0.067	0.034	0.058
Aminopeptidase N	APN	0.706	0.561	0.638	0.047	0.087	0.129
Tyrosine-protein kinase receptor UFO	AXL	0.050	0.101	<0.001	0.114	0.006	0.184
Interleukin-1 receptor type 1	IL1RT1	0.292	0.065	0.080	0.691	<0.001	0.018
Matrix metalloproteinase-2	MMP2	0.022	0.600	0.002	0.011	0.096	0.834
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 6	FAS	0.149	0.029	0.016	0.165	0.008	0.178
Myoglobin	MB	<0.001	0.216	<0.001	0.003	0.046	0.273
Tumor necrosis factor ligand superfamily member 13B	TNFSF13B	<0.001	<0.001	0.020	0.600	0.558	0.244
Proprotein convertase subtilisin/kexin type 9	PCSK9	<0.001	0.091	0.012	<0.001	0.289	0.047
Urokinase plasminogen activator surface receptor	UPAR	0.223	<0.001	0.000	0.314	<0.001	0.173

Osteopontin	OPN	0.810	0.349	0.073	0.385	0.102	0.146
Peptidoglycan recognition protein 1	PGLYRP1	0.999	0.150	<0.001	0.882	0.252	0.676
Carboxypeptidase A1	CPA1	0.019	0.546	0.204	0.005	0.072	0.374
Junctional adhesion molecule A	JAMA	<0.001	0.157	0.932	0.545	0.968	0.774
Galectin-4	GAL4	0.078	0.001	0.000	0.000	<0.001	0.186
Interleukin-1 receptor type 2	IL1RT2	0.330	0.012	0.486	0.078	0.002	0.847
Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type substrate 1	SHPS1	0.830	0.007	0.005	0.328	0.071	0.091
C-C motif chemokine 15	CCL15	0.046	0.156	<0.001	0.308	<0.001	0.304
Caspase-3	CASP3	<0.001	0.145	0.993	0.351	0.514	0.986
Carboxypeptidase B	CPB1	0.041	0.243	0.008	0.039	0.385	0.916
Chitinase-3-like protein 1	CHI3L1	<0.001	0.028	0.004	0.069	0.013	0.480
ST2 protein	ST2	<0.001	0.018	0.008	0.078	0.001	0.110
Tissue-type plasminogen activator	TPA	<0.001	<0.001	0.075	0.079	0.359	0.571
Secretoglobin family 3A member 2	SCGB3A2	0.015	0.208	0.249	0.465	0.030	0.757
Epidermal growth factor receptor	EGFR	<0.001	0.605	0.517	0.044	0.040	0.901
Insulin-like growth factor-binding protein 7	IGFBP7	0.036	0.002	<0.001	0.466	0.011	0.485
Complement component C1q receptor	CD93	0.356	0.398	0.461	0.614	0.564	0.166
Interleukin-18-binding protein	IL18BP	0.599	0.002	0.001	0.454	0.007	0.146
Collagen alpha-1(I) chain	COL1A1	<0.001	0.996	0.002	0.517	0.001	0.316
Paraoxonase 3	PON3	<0.001	0.001	<0.001	0.741	<0.001	0.827
Cathepsin Z	CTSZ	0.051	0.001	<0.001	0.852	<0.001	0.640
Matrix metalloproteinase-3	MMP3	<0.001	0.075	0.186	0.024	0.762	0.019
Retinoic acid receptor responder protein 2	RARRES2	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	0.211
Intercellular adhesion molecule 2	ICAM2	0.734	0.098	0.021	0.447	0.012	0.688
Kallikrein-6	KLK6	0.912	0.592	0.005	0.093	0.144	0.329
Platelet-derived growth factor subunit A	PDGFA	0.036	0.096	0.710	0.761	0.830	0.662
Tumor necrosis factor receptor 1	TNFR1	0.310	0.000	<0.001	0.106	0.001	0.047
Insulin-like growth factor-binding protein 2	IGFBP2	0.639	0.215	0.818	0.685	0.251	0.241
von Willebrand factor	VWF	0.634	0.012	0.243	0.498	0.287	0.074
Platelet endothelial cell adhesion molecule	PECAM1	<0.001	0.114	0.843	0.380	0.703	0.903
Matrix extracellular phosphoglycoprotein	MEPE	0.004	0.386	0.908	0.666	0.002	0.671
C-C motif chemokine 16	CCL16	<0.001	0.010	<0.001	0.178	0.043	0.867
Interleukin-8	IL8	0.000	0.003	0.069	0.699	0.001	0.604
Vascular endothelial growth factor A	VEGFA	0.113	0.009	<0.001	0.003	<0.001	0.337
T-cell surface glycoprotein CD8 alpha chain	CD8A	0.848	0.385	0.002	0.156	0.001	0.385
Monocyte chemotactic protein 3	MCP3	0.344	<0.001	<0.001	0.056	<0.001	0.238
CUB domain-containing protein 1	CDCP1	0.034	<0.001	0.011	0.947	<0.001	0.706
Natural killer cell receptor 2B4	CD244	0.006	0.084	0.058	0.478	0.309	0.479
Interleukin-7	IL7	0.036	0.320	0.199	0.456	0.162	0.484
Osteoprotegerin	OPG	<0.001	0.001	0.004	0.142	<0.001	0.451
Latency-associated peptide transforming growth factor beta-1	LAP_TGFB1	0.057	0.024	0.090	0.567	0.116	0.999
Urokinase-type plasminogen activator	UPA	<0.001	0.811	0.061	0.655	0.993	0.564
Interleukin-6	IL6	0.047	<0.001	<0.001	0.108	0.140	0.103
Monocyte chemotactic protein 1	MCP1	0.303	0.137	0.005	0.139	0.069	0.755
C-X-C motif chemokine 11	CXCL11	0.032	0.014	0.050	0.180	0.150	0.604
Axin-1	AXIN1	<0.001	0.353	0.687	0.659	0.366	0.850

TNF-related apoptosis-inducing ligand	TRAIL	<0.001	0.689	0.004	0.053	0.911	0.146
C-X-C motif chemokine 9	CXCL9	0.203	0.000	<0.001	0.219	0.783	0.806
Cystatin D	CST5	0.571	0.909	0.001	0.666	0.054	0.479
Oncostatin-M	OSM	0.003	0.000	0.008	0.880	<0.001	0.645
C-X-C motif chemokine 1	CXCL1	0.001	0.061	0.441	0.786	0.352	0.536
C-C motif chemokine 4	CCL4	0.004	0.165	0.010	0.758	0.223	0.982
T cell surface glycoprotein CD6 isoform	CD6	0.045	0.132	0.761	0.903	0.075	0.841
Transforming growth factor alpha	TGFA	0.246	0.001	<0.001	0.129	<0.001	0.550
Monocyte chemotactic protein 4	MCP4	0.001	0.245	0.999	0.925	0.356	0.733
Eotaxin	CCL11	<0.001	0.004	0.885	0.522	<0.001	0.925
Tumor necrosis factor ligand superfamily member 14	TNFSF14	<0.001	0.062	0.245	0.874	0.156	0.457
Matrix metalloproteinase-1	MMP1	<0.001	0.701	0.007	0.746	0.024	0.105
Leukemia inhibitory factor receptor	LIFR	<0.001	0.237	<0.001	0.137	<0.001	0.207
Fibroblast growth factor 21	FGF21	0.109	<0.001	<0.001	0.421	0.564	0.837
C-C motif chemokine 19	CCL19	0.071	<0.001	<0.001	0.016	0.001	0.069
Interleukin-15 receptor subunit alpha	IL15RA	0.408	0.008	<0.001	0.034	0.126	0.564
Interleukin-10 receptor subunit beta	IL10RB	0.000	0.012	<0.001	0.233	<0.001	0.373
Interleukin-18 receptor 1	IL18R1	0.064	<0.001	<0.001	0.580	<0.001	0.033
Programmed cell death 1 ligand 1	PDL1	<0.001	0.054	0.003	0.409	0.011	0.165
C-X-C motif chemokine 5	CXCL5	0.965	0.027	0.843	0.435	0.084	0.849
TNF-related activation-induced cytokine	TRANCE	0.130	0.861	0.001	0.102	0.003	0.506
Hepatocyte growth factor	HGF	0.043	<0.001	<0.001	0.087	<0.001	0.784
Interleukin-12 subunit beta	IL12B	<0.001	0.020	<0.001	0.899	0.007	0.708
Matrix metalloproteinase-10	MMP10	0.038	0.031	0.016	0.022	0.010	0.000
Interleukin-10	IL10	0.805	0.105	0.008	0.109	0.259	0.172
Tumor necrosis factor	TNF	0.053	0.009	<0.001	0.006	0.024	0.876
C-C motif chemokine 23	CCL23	0.796	0.612	0.002	0.662	0.289	0.821
T-cell surface glycoprotein CD5	CD5	<0.001	0.023	0.080	0.379	0.017	0.913
C-C motif chemokine 3	CCL3	0.010	0.009	<0.001	0.860	0.024	0.812
Fms-related tyrosine kinase 3 ligand	FLT3L	<0.001	0.045	0.024	0.134	0.020	0.693
C-X-C motif chemokine 6	CXCL6	<0.001	0.004	0.177	0.539	0.524	0.812
C-X-C motif chemokine 10	CXCL10	0.162	0.001	<0.001	0.082	0.854	0.911
Eukaryotic translation initiation factor 4E-binding protein 1	4EBP1	<0.001	0.027	0.159	0.842	0.032	0.611
SIR2-like protein 2	SIRT2	<0.001	0.111	0.535	0.740	0.923	0.624
C-C motif chemokine 28	CCL28	0.054	0.099	0.599	0.650	0.288	0.875
Delta and Notch-like epidermal growth factor-related receptor	DNER	0.015	0.168	<0.001	0.595	0.302	0.082
Protein S100-A12	ENRAGE	<0.001	0.003	<0.001	0.117	<0.001	0.069
CD40L receptor	CD40	<0.001	0.070	0.025	0.224	0.426	0.842
Interferon gamma	IFNG	0.182	0.869	0.714	0.107	0.153	0.125
Fibroblast growth factor-19	FGF19	0.738	0.820	0.473	0.107	<0.001	0.689
Monocyte chemotactic protein 2	MCP2	0.407	0.446	0.015	0.560	0.194	0.396
Caspase-8	CASP8	<0.001	0.071	0.021	0.732	0.003	0.253
C-C motif chemokine 25	CCL25	0.037	0.934	0.047	0.662	0.087	0.707
Fractalkine	CX3CL1	<0.001	0.650	0.005	0.780	0.723	0.074
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 9	TNFRSF9	0.017	0.023	<0.001	0.527	0.271	0.873
Neurotrophin-3	NT3	0.104	0.073	0.172	0.008	0.005	0.518

Tumor necrosis factor (Ligand) superfamily, member 12	TWEAK	<0.001	0.006	0.727	0.730	0.045	0.362
C-C motif chemokine 20	CCL20	0.242	<0.001	0.003	0.081	0.003	0.654
Sulfotransferase 1A1	ST1A1	<0.001	0.326	0.951	0.571	0.528	0.831
STAM-binding protein	STAMBP	<0.001	0.179	0.826	0.766	0.678	0.907
Adenosine Deaminase	ADA	<0.001	0.065	0.075	0.215	0.107	0.132
TNF-beta	TNFB	<0.001	0.928	0.177	0.638	0.405	0.626
Macrophage colony-stimulating factor 1	CSF1	<0.001	0.006	<0.001	0.263	0.001	0.099

P = *p-value*

Angiotensin antagonists	Angiotensin-converting enzyme inhibitors	Calcium antagonists	Beta-blockers	Smoking status	Glucose tolerance group
0.871	0.002	0.171	0.241	0.311	0.022
0.230	0.026	0.054	0.197	0.730	0.789
0.012	<0.001	<0.001	<0.001	0.417	0.019
0.717	0.076	0.583	0.149	0.207	0.526
0.402	0.003	<0.001	0.000	0.016	0.096
0.934	0.283	0.772	0.001	0.002	0.113
0.957	0.066	0.140	0.001	0.021	0.003
0.607	0.698	0.001	0.000	0.372	0.018
0.429	0.028	0.532	0.364	0.066	0.36
0.021	<0.001	0.000	<0.001	0.621	< 0.001
0.727	0.016	0.000	<0.001	0.467	< 0.001
0.912	0.599	0.575	0.125	0.281	0.714
0.095	0.100	0.367	0.174	0.492	< 0.001
0.160	<0.001	0.000	0.000	<0.001	< 0.001
0.451	<0.001	0.005	0.632	0.305	0.466
0.623	0.003	<0.001	<0.001	0.002	< 0.001
0.871	0.268	0.011	0.626	0.019	0.637
0.740	0.075	0.012	0.022	0.025	< 0.001
0.984	0.076	0.025	0.100	0.001	0.251
0.955	0.344	0.424	0.947	<0.001	0.166
0.479	0.031	0.105	0.040	0.511	0.806
0.862	0.005	0.002	<0.001	<0.001	0.05
0.821	0.299	0.314	0.008	0.001	0.038
0.214	0.003	0.001	0.004	<0.001	< 0.001
0.015	<0.001	<0.001	<0.001	0.034	0.014
0.212	0.324	0.065	0.038	0.030	0.001
0.474	0.839	0.076	0.255	<0.001	< 0.001
0.626	0.111	0.005	0.001	0.038	< 0.001
0.937	0.209	0.006	0.003	<0.001	0.449
0.298	0.201	0.710	0.002	0.002	< 0.001
0.194	0.276	0.354	0.884	0.538	0.193
0.137	0.050	0.118	0.134	0.028	0.653
0.017	0.060	0.001	0.000	0.156	0.055
0.004	0.034	0.008	0.000	0.002	0.263
0.133	0.510	0.640	0.019	<0.001	0.016
0.912	0.178	0.002	0.126	0.083	0.021
0.878	0.218	0.539	0.171	0.003	0.384
0.578	0.011	0.272	0.304	0.193	0.897
0.130	0.002	0.023	<0.001	0.001	0.005
0.007	0.000	<0.001	<0.001	0.000	< 0.001
0.935	0.187	0.850	0.145	0.031	0.547
0.088	0.015	<0.001	0.008	0.004	0.05

0.056	0.001	<0.001	<0.001	0.002	< 0.001
0.316	0.031	0.092	<0.001	0.237	< 0.001
0.917	0.005	<0.001	0.318	0.001	0.261
0.637	0.071	0.001	0.037	0.009	< 0.001
0.134	0.011	<0.001	0.003	<0.001	0.129
0.031	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005
0.424	0.489	0.443	0.110	<0.001	0.065
0.320	0.021	0.044	0.012	0.189	0.812
0.673	0.007	0.441	0.362	0.005	0.078
0.076	<0.001	0.015	0.234	0.751	0.016
0.213	0.003	<0.001	0.097	0.020	< 0.001
0.858	0.065	0.001	<0.001	0.090	< 0.001
0.405	0.004	0.257	0.028	<0.001	< 0.001
0.581	0.271	0.166	0.758	0.011	0.866
0.008	0.005	<0.001	<0.001	0.951	0.015
0.846	0.695	0.141	0.043	0.212	0.962
0.953	0.098	0.470	0.240	0.218	0.392
0.065	0.054	0.036	0.000	<0.001	0.004
0.383	0.002	0.029	0.319	0.765	0.734
0.095	0.140	0.605	0.513	0.000	< 0.001
0.473	0.093	<0.001	0.005	0.000	< 0.001
0.011	0.100	0.012	0.001	0.563	0.002
0.469	0.001	0.051	0.522	0.507	0.544
0.817	0.248	0.047	0.793	0.000	0.288
0.676	0.693	0.861	0.296	0.299	0.002
0.430	0.040	0.080	0.118	0.053	0.067
0.170	0.042	0.029	<0.001	0.000	0.046
0.190	0.750	0.142	0.519	0.006	< 0.001
0.061	0.234	0.000	0.015	0.000	< 0.001
0.167	<0.001	0.015	0.002	0.006	< 0.001
0.774	0.165	0.002	0.010	0.002	0.011
0.166	0.001	<0.001	<0.001	0.789	0.026
0.790	0.020	<0.001	0.001	0.007	0.286
0.071	0.004	0.010	0.001	0.635	0.705
0.325	<0.001	0.003	<0.001	0.917	< 0.001
0.192	<0.001	0.001	<0.001	0.000	< 0.001
0.076	0.005	0.014	<0.001	0.062	< 0.001
0.499	0.053	0.593	0.922	0.193	0.784
0.088	0.012	0.031	0.012	0.014	< 0.001
0.960	0.329	0.658	0.140	0.023	0.602
0.093	0.046	0.517	<0.001	0.000	0.031
0.812	0.023	0.518	0.139	0.000	0.066
0.435	0.484	0.659	0.035	0.028	< 0.001
0.427	<0.001	0.019	0.800	0.094	0.176
0.014	0.155	0.417	0.151	0.024	0.005
0.849	0.079	0.700	0.717	0.000	0.003

0.243	0.001	0.266	0.545	0.076	0.335
0.223	0.001	<0.001	0.004	0.280	0.019
0.112	0.002	0.005	0.122	0.000	< 0.001
0.226	0.106	0.003	0.196	0.009	0.532
0.275	0.015	0.005	0.385	0.678	0.15
0.595	0.026	0.101	0.032	0.000	0.009
0.991	0.009	0.483	0.060	0.015	0.513
0.423	<0.001	0.040	0.115	0.355	0.045
0.158	0.018	0.046	0.002	0.012	< 0.001
0.444	0.072	0.005	0.019	0.131	0.25
0.017	<0.001	<0.001	<0.001	0.000	0.072
0.007	0.009	0.008	<0.001	0.000	0.726
0.534	0.013	0.039	0.261	0.063	0.425
0.727	0.011	0.356	0.007	0.000	0.372
0.245	0.017	0.007	0.025	0.003	0.254
0.878	0.067	0.897	0.236	0.000	0.002
0.575	0.084	0.638	0.200	0.000	0.363
0.381	0.007	0.181	0.190	0.000	0.426
0.054	<0.001	<0.001	<0.001	0.000	< 0.001
0.625	0.718	0.903	0.009	0.686	0.342
0.034	0.003	0.133	0.402	0.480	0.006
0.572	0.221	0.111	0.586	0.710	0.549
0.564	0.051	<0.001	0.042	0.000	< 0.001
0.611	0.012	0.009	0.755	0.088	0.045
0.311	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	< 0.001
0.388	0.351	0.005	0.901	0.149	< 0.001
0.147	0.363	0.005	0.534	0.000	0.475
0.861	0.178	0.947	0.286	0.021	0.018
0.313	0.074	0.089	0.105	0.083	0.129
0.976	0.379	0.783	0.970	0.009	0.067
0.229	0.002	0.012	0.517	0.980	0.213
0.132	0.002	0.271	0.502	0.038	< 0.001
0.616	0.422	0.799	0.796	0.534	0.15
0.446	0.404	0.990	0.109	0.120	0.003
0.878	0.010	0.463	0.113	0.148	0.8
0.886	0.983	0.800	0.008	0.009	0.793
0.904	0.155	0.195	0.345	0.162	0.207
0.106	0.295	0.433	0.171	0.568	0.11
0.661	0.048	0.004	0.005	0.000	0.002
0.955	0.090	0.087	0.406	0.156	< 0.001
0.585	0.006	0.189	0.001	0.001	0.132
0.186	0.004	0.122	0.171	0.152	0.002
0.193	0.012	0.076	0.937	0.000	0.685
0.523	0.332	0.241	0.245	0.031	0.785
0.310	0.128	0.031	0.930	0.001	0.863
0.990	0.002	0.005	0.014	0.000	< 0.001

0.359	0.403	0.088	0.979	0.430	0.292
0.030	0.013	0.000	0.227	0.996	0.326
0.069	0.747	0.124	0.094	0.002	0.637
0.808	0.027	0.722	0.105	0.044	0.598
0.020	0.001	<0.001	<0.001	0.454	< 0.001
0.009	0.418	0.748	0.722	0.053	< 0.001
0.364	0.016	0.309	0.983	0.039	0.052
0.103	0.001	0.009	0.076	0.296	< 0.001
0.793	0.051	0.901	0.086	0.057	0.763
0.011	0.656	0.084	0.001	0.013	0.582
0.014	0.229	0.013	0.004	0.002	< 0.001
0.131	0.008	0.126	0.047	0.000	< 0.001
0.254	0.145	0.274	0.038	0.018	< 0.001
0.155	0.001	0.912	0.143	0.000	< 0.001
0.954	0.905	0.576	0.108	0.000	0.006
0.033	0.001	0.037	0.003	0.001	< 0.001
0.509	0.509	0.098	0.725	0.850	0.035
0.519	0.229	0.009	0.146	0.146	0.042
0.395	0.202	0.078	0.015	0.009	< 0.001
0.911	0.000	0.001	<0.001	0.013	< 0.001
0.083	0.007	0.000	0.510	0.528	< 0.001
0.063	0.118	0.189	0.847	0.000	0.282
0.034	<0.001	<0.001	0.630	0.213	< 0.001
0.350	0.122	0.183	0.446	<0.001	0.361
0.616	0.196	0.224	0.265	0.035	< 0.001
0.247	0.009	0.153	0.041	0.839	0.798
0.039	<0.001	<0.001	0.009	0.147	0.002
0.551	0.560	0.588	0.641	0.105	< 0.001
0.978	0.063	0.472	0.469	0.496	0.001
0.679	0.028	0.883	0.084	0.040	0.511
0.282	0.168	0.581	0.327	0.001	0.005
0.003	0.007	0.001	0.285	0.009	< 0.001
0.107	0.082	0.035	0.608	0.017	< 0.001
0.003	0.002	<0.001	0.026	0.822	0.002
0.150	0.341	0.002	0.408	0.057	0.001
0.065	<0.001	<0.001	0.028	0.062	< 0.001
0.694	0.119	0.228	0.001	0.102	< 0.001
0.933	0.006	0.270	0.769	0.209	0.268
0.565	0.040	0.270	0.041	0.448	0.496
0.829	0.001	0.005	0.002	0.018	< 0.001
0.424	0.001	0.004	0.836	0.678	0.027
0.659	0.110	0.312	0.086	0.001	0.587
0.779	0.001	0.003	0.061	<0.001	< 0.001
0.151	0.045	0.092	0.115	0.531	0.304
0.524	0.001	0.063	0.612	0.418	0.564
0.689	0.236	0.376	0.108	0.026	0.37

0.427	0.092	0.374	0.948	0.011	0.457
0.283	0.197	0.040	0.002	0.003	0.414
0.752	0.597	0.209	0.834	<0.001	0.387
0.440	<0.001	<0.001	0.142	<0.001	< 0.001
0.592	0.102	0.698	0.122	0.582	0.803
0.026	0.000	0.003	0.088	0.197	0.003
0.672	0.227	0.950	0.806	0.061	0.075
0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.428	< 0.001
0.649	0.009	0.141	0.089	0.310	0.749
0.711	0.009	0.001	0.576	<0.001	< 0.001
0.392	0.001	0.031	0.541	0.156	0.043
0.179	0.007	0.003	0.105	0.121	0.045
0.059	0.002	0.002	0.000	<0.001	< 0.001
0.006	0.132	0.082	<0.001	0.001	< 0.001
0.002	0.003	0.001	0.010	0.242	0.034
0.350	0.074	0.003	<0.001	0.017	0.118
0.526	0.011	<0.001	0.068	<0.001	0.009
0.084	<0.001	<0.001	0.005	0.122	< 0.001
0.761	<0.001	<0.001	0.436	0.033	0.009
0.710	0.093	0.683	0.060	0.485	0.577
0.007	0.031	0.967	0.751	0.077	0.02
0.142	<0.001	<0.001	0.003	0.002	< 0.001
0.129	0.120	0.006	0.032	<0.001	0.216
0.543	0.721	0.088	0.868	0.003	0.331
0.068	0.360	0.058	0.083	0.449	0.267
0.055	0.034	<0.001	<0.001	0.002	0.107
0.014	0.077	0.073	0.656	0.696	0.499
0.416	0.007	0.271	0.340	0.003	0.008
0.028	<0.001	0.008	0.004	0.063	< 0.001
0.118	0.699	0.104	0.049	0.722	0.058
0.719	0.015	0.147	0.819	0.263	0.085
0.146	<0.001	0.042	0.002	<0.001	0.181
0.599	0.002	0.053	0.616	0.005	0.068
0.906	0.026	0.399	0.223	0.277	0.947
0.177	0.045	0.220	0.216	0.740	0.567
0.656	0.250	0.191	<0.001	0.013	0.029
0.039	0.002	0.000	0.495	0.020	< 0.001
0.924	0.002	0.017	0.611	0.372	0.67
0.226	0.649	0.593	0.373	0.003	0.599
0.474	0.597	0.136	0.516	0.858	< 0.001
0.083	0.001	0.259	0.525	0.948	0.32
0.470	<0.001	0.023	0.887	0.147	0.011
0.904	0.691	0.240	0.115	0.951	0.309
0.764	0.357	0.037	0.173	<0.001	0.084
0.348	0.261	0.001	0.016	0.322	0.042
0.188	0.298	0.030	0.017	0.001	0.223

0.907	0.534	0.179	0.040	<0.001	< 0.001
0.853	0.040	0.024	0.334	0.014	0.001
0.875	0.092	0.363	0.296	0.041	0.592
0.738	0.063	0.428	0.174	0.129	0.838
0.258	<0.001	0.182	0.669	0.080	0.322
0.509	0.805	0.600	0.042	<0.001	0.647
0.737	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009

Table S11: Bivariable association of CAND-HRV indices and categorical covariates of S4 study sample

Kruskal–Wallis rank-sum test <i>P</i>						
CAND-HRV indices	Abbreviations	Sex	Physical activity	Diuretics	Statins	Glucose-lowering drugs
Rényi entropy of the histogram with order (alpha) 4, baseline	Rényi4, baseline	0.026	0.038	0.038	0.684	0.003
Total power of the density spectra, baseline	TP, baseline	0.001	0.138	0.027	0.639	0.002
Standard deviation of word sequence, baseline	SDWS, baseline	0.008	0.149	0.001	0.462	0.003
Standard deviation of the short-term normal-to-normal interval variability, baseline	SDSA,baseline	0.791	0.367	0.613	0.588	0.072
Compression entropy, baseline	CE, baseline	0.704	0.008	0.026	0.75	0.023

P = *p-value*

Non-steroidal anti-inflammatory drugs	Angiotensin antagonists	Angiotensin-converting enzyme inhibitors	Calcium antagonists	Beta-blockers	Smoking status	Glucose tolerance group
0.629	0.463	0.07	0.425	0.884	0.034	0.002
0.783	0.665	0.046	0.185	0.473	0.039	0.004
0.858	0.548	0.03	0.21	0.002	0.015	0.034
0.794	0.984	0.794	0.929	0.024	0.154	0.032
0.832	0.393	0.187	0.644	0.188	0.053	0.004

Table S12: Bivariable association of proteomics biomarkers, continuous covariates, and CAND-HRV indices of S4-FF4 study sample

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	BMP6	ANGPT1	ADM	CD40L	PGF
BMP6	1	0.6	<0.1	0.7	0.1
ANGPT1	0.6	1	<0.1	0.7	<0.1
ADM	<0.1	<0.1	1	-0.2	0.5
CD40L	0.7	0.7	-0.2	1	-0.1
PGF	0.1	<0.1	0.5	-0.1	1
ADAMTS13	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2
BOC	<0.1	<0.1	0.3	-0.2	0.5
IL4RA	<0.1	<0.1	0.4	-0.2	0.5
SRC	0.1	0.2	<0.1	0.3	<0.1
IL1RA	0.6	0.4	0.1	0.5	0.2
TNFRSF10A	0.4	0.2	0.3	0.2	0.3
STK4	0.5	0.5	-0.1	0.7	-0.1
IDUA	0.5	0.4	<0.1	0.4	0.1
TNFRSF11A	0.1	0.2	0.6	<0.1	0.6
PAR1	0.7	0.6	<0.1	0.8	<0.1
TRAILR2	0.2	0.2	0.5	0.1	0.6
PRSS27	0.3	0.4	0.2	0.3	0.3
TIE2	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	0.5
TF	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.4
IL1RL2	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.3
PDGFB	0.7	0.9	<0.1	0.8	<0.1
IL27	<0.1	<0.1	0.3	-0.2	0.3
IL17D	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.4
LOX1	0.4	0.4	0.1	0.3	0.2
GAL9	0.5	0.3	0.2	0.4	0.2
GIF	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3
SCF	-0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.2
IL18	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3
PLGR	-0.1	<0.1	0.4	-0.1	0.3
RAGE	-0.1	<0.1	0.4	-0.2	0.4
SOD2	0.4	0.4	0.1	0.5	<0.1
CTRC	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2
FGF23	-0.1	-0.1	0.5	-0.2	0.4
SPON2	-0.1	-0.1	0.7	-0.3	0.5
GH	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1
FS	<0.1	<0.1	0.4	-0.1	0.2
GLO1	0.6	0.6	-0.2	0.8	-0.1
CD84	0.7	0.7	-0.1	0.8	<0.1
SERPINA12	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
REN	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3
DECR1	0.6	0.5	-0.2	0.9	-0.2
MERTK	-0.1	<0.1	0.3	-0.2	0.4
KIM1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.3
THBS2	0.1	<0.1	0.4	-0.1	0.3
TM	0.3	0.2	0.4	0.1	0.6
VSIG2	<0.1	<0.1	0.4	-0.1	0.4
AMBP	<0.1	<0.1	0.5	-0.1	0.5
PRELP	0.1	0.1	0.5	<0.1	0.5
HO1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3
XCL1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3
IL16	0.6	0.4	-0.1	0.7	<0.1
SORT1	0.7	0.8	0.1	0.7	0.1
CEACAM8	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3
PTX3	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.2
PSGL1	0.3	0.2	<0.1	0.2	<0.1
CCL17	0.6	0.7	<0.1	0.7	0.1
MMP7	0.1	<0.1	0.4	-0.1	0.3
IGGFC	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
ITGB1BP2	0.7	0.6	-0.2	0.9	-0.1
DCN	0.1	<0.1	0.5	-0.1	0.5
DKK1	0.7	0.9	-0.1	0.8	<0.1
LPL	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1
PRSS8	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.4
AGRP	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.4
HBEGF	0.7	0.8	<0.1	0.8	<0.1

GDF2	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.3
FABP2	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.3
THPO	0.4	0.6	0.1	0.5	0.2
MARCO	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.3
GT	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2
MMP12	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.3
ACE2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.3
PDL2	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.4
CTSL1	0.1	0.1	0.4	-0.1	0.5
HOSCAR	0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.5
TNFRSF13B	0.2	0.1	0.4	<0.1	0.5
TGM2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3
LEP	<0.1	0.1	0.4	<0.1	0.1
CA5A	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2
HSP27	-0.2	-0.2	<0.1	-0.1	<0.1
CD4	0.5	0.4	0.1	0.5	0.2
NEMO	0.7	0.6	-0.2	0.9	-0.2
VEGFD	-0.1	<0.1	0.3	-0.2	0.3
PARP1	0.6	0.4	-0.2	0.7	-0.1
HAOX1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
TNFRSF14	0.5	0.5	0.1	0.6	0.1
LDL_RC	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
ITGB2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1
IL17RA	0.4	0.3	<0.1	0.4	<0.1
TNFR2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.4
MMP9	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1
EPHB4	-0.1	-0.1	0.3	-0.2	0.4
IL2RA	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2
ALCAM	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1
SELP	0.7	0.7	-0.1	0.8	-0.1
CSTB	0.5	0.4	<0.1	0.6	<0.1
CD163	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2
GRN	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.2
NTPROBNP	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1
PLC	-0.1	<0.1	0.5	-0.1	0.4
LTBR	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.3
NOTCH3	-0.1	-0.1	0.3	-0.2	0.2
TIMP4	-0.1	<0.1	0.4	-0.1	0.1
CNTN1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1
CDH5	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	0.3
TLT2	0.3	0.4	<0.1	0.5	0.1
FABP4	<0.1	0.1	0.5	<0.1	0.1
TFPI	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
PAI	0.6	0.8	0.1	0.7	0.1
CCL24	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
TR	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
TNFRSF10C	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
GDF15	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.3
SELE	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
DLK1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3
MPO	0.4	0.3	<0.1	0.4	<0.1
CXCL16	-0.1	0.1	0.3	-0.1	0.3
IL6RA	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1
RETN	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2
IGFBP1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1
CHIT1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
TRAP	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
GP6	0.6	0.7	-0.2	0.9	-0.1
PSPD	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
EPCAM	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1
APN	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2
AXL	-0.1	-0.1	0.3	-0.2	0.4
IL1RT1	-0.2	-0.1	0.2	-0.2	0.2
MMP2	<0.1	-0.1	0.2	-0.2	0.2
FAS	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3
MB	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3
TNFSF13B	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1
PCSK9	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
UPAR	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2
OPN	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.3

PGLYRP1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2
CPA1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2
JAMA	0.6	0.6	-0.1	0.8	-0.2
GAL4	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1
IL1RT2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1
SHPS1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2
CCL15	<0.1	<0.1	0.4	-0.1	0.2
CASP3	0.6	0.6	-0.2	0.9	-0.2
CPB1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2
CHI3L1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3
ST2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
TPA	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1
SCGB3A2	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
EGFR	-0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
IGFBP7	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.4
CD93	-0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.4
IL18BP	-0.1	-0.1	0.3	-0.1	0.4
COL1A1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2
PON3	-0.2	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1
CTS2	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.3
MMP3	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.3
RARRES2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2
ICAM2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
KLK6	-0.2	-0.1	0.2	-0.2	0.2
PDGFA	0.7	0.9	-0.1	0.8	<0.1
TNFR1	0.1	0.1	0.4	<0.1	0.5
IGFBP2	-0.2	<0.1	0.2	-0.2	0.1
VWF	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1
PECAM1	0.6	0.5	-0.1	0.7	-0.1
MEPE	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.3
CCL16	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.2
IL8	0.5	0.5	<0.1	0.5	0.1
VEGFA	0.5	0.6	0.3	0.5	0.3
CD8A	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2
MCP3	0.3	0.4	0.2	0.4	0.2
CDCP1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2
CD244	0.7	0.5	-0.1	0.7	<0.1
IL7	0.6	0.7	-0.1	0.7	-0.1
OPG	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2
LAP_TGFB1	0.7	0.8	<0.1	0.8	0.1
UPA	0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.2
IL6	0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.3
MCP1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.3
CXCL11	0.6	0.5	-0.1	0.7	<0.1
AXIN1	0.7	0.5	-0.2	0.9	-0.2
TRAIL	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.2
CXCL9	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2
CST5	-0.1	-0.1	0.2	-0.2	0.3
OSM	0.3	0.4	0.1	0.3	0.1
CXCL1	0.6	0.6	-0.2	0.8	-0.1
CCL4	0.5	0.5	0.1	0.5	0.2
CD6	0.4	0.3	<0.1	0.5	<0.1
TGFA	0.2	0.3	0.3	0.1	0.3
MCP4	0.6	0.8	-0.1	0.8	<0.1
CCL11	0.3	0.4	<0.1	0.3	0.1
TNFSF14	0.7	0.6	-0.1	0.8	<0.1
MMP1	0.5	0.7	<0.1	0.6	<0.1
LIFR	-0.1	-0.1	0.3	-0.3	0.3
FGF21	0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.1
CCL19	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
IL15RA	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.4
IL10RB	-0.1	-0.1	0.4	-0.2	0.5
IL18R1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
PDL1	0.6	0.5	-0.1	0.6	0.1
CXCL5	0.6	0.6	-0.2	0.8	-0.1
TRANCE	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2
HGF	0.5	0.5	0.2	0.4	0.2
IL12B	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.3
MMP10	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2
IL10	-0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.2

TNF	0.1	0.1	0.3	0.1	0.3
CCL23	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.3
CD5	0.5	0.4	-0.1	0.6	<0.1
CCL3	0.4	0.3	0.2	0.4	0.2
FLT3L	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.3
CXCL6	0.6	0.6	-0.2	0.8	-0.1
CXCL10	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2
4EBP1	0.7	0.6	-0.2	0.9	-0.1
SIRT2	0.7	0.6	-0.2	0.9	-0.1
CCL28	0.3	0.2	<0.1	0.2	<0.1
DNER	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
ENRAGE	0.3	0.3	<0.1	0.4	<0.1
CD40	0.7	0.6	-0.1	0.8	-0.1
IFNG	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2
FGF19	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1
MCP2	0.5	0.6	<0.1	0.5	<0.1
CASP8	0.6	0.5	-0.1	0.8	<0.1
CCL25	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.2
CX3CL1	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	0.4
TNFRSF9	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.4
NT3	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
TWEAK	0.3	0.4	<0.1	0.3	0.1
CCL20	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1
ST1A1	0.6	0.5	-0.2	0.8	-0.1
STAMBP	0.7	0.6	-0.2	0.9	-0.1
ADA	0.6	0.4	-0.1	0.7	<0.1
TNFB	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1
CSF1	<0.1	<0.1	0.4	-0.1	0.4
Age	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
Body mass index	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1
Waist circumference	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2
Educational attainment	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1
Alcohol consumption	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
Systolic blood pressure	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
Diastolic blood pressure	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
Hemoglobin A1c	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
Duration of known T2D	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
High-density lipoprotein cholesterol	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
Low-density lipoprotein cholesterol	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
Triglycerides	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
Albumin	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1
Fibrinogen	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
C-reactive protein	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
Serum amyloid A	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1
Leucocyte count	-0.2	<0.1	0.2	-0.1	-0.1
Serum adiponectin	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
Uric acid	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
Creatinine	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
Rényi4, baseline	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1
TP, baseline	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDWS, baseline	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1
SDSA,baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CE, baseline	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Rényi4, follow-up	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
TP, follow-up	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
SDWS, follow-up	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDSA, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CE, follow-up	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	BMP6	ANGPT1	ADM	CD40L	PGF
BMP6	<0.001	<0.001	1	<0.001	1
ANGPT1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1

ADM	0.461	0.813	<0.001	0.027	<0.001
CD40L	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1
PGF	0.126	0.953	<0.001	0.071	<0.001
ADAMTS13	0.672	0.838	0.001	0.057	<0.001
BOC	0.464	0.479	<0.001	0.001	<0.001
IL4RA	0.921	0.609	<0.001	0.001	<0.001
SRC	0.004	<0.001	0.621	<0.001	0.841
IL1RA	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001
TNFRSF10A	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
STK4	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	0.004
IDUA	<0.001	<0.001	0.438	<0.001	0.121
TNFRSF11A	0.037	<0.001	<0.001	0.796	<0.001
PAR1	<0.001	<0.001	0.349	<0.001	0.608
TRAILR2	<0.001	0.002	<0.001	0.009	<0.001
PRSS27	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001
TIE2	0.834	0.26	<0.001	0.002	<0.001
TF	0.478	0.864	<0.001	0.068	<0.001
IL1RL2	0.182	0.034	<0.001	0.713	<0.001
PDGFB	<0.001	<0.001	0.78	<0.001	0.726
IL27	0.389	0.833	<0.001	<0.001	<0.001
IL17D	0.003	0.017	<0.001	0.771	<0.001
LOX1	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	<0.001
GAL9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GIF	0.271	0.313	<0.001	0.492	<0.001
SCF	<0.001	0.637	0.007	0.013	<0.001
IL18	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PLGR	0.063	0.637	<0.001	0.007	<0.001
RAGE	0.01	0.693	<0.001	<0.001	<0.001
SOD2	<0.001	<0.001	0.306	<0.001	0.933
CTRC	0.011	<0.001	0.012	0.387	<0.001
FGF23	0.274	0.166	<0.001	<0.001	<0.001
SPON2	0.006	0.149	<0.001	<0.001	<0.001
GH	0.036	0.264	0.306	0.056	0.035
FS	0.392	0.855	<0.001	0.037	<0.001
GLO1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003
CD84	<0.001	<0.001	0.112	<0.001	0.834
SERPINA12	0.084	0.528	0.014	0.997	0.082
REN	0.06	0.956	0.007	0.863	<0.001
DECR1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MERTK	0.105	0.374	<0.001	<0.001	<0.001
KIM1	0.033	0.667	<0.001	0.801	<0.001
THBS2	0.007	0.716	<0.001	0.028	<0.001
TM	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	<0.001
VSIG2	0.844	0.842	<0.001	0.004	<0.001
AMBP	0.948	0.873	<0.001	0.007	<0.001
PRELP	0.008	0.151	<0.001	0.317	<0.001
HO1	<0.001	0.015	0.001	<0.001	<0.001
XCL1	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
IL16	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	0.963
SORT1	<0.001	<0.001	0.155	<0.001	0.007
CEACAM8	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PTX3	0.406	0.045	<0.001	0.113	0.001
PSGL1	<0.001	<0.001	0.329	<0.001	0.407
CCL17	<0.001	<0.001	0.448	<0.001	0.031
MMP7	0.215	0.459	<0.001	0.082	<0.001
IGGFC	0.178	0.66	0.209	0.589	0.095
ITGB1BP2	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.007
DCN	0.137	0.882	<0.001	0.005	<0.001
DKK1	<0.001	<0.001	0.304	<0.001	0.474
LPL	0.068	0.566	<0.001	0.013	0.339
PRSS8	0.015	0.219	<0.001	0.706	<0.001
AGRP	0.044	0.062	<0.001	0.983	<0.001
HBEGF	<0.001	<0.001	0.521	<0.001	0.332
GDF2	0.439	0.321	<0.001	0.018	<0.001
FABP2	0.793	0.983	<0.001	0.189	<0.001
THPO	<0.001	<0.001	0.023	<0.001	0.002
MARCO	<0.001	0.009	<0.001	0.395	<0.001
GT	0.902	0.554	<0.001	0.566	<0.001
MMP12	0.33	0.169	<0.001	0.772	<0.001
ACE2	<0.001	0.723	0.001	0.819	<0.001

PDL2	0.545	0.698	<0.001	0.029	<0.001
CTSL1	0.244	0.244	<0.001	0.047	<0.001
HOSCAR	0.198	0.582	<0.001	0.498	<0.001
TNFRSF13B	<0.001	0.281	<0.001	0.939	<0.001
TGM2	0.01	0.03	<0.001	0.014	<0.001
LEP	0.83	0.245	<0.001	0.88	0.118
CA5A	0.002	0.779	0.001	0.634	<0.001
HSP27	<0.001	<0.001	0.404	0.045	0.537
CD4	<0.001	<0.001	0.024	<0.001	0.001
NEMO	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
VEGFD	0.096	0.869	<0.001	0.001	<0.001
PARP1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.136
HAOX1	0.022	0.783	0.389	0.576	0.012
TNFRSF14	<0.001	<0.001	0.149	<0.001	0.003
LDL_RC	0.591	0.341	0.007	0.434	0.037
ITGB2	<0.001	<0.001	0.432	<0.001	0.136
IL17RA	<0.001	<0.001	0.444	<0.001	0.682
TNFR2	0.012	0.025	<0.001	0.143	<0.001
MMP9	0.005	<0.001	0.072	0.002	0.097
EPHB4	0.003	0.095	<0.001	0.001	<0.001
IL2RA	0.357	0.276	<0.001	0.637	<0.001
ALCAM	0.047	0.885	<0.001	0.014	0.003
SELP	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.066
CSTB	<0.001	<0.001	0.97	<0.001	0.554
CD163	0.017	0.612	<0.001	0.57	<0.001
GRN	0.648	0.722	<0.001	0.149	<0.001
NTPROBNP	0.037	0.252	<0.001	0.021	0.77
PLC	0.218	0.758	<0.001	0.011	<0.001
LTBR	0.48	0.255	<0.001	0.496	<0.001
NOTCH3	0.094	0.298	<0.001	<0.001	<0.001
TIMP4	0.019	0.599	<0.001	0.021	0.003
CNTN1	0.022	0.833	<0.001	0.02	0.004
CDH5	0.191	0.077	0.004	0.002	<0.001
TLT2	<0.001	<0.001	0.728	<0.001	0.199
FABP4	0.549	0.274	<0.001	0.555	0.01
TFPI	0.175	0.002	0.092	0.033	0.182
PAI	<0.001	<0.001	0.169	<0.001	0.115
CCL24	0.004	0.009	0.366	0.161	0.43
TR	0.598	0.004	0.017	0.132	0.137
TNFRSF10C	0.688	0.044	0.035	0.533	0.212
GDF15	0.402	0.669	<0.001	0.249	<0.001
SELE	0.04	0.992	0.045	0.918	<0.001
DLK1	0.528	0.356	<0.001	0.995	<0.001
MPO	<0.001	<0.001	0.979	<0.001	0.351
CXCL16	0.299	0.221	<0.001	0.197	<0.001
IL6RA	0.04	0.53	<0.001	0.014	0.162
RETN	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
IGFBP1	0.004	0.913	0.052	0.077	0.123
CHIT1	0.421	0.162	0.079	0.111	0.028
TRAP	0.19	0.645	0.004	0.546	<0.001
GP6	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.016
PSPD	0.369	0.746	0.043	0.565	0.004
EPCAM	0.368	0.636	0.164	0.159	0.113
APN	0.438	0.845	0.02	0.024	0.001
AXL	0.123	0.069	<0.001	0.001	<0.001
IL1RT1	0.002	0.088	<0.001	<0.001	<0.001
MMP2	0.333	0.283	<0.001	<0.001	<0.001
FAS	0.002	0.036	<0.001	0.078	<0.001
MB	0.324	0.285	<0.001	0.763	<0.001
TNFSF13B	0.646	0.376	<0.001	0.586	0.035
PCSK9	0.888	0.009	<0.001	0.155	0.289
UPAR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
OPN	0.471	0.939	<0.001	0.043	<0.001
PGLYRP1	0.259	0.002	<0.001	0.283	<0.001
CPA1	0.77	0.615	<0.001	0.137	<0.001
JAMA	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.002
GAL4	0.066	0.902	<0.001	0.472	0.003
IL1RT2	0.396	0.963	0.162	0.088	0.009
SHPS1	0.099	0.709	<0.001	0.539	<0.001
CCL15	0.374	0.739	<0.001	0.068	<0.001

CASP3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002
CPB1	0.548	0.74	<0.001	0.119	<0.001
CHI3L1	0.038	0.777	<0.001	0.951	<0.001
ST2	0.302	0.451	0.897	0.205	0.009
TPA	0.001	0.658	0.02	0.081	0.056
SCGB3A2	0.019	0.454	0.129	0.073	0.917
EGFR	<0.001	0.974	0.071	0.004	0.591
IGFBP7	0.821	0.477	<0.001	0.004	<0.001
CD93	0.1	0.449	<0.001	0.017	<0.001
IL18BP	0.307	0.088	<0.001	0.003	<0.001
COL1A1	0.3	0.688	0.002	0.047	<0.001
PON3	<0.001	0.201	0.474	<0.001	0.027
CTSZ	0.269	0.435	<0.001	0.669	<0.001
MMP3	0.5	0.19	0.23	0.041	<0.001
RARRES2	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ICAM2	0.714	0.548	0.275	0.483	0.002
KLK6	0.001	0.055	<0.001	<0.001	<0.001
PDGFA	<0.001	<0.001	0.285	<0.001	0.459
TNFR1	0.178	0.076	<0.001	0.526	<0.001
IGFBP2	<0.001	0.698	<0.001	0.002	0.106
VWF	0.389	0.505	<0.001	0.047	0.007
PECAM1	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	0.013
MEPE	0.571	0.775	0.006	0.246	<0.001
CCL16	0.917	0.922	<0.001	0.143	<0.001
IL8	<0.001	<0.001	0.336	<0.001	0.163
VEGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD8A	0.15	0.292	0.002	0.478	<0.001
MCP3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002
CDCP1	0.122	0.958	0.001	0.583	<0.001
CD244	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	0.608
IL7	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	0.089
OPG	0.126	0.859	<0.001	0.059	<0.001
LAP_TGFB1	<0.001	<0.001	0.516	<0.001	0.297
UPA	0.033	0.145	<0.001	0.283	<0.001
IL6	0.045	0.697	<0.001	0.533	<0.001
MCP1	0.001	<0.001	<0.001	0.044	<0.001
CXCL11	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	0.819
AXIN1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TRAIL	0.745	0.826	<0.001	0.034	<0.001
CXCL9	0.999	0.816	<0.001	0.858	<0.001
CST5	0.087	0.23	<0.001	0.002	<0.001
OSM	<0.001	<0.001	0.262	<0.001	0.145
CXCL1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006
CCL4	<0.001	<0.001	0.15	<0.001	0.002
CD6	<0.001	<0.001	0.326	<0.001	0.54
TGFA	<0.001	<0.001	<0.001	0.021	<0.001
MCP4	<0.001	<0.001	0.042	<0.001	0.506
CCL11	<0.001	<0.001	0.464	<0.001	0.145
TNFSF14	<0.001	<0.001	0.057	<0.001	0.909
MMP1	<0.001	<0.001	0.884	<0.001	0.34
LIFR	0.068	0.01	<0.001	<0.001	<0.001
FGF21	0.303	0.892	<0.001	0.995	0.003
CCL19	0.01	0.274	0.004	0.102	0.001
IL15RA	0.159	0.613	<0.001	0.556	<0.001
IL10RB	0.16	0.193	<0.001	<0.001	<0.001
IL18R1	0.003	0.19	0.034	0.112	0.007
PDL1	<0.001	<0.001	0.056	<0.001	0.03
CXCL5	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.026
TRANCE	0.818	0.276	<0.001	0.666	<0.001
HGF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL12B	0.533	0.191	<0.001	0.649	<0.001
MMP10	0.757	0.803	0.001	0.181	<0.001
IL10	0.304	0.393	<0.001	0.008	<0.001
TNF	0.003	0.016	<0.001	0.16	<0.001
CCL23	0.723	<0.001	<0.001	0.045	<0.001
CD5	<0.001	<0.001	0.2	<0.001	0.441
CCL3	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001
FLT3L	0.465	0.479	<0.001	0.996	<0.001
CXCL6	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.161
CXCL10	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001

4EBP1	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.093
SIRT2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007
CCL28	<0.001	<0.001	0.364	<0.001	0.456
DNER	0.449	0.952	0.752	0.09	0.072
ENRAGE	<0.001	<0.001	0.903	<0.001	0.443
CD40	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.031
IFNG	0.367	0.082	<0.001	0.447	<0.001
FGF19	0.421	0.888	<0.001	0.359	0.02
MCP2	<0.001	<0.001	0.954	<0.001	0.326
CASP8	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	0.91
CCL25	0.347	0.477	<0.001	0.023	0.001
CX3CL1	0.695	0.103	<0.001	0.012	<0.001
TNFRSF9	0.214	0.302	<0.001	0.84	<0.001
NT3	0.219	0.175	0.057	0.551	0.015
TWEAK	<0.001	<0.001	0.518	<0.001	0.071
CCL20	<0.001	0.001	0.014	<0.001	0.012
ST1A1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003
STAMBP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003
ADA	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	0.725
TNFB	0.974	0.711	<0.001	0.076	0.007
CSF1	0.937	0.647	<0.001	0.056	<0.001
Age	0.003	0.044	0.001	0.001	0.003
Body mass index	0.014	0.238	<0.001	0.278	0.059
Waist circumference	<0.001	0.848	<0.001	0.36	<0.001
Educational attainment	0.373	0.181	0.036	0.165	0.187
Alcohol consumption	0.39	0.994	0.487	0.579	0.015
Systolic blood pressure	0.001	0.674	0.834	0.158	0.559
Diastolic blood pressure	0.017	0.902	0.775	0.236	0.688
Hemoglobin A1c	0.05	0.797	0.193	0.18	0.304
Duration of known T2D	0.003	0.567	0.772	0.548	0.089
High-density lipoprotein cholesterol	0.002	0.927	0.448	0.067	0.02
Low-density lipoprotein cholesterol	0.829	0.866	0.814	0.214	0.3
Triglycerides	0.027	0.954	0.033	0.122	0.064
Albumin	0.511	0.408	0.003	0.123	0.277
Fibrinogen	0.433	0.462	0.033	0.108	0.446
C-reactive protein	0.013	0.02	<0.001	0.016	0.052
Serum amyloid A	0.72	0.906	<0.001	0.8	0.057
Leucocyte count	0.001	0.503	0.001	0.056	0.032
Serum adiponectin	0.089	0.012	0.092	0.017	0.819
Uric acid	0.049	0.465	0.002	0.313	<0.001
Creatinine	0.123	0.825	0.007	0.821	<0.001
Rényi4, baseline	0.905	0.224	0.004	0.317	0.501
TP, baseline	0.664	0.321	0.003	0.352	0.464
SDWS, baseline	0.346	0.071	0.008	0.13	0.799
SDSA,baseline	0.518	0.557	0.321	0.429	0.719
CE, baseline	0.92	0.975	0.197	0.795	0.765
Rényi4, follow-up	0.911	0.622	0.024	0.915	0.197
TP, follow-up	0.283	0.806	0.012	0.586	0.105
SDWS, follow-up	0.79	0.371	0.063	0.641	0.495
SDSA, follow-up	0.418	0.388	0.398	0.544	0.451
CE, follow-up	0.577	0.302	0.125	0.443	0.308

Abbreviations

Bone morphogenetic protein 6	BMP6
Angiopoietin-1	ANGPT1
Adrenomedullin	ADM
CD40 ligand	CD40L
Placenta growth factor	PGF
A disintegrin and metalloproteinase with thrombospondin motifs 13	ADAMTS13
Brother of CDO	BOC
Interleukin-4 receptor subunit alpha	IL4RA
Proto-oncogene tyrosine-protein kinase Src	SRC
Interleukin-1 receptor antagonist protein	IL1RA
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A	TNFRSF10A
Serine/threonine-protein kinase 4	STK4
Alpha-L-iduronidase	IDUA

Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A	TNFRSF11A
Proteinase-activated receptor 1	PAR1
TNF-related apoptosis-inducing ligand receptor 2	TRAILR2
Serine protease 27	PRSS27
Angiopoietin-1 receptor	TIE2
Tissue factor	TF
Interleukin-1 receptor-like 2	IL1RL2
Platelet-derived growth factor subunit B	PDGFB
Interleukin-27	IL27
Interleukin-17D	IL17D
Lectin-like oxidized LDL receptor 1	LOX1
Galectin-9	GAL9
Gastric intrinsic factor	GIF
Stem cell factor	SCF
Interleukin-18	IL18
Polymeric immunoglobulin receptor	PLGR
Receptor for advanced glycosylation end products	RAGE
Superoxide dismutase [Mn], mitochondrial	SOD2
Chymotrypsin C	CTRC
Fibroblast growth factor-23	FGF23
Spondin-2	SPON2
Growth hormone	GH
Follistatin	FS
Lactoylglutathione lyase	GLO1
SLAM family member 5	CD84
Serpin A12	SERPINA12
Renin	REN
2,4-dienoyl-CoA reductase, mitochondrial	DECR1
Tyrosine-protein kinase Mer	MERTK
Kidney Injury Molecule	KIM1
Thrombospondin-2	THBS2
Thrombomodulin	TM
V-set and immunoglobulin domain-containing protein 2	VSIG2
Protein AMBP	AMBP
Prolargin	PRELP
Heme oxygenase 1	HO1
Lymphotoctin	XCL1
Pro-interleukin-16	IL16
Sortilin	SORT1
Carcinoembryonic antigen-related cell adhesion molecule 8	CEACAM8
Pentraxin-related protein 3	PTX3
P-selectin glycoprotein ligand 1	PSGL1
C-C motif chemokine 17	CCL17
Matrix metalloproteinase-7	MMP7
Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b	IGGFC
Melusin	ITGB1BP2
Decorin	DCN
Dickkopf-related protein 1	DKK1
Lipoprotein lipase	LPL
Prostasin	PRSS8
Agouti-related protein	AGRP
Proheparin-binding EGF-like growth factor	HBEGF
Growth/differentiation factor 2	GDF2
Fatty acid-binding protein, intestinal	FABP2
Thrombopoietin	THPO
Macrophage receptor MARCO	MARCO
Gastrotropin	GT
Matrix metalloproteinase-12	MMP12
Angiotensin-converting enzyme 2	ACE2
Programmed cell death 1 ligand 2	PDL2
Cathepsin L1	CTSL1
Osteoclast-associated immunoglobulin-like receptor	HOSCAR
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 13B	TNFRSF13B
Protein-glutamine gamma-glutamyltransferase 2	TGM2
Leptin	LEP
Carbonic anhydrase-5A, mitochondrial	CA5A
Heat shock 27 kDa protein	HSP27
T-cell surface glycoprotein CD4	CD4
NF-kappa-B essential modulator	NEMO
Vascular endothelial growth factor D	VEGFD

Poly [ADP-ribose] polymerase 1	PARP1
Hydroxyacid oxidase 1	HAOX1
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 14	TNFRSF14
Low-density lipoprotein receptor	LDL_RC
Integrin beta-2	ITGB2
Interleukin-17 receptor A	IL17RA
Tumor necrosis factor receptor 2	TNFR2
Matrix metalloproteinase-9	MMP9
Ephrin type-B receptor 4	EPHB4
Interleukin-2 receptor subunit alpha	IL2RA
CD166 antigen	ALCAM
P-selectin	SELP
Cystatin-B	CSTB
Scavenger receptor cysteine-rich type 1 protein M130	CD163
Granulins	GRN
N-terminal prohormone brain natriuretic peptide	NTPROBNP
Perlecan	PLC
Lymphotoxin-beta receptor	LTBR
Neurogenic locus notch homolog protein 3	NOTCH3
Metalloproteinase inhibitor 4	TIMP4
Contactin-1	CNTN1
Cadherin-5	CDH5
Trem-like transcript 2 protein	TLT2
Fatty acid-binding protein 4	FABP4
Tissue factor pathway inhibitor	TFPI
Plasminogen activator inhibitor 1	PAI
C-C motif chemokine 24	CCL24
Transferrin receptor protein 1	TR
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10C	TNFRSF10C
Growth/differentiation factor 15	GDF15
E-selectin	SELE
Protein delta homolog 1	DLK1
Myeloperoxidase	MPO
C-X-C motif chemokine 16	CXCL16
Interleukin-6 receptor subunit alpha	IL6RA
Resistin	RETN
Insulin-like growth factor-binding protein 1	IGFBP1
Chitotriosidase-1	CHIT1
Tartrate-resistant acid phosphatase type 5	TRAP
Platelet glycoprotein VI	GP6
Pulmonary surfactant-associated protein D	PSPD
Epithelial cell adhesion molecule	EPCAM
Aminopeptidase N	APN
Tyrosine-protein kinase receptor UFO	AXL
Interleukin-1 receptor type 1	IL1RT1
Matrix metalloproteinase-2	MMP2
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 6	FAS
Myoglobin	MB
Tumor necrosis factor ligand superfamily member 13B	TNFSF13B
Proprotein convertase subtilisin/kexin type 9	PCSK9
Urokinase plasminogen activator surface receptor	UPAR
Osteopontin	OPN
Peptidoglycan recognition protein 1	PGLYRP1
Carboxypeptidase A1	CPA1
Junctional adhesion molecule A	JAMA
Galectin-4	GAL4
Interleukin-1 receptor type 2	IL1RT2
Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type substrate 1	SHPS1
C-C motif chemokine 15	CCL15
Caspase-3	CASP3
Carboxypeptidase B	CPB1
Chitinase-3-like protein 1	CHI3L1
ST2 protein	ST2
Tissue-type plasminogen activator	TPA
Secretoglobin family 3A member 2	SCGB3A2
Epidermal growth factor receptor	EGFR
Insulin-like growth factor-binding protein 7	IGFBP7
Complement component C1q receptor	CD93
Interleukin-18-binding protein	IL18BP
Collagen alpha-1(I) chain	COL1A1

Paraoxonase 3	PON3
Cathepsin Z	CTSZ
Matrix metalloproteinase-3	MMP3
Retinoic acid receptor responder protein 2	RARRES2
Intercellular adhesion molecule 2	ICAM2
Kallikrein-6	KLK6
Platelet-derived growth factor subunit A	PDGFA
Tumor necrosis factor receptor 1	TNFR1
Insulin-like growth factor-binding protein 2	IGFBP2
von Willebrand factor	VWF
Platelet endothelial cell adhesion molecule	PECAM1
Matrix extracellular phosphoglycoprotein	MEPE
C-C motif chemokine 16	CCL16
Interleukin-8	IL8
Vascular endothelial growth factor A	VEGFA
T-cell surface glycoprotein CD8 alpha chain	CD8A
Monocyte chemotactic protein 3	MCP3
CUB domain-containing protein 1	CDCP1
Natural killer cell receptor 2B4	CD244
Interleukin-7	IL7
Osteoprotegerin	OPG
Latency-associated peptide transforming growth factor beta-1	LAP_TGFB1
Urokinase-type plasminogen activator	UPA
Interleukin-6	IL6
Monocyte chemotactic protein 1	MCP1
C-X-C motif chemokine 11	CXCL11
Axin-1	AXIN1
TNF-related apoptosis-inducing ligand	TRAIL
C-X-C motif chemokine 9	CXCL9
Cystatin D	CST5
Oncostatin-M	OSM
C-X-C motif chemokine 1	CXCL1
C-C motif chemokine 4	CCL4
T cell surface glycoprotein CD6 isoform	CD6
Transforming growth factor alpha	TGFA
Monocyte chemotactic protein 4	MCP4
Eotaxin	CCL11
Tumor necrosis factor ligand superfamily member 14	TNFSF14
Matrix metalloproteinase-1	MMP1
Leukemia inhibitory factor receptor	LIFR
Fibroblast growth factor 21	FGF21
C-C motif chemokine 19	CCL19
Interleukin-15 receptor subunit alpha	IL15RA
Interleukin-10 receptor subunit beta	IL10RB
Interleukin-18 receptor 1	IL18R1
Programmed cell death 1 ligand 1	PDL1
C-X-C motif chemokine 5	CXCL5
TNF-related activation-induced cytokine	TRANCE
Hepatocyte growth factor	HGF
Interleukin-12 subunit beta	IL12B
Matrix metalloproteinase-10	MMP10
Interleukin-10	IL10
Tumor necrosis factor	TNF
C-C motif chemokine 23	CCL23
T-cell surface glycoprotein CD5	CD5
C-C motif chemokine 3	CCL3
Fms-related tyrosine kinase 3 ligand	FLT3L
C-X-C motif chemokine 6	CXCL6
C-X-C motif chemokine 10	CXCL10
Eukaryotic translation initiation factor 4E-binding protein 1	4EBP1
SIR2-like protein 2	SIRT2
C-C motif chemokine 28	CCL28
Delta and Notch-like epidermal growth factor-related receptor	DNER
Protein S100-A12	ENRAGE
CD40L receptor	CD40
Interferon gamma	IFNG
Fibroblast growth factor-19	FGF19
Monocyte chemotactic protein 2	MCP2
Caspase-8	CASP8
C-C motif chemokine 25	CCL25

Fractalkine	CX3CL1
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 9	TNFRSF9
Neurotrophin-3	NT3
Tumor necrosis factor (Ligand) superfamily, member 12	TWEAK
C-C motif chemokine 20	CCL20
Sulfoltransferase 1A1	ST1A1
STAM-binding protein	STAMPB
Adenosine Deaminase	ADA
TNF-beta	TNFB
Macrophage colony-stimulating factor 1	CSF1
Age	
Body mass index	
Waist circumference	
Educational attainment	
Alcohol consumption	
Systolic blood pressure	
Diastolic blood pressure	
Hemoglobin A1c	
Duration of known T2D	
High-density lipoprotein cholesterol	
Low-density lipoprotein cholesterol	
Triglycerides	
Albumin	
Fibrinogen	
C-reactive protein	
Serum amyloid A	
Leucocyte count	
Serum adiponectin	
Uric acid	
Creatinine	
Rényi entropy of the histogram with order (alpha) 4, baseline	Rényi4, baseline
Total power of the density spectra, baseline	TP, baseline
Standard deviation of word sequence, baseline	SDWS, baseline
Standard deviation of the short-term normal-to-normal interval variability, baseline	SDSA,baseline
Compression entropy, baseline	CE, baseline
Rényi entropy of the histogram with order (alpha) 4, follow-up	Rényi4, follow-up
Total power of the density spectra, follow-up	TP, follow-up
Standard deviation of word sequence, follow-up	SDWS, follow-up
Standard deviation of the short-term normal-to-normal interval variability, follow-up	SDSA, follow-up
Compression entropy, follow-up	CE, follow-up

$P = p\text{-value}$

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	ADAMT	BOC	IL4RA	SRC	IL1RA	TNFRSF	STK4	IDUA	TNFRSF	PAR1	TRAILR2	PRSS27
BMP6	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.6	0.4	0.5	0.5	0.1	0.7	0.2	0.3
ANGPT1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.4	0.2	0.5	0.4	0.2	0.6	0.2	0.4
ADM	0.2	0.3	0.4	<0.1	0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.6	<0.1	0.5	0.2
CD40L	-0.1	-0.2	-0.2	0.3	0.5	0.2	0.7	0.4	<0.1	0.8	0.1	0.3
PGF	0.2	0.5	0.5	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.1	0.6	<0.1	0.6	0.3
ADAMTS13	1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
BOC	0.2	1	0.4	<0.1	-0.1	0.1	-0.2	0.1	0.4	-0.1	0.2	0.3
IL4RA	0.1	0.4	1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.4	-0.1	0.3	0.2
SRC	<0.1	<0.1	<0.1	1	0.1	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	<0.1
IL1RA	0.1	-0.1	<0.1	0.1	1	0.4	0.3	0.5	0.2	0.5	0.4	0.2
TNFRSF10A	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.4	1	0.1	0.3	0.4	0.2	0.6	0.2
STK4	<0.1	-0.2	-0.1	0.6	0.3	0.1	1	0.3	-0.1	0.7	<0.1	0.1
IDUA	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.3	0.3	1	0.1	0.4	0.2	0.2
TNFRSF11A	0.2	0.4	0.4	<0.1	0.2	0.4	-0.1	0.1	1	0.1	0.5	0.3
PAR1	-0.1	-0.1	-0.1	0.3	0.5	0.2	0.7	0.4	0.1	1	0.2	0.3
TRAILR2	0.1	0.2	0.3	-0.1	0.4	0.6	<0.1	0.2	0.5	0.2	1	0.3
PRSS27	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	1
TIE2	0.2	0.4	0.4	-0.1	<0.1	0.2	-0.2	0.1	0.4	-0.1	0.3	0.2
TF	0.1	0.4	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.3	0.1
IL1RL2	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1
PDGFB	<0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.5	0.2	0.6	0.4	0.1	0.7	0.2	0.4
IL27	0.2	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.3	-0.1	0.2	0.1
IL17D	0.2	0.3	0.4	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.3	0.3
LOX1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.5	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	0.3
GAL9	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	0.4	0.3	0.4	0.2	0.4	0.4	0.2
GIF	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2
SCF	0.1	0.3	0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.1
IL18	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2
PLGR	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.3	-0.1	0.4	0.2
RAGE	0.1	0.4	0.4	-0.1	-0.2	0.2	-0.2	<0.1	0.4	-0.1	0.3	0.2
SOD2	0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.3	0.1	0.6	0.3	0.1	0.5	<0.1	0.2
CTRC	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
FGF23	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.3	0.1
SPON2	0.2	0.4	0.5	-0.1	<0.1	0.4	-0.3	<0.1	0.6	-0.3	0.5	0.2
GH	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
FS	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.3	-0.1	0.1	0.3	-0.1	0.3	0.1
GLO1	-0.1	-0.3	-0.2	0.4	0.5	0.1	0.8	0.4	-0.1	0.8	0.1	0.2
CD84	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.5	0.2	0.7	0.4	0.1	0.8	0.2	0.3
SERPINA12	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
REN	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1
DECR1	-0.1	-0.3	-0.2	0.4	0.5	0.1	0.8	0.4	-0.1	0.8	<0.1	0.1
MERTK	0.2	0.3	0.5	-0.1	-0.1	0.2	-0.3	<0.1	0.3	-0.2	0.3	0.1
KIM1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1
THBS2	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.3	-0.1	0.2	0.3	-0.1	0.3	0.1
TM	0.1	0.4	0.4	<0.1	0.3	0.4	<0.1	0.2	0.6	0.2	0.5	0.4
VSIG2	0.1	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.5	-0.1	0.4	0.2
AMBP	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.5	-0.1	0.4	0.1
PRELP	0.3	0.4	0.4	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.5	<0.1	0.4	0.2
HO1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2
XCL1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.1	0.2	0.3	0.2	0.4	0.2
IL16	-0.1	-0.2	-0.2	0.2	0.7	0.2	0.6	0.5	-0.1	0.7	0.2	0.2
SORT1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.6	0.4	0.5	0.5	0.3	0.7	0.3	0.4
CEACAM8	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.5	0.4	0.1	0.2	0.3	0.3	0.4	0.2
PTX3	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1
PSGL1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	0.1
CCL17	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.4	0.2	0.5	0.3	0.1	0.6	0.2	0.3
MMP7	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.3	-0.1	0.1	0.3	-0.1	0.4	0.1
IGGFC	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
ITGB1BP2	-0.1	-0.2	-0.2	0.4	0.5	0.1	0.8	0.4	<0.1	0.9	<0.1	0.2
DCN	0.3	0.5	0.4	<0.1	0.1	0.3	-0.2	<0.1	0.5	-0.1	0.4	0.2
DKK1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.5	0.2	0.5	0.5	0.2	0.7	0.2	0.4
LPL	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1
PRSS8	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.4	0.1
AGRP	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.3	-0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2
HBEGF	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.5	0.3	0.5	0.5	0.2	0.7	0.2	0.4

GDF2	0.3	0.5	0.3	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.1	0.2
FABP2	<0.1	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.3	0.2
THPO	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.5	0.2	0.3
MARCO	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.4	0.1	0.3	0.1
GT	<0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1
MMP12	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.4	0.1
ACE2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1
PDL2	0.2	0.4	0.4	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.3	0.2
CTSL1	0.1	0.4	0.4	-0.1	0.2	0.3	-0.2	0.1	0.5	-0.1	0.5	0.2
HOSCAR	0.2	0.3	0.4	-0.1	0.2	0.3	-0.1	<0.1	0.5	0.1	0.5	0.2
TNFRSF13B	0.1	0.3	0.3	-0.1	0.2	0.4	-0.1	0.1	0.4	<0.1	0.5	0.2
TGM2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2
LEP	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1
CA5A	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1
HSP27	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	-0.2	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CD4	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.6	0.4	0.3	0.4	0.2	0.5	0.4	0.1
NEMO	-0.1	-0.3	-0.2	0.4	0.5	0.1	0.9	0.4	-0.1	0.8	<0.1	0.2
VEGFD	0.2	0.4	0.4	<0.1	-0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.2	0.2
PARP1	-0.1	-0.2	-0.2	0.2	0.6	0.2	0.6	0.5	-0.2	0.7	0.1	0.1
HAOX1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
TNFRSF14	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.4	0.3	0.4	0.3	0.2	0.6	0.3	0.3
LDL_RC	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
ITGB2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1
IL17RA	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.4	0.1	0.2
TNFR2	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.3	-0.1	0.1	0.4	0.1	0.5	0.2
MMP9	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1
EPHB4	<0.1	0.3	0.4	-0.1	<0.1	0.2	-0.2	-0.1	0.4	-0.2	0.3	0.2
IL2RA	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1
ALCAM	0.2	0.3	0.2	-0.1	<0.1	0.2	-0.2	<0.1	0.3	-0.1	0.2	0.1
SELP	-0.1	-0.2	-0.2	0.3	0.5	0.2	0.6	0.4	<0.1	0.8	0.1	0.2
CSTB	-0.1	-0.2	-0.2	0.1	0.7	0.3	0.4	0.4	0.1	0.6	0.3	0.2
CD163	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1
GRN	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1
NTPROBNP	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1
PLC	0.1	0.3	0.2	-0.1	<0.1	0.2	-0.2	<0.1	0.4	-0.1	0.4	0.1
LTBR	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.4	0.1	0.4	0.2
NOTCH3	0.2	0.4	0.2	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.3	-0.2	0.1	0.1
TIMP4	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
CNTN1	0.2	0.4	0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.2	-0.2	0.1	0.1
CDH5	0.1	0.2	0.1	-0.2	<0.1	0.2	-0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.2	<0.1
TLT2	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.5	0.2	0.3
FABP4	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.4	<0.1	0.3	<0.1
TFPI	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
PAI	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.5	0.3	0.4	0.4	0.2	0.6	0.2	0.3
CCL24	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
TR	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
TNFRSF10C	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1
GDF15	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.3	-0.2	0.1	0.3	-0.1	0.5	<0.1
SELE	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1
DLK1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.1
MPO	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.5	0.2	0.3	0.3	0.1	0.4	0.2	0.1
CXCL16	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.1
IL6RA	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1
RETN	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.1
IGFBP1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.3	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1
CHIT1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1
TRAP	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1
GP6	-0.2	-0.2	-0.2	0.4	0.5	0.2	0.7	0.4	<0.1	0.9	0.1	0.2
PSPD	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
EPCAM	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1
APN	0.2	0.3	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1
AXL	0.1	0.3	0.3	-0.1	0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.3	-0.1	0.2	0.1
IL1RT1	0.1	0.3	0.3	-0.1	-0.2	0.1	-0.3	<0.1	0.2	-0.2	0.1	0.1
MMP2	0.2	0.4	0.2	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.2	-0.2	0.1	0.1
FAS	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.4	0.1
MB	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1
TNFSF13B	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1
PCSK9	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
UPAR	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.4	0.2
OPN	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.3	0.1

PGLYRP1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.1
CPA1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1
JAMA	-0.2	-0.2	-0.2	0.4	0.4	0.2	0.7	0.4	-0.1	0.8	0.1	0.2
GAL4	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1
IL1RT2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1
SHPS1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1
CCL15	0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.3	<0.1
CASP3	-0.2	-0.2	-0.2	0.4	0.5	0.1	0.8	0.4	-0.1	0.9	0.1	0.2
CPB1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1
CHI3L1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	<0.1
ST2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
TPA	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1
SCGB3A2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
EGFR	0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1
IGFBP7	0.1	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.2	-0.2	0.1	0.3	-0.1	0.2	0.1
CD93	<0.1	0.3	0.2	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.3	-0.1	0.3	0.2
IL18BP	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.1	0.2	-0.2	<0.1	0.3	-0.1	0.4	0.1
COL1A1	0.1	0.3	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1
PON3	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	-0.4	-0.2	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
CTSZ	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.3	-0.1	0.3	0.3	0.1	0.3	0.1
MMP3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1
RARRES2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1
ICAM2	0.1	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1
KLK6	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1
PDGFA	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.4	0.2	0.5	0.4	0.1	0.7	0.2	0.4
TNFR1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.3	-0.1	0.1	0.5	<0.1	0.5	0.2
IGFBP2	<0.1	0.2	0.3	-0.1	-0.3	-0.1	-0.2	-0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1
VWF	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1
PECAM1	-0.1	-0.2	-0.2	0.3	0.4	0.2	0.6	0.4	<0.1	0.8	0.1	0.2
MEPE	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1
CCL16	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1
IL8	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.5	0.3	0.3	0.3	0.1	0.4	0.3	0.2
VEGFA	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.5	0.4	0.2	0.3	0.4	0.4	0.4	0.3
CD8A	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1
MCP3	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.4	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.4	0.1
CDCP1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	<0.1
CD244	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.6	0.3	0.6	0.4	0.1	0.8	0.2	0.2
IL7	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.5	0.2	0.5	0.4	0.1	0.6	0.1	0.2
OPG	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.4	-0.1	0.1	0.3	-0.1	0.3	0.1
LAP_TGFB1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.6	0.3	0.5	0.5	0.2	0.7	0.2	0.4
UPA	0.2	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1
IL6	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.4	<0.1
MCP1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.3	0.2
CXCL11	-0.1	-0.2	-0.1	0.2	0.5	0.2	0.5	0.4	<0.1	0.7	0.1	0.2
AXIN1	-0.1	-0.3	-0.2	0.4	0.5	0.1	0.8	0.4	-0.1	0.9	<0.1	0.2
TRAIL	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.2	<0.1
CXCL9	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	<0.1
CST5	0.1	0.3	0.3	<0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.2	-0.2	0.2	0.1
OSM	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.4	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1
CXCL1	-0.1	-0.2	-0.2	0.3	0.5	0.2	0.7	0.4	-0.1	0.8	0.1	0.2
CCL4	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.5	0.3	0.3	0.4	0.2	0.5	0.3	0.2
CD6	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.5	0.3	0.4	0.3	<0.1	0.5	0.2	0.1
TGFA	0.1	0.1	0.3	0.1	0.4	0.4	<0.1	0.2	0.4	<0.1	0.4	0.2
MCP4	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.5	0.2	0.5	0.4	0.1	0.7	0.2	0.4
CCL11	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2
TNFSF14	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.7	0.3	0.6	0.4	<0.1	0.7	0.2	0.2
MMP1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.4	0.3	0.2	0.5	0.1	0.3
LIFR	0.2	0.4	0.4	<0.1	<0.1	0.2	-0.2	<0.1	0.3	-0.3	0.2	<0.1
FGF21	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1
CCL19	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
IL15RA	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.3	0.1
IL10RB	0.1	0.3	0.4	<0.1	0.1	0.3	-0.2	<0.1	0.4	-0.2	0.3	0.2
IL18R1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1
PDL1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.5	0.3	0.4	0.4	0.1	0.6	0.3	0.2
CXCL5	<0.1	-0.2	-0.2	0.2	0.5	0.2	0.6	0.4	<0.1	0.7	0.1	0.2
TRANCE	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1
HGF	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.6	0.4	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	0.2
IL12B	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.2	0.2
MMP10	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1
IL10	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2	<0.1

TNF	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.4	0.1	0.4	0.1
CCL23	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.1
CD5	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.5	0.3	0.4	0.4	<0.1	0.6	0.2	0.2
CCL3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.5	0.4	0.2	0.3	0.2	0.4	0.4	0.2
FLT3L	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2
CXCL6	<0.1	-0.2	-0.2	0.3	0.5	0.2	0.6	0.4	<0.1	0.7	0.1	0.2
CXCL10	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.4	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1
4EBP1	-0.1	-0.2	-0.2	0.4	0.6	0.2	0.7	0.4	-0.1	0.9	0.1	0.2
SIRT2	-0.1	-0.2	-0.2	0.4	0.5	0.2	0.8	0.4	-0.1	0.9	0.1	0.2
CCL28	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2
DNER	0.2	0.3	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1
ENRAGE	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	0.1
CD40	-0.1	-0.2	-0.2	0.3	0.5	0.2	0.7	0.4	<0.1	0.8	0.1	0.2
IFNG	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1
FGF19	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1
MCP2	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.4	0.2	0.4	0.3	0.1	0.5	0.1	0.3
CASP8	-0.1	-0.2	-0.2	0.2	0.7	0.2	0.6	0.5	<0.1	0.8	0.2	0.2
CCL25	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.3	-0.1	0.2	<0.1
CX3CL1	0.1	0.3	0.4	-0.1	<0.1	0.2	-0.2	-0.1	0.3	-0.1	0.3	0.1
TNFRSF9	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.5	0.1
NT3	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
TWEAK	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.2
CCL20	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1
ST1A1	-0.1	-0.2	-0.2	0.4	0.5	0.1	0.8	0.4	-0.1	0.8	<0.1	0.2
STAMBP	-0.1	-0.2	-0.2	0.4	0.5	0.2	0.8	0.4	-0.1	0.9	0.1	0.2
ADA	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.6	0.3	0.5	0.5	<0.1	0.7	0.2	0.2
TNFB	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
CSF1	0.2	0.2	0.4	-0.1	0.2	0.3	-0.2	<0.1	0.4	-0.1	0.4	0.1
Age	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1
Body mass index	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1
Waist circumference	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1
Educational attainment	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Alcohol consumption	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Systolic blood pressure	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Diastolic blood pressure	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Hemoglobin A1c	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
Duration of known diabetes	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
High-density lipoprotein	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
Low-density lipoprotein	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
Triglycerides	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1
Albumin	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1
Fibrinogen	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
C-reactive protein	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.4	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1
Serum amyloid A	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1
Leucocyte count	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Serum adiponectin	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1
Uric acid	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
Creatinine	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1
Rényi4, baseline	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
TP, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
SDWS, baseline	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
SDSA, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
CE, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
Rényi4, follow-up	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
TP, follow-up	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
SDWS, follow-up	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
SDSA, follow-up	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
CE, follow-up	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1

	ADAMT BOC		IL4RA	SRC	IL1RA	TNFRSF STK4		IDUA	TNFRSF PAR1		TRAILR2	PRSS27
BMP6	1	1	1	0.113	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.788	<0.001	<0.001	<0.001
ANGPT1	1	1	1	0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.051	<0.001

ADM	0.039	<0.001	<0.001	1	0.216	<0.001	0.249	1	<0.001	1	<0.001	0.047
CD40L	1	0.036	0.024	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.233	<0.001
PGF	0.01	<0.001	<0.001	1	0.003	<0.001	0.099	1	<0.001	1	<0.001	<0.001
ADAMTS13	<0.001	<0.001	0.191	1	1	0.049	1	1	0.01	1	1	1
BOC	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.544	0.043	1	<0.001	0.638	0.002	<0.001
IL4RA	0.007	<0.001	<0.001	1	1	0.001	0.211	1	<0.001	0.635	<0.001	<0.001
SRC	0.42	0.768	0.956	<0.001	1	1	<0.001	1	1	<0.001	0.797	1
IL1RA	0.125	0.091	0.923	0.131	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003
TNFRSF10A	0.002	0.024	<0.001	0.38	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.001
STK4	0.452	0.001	0.008	<0.001	<0.001	0.15	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.732
IDUA	0.186	0.071	0.899	0.682	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.518	<0.001	<0.001	0.001
TNFRSF11A	<0.001	<0.001	<0.001	0.574	<0.001	<0.001	0.169	0.023	<0.001	1	<0.001	<0.001
PAR1	0.104	0.029	0.029	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.191	<0.001	0.061	<0.001
TRAILR2	0.141	<0.001	<0.001	0.038	<0.001	<0.001	0.417	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001
PRSS27	0.459	<0.001	<0.001	0.502	<0.001	<0.001	0.034	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TIE2	<0.001	<0.001	<0.001	0.088	0.469	<0.001	<0.001	0.271	<0.001	0.051	<0.001	0.001
TF	0.007	<0.001	<0.001	0.99	0.186	<0.001	0.017	0.433	<0.001	0.359	<0.001	0.002
IL1RL2	0.003	<0.001	<0.001	0.634	0.045	0.011	0.946	0.034	<0.001	0.213	<0.001	0.017
PDGFB	0.698	0.648	0.186	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001
IL27	<0.001	<0.001	<0.001	0.8	0.793	0.007	0.001	0.135	<0.001	0.038	<0.001	0.113
IL17D	<0.001	<0.001	<0.001	0.901	0.94	<0.001	0.706	0.775	<0.001	0.046	<0.001	<0.001
LOX1	0.46	0.069	<0.001	0.02	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GAL9	0.602	0.136	0.993	0.533	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GIF	0.008	<0.001	0.021	0.866	0.624	0.01	0.109	0.304	<0.001	0.452	0.008	0.001
SCF	0.043	<0.001	0.007	0.957	<0.001	0.003	0.035	0.001	<0.001	0.094	0.836	0.068
IL18	0.364	0.006	<0.001	0.706	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PLGR	0.001	<0.001	<0.001	0.741	0.321	<0.001	0.063	0.274	<0.001	0.035	<0.001	0.002
RAGE	0.008	<0.001	<0.001	0.153	0.001	0.002	<0.001	0.782	<0.001	0.009	<0.001	<0.001
SOD2	0.006	0.535	0.473	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	0.62	0.001
CTRC	0.008	<0.001	0.195	0.47	0.731	0.017	0.83	0.009	<0.001	0.287	0.059	0.006
FGF23	0.046	<0.001	<0.001	0.771	0.612	<0.001	0.017	0.698	<0.001	0.28	<0.001	0.033
SPON2	<0.001	<0.001	<0.001	0.035	0.579	<0.001	<0.001	0.897	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GH	0.013	0.688	0.394	0.028	0.031	0.521	0.024	0.108	0.463	0.046	0.451	0.494
FS	0.002	0.069	<0.001	0.291	0.002	<0.001	0.013	0.156	<0.001	0.049	<0.001	0.08
GLO1	0.029	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	0.264	0.002
CD84	0.402	0.291	0.188	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.002	<0.001
SERPINA12	0.009	0.106	0.326	0.928	0.328	0.018	0.506	0.088	0.02	0.966	0.092	0.412
REN	0.602	0.214	0.101	0.876	0.002	<0.001	0.506	0.286	<0.001	0.173	<0.001	0.033
DECR1	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	0.404	0.006
MERTK	0.001	<0.001	<0.001	0.028	0.151	0.002	<0.001	0.914	<0.001	<0.001	<0.001	0.066
KIM1	0.002	<0.001	<0.001	0.492	<0.001	<0.001	0.28	0.002	<0.001	0.534	<0.001	0.016
THBS2	<0.001	<0.001	<0.001	0.035	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	0.114	<0.001	0.074
TM	0.064	<0.001	<0.001	0.969	<0.001	<0.001	0.878	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
VSIG2	0.023	<0.001	<0.001	0.594	0.443	<0.001	0.014	0.808	<0.001	0.145	<0.001	<0.001
AMBP	<0.001	<0.001	<0.001	0.122	0.004	<0.001	0.103	0.567	<0.001	0.144	<0.001	0.034
PRELP	<0.001	<0.001	<0.001	0.285	0.005	<0.001	0.413	0.01	<0.001	0.7	<0.001	<0.001
HO1	0.486	0.204	0.001	0.753	<0.001	<0.001	0.188	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
XCCL1	0.004	0.001	<0.001	0.372	<0.001	<0.001	0.181	0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001
IL16	0.14	0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.092	<0.001	<0.001	0.002
SORT1	0.302	0.282	0.485	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CEACAM8	0.681	0.196	<0.001	0.414	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PTX3	0.707	0.001	<0.001	0.177	0.269	0.004	0.01	0.394	<0.001	0.534	<0.001	0.059
PSGL1	0.011	0.414	0.758	0.091	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.283	<0.001	<0.001	0.088
CCL17	0.281	0.98	0.205	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001
MMP7	<0.001	0.001	<0.001	0.109	0.02	<0.001	0.124	0.133	<0.001	0.141	<0.001	0.127
IGGFC	0.122	0.044	0.217	0.999	0.487	0.358	0.591	0.463	0.41	0.598	0.115	0.617
ITGB1BP2	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.402	<0.001	0.321	<0.001
DCN	<0.001	<0.001	<0.001	0.876	0.197	<0.001	0.001	0.632	<0.001	0.008	<0.001	<0.001
DDK1	0.983	0.996	0.217	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LPL	0.001	<0.001	0.003	0.516	<0.001	0.59	0.052	0.594	<0.001	0.244	0.954	0.082
PRSS8	0.966	<0.001	<0.001	0.32	<0.001	<0.001	0.955	0.015	<0.001	0.625	<0.001	0.008
AGRP	0.003	<0.001	<0.001	0.696	0.003	<0.001	0.187	0.028	<0.001	0.232	<0.001	0.001
HBEGF	0.76	0.857	0.17	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GDF2	<0.001	<0.001	<0.001	0.509	0.003	0.024	0.01	0.424	<0.001	0.289	0.003	0.001
FABP2	0.681	<0.001	<0.001	0.822	0.944	0.01	0.378	0.357	<0.001	0.645	<0.001	0.002
THPO	0.932	0.011	0.011	0.176	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MARCO	<0.001	<0.001	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	0.268	<0.001	<0.001	0.145	<0.001	0.004
GT	0.347	0.007	<0.001	0.62	0.175	0.271	0.877	0.379	0.002	0.496	0.014	0.595
MMP12	0.878	0.073	<0.001	0.888	0.004	<0.001	0.941	0.491	<0.001	0.364	<0.001	0.03
ACE2	0.006	0.016	<0.001	0.854	<0.001	<0.001	0.719	<0.001	0.002	0.847	<0.001	0.196

PDL2	<0.001	<0.001	<0.001	0.627	0.378	<0.001	0.017	0.843	<0.001	0.424	<0.001	<0.001
CTSL1	0.004	<0.001	<0.001	0.121	<0.001	<0.001	<0.001	0.037	<0.001	0.108	<0.001	<0.001
HOSCAR	<0.001	<0.001	<0.001	0.241	<0.001	<0.001	0.076	0.326	<0.001	0.226	<0.001	0.002
TNFRSF13B	0.182	<0.001	<0.001	0.277	<0.001	<0.001	0.267	0.062	<0.001	0.369	<0.001	<0.001
TGM2	0.701	<0.001	0.002	0.209	<0.001	0.014	0.256	0.026	<0.001	0.001	<0.001	0.001
LEP	<0.001	0.137	0.356	0.732	<0.001	<0.001	0.576	0.032	<0.001	0.554	0.004	0.41
CA5A	0.032	0.8	0.074	0.925	<0.001	0.003	0.646	0.065	0.004	0.688	<0.001	0.793
HSP27	0.836	0.591	0.859	<0.001	<0.001	0.035	0.002	0.018	0.097	0.034	0.006	0.009
CD4	0.868	0.332	0.657	0.175	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.007
NEMO	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	0.455	0.002
VEGFD	<0.001	<0.001	<0.001	0.326	0.023	0.012	0.001	0.62	<0.001	0.004	<0.001	0.002
PARP1	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	0.003
HAOX1	0.443	0.278	0.113	0.792	<0.001	0.168	0.464	<0.001	0.444	0.395	0.167	0.647
TNFRSF14	0.021	0.295	0.861	0.062	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LDL_RC	0.07	0.051	0.638	0.161	<0.001	0.001	0.545	0.013	0.02	0.687	0.062	0.812
ITGB2	0.878	0.258	0.46	0.334	<0.001	<0.001	0.045	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.009
IL17RA	0.224	0.901	0.37	0.822	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.16	<0.001	0.074	<0.001
TNFR2	0.695	0.012	<0.001	0.129	<0.001	<0.001	0.201	0.068	<0.001	0.013	<0.001	<0.001
MMP9	0.778	0.775	0.078	0.265	<0.001	<0.001	0.579	0.002	<0.001	0.179	<0.001	0.023
EPHB4	0.438	<0.001	<0.001	0.023	0.333	<0.001	<0.001	0.095	<0.001	0.002	<0.001	0.001
IL2RA	0.068	0.071	0.007	0.692	0.013	<0.001	0.454	0.345	<0.001	0.582	<0.001	0.088
ALCAM	0.002	<0.001	<0.001	0.035	0.954	0.001	<0.001	0.573	<0.001	0.042	<0.001	0.03
SELP	0.004	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.89	<0.001	0.012	<0.001
CSTB	0.06	<0.001	0.001	0.03	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.098	<0.001	<0.001	0.001
CD163	0.265	<0.001	0.027	0.399	<0.001	<0.001	0.392	0.001	<0.001	0.854	<0.001	0.526
GRN	0.007	<0.001	0.006	0.585	0.039	<0.001	0.035	0.045	<0.001	0.678	<0.001	0.086
NTPROBNP	0.92	0.011	0.024	0.157	0.006	0.366	0.038	0.106	0.001	0.104	0.736	0.682
PLC	0.166	<0.001	<0.001	0.044	0.498	<0.001	<0.001	0.736	<0.001	0.192	<0.001	0.003
LTBR	0.29	<0.001	<0.001	0.139	0.041	<0.001	0.056	0.714	<0.001	0.121	<0.001	<0.001
NOTCH3	<0.001	<0.001	<0.001	0.041	0.098	0.004	<0.001	0.942	<0.001	<0.001	0.005	0.033
TIMP4	0.045	0.001	0.005	0.999	0.66	0.005	0.097	0.924	<0.001	0.148	0.011	0.873
CNTN1	<0.001	<0.001	0.022	0.65	0.045	0.102	0.001	0.513	<0.001	0.002	0.123	0.023
CDH5	0.088	<0.001	0.005	0.002	0.514	0.002	<0.001	0.385	<0.001	0.003	<0.001	0.595
TLT2	0.172	0.906	0.842	0.264	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
FABP4	<0.001	0.02	0.378	0.683	<0.001	<0.001	0.403	0.133	<0.001	0.821	<0.001	0.995
TFPI	0.43	0.164	0.538	0.181	0.927	0.085	0.313	0.629	0.633	0.045	0.018	0.696
PAI	0.749	0.614	0.106	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL24	0.472	0.253	0.395	0.702	0.402	0.783	0.955	0.004	0.291	0.317	0.041	0.314
TR	0.124	0.068	0.081	0.645	0.006	0.071	0.844	0.917	<0.001	0.092	0.047	0.085
TNFRSF10C	0.272	0.466	0.864	0.413	0.122	0.028	0.213	0.616	0.002	0.809	0.005	0.079
GDF15	0.737	0.469	<0.001	0.049	0.006	<0.001	0.001	0.29	<0.001	0.223	<0.001	0.326
SELE	0.02	0.005	0.04	0.149	<0.001	0.001	0.229	0.009	0.011	0.988	<0.001	0.7
DLK1	0.008	<0.001	0.007	0.476	0.439	0.001	0.299	0.442	<0.001	0.961	<0.001	0.007
MPO	0.671	0.019	0.649	0.106	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.141	<0.001	<0.001	0.003
CXCL16	0.202	<0.001	0.001	0.335	0.287	<0.001	0.022	0.246	<0.001	0.329	<0.001	0.014
IL6RA	0.082	0.007	0.228	0.912	0.827	0.729	0.051	0.134	0.004	0.029	0.385	0.742
RETN	0.814	0.736	0.03	0.597	<0.001	<0.001	0.163	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	0.017
IGFBP1	0.936	0.035	0.003	0.244	<0.001	0.904	0.028	0.023	0.247	0.122	0.181	0.063
CHIT1	0.001	0.656	0.004	0.982	0.029	0.037	0.523	0.995	0.046	0.064	<0.001	0.801
TRAP	0.548	0.02	0.058	0.166	0.007	0.005	0.153	0.007	0.035	0.636	<0.001	0.312
GP6	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.418	<0.001	0.124	<0.001
PSPD	0.528	0.002	0.026	0.716	0.608	0.068	0.125	0.701	0.027	0.498	0.029	0.195
EPCAM	0.463	0.193	0.793	0.38	0.185	0.785	0.819	0.9	0.255	0.129	0.273	0.079
APN	<0.001	<0.001	0.03	0.12	0.685	0.065	0.008	0.042	0.032	0.023	0.052	0.538
AXL	0.044	<0.001	<0.001	0.163	0.191	0.053	<0.001	0.695	<0.001	0.015	<0.001	0.065
IL1RT1	0.169	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	0.004	<0.001	0.779	<0.001	<0.001	0.005	0.072
MMP2	<0.001	<0.001	<0.001	0.08	0.032	0.094	<0.001	0.84	<0.001	0.001	0.029	0.003
FAS	0.89	<0.001	0.029	0.443	0.001	<0.001	0.594	0.002	<0.001	0.05	<0.001	0.003
MB	0.913	<0.001	0.514	0.683	0.187	0.117	0.144	0.249	<0.001	0.437	<0.001	0.007
TNFSF13B	0.014	0.001	0.104	0.024	<0.001	0.003	0.036	0.485	<0.001	0.922	<0.001	0.59
PCSK9	0.045	0.055	0.603	0.539	0.007	<0.001	0.809	0.006	0.004	0.052	0.022	0.157
UPAR	0.983	0.311	0.119	0.355	<0.001	<0.001	0.255	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
OPN	0.578	0.002	<0.001	0.575	0.186	0.001	0.036	0.519	<0.001	0.069	<0.001	0.108
PGLYRP1	0.722	0.604	0.003	0.959	<0.001	<0.001	0.93	0.418	<0.001	0.059	<0.001	0.025
CPA1	0.116	0.066	0.305	0.771	0.329	0.001	0.332	0.299	0.038	0.211	0.016	0.643
JAMA	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.31	<0.001	0.147	0.002
GAL4	0.149	0.182	0.04	0.164	<0.001	<0.001	0.178	0.001	<0.001	0.196	<0.001	0.65
IL1RT2	0.86	0.006	0.089	0.395	0.276	0.153	0.055	0.039	0.31	0.085	0.195	0.765
SHPS1	0.813	0.021	0.003	0.069	0.008	<0.001	0.243	0.258	<0.001	0.226	<0.001	0.275
CCL15	0.016	0.076	0.001	0.055	0.983	<0.001	0.003	0.316	<0.001	0.052	<0.001	0.349

CASP3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.095	<0.001	0.201	0.001
CPB1	0.12	0.044	0.17	0.798	0.614	0.001	0.198	0.396	0.002	0.34	0.003	0.979
CH3L1	0.675	0.364	<0.001	0.654	<0.001	<0.001	0.667	0.001	<0.001	0.968	<0.001	0.432
ST2	0.081	0.026	0.121	0.799	0.123	0.22	0.41	0.389	0.79	0.551	0.259	0.593
TPA	0.359	0.443	0.358	0.487	0.004	0.119	0.071	0.047	0.838	<0.001	0.013	0.44
SCGB3A2	0.622	0.782	0.504	0.67	<0.001	0.179	0.504	0.098	0.961	0.396	0.205	0.768
EGFR	0.003	<0.001	0.795	0.758	0.038	0.655	0.003	0.99	0.282	0.006	0.076	0.792
IGFBP7	0.049	<0.001	<0.001	0.969	0.901	0.002	0.002	0.207	<0.001	0.137	<0.001	0.05
CD93	0.708	<0.001	<0.001	0.033	0.079	0.004	<0.001	0.455	<0.001	0.089	<0.001	0.002
IL18BP	0.992	<0.001	<0.001	0.025	0.014	<0.001	<0.001	0.806	<0.001	0.092	<0.001	0.037
COL1A1	0.11	<0.001	0.006	0.545	0.114	0.52	0.109	0.489	<0.001	0.03	0.001	0.124
PON3	0.906	<0.001	0.343	0.046	<0.001	<0.001	0.005	0.001	0.793	0.007	0.004	0.456
CTS2	0.745	0.016	0.054	0.125	<0.001	<0.001	0.299	<0.001	<0.001	0.203	<0.001	0.005
MMP3	0.417	0.017	0.075	0.911	0.695	0.034	0.012	0.639	0.201	0.004	0.001	0.356
RARRES2	0.7	0.789	0.558	0.812	<0.001	<0.001	0.048	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.008
ICAM2	0.067	<0.001	0.001	0.065	0.81	0.105	0.047	0.433	0.001	0.895	0.235	0.384
KLK6	0.048	<0.001	0.2	0.634	<0.001	0.2	0.004	0.092	0.002	0.006	0.017	0.003
PDGFA	0.459	0.339	0.048	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	0.001	<0.001
TNFR1	0.622	<0.001	<0.001	0.091	<0.001	<0.001	0.02	0.105	<0.001	0.316	<0.001	<0.001
IGFBP2	0.524	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	0.175	0.001	<0.001	0.008	0.058	0.03	0.067
VWF	0.617	0.486	0.015	0.998	0.229	<0.001	0.026	0.485	0.034	0.272	<0.001	0.68
PECAM1	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.447	<0.001	0.052	0.001
MEPE	0.916	<0.001	0.038	0.385	0.474	0.576	0.155	0.685	<0.001	0.667	0.004	0.007
CCL16	0.56	0.352	0.486	0.978	0.084	0.162	0.13	0.87	<0.001	0.35	<0.001	0.673
IL8	0.741	0.2	0.698	0.071	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001
VEGFA	0.333	0.265	0.068	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD8A	0.239	0.162	0.003	0.869	0.003	<0.001	0.686	0.18	<0.001	0.627	<0.001	0.1
MCP3	0.807	0.183	0.243	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003
CDCP1	0.3	0.054	0.003	0.938	<0.001	<0.001	0.843	0.003	<0.001	0.823	<0.001	0.799
CD244	0.252	0.006	0.036	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.177	<0.001	0.001	<0.001
IL7	0.658	0.003	0.175	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.189	<0.001	0.018	<0.001
OPG	0.001	0.006	<0.001	0.302	0.008	<0.001	0.01	0.015	<0.001	0.182	<0.001	0.016
LAP_TGFB1	0.752	0.256	0.353	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
UPA	<0.001	<0.001	<0.001	0.34	0.503	<0.001	0.555	0.223	<0.001	0.888	0.001	0.25
IL6	0.081	0.856	<0.001	0.848	<0.001	<0.001	0.359	0.236	<0.001	0.485	<0.001	0.813
MCP1	0.283	0.006	<0.001	0.359	0.121	<0.001	0.609	0.141	<0.001	0.413	<0.001	0.001
CXCL11	0.158	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.603	<0.001	0.005	<0.001
AXIN1	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	0.526	0.001
TRAIL	0.007	<0.001	0.004	0.671	0.432	0.264	0.243	0.167	<0.001	0.155	0.002	0.833
CXCL9	0.427	0.892	0.017	0.935	<0.001	<0.001	0.71	0.865	<0.001	0.479	<0.001	0.36
CST5	0.08	<0.001	<0.001	0.944	0.033	0.087	0.002	0.121	<0.001	0.002	0.001	0.025
OSM	0.996	0.109	0.193	0.011	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	0.002	0.001	<0.001	0.015
CXCL1	0.151	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.197	<0.001	0.101	0.001
CCL4	0.663	0.89	0.54	0.086	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD6	0.884	0.142	0.278	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.568	<0.001	<0.001	0.029
TGFA	0.015	0.023	<0.001	0.164	<0.001	<0.001	0.647	0.001	<0.001	0.451	<0.001	<0.001
MCP4	0.398	0.221	0.068	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.031	<0.001	0.001	<0.001
CCL11	0.532	0.906	0.994	0.019	<0.001	0.001	0.002	0.001	0.001	<0.001	0.001	<0.001
TNFSF14	0.266	0.003	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.511	<0.001	<0.001	<0.001
MMP1	0.033	0.835	0.556	<0.001	<0.001	0.102	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001
LIFR	<0.001	<0.001	<0.001	0.678	0.703	<0.001	<0.001	0.819	<0.001	<0.001	0.002	0.66
FGF21	0.367	0.495	0.003	0.553	0.007	<0.001	0.814	0.069	<0.001	0.528	<0.001	0.563
CCL19	0.273	0.501	0.435	0.417	<0.001	<0.001	0.38	0.311	<0.001	0.297	0.004	0.774
IL15RA	0.027	<0.001	<0.001	0.968	0.011	<0.001	0.212	0.852	<0.001	0.856	<0.001	0.044
IL10RB	0.01	<0.001	<0.001	0.608	0.053	<0.001	<0.001	0.521	<0.001	0.002	<0.001	<0.001
IL18R1	0.009	0.302	0.008	0.512	<0.001	<0.001	0.98	0.048	<0.001	0.308	<0.001	0.271
PDL1	0.062	0.035	0.289	0.098	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.195	<0.001	<0.001	<0.001
CXCL5	0.655	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.981	<0.001	0.046	<0.001
TRANCE	0.184	<0.001	0.001	0.192	0.393	0.607	0.57	0.205	<0.001	0.883	0.07	0.163
HGF	0.015	0.96	0.938	0.091	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL12B	0.034	0.001	<0.001	0.192	<0.001	<0.001	0.035	0.355	<0.001	0.57	<0.001	0.002
MMP10	0.727	0.001	<0.001	0.68	0.179	0.001	0.084	0.157	0.002	0.202	<0.001	0.007
IL10	0.293	0.059	<0.001	0.833	0.026	0.002	0.037	0.89	<0.001	0.007	<0.001	0.61
TNF	0.063	0.19	<0.001	0.74	<0.001	<0.001	0.973	0.038	<0.001	0.068	<0.001	0.026
CCL23	0.411	0.255	<0.001	0.038	<0.001	<0.001	0.705	0.768	<0.001	0.174	<0.001	0.007
CD5	0.167	0.028	0.143	0.032	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.799	<0.001	<0.001	<0.001
CCL3	0.619	0.544	0.23	0.511	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
FLT3L	<0.001	<0.001	0.008	0.991	<0.001	<0.001	0.255	0.159	<0.001	0.642	<0.001	0.001
CXCL6	0.776	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.87	<0.001	0.043	<0.001
CXCL10	0.735	0.586	0.748	0.038	<0.001	<0.001	0.025	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	0.028

4EBP1	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.206	<0.001	0.026	<0.001
SIRT2	0.017	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.249	<0.001	0.249	<0.001
CCL28	0.014	0.047	0.005	0.706	0.002	<0.001	0.115	0.001	0.122	0.003	0.01	<0.001
DNER	<0.001	<0.001	0.009	0.08	0.021	0.869	0.583	0.569	0.247	0.005	0.552	0.011
ENRAGE	0.702	0.053	0.909	0.354	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.297	<0.001	<0.001	0.053
CD40	0.032	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.717	<0.001	0.006	<0.001
IFNG	0.523	0.815	0.014	0.086	<0.001	<0.001	0.033	0.703	0.011	0.794	<0.001	0.849
FGF19	0.108	0.007	0.001	0.877	0.808	<0.001	0.041	0.488	0.006	0.341	0.001	0.972
MCP2	0.306	0.04	0.63	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	0.012	<0.001
CASP8	0.027	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.632	<0.001	0.001	<0.001
CCL25	0.425	0.001	<0.001	0.841	0.706	<0.001	0.076	0.166	<0.001	0.095	<0.001	0.34
CX3CL1	0.012	<0.001	<0.001	0.223	0.474	<0.001	0.002	0.046	<0.001	0.051	<0.001	0.003
TNFRSF9	0.289	<0.001	<0.001	0.702	<0.001	<0.001	0.436	0.536	<0.001	0.641	<0.001	0.007
NT3	0.611	0.085	0.257	0.268	0.149	0.336	0.108	0.476	0.002	0.007	0.007	0.01
TWEAK	0.035	0.001	0.233	0.005	0.112	0.193	<0.001	0.001	0.034	<0.001	0.604	<0.001
CCL20	<0.001	0.095	0.342	0.321	<0.001	<0.001	0.023	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.094
ST1A1	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.09	<0.001	0.638	0.001
STAMBP	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.126	<0.001	0.303	<0.001
ADA	0.51	0.019	0.012	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.742	<0.001	<0.001	<0.001
TNFB	0.058	0.004	0.001	0.313	0.139	0.002	0.171	0.172	0.002	0.217	0.111	0.718
CSF1	<0.001	<0.001	<0.001	0.267	<0.001	<0.001	0.002	0.859	<0.001	0.017	<0.001	0.004
Age	0.326	0.121	0.109	0.613	0.002	0.001	0.515	0.508	<0.001	0.034	<0.001	0.946
Body mass ind	0.034	0.207	0.059	0.725	<0.001	<0.001	0.425	<0.001	0.001	0.144	0.002	0.228
Waist circumfe	0.911	0.176	0.383	0.847	<0.001	0.013	0.627	<0.001	0.135	0.248	<0.001	0.173
Educational att	0.024	0.238	0.735	0.868	0.073	0.012	0.395	0.562	0.13	0.149	0.61	0.405
Alcohol consur	0.176	0.554	0.002	0.798	0.498	0.865	0.557	0.082	0.502	0.452	0.503	0.358
Systolic blood	0.038	0.193	0.292	0.24	<0.001	0.089	0.418	0.011	0.817	0.456	0.428	0.467
Diastolic blood	0.002	0.045	0.247	0.918	0.002	0.78	0.371	0.058	0.268	0.613	0.842	0.685
Hemoglobin A	0.879	0.955	0.589	0.427	<0.001	0.008	0.55	0.086	0.475	0.462	0.13	0.494
Duration of kn	0.462	0.471	0.11	0.669	<0.001	0.004	0.5	0.084	0.243	0.463	0.604	0.376
High-density li	0.13	0.045	0.13	0.187	<0.001	0.094	0.107	0.078	0.762	0.175	0.005	0.609
Low-density lip	0.798	0.642	0.079	0.643	0.125	0.772	0.395	0.345	0.117	0.141	0.984	0.631
Triglycerides	0.899	0.074	0.911	0.018	<0.001	<0.001	0.056	0.069	0.471	0.234	0.015	0.19
Albumin	0.149	0.997	0.08	0.055	0.915	<0.001	0.074	0.292	0.017	0.076	0.116	0.274
Fibrinogen	0.137	0.001	0.982	0.315	0.001	0.104	0.556	0.241	0.127	0.64	0.009	0.446
C-reactive prot	0.699	0.009	0.168	0.989	<0.001	<0.001	0.278	0.048	0.001	0.16	<0.001	0.85
Serum amyloid	0.972	0.641	0.022	0.123	<0.001	0.001	0.672	0.589	0.002	0.614	0.011	0.985
Leucocyte cour	0.001	0.008	0.079	0.111	<0.001	0.555	0.031	0.012	0.043	0.063	0.48	0.954
Serum adipone	0.333	0.001	0.681	0.371	<0.001	<0.001	0.075	0.371	0.19	0.028	<0.001	0.178
Uric acid	0.024	0.025	0.942	0.237	<0.001	0.018	0.264	0.131	0.769	0.332	<0.001	0.316
Creatinine	0.006	0.366	0.116	0.753	0.044	0.117	0.845	0.627	0.056	0.645	<0.001	0.014
Rényi4, baselin	0.535	0.643	0.311	0.015	0.051	0.085	0.091	0.418	0.135	0.842	0.081	0.854
TP, baseline	0.214	0.747	0.177	0.037	0.076	0.244	0.211	0.577	0.319	0.512	0.288	0.881
SDWS, baselin	0.26	0.607	0.327	0.018	0.412	0.554	0.147	0.571	0.902	0.943	0.265	0.638
SDSA,baseline	0.548	0.83	0.425	0.087	0.152	0.228	0.065	0.146	0.52	0.674	0.124	0.88
CE, baseline	0.477	0.564	0.724	0.091	0.045	0.057	0.219	0.283	0.405	0.887	0.059	0.746
Rényi4, follow-	0.377	0.577	0.038	0.749	0.681	0.107	0.697	0.826	0.084	0.674	0.49	0.133
TP, follow-up	0.21	0.203	0.019	0.762	0.229	0.115	0.874	0.284	0.008	0.53	0.52	0.275
SDWS, follow-	0.888	0.408	0.085	0.918	0.863	0.67	0.958	0.957	0.293	0.825	0.493	0.089
SDSA, follow-u	0.125	0.174	0.008	0.37	0.828	0.108	0.637	0.118	0.246	0.903	0.514	0.063
CE, follow-up	0.053	0.332	0.011	0.711	0.578	0.095	0.808	0.517	0.251	0.965	0.319	0.033

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	TIE2	TF	IL1RL2	PDGFB	IL27	IL17D	LOX1	GAL9	GIF	SCF	IL18	PLGR	RAGE	SOD2
BMP6	<0.1	<0.1	0.1	0.7	<0.1	0.1	0.4	0.5	0.1	-0.2	0.3	-0.1	-0.1	0.4
ANGPT1	-0.1	<0.1	0.1	0.9	<0.1	0.1	0.4	0.3	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.4
ADM	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.4	0.4	0.1
CD40L	-0.1	-0.1	<0.1	0.8	-0.2	<0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.5
PGF	0.5	0.4	0.3	<0.1	0.3	0.4	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.4	<0.1
ADAMTS13	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
BOC	0.4	0.4	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.4	<0.1
IL4RA	0.4	0.4	0.3	-0.1	0.3	0.4	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.4	<0.1
SRC	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.5
IL1RA	<0.1	-0.1	0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.5	0.7	<0.1	-0.2	0.4	<0.1	-0.2	0.3
TNFRSF10A	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.4	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.1
STK4	-0.2	-0.1	<0.1	0.6	-0.2	<0.1	0.2	0.3	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.6
IDUA	0.1	<0.1	0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.3	0.4	0.1	-0.2	0.3	-0.1	<0.1	0.3
TNFRSF11A	0.4	0.4	0.3	0.1	0.3	0.4	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.4	0.1
PAR1	-0.1	<0.1	0.1	0.7	-0.1	0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.5
TRAILR2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.4	0.4	0.1	<0.1	0.3	0.4	0.3	<0.1
PRSS27	0.2	0.1	0.1	0.4	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2
TIE2	1	0.5	0.3	-0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1
TF	0.5	1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.4	<0.1
IL1RL2	0.3	0.2	1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	<0.1
PDGFB	-0.1	<0.1	0.1	1	<0.1	0.1	0.4	0.4	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.5
IL27	0.3	0.2	0.1	<0.1	1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1
IL17D	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.4	0.1
LOX1	0.2	0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	1	0.3	0.1	-0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2
GAL9	<0.1	<0.1	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.3	1	<0.1	-0.1	0.4	<0.1	-0.1	0.3
GIF	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1
SCF	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	1	-0.1	0.1	0.3	<0.1
IL18	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	-0.1	1	0.1	<0.1	0.2
PLGR	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	1	0.4	0.1
RAGE	0.3	0.4	0.3	-0.1	0.2	0.4	<0.1	-0.1	0.2	0.3	<0.1	0.4	1	<0.1
SOD2	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	1
CTRC	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1
FGF23	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	-0.1
SPON2	0.4	0.4	0.2	-0.1	0.3	0.4	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.4	0.5	<0.1
GH	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1
FS	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1
GLO1	-0.2	-0.2	<0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.3	0.4	-0.1	-0.2	0.2	-0.2	-0.3	0.5
CD84	-0.1	<0.1	0.1	0.8	-0.1	0.1	0.3	0.5	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.5
SERPINA12	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
REN	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1
DECR1	-0.3	-0.2	<0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.2	0.4	-0.1	-0.2	0.2	-0.2	-0.3	0.5
MERTK	0.4	0.4	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	-0.1
KIM1	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
THBS2	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.1
TM	0.5	0.5	0.3	0.2	0.2	0.4	0.3	0.3	0.2	0.2	0.4	0.3	0.4	0.2
VSIG2	0.4	0.4	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.3	0.3	-0.1
AMBP	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2
PRELP	0.4	0.4	0.3	0.1	0.3	0.4	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.4	0.2
HO1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.4	<0.1	<0.1	0.4	0.1	<0.1	0.1
XCL1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2
IL16	-0.1	-0.1	<0.1	0.6	-0.2	-0.1	0.2	0.6	<0.1	-0.2	0.2	-0.1	-0.2	0.4
SORT1	0.1	0.1	0.2	0.8	<0.1	0.2	0.4	0.5	0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.5
CEACAM8	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.7	0.4	<0.1	-0.1	0.4	0.2	<0.1	0.2
PTX3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1
PSGL1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	-0.2	0.1	0.1	-0.1	0.2
CCL17	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	-0.1	0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.4
MMP7	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1
IGGFC	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
ITGB1BP2	-0.2	-0.1	<0.1	0.7	-0.2	<0.1	0.2	0.4	-0.1	-0.1	0.2	-0.2	-0.2	0.5
DCN	0.4	0.4	0.3	<0.1	0.3	0.5	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.4	0.4	0.1
DKK1	-0.1	<0.1	0.1	0.9	<0.1	0.1	0.4	0.5	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.5
LPL	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.4	-0.1	-0.1	0.1	0.4	-0.1	0.2	0.4	<0.1
PRSS8	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.4	0.3	0.1	0.1
AGRP	0.4	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2
HBEGF	<0.1	<0.1	0.1	0.9	<0.1	0.1	0.4	0.5	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.5

GDF2	0.4	0.5	0.3	<0.1	0.2	0.3	<0.1	-0.1	0.3	0.4	<0.1	0.3	0.4	<0.1
FABP2	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1
THPO	0.1	0.2	0.2	0.6	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.3
MARCO	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.3
GT	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1
MMP12	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1
ACE2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	-0.2	0.3	0.1	-0.1	0.1
PDL2	0.4	0.4	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	<0.1
CTSL1	0.4	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1
HOSCAR	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	<0.1
TNFRSF13B	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.1
TGM2	0.2	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1
LEP	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1
CA5A	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.2	<0.1	-0.2	0.1
HSP27	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2
CD4	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.3	0.6	<0.1	-0.2	0.3	0.1	-0.1	0.3
NEMO	-0.2	-0.2	<0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.2	0.4	-0.1	-0.2	0.2	-0.2	-0.3	0.5
VEGFD	0.3	0.4	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.5	<0.1
PARP1	-0.2	-0.2	-0.1	0.5	-0.2	-0.1	0.2	0.5	-0.1	-0.2	0.2	-0.2	-0.3	0.4
HAOX1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	-0.1	-0.1	0.1
TNFRSF14	<0.1	<0.1	<0.1	0.6	<0.1	0.1	0.3	0.5	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3
LDL_RC	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2
ITGB2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
IL17RA	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2
TNFR2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1
MMP9	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.7	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1
EPHB4	0.3	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	-0.1
IL2RA	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1
ALCAM	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	<0.1
SELP	-0.1	-0.1	<0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.2	-0.2	0.5
CSTB	-0.1	-0.1	<0.1	0.6	-0.1	<0.1	0.3	0.6	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.3
CD163	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1
GRN	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
NTPROBNP	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	-0.1
PLC	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	<0.1
LTBR	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1
NOTCH3	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.3	-0.1
TIMP4	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1
CNTN1	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.3	<0.1
CDH5	0.5	0.3	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1
TLT2	<0.1	<0.1	0.2	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2
FABP4	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
TFPI	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
PAI	<0.1	<0.1	0.1	0.8	-0.1	0.1	0.4	0.4	0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.4
CCL24	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1
TR	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1
TNFRSF10C	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
GDF15	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1
SELE	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1
DLK1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1
MPO	<0.1	-0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2
CXCL16	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.3	<0.1
IL6RA	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
RETN	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.4	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
IGFBP1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	-0.2	0.1	0.3	-0.1
CHIT1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
TRAP	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1
GP6	-0.2	-0.1	<0.1	0.7	-0.2	<0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.2	-0.2	0.5
PSPD	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	-0.1
EPCAM	0.1	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
APN	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
AXL	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1
IL1RT1	0.3	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	-0.1
MMP2	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	-0.1
FAS	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
MB	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1
TNFSF13B	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1
PCSK9	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
UPAR	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.4	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1
OPN	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1

PGLYRP1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.4	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
CPA1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
JAMA	-0.2	-0.1	<0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.2	0.4	<0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.2	0.5
GAL4	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2
IL1RT2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
SHPS1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
CCL15	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1
CASP3	-0.2	-0.2	<0.1	0.7	-0.2	<0.1	0.2	0.4	<0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.2	0.5
CPB1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
CH13L1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1
ST2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
TPA	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1
SCGB3A2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1
EGFR	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.3	-0.1	0.1	0.2	<0.1
IGFBP7	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
CD93	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.4	-0.1
IL18BP	0.3	0.2	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	-0.1
COL1A1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.3	<0.1
PON3	0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	-0.3	<0.1	0.4	-0.2	<0.1	0.3	-0.1
CTSZ	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
MMP3	0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
RARRES2	<0.1	<0.1	0.2	0.4	0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2
ICAM2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1
KLK6	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.3	-0.1
PDGFA	-0.1	-0.1	0.1	0.9	<0.1	0.1	0.4	0.4	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.4
TNFR1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1
IGFBP2	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.2	0.3	-0.1
VWF	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
PECAM1	-0.1	-0.1	<0.1	0.6	-0.1	<0.1	0.2	0.4	<0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.2	0.4
MEPE	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1
CCL16	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
IL8	<0.1	<0.1	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.4	0.4	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.3
VEGFA	0.1	0.1	0.2	0.6	0.1	0.2	0.5	0.4	0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.3
CD8A	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1
MCP3	<0.1	<0.1	0.2	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.4	<0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2
CDCP1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1
CD244	-0.1	-0.1	<0.1	0.6	-0.1	0.1	0.3	0.5	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.2	0.4
IL7	-0.1	-0.1	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.3	0.4	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.4
OPG	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
LAP_TGFB1	-0.1	<0.1	0.1	0.8	<0.1	0.1	0.4	0.5	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.5
UPA	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1
IL6	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3	<0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1
MCP1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1
CXCL11	-0.1	-0.1	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.3	0.5	<0.1	-0.1	0.3	-0.2	-0.2	0.4
AXIN1	-0.2	-0.2	<0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.2	0.4	-0.1	-0.2	0.2	-0.2	-0.3	0.5
TRAIL	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1
CXCL9	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1
CST5	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1
OSM	<0.1	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	-0.1	0.7	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	-0.2	0.2
CXCL1	-0.2	-0.1	<0.1	0.7	-0.2	<0.1	0.2	0.4	<0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.2	0.4
CCL4	<0.1	<0.1	0.1	0.5	<0.1	0.1	0.3	0.5	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.3
CD6	-0.1	-0.1	<0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.2	0.4	<0.1	-0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.3
TGFA	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.5	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.2
MCP4	-0.1	-0.1	<0.1	0.8	-0.1	0.1	0.3	0.4	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.4
CCL11	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2
TNFSF14	-0.1	-0.1	<0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.4	0.6	<0.1	-0.2	0.2	-0.1	-0.2	0.5
MMP1	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	-0.1	0.1	0.4	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.4
LIFR	0.5	0.4	0.2	-0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1
FGF21	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1
CCL19	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1
IL15RA	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1
IL10RB	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1
IL18R1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1
PDL1	<0.1	<0.1	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.3	0.5	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.2	0.3
CXCL5	-0.1	-0.1	<0.1	0.7	-0.2	<0.1	0.2	0.4	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.4
TRANCE	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1
HGF	0.1	0.1	0.1	0.5	0.1	0.1	0.5	0.5	0.1	-0.1	0.3	0.1	-0.1	0.3
IL12B	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1
MMP10	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
IL10	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1

TNF	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.4	0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1
CCL23	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
CD5	-0.1	-0.1	<0.1	0.5	-0.1	<0.1	0.2	0.5	<0.1	-0.2	0.2	-0.1	-0.1	0.3
CCL3	<0.1	<0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	0.3	0.5	<0.1	-0.1	0.3	0.1	-0.1	0.2
FLT3L	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
CXCL6	-0.1	-0.1	<0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.3	0.5	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.4
CXCL10	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.4	<0.1	-0.1	0.3	0.1	-0.1	0.2
4EBP1	-0.2	-0.1	<0.1	0.7	-0.2	<0.1	0.3	0.5	<0.1	-0.2	0.2	-0.2	-0.3	0.5
SIRT2	-0.2	-0.1	<0.1	0.7	-0.2	<0.1	0.2	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.2	-0.2	0.5
CCL28	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1
DNER	0.3	0.3	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
ENRAGE	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.4	0.4	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2
CD40	-0.2	-0.1	<0.1	0.7	-0.2	<0.1	0.2	0.5	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.5
IFNG	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1
FGF19	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
MCP2	-0.1	<0.1	<0.1	0.6	<0.1	0.1	0.3	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.3
CASP8	-0.2	-0.1	<0.1	0.7	-0.2	<0.1	0.3	0.6	<0.1	-0.2	0.3	-0.2	-0.2	0.4
CCL25	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
CX3CL1	0.3	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1
TNFRSF9	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1
NT3	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
TWEAK	0.1	0.2	0.2	0.4	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2
CCL20	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2
ST1A1	-0.2	-0.2	<0.1	0.6	-0.2	-0.1	0.2	0.4	-0.1	-0.2	0.2	-0.2	-0.3	0.5
STAMBP	-0.2	-0.2	<0.1	0.7	-0.2	<0.1	0.2	0.5	<0.1	-0.2	0.2	-0.2	-0.2	0.5
ADA	-0.1	-0.1	-0.1	0.5	-0.1	<0.1	0.3	0.6	<0.1	-0.2	0.2	-0.1	-0.1	0.4
TNFB	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1
CSF1	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1
Age	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
Body mass ind	<0.1	-0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.3	0.1	-0.2	0.1	0.1	-0.2	0.1
Waist circumfe	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.2	0.2	<0.1	-0.3	<0.1
Educational att	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1
Alcohol consur	0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Systolic blood j	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.1
Diastolic blood	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1
Hemoglobin A<	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
Duration of kn	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
High-density li	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.3	-0.2	<0.1	0.2	-0.1
Low-density lip	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Triglycerides	0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	-0.3	0.1	0.1	-0.1	0.2
Albumin	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	<0.1
Fibrinogen	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
C-reactive prot	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.3	<0.1	-0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1
Serum amyloid	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
Leucocyte cour	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	-0.2	<0.1	0.3	-0.1	0.1	0.3	-0.1
Serum adipone	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.5	0.1	<0.1	-0.2	0.1	<0.1	-0.2	0.1
Uric acid	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.3	0.1	-0.2	0.1
Creatinine	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1
Rényi4, baselin	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1
TP, baseline	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDWS, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1
SDSA,baseline	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
CE, baseline	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Rényi4, follow-	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TP, follow-up	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDWS, follow-	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDSA, follow-u	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
CE, follow-up	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	TIE2	TF	IL1RL2	PDGFB	IL27	IL17D	LOX1	GAL9	GIF	SCF	IL18	PLGR	RAGE	SOD2
BMP6	1	1	1	<0.001	1	0.074	<0.001	<0.001	1	0.005	<0.001	1	0.253	<0.001
ANGPT1	1	1	0.724	<0.001	1	0.404	<0.001	<0.001	1	1	0.006	1	1	<0.001

ADM	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.228	0.013	0.001	0.173	0.001	<0.001	<0.001	1
CD40L	0.072	1	1	<0.001	0.015	1	<0.001	<0.001	1	0.322	0.001	0.18	0.005	<0.001
PGF	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
ADAMTS13	0.001	0.189	0.076	1	0.002	0.006	1	1	0.197	0.887	1	0.028	0.206	0.157
BOC	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.002	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.15	0.001	<0.001	1
IL4RA	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	1	0.473	0.179	0.009	<0.001	<0.001	1
SRC	1	1	1	<0.001	1	1	0.461	1	1	1	1	1	1	<0.001
IL1RA	1	1	0.929	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.001	<0.001	1	0.019	<0.001
TNFRSF10A	<0.001	0.002	0.262	0.001	0.185	<0.001	<0.001	<0.001	0.249	0.083	<0.001	0.004	0.055	0.177
STK4	0.017	0.405	1	<0.001	0.032	1	0.035	<0.001	1	0.745	0.427	1	0.003	<0.001
IDUA	1	1	0.726	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.039	<0.001	1	1	<0.001
TNFRSF11A	<0.001	<0.001	<0.001	0.088	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.32
PAR1	1	1	1	<0.001	0.808	0.935	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.753	0.237	<0.001
TRAILR2	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.209	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
PRSS27	0.026	0.071	0.401	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.007	0.034	1	0.001	0.048	0.003	0.017
TIE2	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.016	1	<0.001	0.002	0.002	0.001	<0.001	1
TF	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.018	<0.001	1	1	0.005	<0.001	0.007	0.002	<0.001	1
IL1RL2	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.225	0.554	0.326	<0.001	0.597	0.213	<0.001	1
PDGFB	0.088	0.739	0.126	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	1	<0.001
IL27	<0.001	0.001	0.06	0.53	<0.001	<0.001	1	1	1	0.018	0.271	0.011	<0.001	1
IL17D	<0.001	<0.001	<0.001	0.096	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.002	0.576	0.005	<0.001	1
LOX1	<0.001	0.104	0.009	<0.001	0.063	0.071	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.023	1	<0.001
GAL9	0.839	0.885	0.025	<0.001	0.121	0.316	<0.001	<0.001	1	0.076	<0.001	1	1	<0.001
GIF	<0.001	<0.001	0.013	0.472	0.496	<0.001	0.062	0.902	<0.001	1	0.533	0.094	<0.001	1
SCF	<0.001	<0.001	<0.001	0.616	0.001	<0.001	0.288	0.003	0.336	<0.001	1	0.564	<0.001	1
IL18	<0.001	<0.001	0.027	<0.001	0.011	0.026	<0.001	<0.001	0.024	0.174	<0.001	1	1	0.018
PLGR	<0.001	<0.001	0.008	0.844	<0.001	<0.001	0.001	0.512	0.003	0.025	0.053	<0.001	<0.001	1
RAGE	<0.001	<0.001	<0.001	0.14	<0.001	<0.001	0.587	0.087	<0.001	<0.001	0.494	<0.001	<0.001	1
SOD2	0.514	0.913	0.56	<0.001	0.54	0.239	<0.001	<0.001	0.357	0.585	0.001	0.103	0.348	<0.001
CTRC	<0.001	<0.001	0.042	0.002	0.005	<0.001	0.037	0.986	0.165	0.013	0.003	0.381	0.002	0.152
FGF23	<0.001	<0.001	<0.001	0.112	<0.001	<0.001	0.721	0.277	<0.001	0.001	0.014	<0.001	<0.001	0.252
SPON2	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	0.015	0.137	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	0.85
GH	0.944	0.093	0.151	0.148	0.113	0.001	0.057	0.059	0.572	0.017	0.027	0.771	<0.001	0.051
FS	<0.001	0.016	0.175	0.687	<0.001	0.02	<0.001	0.037	0.297	0.819	0.157	<0.001	<0.001	0.365
GLO1	<0.001	<0.001	0.477	<0.001	<0.001	0.183	<0.001	<0.001	0.152	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD84	0.155	0.568	0.079	<0.001	0.09	0.057	<0.001	<0.001	0.412	0.941	<0.001	0.105	0.109	<0.001
SERPINA12	0.131	0.085	0.059	0.453	0.064	0.002	0.252	0.402	0.371	0.284	0.696	0.024	0.008	0.508
REN	<0.001	<0.001	0.698	0.242	0.022	0.454	<0.001	0.004	<0.001	0.329	<0.001	0.014	0.536	0.571
DECR1	<0.001	<0.001	0.341	<0.001	<0.001	0.232	<0.001	<0.001	0.069	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MERTK	<0.001	<0.001	<0.001	0.107	<0.001	<0.001	0.006	0.642	0.127	0.005	0.126	<0.001	<0.001	0.052
KIM1	<0.001	<0.001	0.009	0.785	0.105	0.002	<0.001	0.032	<0.001	0.152	0.018	<0.001	<0.001	0.237
THBS2	<0.001	0.002	<0.001	0.55	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.124	<0.001	<0.001	0.001	0.009
TM	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
VSIG2	<0.001	<0.001	<0.001	0.322	0.001	<0.001	0.039	0.86	<0.001	0.024	0.001	<0.001	<0.001	0.208
AMBP	<0.001	<0.001	<0.001	0.982	<0.001	<0.001	0.011	0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PRELP	<0.001	<0.001	<0.001	0.197	<0.001	<0.001	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
HO1	<0.001	<0.001	0.756	0.001	0.088	0.369	<0.001	<0.001	0.672	0.359	<0.001	0.172	0.807	0.063
XC1L1	<0.001	0.109	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.112	0.851	<0.001	0.151	0.032	0.001
IL16	0.005	0.011	0.975	<0.001	<0.001	0.287	<0.001	<0.001	0.554	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001
SORT1	0.062	0.217	0.002	<0.001	0.807	0.001	<0.001	<0.001	0.304	0.744	<0.001	0.432	0.757	<0.001
CEACAM8	0.003	0.302	0.019	<0.001	0.011	0.055	<0.001	<0.001	0.331	0.114	<0.001	0.001	0.638	<0.001
PTX3	<0.001	<0.001	0.139	0.152	<0.001	0.003	<0.001	0.908	0.025	0.005	0.063	0.004	0.001	0.115
PSGL1	0.322	0.783	0.594	<0.001	0.089	0.399	0.002	<0.001	0.042	<0.001	0.013	0.135	0.098	<0.001
CCL17	0.195	0.99	0.68	<0.001	0.076	0.056	<0.001	<0.001	0.957	0.297	<0.001	0.238	0.111	<0.001
MMP7	<0.001	<0.001	<0.001	0.313	<0.001	<0.001	0.207	<0.001	0.198	0.003	0.057	<0.001	<0.001	0.758
IGGFC	0.084	0.14	0.473	0.94	0.006	0.007	0.23	0.17	0.009	0.582	0.328	0.149	0.188	0.801
ITGB1BP2	<0.001	0.006	0.912	<0.001	<0.001	0.938	<0.001	<0.001	0.254	0.031	0.001	0.001	<0.001	<0.001
DCN	<0.001	<0.001	<0.001	0.566	<0.001	<0.001	0.003	0.188	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.047
DKK1	0.261	0.916	0.025	<0.001	0.379	0.091	<0.001	<0.001	0.727	0.917	<0.001	0.562	0.169	<0.001
LPL	0.006	<0.001	<0.001	0.677	<0.001	<0.001	0.139	0.003	0.218	<0.001	0.003	0.002	<0.001	0.569
PRSS8	<0.001	<0.001	0.026	0.059	0.62	0.137	<0.001	<0.001	<0.001	0.142	<0.001	<0.001	0.132	0.004
AGRP	<0.001	<0.001	<0.001	0.047	0.015	<0.001	0.002	0.001	0.001	0.24	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
HBEGF	0.504	0.918	0.038	<0.001	0.452	0.023	<0.001	<0.001	0.376	0.709	<0.001	0.787	0.285	<0.001
GDF2	<0.001	<0.001	<0.001	0.996	<0.001	<0.001	0.788	0.005	<0.001	<0.001	0.347	<0.001	<0.001	0.881
FABP2	<0.001	<0.001	0.006	0.615	<0.001	<0.001	0.056	0.312	0.032	0.055	<0.001	<0.001	<0.001	0.316
THPO	0.035	<0.001	<0.001	<0.001	0.184	<0.001	<0.001	<0.001	0.21	<0.001	0.002	0.13	0.002	<0.001
MARCO	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.487	0.19	<0.001	<0.001	0.007	<0.001
GT	<0.001	<0.001	0.001	0.518	0.029	0.003	0.49	0.695	0.422	0.006	0.222	0.008	<0.001	0.252
MMP12	<0.001	0.054	0.018	0.041	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	0.06	0.223	<0.001	<0.001	0.009	0.136
ACE2	<0.001	0.004	0.209	0.275	0.104	0.559	<0.001	0.017	0.03	<0.001	<0.001	0.07	0.043	0.08

PDL2	<0.001	<0.001	<0.001	0.89	<0.001	<0.001	0.007	0.014	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.838
CTSL1	<0.001	<0.001	<0.001	0.371	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.069	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.212
HOSCAR	<0.001	<0.001	<0.001	0.684	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.052	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	0.429
TNFRSF13B	<0.001	<0.001	<0.001	0.074	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.669	<0.001	<0.001	<0.001	0.041
TGM2	<0.001	0.001	0.188	0.007	0.157	0.538	<0.001	0.004	0.032	0.456	<0.001	0.014	0.779	0.003
LEP	0.016	0.01	<0.001	0.16	0.064	0.001	0.212	0.003	0.046	0.453	0.623	0.009	<0.001	0.412
CA5A	0.058	0.533	0.598	0.92	0.323	0.252	0.026	<0.001	0.674	0.002	<0.001	0.363	0.002	0.02
HSP27	0.107	0.579	0.806	0.004	0.62	0.816	0.034	0.005	0.665	0.907	0.085	0.602	0.327	0.002
CD4	0.851	0.907	0.359	<0.001	0.847	0.428	<0.001	<0.001	0.704	0.001	<0.001	0.312	0.236	<0.001
NEMO	<0.001	<0.001	0.364	<0.001	<0.001	0.172	<0.001	<0.001	0.079	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001
VEGFD	<0.001	<0.001	0.001	0.392	0.002	<0.001	0.02	0.026	<0.001	<0.001	0.886	<0.001	<0.001	0.83
PARP1	<0.001	0.001	0.171	<0.001	<0.001	0.04	<0.001	<0.001	0.286	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
HAOX1	0.001	0.792	0.175	0.758	0.896	0.005	0.304	0.003	0.483	<0.001	<0.001	0.288	0.005	0.054
TNFRSF14	0.584	0.886	0.374	<0.001	0.403	0.034	<0.001	<0.001	0.747	0.449	<0.001	0.777	0.572	<0.001
LDL_RC	0.001	0.148	<0.001	0.468	0.639	0.24	0.062	0.014	0.216	0.172	0.183	0.347	0.096	0.002
ITGB2	0.332	0.142	0.138	<0.001	<0.001	0.003	0.001	<0.001	0.121	0.542	0.006	0.747	0.502	0.001
IL17RA	0.731	0.708	0.755	<0.001	0.244	0.043	0.002	<0.001	0.319	0.038	0.059	0.474	0.298	0.002
TNFR2	<0.001	0.001	0.11	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.045	0.471	<0.001	<0.001	0.006	0.06
MMP9	0.481	0.763	0.751	<0.001	0.463	0.106	<0.001	0.003	0.42	0.205	0.001	0.013	0.266	0.032
EPHB4	<0.001	<0.001	0.082	0.084	<0.001	<0.001	0.134	0.586	0.001	<0.001	0.233	<0.001	<0.001	0.082
IL2RA	0.13	0.015	0.838	0.099	0.067	0.119	<0.001	<0.001	0.716	0.413	<0.001	<0.001	0.086	0.183
ALCAM	<0.001	<0.001	<0.001	0.489	<0.001	<0.001	0.062	0.987	0.019	<0.001	0.72	0.001	<0.001	0.591
SELP	0.018	0.05	0.703	<0.001	0.031	0.719	<0.001	<0.001	0.812	0.046	<0.001	0.002	<0.001	<0.001
CSTB	0.009	0.106	0.737	<0.001	0.106	0.974	<0.001	<0.001	0.938	0.049	<0.001	0.328	0.002	<0.001
CD163	<0.001	0.048	0.009	0.701	<0.001	0.366	0.001	<0.001	0.779	0.102	<0.001	0.165	0.473	0.29
GRN	<0.001	0.005	0.034	0.407	0.001	0.004	0.012	0.001	0.301	0.003	0.16	<0.001	0.005	0.372
NTPROBNP	0.229	0.689	0.012	0.085	0.07	<0.001	0.534	0.154	0.495	0.041	0.006	0.043	<0.001	0.134
PLC	<0.001	<0.001	<0.001	0.643	0.001	<0.001	0.041	0.009	<0.001	<0.001	0.076	<0.001	<0.001	0.78
LTBR	0.004	<0.001	0.08	0.12	0.001	<0.001	0.051	0.008	0.002	<0.001	0.028	<0.001	<0.001	0.644
NOTCH3	<0.001	<0.001	<0.001	0.063	<0.001	<0.001	0.111	0.333	<0.001	<0.001	0.889	0.015	<0.001	0.184
TIMP4	0.028	<0.001	0.001	0.832	0.01	<0.001	0.447	0.487	0.008	0.004	0.379	<0.001	<0.001	0.598
CNTN1	<0.001	<0.001	<0.001	0.399	0.016	<0.001	0.683	0.01	<0.001	<0.001	0.404	<0.001	<0.001	0.674
CDH5	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	0.008	0.001	0.25	0.809	0.02	<0.001	0.013	0.037	<0.001	0.021
TLT2	0.655	0.933	0.001	<0.001	0.92	0.074	<0.001	<0.001	0.524	0.06	0.001	0.447	0.255	<0.001
FABP4	0.001	<0.001	<0.001	0.375	0.028	<0.001	0.081	0.001	0.004	0.115	0.302	<0.001	<0.001	0.112
TFPI	0.083	0.095	0.074	0.005	0.202	0.09	0.016	0.401	0.072	0.012	0.528	0.072	0.104	0.057
PAI	0.807	0.718	0.008	<0.001	0.292	0.161	<0.001	<0.001	0.165	0.05	<0.001	0.75	0.009	<0.001
CCL24	0.445	0.738	0.076	0.016	0.25	0.771	0.019	0.106	0.355	0.157	0.569	0.065	0.589	0.139
TR	<0.001	0.005	0.001	0.006	<0.001	0.217	0.001	0.007	0.375	<0.001	0.124	0.031	0.52	0.06
TNFRSF10C	0.208	0.971	0.106	0.283	0.104	0.605	<0.001	0.895	0.48	0.255	0.121	0.047	0.062	0.842
GDF15	0.016	0.002	0.79	0.975	0.002	0.018	<0.001	<0.001	0.03	0.903	0.004	<0.001	0.366	0.798
SELE	<0.001	<0.001	0.319	0.434	0.828	0.981	<0.001	<0.001	0.068	0.051	<0.001	0.11	0.067	0.128
DLK1	<0.001	<0.001	<0.001	0.746	0.185	<0.001	0.031	0.631	0.001	<0.001	0.029	<0.001	<0.001	0.98
MPO	0.779	0.233	0.304	<0.001	0.02	0.258	<0.001	<0.001	0.753	0.059	<0.001	0.481	0.199	<0.001
CXCL16	<0.001	<0.001	<0.001	0.326	0.273	0.001	<0.001	0.804	<0.001	<0.001	0.794	0.001	<0.001	0.826
IL6RA	<0.001	0.002	0.004	0.461	0.004	0.874	0.09	0.96	0.209	0.002	0.781	0.007	0.584	0.773
RETN	0.895	0.684	0.08	<0.001	0.007	0.128	<0.001	<0.001	0.491	0.608	0.003	0.005	0.07	0.109
IGFBP1	0.477	0.137	0.713	0.362	0.007	<0.001	0.357	0.023	0.163	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.281
CHIT1	0.189	0.028	0.54	0.044	0.135	0.053	0.002	<0.001	0.862	0.006	0.153	0.682	0.163	0.985
TRAP	0.003	0.001	0.822	0.929	0.665	0.687	0.037	0.004	0.006	0.233	<0.001	0.077	0.704	0.537
GP6	<0.001	0.004	0.723	<0.001	0.002	0.863	<0.001	<0.001	0.412	0.057	0.002	<0.001	<0.001	<0.001
PSPD	0.091	0.003	0.176	0.505	0.622	0.02	0.027	0.764	0.001	0.289	0.07	0.003	<0.001	0.148
EPCAM	0.015	<0.001	0.999	0.433	0.882	0.998	0.981	0.298	0.314	0.796	0.532	0.182	0.176	0.36
APN	<0.001	<0.001	0.011	0.464	0.043	0.122	0.963	0.235	0.084	0.038	0.288	0.259	0.121	0.932
AXL	<0.001	<0.001	<0.001	0.044	<0.001	0.003	0.136	0.06	0.294	<0.001	<0.001	0.006	0.001	0.295
IL1RT1	<0.001	<0.001	0.158	0.03	<0.001	0.001	0.247	0.156	0.014	<0.001	0.417	<0.001	<0.001	0.069
MMP2	<0.001	<0.001	0.049	0.036	0.02	<0.001	0.518	0.085	<0.001	<0.001	0.362	0.032	<0.001	0.195
FAS	0.017	<0.001	0.014	0.02	0.331	0.019	0.001	<0.001	0.001	0.938	0.004	<0.001	0.014	0.142
MB	0.145	<0.001	0.524	0.258	0.016	0.215	0.498	0.002	0.034	<0.001	0.003	<0.001	0.203	0.301
TNFSF13B	0.038	0.065	0.007	0.616	0.001	<0.001	0.048	<0.001	0.093	0.03	0.42	<0.001	0.002	0.429
PCSK9	0.002	0.005	0.004	0.009	0.297	0.002	0.003	0.054	0.016	0.226	0.699	0.017	0.05	0.009
UPAR	0.143	0.193	0.523	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.161	0.202	<0.001	<0.001	0.477	0.015
OPN	<0.001	<0.001	0.022	0.627	0.001	<0.001	0.039	0.302	0.224	<0.001	0.214	0.004	<0.001	0.864
PGLYRP1	0.041	0.948	0.117	0.002	<0.001	0.38	<0.001	<0.001	0.357	0.188	0.044	0.001	0.043	0.149
CPA1	0.001	0.025	0.596	0.998	0.082	0.199	0.519	0.902	0.038	0.629	0.029	0.002	0.198	0.119
JAMA	0.001	0.006	0.718	<0.001	0.042	0.929	<0.001	<0.001	0.366	0.006	0.011	0.001	<0.001	<0.001
GAL4	0.001	<0.001	0.025	0.647	0.196	0.005	<0.001	<0.001	0.324	0.072	<0.001	<0.001	0.912	0.001
IL1RT2	<0.001	<0.001	0.499	0.799	0.182	0.214	0.34	0.821	0.27	0.275	0.158	0.015	0.938	0.554
SHPS1	0.002	0.003	0.144	0.221	0.003	0.001	0.073	0.002	0.802	0.046	0.135	0.044	0.003	0.793
CCL15	0.016	<0.001	0.067	0.85	0.016	0.002	0.319	0.099	0.009	0.119	0.173	<0.001	<0.001	0.478

CASP3	<0.001	0.001	0.86	<0.001	<0.001	0.762	<0.001	<0.001	0.383	0.005	0.007	<0.001	<0.001	<0.001
CPB1	0.001	0.019	0.932	0.881	0.025	0.026	0.163	0.262	0.018	0.863	0.007	0.005	0.053	0.117
CHI3L1	0.001	0.003	0.98	0.953	0.483	0.084	<0.001	0.001	0.547	<0.001	<0.001	0.029	0.91	0.069
ST2	0.002	0.014	0.869	0.879	0.96	0.152	0.052	0.212	0.674	0.409	0.046	0.684	0.072	0.401
TPA	0.392	0.991	0.16	0.612	0.832	0.495	0.22	0.133	0.012	0.001	0.006	0.555	0.013	0.299
SCGB3A2	0.194	0.001	0.805	0.338	0.5	0.099	0.735	0.025	0.151	0.024	0.011	<0.001	<0.001	0.646
EGFR	<0.001	<0.001	0.007	0.394	0.074	0.614	0.847	0.02	0.009	<0.001	0.048	0.223	<0.001	0.681
IGFBP7	<0.001	<0.001	0.006	0.464	0.033	<0.001	0.014	0.227	<0.001	0.005	0.019	<0.001	<0.001	0.225
CD93	<0.001	<0.001	0.026	0.193	0.026	<0.001	0.362	0.559	<0.001	<0.001	0.252	<0.001	<0.001	0.192
IL18BP	<0.001	<0.001	0.004	0.136	<0.001	0.001	0.003	<0.001	0.014	0.025	<0.001	<0.001	0.001	0.312
COL1A1	0.002	0.001	0.001	0.439	0.08	<0.001	0.97	0.599	0.01	<0.001	0.639	0.033	<0.001	0.459
PON3	0.225	0.002	0.248	0.016	0.393	0.022	<0.001	<0.001	0.602	<0.001	<0.001	0.639	<0.001	0.012
CTS2	0.176	0.004	0.27	0.061	0.06	0.096	0.006	<0.001	0.036	0.581	0.005	0.02	0.074	0.273
MMP3	0.029	0.004	0.001	0.07	0.062	0.09	0.091	0.759	0.638	0.994	0.131	0.247	0.441	0.313
RARRES2	0.33	0.452	<0.001	<0.001	0.243	0.017	<0.001	<0.001	0.015	0.003	0.086	0.001	0.107	<0.001
ICAM2	<0.001	<0.001	0.182	0.32	0.024	0.082	0.037	0.176	0.106	<0.001	0.16	0.839	0.046	0.724
KLK6	0.018	<0.001	0.28	0.01	0.06	<0.001	0.3	0.052	0.011	<0.001	0.834	0.001	<0.001	0.084
PDGFA	0.047	0.26	0.1	<0.001	0.714	0.11	<0.001	<0.001	0.886	0.548	0.001	0.691	0.028	<0.001
TNFR1	<0.001	<0.001	0.003	0.042	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	0.239
IGFBP2	0.662	<0.001	0.092	0.199	0.004	<0.001	0.706	0.082	0.959	<0.001	0.079	0.001	<0.001	0.177
VWF	0.001	0.175	0.109	0.38	<0.001	0.014	0.002	0.252	0.55	0.866	0.003	0.023	0.328	0.963
PECAM1	0.019	0.026	0.588	<0.001	0.112	0.67	<0.001	<0.001	0.653	0.004	0.003	<0.001	<0.001	<0.001
MEPE	0.019	<0.001	0.199	0.532	0.082	0.001	0.656	0.429	0.098	<0.001	0.334	0.111	<0.001	0.99
CCL16	0.21	0.33	0.821	0.564	0.278	0.977	0.067	0.015	0.042	0.408	0.03	0.03	0.579	0.215
IL8	0.934	0.753	0.588	<0.001	0.611	0.815	<0.001	<0.001	0.973	0.01	<0.001	0.661	0.006	<0.001
VEGFA	0.16	0.09	0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.219	0.55	<0.001	<0.001	0.375	<0.001
CD8A	0.003	0.336	0.112	0.377	<0.001	0.06	0.005	<0.001	0.166	0.816	<0.001	0.068	0.438	0.496
MCP3	0.548	0.373	<0.001	<0.001	0.699	0.007	<0.001	<0.001	0.414	0.768	<0.001	0.083	0.156	<0.001
CDCP1	<0.001	<0.001	0.014	0.679	0.006	0.038	<0.001	<0.001	0.774	0.272	<0.001	0.007	0.615	0.072
CD244	0.079	0.193	0.343	<0.001	0.223	0.286	<0.001	<0.001	0.428	0.003	<0.001	0.003	<0.001	<0.001
IL7	0.026	0.116	0.46	<0.001	0.651	0.816	<0.001	<0.001	0.097	0.243	<0.001	0.008	0.005	<0.001
OPG	<0.001	<0.001	0.024	0.836	<0.001	<0.001	0.001	0.211	0.084	0.271	0.005	<0.001	0.005	0.107
LAP_TGFB1	0.286	0.677	0.264	<0.001	0.372	0.01	<0.001	<0.001	0.436	0.076	<0.001	0.196	0.012	<0.001
UPA	<0.001	<0.001	<0.001	0.266	<0.001	<0.001	0.09	0.217	0.071	0.182	<0.001	0.001	<0.001	0.012
IL6	0.002	0.106	0.509	0.543	<0.001	0.798	<0.001	<0.001	0.963	0.004	<0.001	0.001	0.484	0.013
MCP1	0.011	<0.001	0.081	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.06	0.153	0.893	<0.001	<0.001	0.034	0.008
CXCL11	0.011	0.015	0.73	<0.001	0.994	0.434	<0.001	<0.001	0.911	0.003	<0.001	0.002	<0.001	<0.001
AXIN1	<0.001	<0.001	0.391	<0.001	<0.001	0.247	<0.001	<0.001	0.184	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TRAIL	0.005	<0.001	<0.001	0.941	<0.001	0.034	0.278	0.005	0.041	0.002	0.002	<0.001	0.001	0.417
CXCL9	0.155	0.071	0.129	0.301	<0.001	0.044	0.004	<0.001	0.819	0.909	<0.001	<0.001	0.875	0.101
CST5	<0.001	<0.001	0.004	0.042	<0.001	<0.001	0.914	0.666	0.039	<0.001	0.062	<0.001	<0.001	0.82
OSM	0.877	0.275	0.214	<0.001	0.818	0.038	<0.001	<0.001	0.707	0.01	<0.001	0.165	0.002	<0.001
CXCL1	0.001	0.004	0.708	<0.001	<0.001	0.954	<0.001	<0.001	0.411	0.004	0.006	0.001	<0.001	<0.001
CCL4	0.739	0.604	0.005	<0.001	0.347	0.31	<0.001	<0.001	0.679	0.193	<0.001	0.446	0.027	<0.001
CD6	0.074	0.101	0.407	<0.001	0.043	0.669	<0.001	<0.001	0.858	<0.001	0.001	0.618	0.098	<0.001
TGFA	<0.001	0.003	0.492	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	0.268	0.666	<0.001	<0.001	0.127	<0.001
MCP4	0.007	0.203	0.597	<0.001	0.146	0.019	<0.001	<0.001	0.824	0.529	<0.001	0.119	0.002	<0.001
CCL11	0.756	0.471	0.668	<0.001	0.193	<0.001	<0.001	0.001	0.118	0.896	<0.001	0.398	0.033	<0.001
TNFSF14	0.02	0.081	0.439	<0.001	0.017	0.921	<0.001	<0.001	0.987	0.001	<0.001	0.009	<0.001	<0.001
MMP1	0.164	0.995	0.583	<0.001	0.118	0.017	<0.001	<0.001	0.786	0.596	0.001	0.601	0.259	<0.001
LIFR	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.028	0.393	0.002	0.011	0.002	<0.001	<0.001	0.655
FGF21	0.006	0.067	0.003	0.711	0.928	0.142	0.075	0.042	0.002	0.001	0.022	<0.001	0.975	0.011
CCL19	0.899	0.528	0.392	0.035	<0.001	0.298	0.025	<0.001	0.486	0.262	<0.001	0.639	0.426	0.006
IL15RA	<0.001	<0.001	0.001	0.908	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.461	0.369	<0.001	0.002	0.018	0.055
IL10RB	<0.001	<0.001	0.002	0.067	<0.001	<0.001	0.027	0.018	0.005	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	0.616
IL18R1	0.019	0.356	<0.001	0.023	0.075	0.276	<0.001	<0.001	0.256	0.129	<0.001	0.88	0.066	0.041
PDL1	0.5	0.461	0.491	<0.001	0.996	0.388	<0.001	<0.001	0.888	0.01	<0.001	0.032	<0.001	<0.001
CXCL5	0.004	0.015	0.866	<0.001	<0.001	0.732	<0.001	<0.001	0.87	0.026	0.056	0.085	0.012	<0.001
TRANCE	0.13	0.001	0.013	0.104	0.055	0.002	0.392	0.005	0.011	0.009	0.015	0.014	<0.001	0.016
HGF	0.054	0.293	0.006	<0.001	0.142	0.011	<0.001	<0.001	0.142	0.012	<0.001	0.04	0.017	<0.001
IL12B	<0.001	0.043	<0.001	0.175	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.15	0.163	<0.001	0.011	0.004	0.213
MMP10	0.046	0.116	0.058	0.851	0.062	0.042	0.007	0.052	0.462	0.995	0.006	<0.001	0.003	0.731
IL10	0.005	0.249	0.259	0.615	<0.001	0.099	0.017	0.025	0.608	0.618	0.001	0.037	0.158	0.552
TNF	0.006	0.006	0.001	0.003	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.205	0.672	<0.001	0.001	0.41	0.004
CCL23	0.003	0.001	0.302	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	0.157	0.012	0.001	0.006	0.005	0.003
CD5	0.004	0.024	0.958	<0.001	0.003	0.791	<0.001	<0.001	0.992	<0.001	<0.001	0.291	0.072	<0.001
CCL3	0.941	0.895	0.031	<0.001	0.014	0.187	<0.001	<0.001	0.959	0.007	<0.001	0.254	0.018	<0.001
FLT3L	0.001	0.004	0.047	0.685	0.706	0.001	0.339	0.005	0.002	0.688	0.011	<0.001	0.001	0.102
CXCL6	0.028	0.051	0.675	<0.001	0.098	0.929	<0.001	<0.001	0.689	0.07	<0.001	0.009	<0.001	<0.001
CXCL10	0.272	0.283	0.058	<0.001	0.003	0.091	<0.001	<0.001	0.93	0.054	<0.001	0.211	0.008	<0.001

4EBP1	<0.001	0.005	0.412	<0.001	<0.001	0.318	<0.001	<0.001	0.505	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001
SIRT2	<0.001	0.003	0.695	<0.001	<0.001	0.639	<0.001	<0.001	0.342	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL28	0.522	0.501	0.878	<0.001	0.314	<0.001	0.001	<0.001	0.36	0.325	<0.001	0.046	0.661	0.003
DNER	<0.001	<0.001	0.123	0.259	0.288	0.022	0.683	0.001	0.306	<0.001	0.232	0.042	0.003	0.015
ENRAGE	0.913	0.327	0.413	<0.001	0.632	0.404	<0.001	<0.001	0.659	0.358	<0.001	0.334	0.002	<0.001
CD40	<0.001	0.009	0.874	<0.001	0.001	0.86	<0.001	<0.001	0.345	0.007	<0.001	0.005	<0.001	<0.001
IFNG	0.048	0.222	0.302	0.23	0.001	0.474	0.14	<0.001	0.441	0.184	<0.001	0.23	0.887	0.393
FGF19	<0.001	0.016	0.995	0.441	0.198	0.075	0.006	0.801	0.828	0.659	0.088	0.098	0.16	0.1
MCP2	0.172	0.515	0.6	<0.001	0.988	0.157	<0.001	<0.001	0.9	0.084	<0.001	0.193	0.033	<0.001
CASP8	0.002	0.045	0.62	<0.001	<0.001	0.346	<0.001	<0.001	0.442	0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001
CCL25	<0.001	<0.001	0.081	0.402	0.087	0.004	0.492	0.163	0.125	0.313	0.039	<0.001	<0.001	0.061
CX3CL1	<0.001	<0.001	0.026	0.127	<0.001	<0.001	0.439	0.11	0.029	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.902
TNFRSF9	<0.001	0.001	<0.001	0.34	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.02	0.162	<0.001	<0.001	<0.001	0.04
NT3	0.122	0.082	0.007	0.05	0.394	<0.001	0.079	0.246	0.252	0.175	0.282	0.317	0.003	0.017
TWEAK	0.311	0.001	0.001	<0.001	0.44	<0.001	<0.001	0.005	0.218	<0.001	0.044	0.541	<0.001	<0.001
CCL20	0.457	0.943	0.019	<0.001	0.016	0.001	<0.001	<0.001	0.928	0.081	<0.001	0.01	0.773	<0.001
ST1A1	<0.001	<0.001	0.412	<0.001	<0.001	0.147	<0.001	<0.001	0.092	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001
STAMBP	<0.001	0.002	0.774	<0.001	<0.001	0.509	<0.001	<0.001	0.34	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ADA	0.025	0.306	0.233	<0.001	0.004	0.987	<0.001	<0.001	0.753	<0.001	<0.001	0.081	0.003	<0.001
TNFB	0.047	0.478	0.003	0.576	<0.001	0.002	0.449	0.036	0.2	0.773	0.006	0.005	<0.001	0.771
CSF1	<0.001	<0.001	0.011	0.663	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.035	0.017	<0.001	<0.001	<0.001	0.167
Age	0.938	0.212	0.002	0.023	0.102	0.001	0.009	<0.001	0.175	0.452	0.03	0.009	0.911	0.755
Body mass index	0.513	0.201	0.001	0.034	0.262	0.047	0.008	<0.001	0.219	<0.001	0.018	0.285	<0.001	0.179
Waist circumference	0.488	0.858	0.368	0.218	0.42	0.003	0.093	<0.001	0.387	<0.001	<0.001	0.769	<0.001	0.473
Educational attainment	0.841	0.207	0.05	0.133	0.73	0.019	0.258	0.176	0.39	0.129	0.228	0.072	0.168	0.214
Alcohol consumption	0.034	0.209	<0.001	0.973	0.216	0.725	0.247	0.441	0.326	<0.001	0.531	0.424	0.573	0.967
Systolic blood pressure	0.593	0.586	0.006	0.429	0.272	0.179	0.073	0.001	0.208	0.003	0.001	0.032	<0.001	0.076
Diastolic blood pressure	0.957	0.924	0.032	0.733	0.042	0.047	0.564	0.02	0.068	0.02	0.046	0.004	<0.001	0.02
Hemoglobin A1c	0.859	0.729	0.125	0.768	0.694	0.787	0.018	0.002	0.068	0.104	0.011	0.758	0.156	0.151
Duration of known diabetes	0.052	0.085	0.916	0.344	0.96	0.331	0.014	0.005	0.026	0.284	0.074	0.45	0.014	0.108
High-density lipoprotein	0.164	<0.001	0.671	0.795	0.263	0.019	0.12	<0.001	0.532	<0.001	0.001	0.336	<0.001	0.087
Low-density lipoprotein	0.82	0.124	0.055	0.896	0.035	0.871	0.342	0.202	0.144	0.45	0.43	0.884	0.854	0.868
Triglycerides	0.218	0.064	0.201	0.492	0.118	0.883	0.001	<0.001	0.248	<0.001	0.008	0.252	0.012	<0.001
Albumin	0.274	0.622	0.511	0.258	0.23	0.054	0.12	0.979	0.661	0.779	0.097	0.081	<0.001	0.368
Fibrinogen	0.766	0.72	<0.001	0.222	0.398	0.873	<0.001	0.001	0.741	0.057	0.15	0.782	0.768	0.052
C-reactive protein	0.499	0.155	0.708	0.001	0.029	0.638	<0.001	<0.001	0.451	0.003	0.002	0.296	0.122	0.014
Serum amyloid A	0.05	0.05	0.12	0.477	0.004	0.566	<0.001	0.002	0.462	0.917	0.1	0.663	0.911	0.314
Leucocyte count	0.872	<0.001	0.04	0.618	<0.001	<0.001	0.141	0.001	0.741	<0.001	0.013	0.057	<0.001	0.14
Serum adiponectin	0.155	0.007	0.308	0.002	0.342	0.044	<0.001	0.01	0.458	<0.001	0.11	0.452	0.001	0.098
Uric acid	0.735	0.737	0.007	0.465	0.142	0.008	0.027	<0.001	0.766	<0.001	<0.001	0.236	<0.001	0.083
Creatinine	0.836	0.67	0.014	0.944	0.614	0.102	0.075	<0.001	0.389	0.649	0.002	0.044	0.125	0.564
Rényi4, baseline	0.047	0.703	0.644	0.282	0.069	0.157	0.877	0.109	0.924	0.216	0.054	0.186	0.511	0.256
TP, baseline	0.018	0.531	0.579	0.516	0.138	0.113	0.949	0.268	0.831	0.149	0.188	0.221	0.539	0.708
SDWS, baseline	0.308	0.99	0.25	0.128	0.094	0.309	0.624	0.391	0.312	0.166	0.237	0.064	0.579	0.074
SDSA, baseline	0.054	0.3	0.906	0.551	0.157	0.691	0.595	0.114	0.814	0.724	0.122	0.224	0.287	0.777
CE, baseline	0.032	0.314	0.742	0.793	0.122	0.252	0.982	0.044	0.773	0.623	0.073	0.257	0.633	0.823
Rényi4, follow-up	0.076	0.568	0.997	0.638	0.814	0.06	0.581	0.514	0.699	0.045	0.431	0.542	0.926	0.603
TP, follow-up	0.024	0.889	0.688	0.693	0.499	0.055	0.917	0.738	0.791	0.357	0.975	0.539	0.432	0.314
SDWS, follow-up	0.569	0.415	0.568	0.381	0.964	0.026	0.197	0.404	0.761	0.036	0.258	0.969	0.905	0.921
SDSA, follow-up	0.011	0.516	0.631	0.223	0.787	0.349	0.696	0.221	0.926	0.227	0.279	0.19	0.265	0.571
CE, follow-up	0.027	0.457	0.641	0.225	0.834	0.112	0.51	0.438	0.954	0.217	0.234	0.147	0.501	0.785

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	CTRC	FGF23	SPON2	GH	FS	GLO1	CD84	SERPIN	REN	DECR1	MERTK	KIM1	THBS2
BMP6	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.6	0.7	0.1	0.1	0.6	-0.1	0.1	0.1
ANGPT1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.6	0.7	<0.1	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	<0.1
ADM	0.1	0.5	0.7	0.1	0.4	-0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.2	0.3	0.3	0.4
CD40L	<0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1	0.8	0.8	<0.1	<0.1	0.9	-0.2	<0.1	-0.1
PGF	0.2	0.4	0.5	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.3	-0.2	0.4	0.3	0.3
ADAMTS13	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.3
BOC	0.2	0.2	0.4	<0.1	0.1	-0.3	-0.1	0.1	0.1	-0.3	0.3	0.2	0.3
IL4RA	0.1	0.2	0.5	<0.1	0.2	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.5	0.3	0.2
SRC	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.4	0.2	<0.1	<0.1	0.4	-0.1	<0.1	-0.1
IL1RA	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.5	0.5	<0.1	0.2	0.5	-0.1	0.2	0.2
TNFRSF10A	0.1	0.2	0.4	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3
STK4	<0.1	-0.1	-0.3	-0.1	-0.1	0.8	0.7	<0.1	<0.1	0.8	-0.3	-0.1	-0.1
IDUA	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.4	0.4	0.1	0.1	0.4	<0.1	0.2	0.2
TNFRSF11A	0.2	0.3	0.6	<0.1	0.3	-0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.3
PAR1	0.1	-0.1	-0.3	-0.1	-0.1	0.8	0.8	<0.1	0.1	0.8	-0.2	<0.1	-0.1
TRAILR2	0.1	0.3	0.5	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.3	0.3	0.3
PRSS27	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
TIE2	0.3	0.2	0.4	<0.1	0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.3	-0.3	0.4	0.3	0.3
TF	0.2	0.2	0.4	0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.2	0.4	0.3	0.2
IL1RL2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2
PDGFB	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.7	0.8	<0.1	0.1	0.7	-0.1	<0.1	<0.1
IL27	0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.2	0.3	0.1	0.2
IL17D	0.2	0.4	0.4	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2
LOX1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2
GAL9	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.4	0.5	<0.1	0.1	0.4	<0.1	0.1	0.2
GIF	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.2
SCF	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	0.1	-0.1	-0.1
IL18	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2
PLGR	<0.1	0.3	0.4	<0.1	0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.2	0.2	0.2	0.2
RAGE	0.2	0.3	0.5	0.2	0.2	-0.3	-0.1	0.1	<0.1	-0.3	0.3	0.2	0.2
SOD2	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.5	0.5	<0.1	<0.1	0.5	-0.1	0.1	0.1
CTRC	1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1
FGF23	0.1	1	0.4	0.1	0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.2	0.2	0.2	0.2
SPON2	0.2	0.4	1	0.2	0.4	-0.4	-0.2	0.1	0.1	-0.4	0.4	0.3	0.4
GH	<0.1	0.1	0.2	1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.2	-0.2	0.2	-0.1	<0.1
FS	0.1	0.2	0.4	0.1	1	-0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.2	0.3	0.3	0.2
GLO1	<0.1	-0.2	-0.4	-0.1	-0.2	1	0.8	<0.1	<0.1	0.9	-0.3	<0.1	-0.1
CD84	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.8	1	<0.1	<0.1	0.8	-0.2	<0.1	-0.1
SERPINA12	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2
REN	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	1	<0.1	0.1	0.1	0.1
DECR1	-0.1	-0.2	-0.4	-0.2	-0.2	0.9	0.8	<0.1	<0.1	1	-0.4	-0.1	-0.2
MERTK	0.2	0.2	0.4	0.2	0.3	-0.3	-0.2	0.2	0.1	-0.4	1	0.3	0.2
KIM1	0.1	0.2	0.3	-0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	1	0.2
THBS2	0.1	0.2	0.4	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2	0.1	-0.2	0.2	0.2	1
TM	0.3	0.3	0.5	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.3
VSIG2	0.2	0.3	0.4	<0.1	0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.2	-0.2	0.2	0.3	0.3
AMBP	0.2	0.3	0.5	-0.1	0.4	-0.2	-0.1	<0.1	0.2	-0.2	0.3	0.3	0.2
PRELP	0.2	0.3	0.5	0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.4
HO1	0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2
XCL1	0.2	0.2	0.3	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
IL16	<0.1	-0.1	-0.3	-0.1	-0.1	0.8	0.7	<0.1	0.1	0.7	-0.2	<0.1	-0.1
SORT1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.6	0.8	<0.1	0.1	0.6	<0.1	0.2	0.1
CEACAM8	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1
PTX3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.1	0.2
PSGL1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2
CCL17	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.6	0.7	<0.1	0.1	0.6	-0.1	<0.1	-0.1
MMP7	0.2	0.3	0.5	0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.3	0.3	0.2
IGGFC	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1
ITGB1BP2	<0.1	-0.1	-0.3	-0.1	-0.1	0.9	0.8	<0.1	<0.1	0.9	-0.3	<0.1	-0.2
DCN	0.2	0.3	0.6	0.1	0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.2	-0.2	0.4	0.3	0.5
DKK1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	0.8	<0.1	<0.1	0.7	-0.1	<0.1	<0.1
LPL	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	-0.2	<0.1	0.1	-0.2	-0.2	0.2	<0.1	0.1
PRSS8	0.1	0.2	0.3	-0.3	0.3	<0.1	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.3
AGRP	0.2	0.2	0.3	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.2
HBEGF	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.7	0.8	<0.1	0.1	0.6	-0.1	<0.1	<0.1

GDF2	0.3	0.3	0.4	0.3	0.2	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.4	0.2	0.2
FABP2	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2
THPO	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.4	0.6	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1
MARCO	0.2	0.2	0.3	-0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.4
GT	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1
MMP12	0.1	0.3	0.3	-0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1
ACE2	0.1	<0.1	0.2	-0.3	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.3
PDL2	0.2	0.3	0.4	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.2	-0.2	0.3	0.2	0.2
CTSL1	0.2	0.3	0.5	<0.1	0.3	-0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.2	0.4	0.3	0.3
HOSCAR	0.1	0.3	0.4	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.3
TNFRSF13B	0.2	0.3	0.4	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.2
TGM2	<0.1	0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1
LEP	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3
CA5A	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2
HSP27	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CD4	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.5	0.5	-0.1	0.1	0.5	-0.1	0.1	0.1
NEMO	<0.1	-0.2	-0.4	-0.1	-0.2	0.9	0.8	<0.1	<0.1	0.9	-0.3	-0.1	-0.2
VEGFD	0.2	0.1	0.4	0.2	0.2	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.3	0.3	0.2
PARP1	<0.1	-0.2	-0.4	-0.1	-0.2	0.8	0.6	<0.1	0.1	0.7	-0.3	<0.1	-0.1
HAOX1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2
TNFRSF14	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.5	0.6	-0.1	0.1	0.5	-0.1	<0.1	<0.1
LDL_RC	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2
ITGB2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1
IL17RA	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.3	0.4	-0.1	0.1	0.3	-0.1	<0.1	<0.1
TNFR2	-0.1	0.1	0.3	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2
MMP9	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2
EPHB4	<0.1	0.1	0.4	<0.1	0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.2	0.1	0.2
IL2RA	-0.1	0.1	0.2	-0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
ALCAM	0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.3	0.1	0.3
SELP	<0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1	0.8	0.8	-0.1	0.1	0.8	-0.2	<0.1	-0.1
CSTB	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.6	0.6	<0.1	0.1	0.6	-0.2	<0.1	<0.1
CD163	0.1	0.1	0.2	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.3
GRN	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.3
NTPROBNP	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.2
PLC	<0.1	0.3	0.5	-0.1	0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.2	-0.2	0.2	0.2	0.3
LTBR	<0.1	0.1	0.3	-0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
NOTCH3	<0.1	0.1	0.4	<0.1	0.1	-0.3	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.1	0.1	0.3
TIMP4	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2
CNTN1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.1	0.3
CDH5	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.2	0.1	0.2
TLT2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.4	0.6	<0.1	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	<0.1
FABP4	0.2	0.2	0.4	0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.3
TFPI	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
PAI	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.5	0.6	<0.1	0.1	0.5	-0.1	0.1	0.1
CCL24	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
TR	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
TNFRSF10C	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
GDF15	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.3	-0.1	-0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.1	0.3	0.2
SELE	<0.1	-0.1	0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3
DLK1	0.1	0.2	0.3	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1
MPO	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.4	-0.1	0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.1
CXCL16	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.2	0.1	0.1	0.2
IL6RA	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.1	0.1	0.2
RETN	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
IGFBP1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.2	-0.1	-0.1
CHIT1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
TRAP	<0.1	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2
GP6	<0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1	0.9	0.8	-0.1	0.1	0.8	-0.3	-0.1	-0.2
PSPD	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
EPCAM	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
APN	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.2	0.2	0.2	0.2
AXL	<0.1	0.1	0.3	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.1	0.1	0.3
IL1RT1	0.1	0.1	0.4	<0.1	0.1	-0.3	-0.2	<0.1	0.1	-0.3	0.2	0.1	0.2
MMP2	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.2	0.2	0.1	0.3
FAS	<0.1	0.1	0.2	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2
MB	<0.1	0.1	0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1
TNFSF13B	-0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3
PCSK9	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3
UPAR	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2
OPN	<0.1	0.1	0.4	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2

PGLYRP1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
CPA1	0.5	<0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.2
JAMA	<0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1	0.8	0.7	-0.1	0.1	0.8	-0.2	-0.1	-0.2
GAL4	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3
IL1RT2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.2
SHPS1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CCL15	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2
CASP3	<0.1	-0.2	-0.4	-0.1	-0.2	0.9	0.8	<0.1	<0.1	0.9	-0.3	-0.1	-0.2
CPB1	0.5	<0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.2
CH13L1	<0.1	-0.1	0.2	-0.2	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2
ST2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.3	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.1
TPA	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2
SCGB3A2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1
EGFR	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.2	0.2	<0.1	0.1
IGFBP7	<0.1	0.2	0.4	-0.2	0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.3
CD93	<0.1	0.1	0.3	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	0.1	0.1	0.2
IL18BP	<0.1	0.1	0.3	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	-0.2	0.1	0.1	0.2
COL1A1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2
PON3	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	-0.1	-0.1
CTSZ	<0.1	0.1	0.3	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2
MMP3	<0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.3	-0.1	0.1	0.1	<0.1
RARRES2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2
ICAM2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2
KLK6	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1
PDGFA	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.6	0.7	<0.1	<0.1	0.6	-0.1	<0.1	<0.1
TNFR1	<0.1	0.2	0.4	-0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3
IGFBP2	-0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	0.1	-0.1	-0.1
VWF	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.2
PECAM1	<0.1	-0.1	-0.3	-0.1	-0.1	0.7	0.7	-0.1	0.1	0.7	-0.2	-0.1	-0.1
MEPE	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
CCL16	0.1	0.1	0.2	-0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2
IL8	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.4	0.5	<0.1	0.1	0.4	-0.1	0.1	0.1
VEGFA	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.3	0.4	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2
CD8A	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
MCP3	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1
CDCP1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3
CD244	<0.1	-0.1	-0.3	-0.1	-0.1	0.7	0.8	0.1	0.1	0.7	-0.2	<0.1	<0.1
IL7	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.6	0.7	<0.1	<0.1	0.6	-0.2	<0.1	<0.1
OPG	0.2	0.1	0.4	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.2	0.2	0.3	0.4
LAP_TGFB1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.7	0.8	<0.1	0.1	0.7	-0.2	0.1	0.1
UPA	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.4
IL6	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3
MCP1	0.1	0.1	0.3	-0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
CXCL11	0.1	-0.1	-0.3	-0.1	-0.1	0.7	0.7	<0.1	0.1	0.7	-0.2	-0.1	<0.1
AXIN1	<0.1	-0.2	-0.4	-0.1	-0.2	0.9	0.8	<0.1	<0.1	0.9	-0.3	-0.1	-0.2
TRAIL	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2
CXCL9	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1
CST5	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	-0.3	-0.1	0.1	0.1	-0.2	0.2	0.1	0.1
OSM	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1
CXCL1	<0.1	-0.1	-0.3	-0.1	-0.1	0.8	0.8	0.1	<0.1	0.8	-0.2	<0.1	-0.1
CCL4	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.4	0.5	<0.1	0.1	0.4	-0.1	0.1	0.2
CD6	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.5	0.5	<0.1	<0.1	0.5	-0.2	0.1	<0.1
TGFA	0.1	0.1	0.3	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3
MCP4	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.7	0.8	<0.1	<0.1	0.6	-0.2	<0.1	<0.1
CCL11	0.2	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1
TNFSF14	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.7	0.8	<0.1	0.1	0.7	-0.2	<0.1	<0.1
MMP1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.5	0.6	<0.1	<0.1	0.5	-0.1	<0.1	-0.1
LIFR	0.2	0.2	0.4	<0.1	0.2	-0.4	-0.2	<0.1	0.1	-0.4	0.4	0.2	0.4
FGF21	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2
CCL19	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2
IL15RA	<0.1	0.1	0.3	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2
IL10RB	<0.1	0.3	0.5	-0.1	0.3	-0.3	-0.1	<0.1	0.1	-0.3	0.3	0.2	0.3
IL18R1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3
PDL1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.6	0.6	-0.1	0.2	0.6	-0.2	<0.1	<0.1
CXCL5	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.7	0.7	0.1	<0.1	0.7	-0.2	<0.1	-0.1
TRANCE	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
HGF	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.2	0.3	0.4	0.1	0.2	0.3	-0.1	0.2	0.3
IL12B	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3
MMP10	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
IL10	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	0.1	0.1	0.2

TNF	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3
CCL23	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
CD5	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.6	0.6	<0.1	<0.1	0.6	-0.3	<0.1	<0.1
CCL3	0.1	0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.3	0.4	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2
FLT3L	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.3
CXCL6	0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1	0.7	0.7	<0.1	0.1	0.7	-0.2	<0.1	-0.1
CXCL10	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2
4EBP1	<0.1	-0.2	-0.4	-0.2	-0.2	0.9	0.8	<0.1	0.1	0.9	-0.3	<0.1	-0.1
SIRT2	<0.1	-0.2	-0.4	-0.1	-0.2	0.9	0.8	<0.1	<0.1	0.9	-0.3	-0.1	-0.1
CCL28	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
DNER	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2
ENRAGE	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.4	0.4	-0.1	0.1	0.3	-0.1	0.1	<0.1
CD40	<0.1	-0.2	-0.3	-0.1	-0.1	0.8	0.8	<0.1	<0.1	0.8	-0.3	<0.1	-0.1
IFNG	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2
FGF19	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
MCP2	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.5	0.5	-0.1	0.1	0.5	-0.1	<0.1	<0.1
CASP8	<0.1	-0.1	-0.3	-0.1	-0.1	0.8	0.8	<0.1	0.1	0.8	-0.2	<0.1	-0.1
CCL25	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1
CX3CL1	0.1	0.1	0.4	<0.1	0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	0.3	0.1	0.2
TNFRSF9	<0.1	0.2	0.4	-0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
NT3	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
TWEAK	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.4	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1
CCL20	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2
ST1A1	<0.1	-0.2	-0.4	-0.1	-0.2	0.8	0.8	<0.1	<0.1	0.9	-0.3	-0.1	-0.1
STAMBP	<0.1	-0.2	-0.4	-0.1	-0.2	0.9	0.8	<0.1	<0.1	0.9	-0.3	-0.1	-0.1
ADA	<0.1	-0.1	-0.3	-0.1	-0.1	0.7	0.6	<0.1	0.1	0.7	-0.2	<0.1	<0.1
TNFB	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2
CSF1	0.1	0.3	0.5	0.1	0.3	-0.2	<0.1	0.2	0.1	-0.2	0.3	0.2	0.4
Age	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
Body mass index	<0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2
Waist circumference	<0.1	<0.1	<0.1	-0.4	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.1	-0.1	0.1	0.1
Educational attainment	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
Alcohol consumption	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
Systolic blood pressure	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1
Diastolic blood pressure	-0.1	<0.1	-0.1	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
Hemoglobin A1c	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1
Duration of known diabetes	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1
High-density lipoprotein	0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	<0.1	-0.1
Low-density lipoprotein	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
Triglycerides	<0.1	<0.1	0.1	-0.3	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2
Albumin	<0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Fibrinogen	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
C-reactive protein	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.4	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2
Serum amyloid A	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2
Leucocyte count	0.1	0.1	0.2	0.4	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	-0.3	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
Serum adiponectin	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1
Uric acid	<0.1	0.1	<0.1	-0.3	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.1	-0.1	0.2	<0.1
Creatinine	<0.1	0.1	<0.1	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
Rényi4, baseline	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
TP, baseline	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
SDWS, baseline	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1
SDSA, baseline	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
CE, baseline	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
Rényi4, follow-up	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
TP, follow-up	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
SDWS, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
SDSA, follow-up	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CE, follow-up	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	CTRC	FGF23	SPON2	GH	FS	GLO1	CD84	SERPIN	REN	DECR1	MERTK	KIM1	THBS2
BMP6	0.273	1	0.149	0.772	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	0.716	0.192
ANGPT1	0.007	1	1	1	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	1	1

ADM	0.287	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.003	1	0.329	0.188	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD40L	1	0.016	<0.001	1	0.777	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.62
PGF	<0.001	<0.001	<0.001	0.742	<0.001	0.073	1	1	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001
ADAMTS13	0.197	0.944	<0.001	0.32	0.064	0.641	1	0.228	1	0.23	0.034	0.067	<0.001
BOC	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
IL4RA	1	<0.001	<0.001	1	0.009	0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SRC	1	1	0.75	0.624	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.616	1	0.744
IL1RA	1	1	1	0.679	0.065	<0.001	<0.001	1	0.068	<0.001	1	0.001	<0.001
TNFRSF10A	0.397	0.014	<0.001	1	<0.001	0.172	0.001	0.423	0.01	0.174	0.049	<0.001	<0.001
STK4	1	0.401	<0.001	0.541	0.325	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.28
IDUA	0.218	1	1	1	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	0.066	<0.001
TNFRSF11A	0.005	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.341	0.077	0.467	0.01	0.286	<0.001	<0.001	<0.001
PAR1	1	1	<0.001	0.945	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1
TRAILR2	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.065	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
PRSS27	0.159	0.706	0.005	1	1	0.069	<0.001	1	0.703	0.15	1	0.387	1
TIE2	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.009	0.003	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TF	<0.001	0.001	<0.001	1	0.382	0.012	1	1	0.004	0.003	<0.001	<0.001	0.052
IL1RL2	0.864	0.003	<0.001	1	1	1	1	1	1	1	0.009	0.23	0.004
PDGFB	0.052	1	0.256	1	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	1	1
IL27	0.137	<0.001	<0.001	1	0.003	<0.001	1	1	0.508	<0.001	<0.001	1	0.005
IL17D	0.002	<0.001	<0.001	0.04	0.456	1	1	0.055	1	1	0.002	0.049	0.001
LOX1	0.781	1	0.367	1	0.003	<0.001	<0.001	1	0.011	0.001	0.162	0.003	0.001
GAL9	1	1	1	1	0.788	<0.001	<0.001	1	0.113	<0.001	1	0.697	0.064
GIF	1	0.001	<0.001	1	1	1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	0.001
SCF	0.316	0.036	0.007	0.407	1	0.003	1	1	1	0.003	0.145	1	1
IL18	0.089	0.331	0.265	0.593	1	0.009	<0.001	1	<0.001	0.034	1	0.427	<0.001
PLGR	1	<0.001	<0.001	1	0.007	0.011	1	0.547	0.326	0.009	0.003	0.003	<0.001
RAGE	0.058	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	1	0.212	1	<0.001	<0.001	0.013	0.037
SOD2	1	1	1	1	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	1	0.232
CTRC	<0.001	0.72	0.014	1	1	1	0.733	0.646	1	1	0.003	0.24	0.719
FGF23	0.034	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.006	1	0.274	0.486	0.003	0.002	0.001	0.032
SPON2	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.004	0.243	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GH	0.359	0.066	<0.001	<0.001	1	0.272	1	0.001	<0.001	0.063	0.025	1	1
FS	0.251	<0.001	<0.001	0.115	<0.001	0.031	1	1	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GLO1	0.552	<0.001	<0.001	0.011	0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.11
CD84	0.034	0.114	<0.001	0.608	0.12	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.06	1	1
SERPINA12	0.03	0.011	0.01	<0.001	0.216	0.57	0.915	<0.001	1	1	0.024	0.89	0.011
REN	0.055	0.021	0.087	<0.001	0.071	0.782	0.762	0.225	<0.001	1	0.093	0.195	0.816
DECR1	0.286	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.721	0.491	<0.001	<0.001	1	0.024
MERTK	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.013
KIM1	0.01	<0.001	<0.001	0.066	<0.001	0.318	0.357	0.043	0.008	0.101	<0.001	<0.001	<0.001
THBS2	0.033	0.001	<0.001	0.392	<0.001	0.004	0.27	<0.001	0.039	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TM	<0.001	<0.001	<0.001	0.269	<0.001	0.539	<0.001	0.13	<0.001	0.818	<0.001	<0.001	<0.001
VSIG2	<0.001	<0.001	<0.001	0.649	<0.001	<0.001	0.037	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
AMBP	0.002	<0.001	<0.001	0.098	<0.001	<0.001	0.293	0.53	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PRELP	<0.001	<0.001	<0.001	0.227	<0.001	0.038	0.673	0.013	0.041	0.004	<0.001	<0.001	<0.001
HO1	0.114	0.552	0.055	0.001	0.003	0.006	0.001	0.977	<0.001	0.013	0.016	<0.001	<0.001
XCCL1	<0.001	<0.001	<0.001	0.279	0.089	0.09	<0.001	0.246	0.16	0.082	0.026	0.017	<0.001
IL16	0.986	0.014	<0.001	0.004	0.072	<0.001	<0.001	0.917	0.199	<0.001	<0.001	0.606	0.294
SORT1	<0.001	0.973	0.572	0.066	0.274	<0.001	<0.001	0.711	0.051	<0.001	0.461	<0.001	0.004
CEACAM8	0.108	0.07	0.011	0.003	0.001	<0.001	<0.001	0.438	<0.001	<0.001	0.209	0.001	0.003
PTX3	0.027	<0.001	<0.001	0.23	0.003	0.003	0.491	0.101	<0.001	0.003	<0.001	0.112	0.001
PSGL1	0.308	0.845	0.892	0.004	0.404	<0.001	<0.001	0.051	0.026	<0.001	0.625	<0.001	<0.001
CCL17	0.028	0.816	0.043	0.026	0.834	<0.001	<0.001	0.795	0.018	<0.001	0.061	0.903	0.28
MMP7	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	0.08	0.99	0.454	0.113	0.026	<0.001	<0.001	<0.001
IGGFC	0.289	0.012	0.628	0.781	0.951	0.626	0.985	0.736	0.002	0.972	0.375	0.153	0.307
ITGB1BP2	0.852	0.009	<0.001	0.109	0.027	<0.001	<0.001	0.654	0.465	<0.001	<0.001	0.323	0.002
DCN	0.001	<0.001	<0.001	0.188	<0.001	<0.001	0.081	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
DKK1	0.002	0.085	0.01	0.334	0.674	<0.001	<0.001	0.501	0.732	<0.001	0.112	0.667	0.466
LPL	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.266	0.001	0.988	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	0.663	0.193
PRSS8	0.225	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.646	0.986	0.277	<0.001	0.736	0.004	<0.001	<0.001
AGRP	<0.001	<0.001	<0.001	0.056	0.005	0.74	0.141	0.515	<0.001	0.145	<0.001	<0.001	0.001
HBEGF	0.005	0.046	0.005	0.142	0.61	<0.001	<0.001	0.442	0.287	<0.001	0.053	0.787	0.92
GDF2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.567	<0.001	0.516	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
FABP2	0.018	<0.001	<0.001	0.005	0.039	0.004	0.518	0.026	0.076	0.017	<0.001	<0.001	0.001
THPO	<0.001	0.17	0.157	0.048	0.186	<0.001	<0.001	0.722	0.441	<0.001	0.054	0.058	0.616
MARCO	<0.001	<0.001	<0.001	0.143	<0.001	0.643	0.015	0.439	0.025	0.62	<0.001	<0.001	<0.001
GT	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	0.002	0.088	0.817	0.395	0.063	0.163	<0.001	0.006	0.555
MMP12	0.057	<0.001	<0.001	0.205	<0.001	0.999	0.36	0.368	0.004	0.559	0.01	<0.001	0.014
ACE2	0.024	0.53	0.002	<0.001	<0.001	0.419	0.406	0.763	<0.001	0.783	0.019	<0.001	<0.001

PDL2	<0.001	<0.001	<0.001	0.667	0.013	<0.001	0.869	0.386	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CTSL1	<0.001	<0.001	<0.001	0.355	<0.001	<0.001	0.843	0.126	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
HOSCAR	0.006	<0.001	<0.001	0.428	<0.001	0.11	0.137	0.139	0.001	0.023	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF13B	0.001	<0.001	<0.001	0.276	<0.001	0.118	0.173	0.081	<0.001	0.207	<0.001	<0.001	<0.001
TGM2	0.531	0.017	0.292	<0.001	0.475	0.073	0.012	0.501	<0.001	0.051	0.002	0.004	0.028
LEP	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.363	0.286	<0.001	0.214	0.232	0.007	0.003	<0.001
CA5A	0.253	0.088	0.028	<0.001	0.056	0.459	0.792	0.541	0.001	0.634	0.615	<0.001	<0.001
HSP27	0.92	0.238	0.311	0.249	0.969	0.132	<0.001	0.063	0.484	0.96	0.554	0.091	0.303
CD4	0.653	0.888	0.569	0.004	0.306	<0.001	<0.001	0.263	0.164	<0.001	0.163	0.048	0.072
NEMO	0.506	<0.001	<0.001	0.003	0.001	<0.001	<0.001	0.723	0.625	<0.001	<0.001	0.111	<0.001
VEGFD	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.028	0.028	0.961	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PARP1	0.576	0.001	<0.001	0.007	0.002	<0.001	<0.001	0.839	0.212	<0.001	<0.001	0.558	0.038
HAOX1	0.577	0.496	0.985	<0.001	0.979	0.082	0.474	0.381	<0.001	0.843	0.852	0.038	<0.001
TNFRSF14	0.678	0.477	0.884	0.008	0.376	<0.001	<0.001	0.049	0.004	<0.001	0.026	0.896	0.741
LDL_RC	0.731	0.13	0.003	0.028	0.01	0.825	0.791	0.409	0.401	0.886	0.222	<0.001	<0.001
ITGB2	0.874	0.867	0.902	0.97	0.556	0.004	<0.001	0.904	0.021	<0.001	0.845	0.719	0.009
IL17RA	0.714	0.624	0.068	0.221	0.097	<0.001	<0.001	0.172	0.271	<0.001	0.117	0.643	0.434
TNFR2	0.127	0.009	<0.001	0.003	0.031	0.585	0.003	0.329	<0.001	0.682	0.115	0.104	<0.001
MMP9	0.198	0.098	0.02	0.006	0.001	0.106	0.002	0.882	<0.001	0.232	0.448	0.102	<0.001
EPHB4	0.422	0.012	<0.001	0.432	0.011	<0.001	0.034	0.747	0.007	<0.001	<0.001	0.208	<0.001
IL2RA	0.029	0.037	<0.001	0.001	0.126	0.835	0.265	0.088	<0.001	0.948	0.865	0.57	0.012
ALCAM	0.13	0.014	<0.001	0.004	0.003	<0.001	0.445	0.015	0.856	<0.001	<0.001	0.023	<0.001
SELP	0.599	0.001	<0.001	0.023	0.025	<0.001	<0.001	0.184	0.064	<0.001	<0.001	0.377	0.03
CSTB	0.605	0.116	0.003	0.039	0.258	<0.001	<0.001	0.748	0.085	<0.001	<0.001	0.341	0.968
CD163	0.116	0.028	0.001	<0.001	0.497	0.769	0.817	0.777	<0.001	0.724	0.578	0.024	<0.001
GRN	0.036	0.027	<0.001	0.706	0.007	0.094	0.785	0.58	0.002	0.074	0.004	0.271	<0.001
NTPROBNP	0.807	0.048	<0.001	<0.001	0.621	0.014	0.25	0.054	<0.001	0.006	0.046	0.813	<0.001
PLC	0.436	<0.001	<0.001	0.279	<0.001	<0.001	0.185	0.177	0.001	<0.001	0.001	0.001	<0.001
LTBR	0.468	0.004	<0.001	0.167	0.04	0.25	0.048	0.853	0.004	0.419	0.085	0.292	<0.001
NOTCH3	0.469	0.232	<0.001	0.383	0.04	<0.001	0.006	0.516	0.267	<0.001	0.017	0.016	<0.001
TIMP4	0.076	0.026	<0.001	0.026	0.002	0.006	0.081	0.878	0.184	0.019	0.016	0.022	0.001
CNTN1	0.012	0.005	<0.001	0.005	0.163	<0.001	0.045	0.001	0.691	<0.001	<0.001	0.042	<0.001
CDH5	0.002	0.094	<0.001	0.963	0.046	<0.001	0.009	0.749	0.004	<0.001	<0.001	0.063	<0.001
TLT2	0.535	0.297	0.715	0.257	0.397	<0.001	<0.001	0.756	0.899	<0.001	0.026	0.047	0.631
FABP4	0.002	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.094	0.786	<0.001	0.93	0.12	0.016	<0.001	<0.001
TFPI	0.37	0.617	0.159	0.295	0.025	0.076	0.037	0.029	0.081	0.197	0.015	0.082	0.767
PAI	0.045	0.378	0.528	0.001	0.896	<0.001	<0.001	0.788	0.007	<0.001	0.019	0.055	0.064
CCL24	0.157	0.777	0.876	0.002	0.749	0.361	0.663	0.238	0.43	0.286	0.599	0.201	0.41
TR	0.026	0.037	0.054	0.465	0.74	0.999	0.026	0.803	0.06	0.889	0.507	0.464	0.082
TNFRSF10C	0.646	0.838	0.03	0.369	0.003	0.367	0.196	0.754	0.303	0.376	0.454	0.429	0.075
GDF15	0.851	0.001	<0.001	0.174	<0.001	0.12	0.027	0.981	<0.001	0.044	0.005	<0.001	<0.001
SELE	0.674	0.186	0.017	<0.001	0.066	0.637	0.753	0.366	<0.001	0.717	0.309	<0.001	<0.001
DLK1	0.288	0.001	<0.001	0.106	0.419	0.067	0.586	0.14	0.012	0.215	0.33	0.004	0.008
MPO	0.943	0.415	0.054	0.414	0.69	<0.001	<0.001	0.162	0.044	<0.001	0.179	0.907	0.069
CXCL16	0.169	0.094	<0.001	0.698	<0.001	0.006	0.444	0.312	0.017	0.002	0.004	0.011	<0.001
IL6RA	0.217	0.156	0.001	0.743	0.036	0.001	0.042	0.701	0.014	0.002	0.134	0.189	0.002
RETN	0.152	0.08	0.007	0.055	0.024	0.003	<0.001	0.983	0.055	0.004	0.801	0.585	0.028
IGFBP1	0.42	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.208	0.635	<0.001	0.008	0.002	0.187	0.161
CHIT1	0.926	0.016	0.008	0.953	0.845	0.405	0.047	0.968	0.299	0.229	0.007	0.093	0.825
TRAP	0.684	0.803	0.009	0.001	0.368	0.642	0.383	0.162	<0.001	0.626	0.121	0.003	0.001
GP6	0.965	<0.001	<0.001	0.03	0.005	<0.001	<0.001	0.313	0.304	<0.001	<0.001	0.15	0.002
PSPD	0.514	0.92	0.004	0.636	0.757	0.142	0.414	0.578	0.267	0.091	0.239	0.072	0.005
EPCAM	0.033	0.481	0.023	<0.001	0.819	0.125	0.11	0.012	0.795	0.114	0.008	0.402	0.016
APN	0.018	0.387	<0.001	0.108	0.125	0.006	0.039	0.089	0.003	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
AXL	0.662	0.178	<0.001	0.14	0.577	<0.001	0.226	0.487	0.095	<0.001	0.011	0.192	<0.001
IL1RT1	0.284	0.029	<0.001	0.739	0.139	<0.001	0.001	0.742	0.008	<0.001	<0.001	0.021	<0.001
MMP2	0.397	0.211	<0.001	0.154	0.02	<0.001	0.011	0.029	0.259	<0.001	0.001	0.163	<0.001
FAS	0.509	0.033	<0.001	0.001	0.828	0.378	0.055	0.43	<0.001	0.32	0.445	0.003	<0.001
MB	0.745	0.007	0.004	0.001	0.33	0.511	0.938	0.738	0.001	0.745	0.385	0.25	0.301
TNFSF13B	0.298	0.039	<0.001	0.07	0.005	0.184	0.723	0.533	0.41	0.22	0.124	0.647	<0.001
PCSK9	0.174	0.166	<0.001	0.737	0.009	0.624	0.117	0.895	0.098	0.834	0.165	0.01	<0.001
UPAR	0.948	0.148	<0.001	0.493	0.021	0.004	<0.001	0.538	0.004	0.005	0.635	0.032	<0.001
OPN	0.818	0.041	<0.001	0.809	0.006	0.022	0.308	0.277	0.329	0.013	0.049	0.006	<0.001
PGLYRP1	0.734	0.238	<0.001	0.078	0.003	0.644	0.01	0.136	0.002	0.66	0.744	0.977	0.004
CPA1	<0.001	0.537	<0.001	0.101	0.035	0.24	0.263	0.945	<0.001	0.125	0.413	0.117	<0.001
JAMA	0.984	0.002	<0.001	0.067	0.005	<0.001	<0.001	0.289	0.201	<0.001	<0.001	0.052	0.001
GAL4	0.951	0.071	<0.001	0.785	0.052	0.437	0.521	0.196	<0.001	0.453	0.069	<0.001	<0.001
IL1RT2	0.166	0.483	0.013	0.006	0.285	0.07	0.081	0.754	<0.001	0.073	0.127	0.018	<0.001
SHPS1	0.328	0.167	<0.001	0.27	0.066	0.897	0.296	0.108	0.013	0.919	0.03	0.204	0.015
CCL15	0.044	<0.001	<0.001	0.439	0.027	0.004	0.045	0.019	0.005	0.004	0.008	0.232	<0.001

CASP3	0.612	<0.001	<0.001	0.015	0.002	<0.001	<0.001	0.473	0.336	<0.001	<0.001	0.084	<0.001
CPB1	<0.001	0.509	<0.001	0.059	0.259	0.124	0.316	0.501	<0.001	0.139	0.105	0.236	0.001
CHI3L1	0.657	0.249	<0.001	<0.001	0.001	0.575	0.316	0.007	<0.001	0.976	0.817	<0.001	<0.001
ST2	0.868	0.04	0.924	<0.001	0.543	0.599	0.289	<0.001	<0.001	0.67	0.953	0.01	0.025
TPA	0.456	0.085	0.164	<0.001	0.416	0.001	0.702	0.482	<0.001	0.005	0.178	0.195	0.002
SCGB3A2	0.056	0.953	0.018	0.014	0.399	0.169	0.18	0.468	0.281	0.114	0.065	0.364	0.268
EGFR	0.121	0.58	0.006	0.074	0.005	<0.001	0.084	0.035	0.239	<0.001	<0.001	0.334	0.003
IGFBP7	0.412	<0.001	<0.001	0.002	0.193	0.001	0.069	0.899	<0.001	0.002	0.044	0.003	<0.001
CD93	0.675	0.006	<0.001	0.121	0.013	<0.001	0.144	0.18	0.026	<0.001	0.015	0.073	0.001
IL18BP	0.605	0.013	<0.001	0.003	0.269	0.003	0.193	0.161	<0.001	<0.001	0.022	0.048	<0.001
COL1A1	0.368	0.296	<0.001	0.747	0.405	0.001	0.401	0.32	0.529	0.014	0.536	0.605	0.001
PON3	0.097	0.677	0.258	<0.001	0.04	<0.001	0.097	0.323	0.003	<0.001	0.011	0.106	0.047
CTSZ	0.602	0.091	<0.001	0.014	0.003	0.844	0.294	0.921	<0.001	0.873	0.565	<0.001	<0.001
MMP3	0.628	0.751	0.111	<0.001	0.239	0.043	0.005	0.066	<0.001	0.067	0.164	0.032	0.334
RARRES2	0.035	0.001	<0.001	0.99	0.009	<0.001	<0.001	0.327	0.008	0.004	0.666	0.031	0.002
ICAM2	0.184	0.776	0.012	0.446	0.922	0.062	0.31	0.212	0.053	0.023	<0.001	0.349	0.001
KLK6	0.112	0.015	<0.001	0.285	0.604	<0.001	0.022	0.042	0.147	<0.001	0.285	0.882	0.856
PDGFA	0.017	0.043	0.003	0.046	0.353	<0.001	<0.001	0.828	0.351	<0.001	0.023	0.889	0.388
TNFR1	0.651	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	0.51	0.115	0.529	<0.001	0.344	0.106	0.001	<0.001
IGFBP2	0.169	0.049	<0.001	<0.001	0.364	<0.001	0.271	<0.001	0.024	<0.001	0.005	0.067	0.164
VWF	0.041	0.001	<0.001	0.167	<0.001	0.11	0.052	0.665	<0.001	0.015	0.004	0.002	<0.001
PECAM1	0.879	0.003	<0.001	0.034	0.007	<0.001	<0.001	0.165	0.075	<0.001	<0.001	0.114	0.022
MEPE	0.292	0.025	0.002	0.003	0.212	0.049	0.838	0.753	0.041	0.1	0.027	0.784	0.299
CCL16	0.191	0.004	<0.001	0.002	0.037	0.422	0.19	0.648	<0.001	0.381	0.447	0.077	<0.001
IL8	0.047	0.886	0.644	0.001	0.622	<0.001	<0.001	0.417	0.01	<0.001	0.267	0.03	0.003
VEGFA	0.001	0.036	<0.001	0.038	0.001	<0.001	<0.001	0.058	0.058	<0.001	0.395	<0.001	<0.001
CD8A	0.853	0.192	0.001	0.276	0.675	0.129	0.994	0.97	0.155	0.561	0.284	0.555	<0.001
MCP3	0.1	0.05	0.007	0.041	0.002	<0.001	<0.001	0.608	0.087	<0.001	0.454	0.12	0.018
CDCP1	0.887	0.054	<0.001	0.042	0.031	0.73	0.559	0.113	<0.001	0.919	0.009	<0.001	<0.001
CD244	0.839	0.028	<0.001	0.017	0.013	<0.001	<0.001	0.271	0.213	<0.001	<0.001	0.56	0.434
IL7	0.017	0.009	<0.001	0.295	0.298	<0.001	<0.001	0.768	0.64	<0.001	0.001	0.862	0.916
OPG	0.001	0.014	<0.001	0.159	<0.001	0.003	0.205	0.006	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LAP_TGFB1	0.001	0.084	0.005	0.028	0.412	<0.001	<0.001	0.405	0.213	<0.001	0.002	0.173	0.179
UPA	0.001	0.001	<0.001	0.146	0.531	0.046	0.803	0.478	0.055	0.141	0.011	0.139	<0.001
IL6	0.535	<0.001	<0.001	0.171	<0.001	0.836	0.84	0.43	<0.001	0.492	0.142	<0.001	<0.001
MCP1	0.011	0.027	<0.001	0.001	0.005	0.46	0.231	0.713	0.015	0.752	0.057	0.016	<0.001
CXCL11	0.239	0.022	<0.001	0.128	0.122	<0.001	<0.001	0.699	0.178	<0.001	<0.001	0.28	0.412
AXIN1	0.545	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	0.995	0.973	<0.001	<0.001	0.143	0.001
TRAIL	0.009	<0.001	<0.001	0.761	0.112	0.055	0.864	0.769	0.179	0.049	0.003	0.012	<0.001
CXCL9	0.478	0.002	<0.001	0.798	0.139	0.918	0.149	0.976	0.001	0.843	0.045	0.65	0.005
CST5	0.001	0.001	<0.001	0.123	0.806	<0.001	0.013	0.23	0.009	<0.001	<0.001	0.009	0.003
OSM	0.311	0.08	0.311	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.44	0.002	<0.001	0.976	0.076	0.006
CXCL1	0.962	0.007	<0.001	0.096	0.011	<0.001	<0.001	0.255	0.884	<0.001	<0.001	0.967	0.014
CCL4	0.08	0.321	0.713	<0.001	0.519	<0.001	<0.001	0.855	0.059	<0.001	0.17	0.115	0.002
CD6	0.68	0.221	<0.001	0.005	0.105	<0.001	<0.001	0.43	0.906	<0.001	0.002	0.17	0.657
TGFA	0.049	0.006	<0.001	0.06	<0.001	0.573	0.002	0.242	0.011	0.899	0.016	<0.001	<0.001
MCP4	0.012	0.031	<0.001	0.004	0.247	<0.001	<0.001	0.81	0.408	<0.001	<0.001	0.489	0.471
CCL11	<0.001	0.719	0.938	0.001	0.766	<0.001	<0.001	0.153	0.094	<0.001	0.044	0.323	0.093
TNFSF14	0.378	0.029	<0.001	0.056	0.24	<0.001	<0.001	0.434	0.184	<0.001	<0.001	0.446	0.949
MMP1	0.008	0.906	0.149	0.025	0.566	<0.001	<0.001	0.582	0.51	<0.001	0.174	0.773	0.258
LIFR	<0.001	<0.001	<0.001	0.413	0.001	<0.001	<0.001	0.783	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
FGF21	0.58	<0.001	<0.001	0.017	0.002	0.885	0.779	0.401	0.001	0.716	0.035	<0.001	<0.001
CCL19	0.056	0.145	0.003	0.377	0.223	0.425	0.04	0.324	0.001	0.524	0.841	0.2	0.001
IL15RA	0.364	0.003	<0.001	0.036	0.365	0.08	0.463	0.359	0.024	0.129	0.006	0.035	<0.001
IL10RB	0.441	<0.001	<0.001	0.269	<0.001	<0.001	0.091	0.641	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL18R1	0.751	0.264	0.003	0.097	0.006	0.145	0.04	0.163	0.004	0.28	0.39	0.023	<0.001
PDL1	0.401	0.082	0.001	0.012	0.122	<0.001	<0.001	0.122	0.001	<0.001	0.002	0.727	0.758
CXCL5	0.369	0.01	<0.001	0.969	0.02	<0.001	<0.001	0.264	0.733	<0.001	<0.001	0.95	0.066
TRANCE	0.945	<0.001	<0.001	0.787	0.553	0.704	0.031	0.561	0.801	0.92	0.125	0.899	0.083
HGF	0.014	0.192	0.003	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.246	<0.001	<0.001	0.123	<0.001	<0.001
IL12B	0.032	<0.001	<0.001	0.255	0.001	0.017	0.105	0.003	0.122	0.019	0.003	0.099	<0.001
MMP10	0.346	0.068	<0.001	0.5	0.001	0.111	0.848	0.482	0.41	0.059	0.045	0.024	0.006
IL10	0.69	<0.001	<0.001	0.688	<0.001	0.004	0.083	0.296	0.044	0.001	0.074	0.042	<0.001
TNF	0.923	<0.001	<0.001	0.34	<0.001	0.415	0.001	0.971	<0.001	0.595	0.011	0.012	<0.001
CCL23	0.012	0.001	<0.001	0.925	0.002	0.824	0.026	0.835	0.006	0.984	<0.001	0.014	0.095
CD5	0.074	0.173	<0.001	0.019	0.004	<0.001	<0.001	0.989	0.681	<0.001	<0.001	0.928	0.556
CCL3	0.066	0.111	0.085	0.001	0.873	<0.001	<0.001	0.865	0.003	<0.001	0.316	0.197	0.001
FLT3L	0.376	0.017	<0.001	0.434	0.001	0.056	0.456	0.001	0.006	0.161	<0.001	<0.001	<0.001
CXCL6	0.193	0.002	<0.001	0.007	0.003	<0.001	<0.001	0.581	0.245	<0.001	<0.001	0.642	0.243
CXCL10	0.504	0.055	0.012	0.492	0.073	<0.001	<0.001	0.685	0.005	0.001	0.846	0.824	<0.001

4EBP1	0.803	0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.891	0.12	<0.001	<0.001	0.956	0.075
SIRT2	0.992	0.002	<0.001	0.027	0.001	<0.001	<0.001	0.691	0.996	<0.001	<0.001	0.284	0.006
CCL28	0.055	0.18	0.425	0.379	0.528	0.029	0.001	0.855	0.409	0.006	0.881	0.066	0.031
DNER	<0.001	0.939	0.012	0.838	0.122	0.007	0.042	0.32	0.622	0.008	<0.001	0.001	<0.001
ENRAGE	0.994	0.015	0.11	0.002	0.052	<0.001	<0.001	0.061	0.006	<0.001	0.049	0.019	0.419
CD40	0.678	0.002	<0.001	0.132	0.003	<0.001	<0.001	0.928	0.8	<0.001	<0.001	0.336	0.035
IFNG	0.953	0.099	<0.001	0.455	0.511	0.375	0.615	0.485	0.005	0.146	0.013	0.836	<0.001
FGF19	0.048	0.135	0.002	0.15	<0.001	0.164	0.799	0.276	0.723	0.037	0.008	0.109	0.04
MCP2	0.792	0.015	0.096	0.012	0.974	<0.001	<0.001	0.225	0.014	<0.001	0.186	0.932	0.793
CASP8	0.67	0.003	<0.001	0.003	0.014	<0.001	<0.001	0.832	0.188	<0.001	<0.001	0.735	0.241
CCL25	0.05	0.023	<0.001	0.436	0.092	0.021	0.275	0.98	0.098	0.024	<0.001	0.002	0.009
CX3CL1	0.064	0.01	<0.001	0.398	0.056	<0.001	0.206	0.185	0.303	<0.001	<0.001	0.009	0.002
TNFRSF9	0.921	<0.001	<0.001	0.067	0.161	0.18	0.08	0.914	0.023	0.527	0.208	0.049	<0.001
NT3	0.066	<0.001	0.155	0.532	0.014	0.803	0.112	0.446	0.648	0.433	0.013	0.432	0.017
TWEAK	0.001	0.479	0.787	0.299	0.018	<0.001	<0.001	0.444	0.342	<0.001	0.483	0.298	0.835
CCL20	0.235	0.004	0.045	0.042	<0.001	<0.001	<0.001	0.208	0.034	<0.001	0.886	0.091	<0.001
ST1A1	0.892	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	0.876	0.82	<0.001	<0.001	0.203	0.003
STAMBP	0.851	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	0.87	0.796	<0.001	<0.001	0.231	0.003
ADA	0.833	0.003	<0.001	0.003	0.029	<0.001	<0.001	0.912	0.061	<0.001	<0.001	0.868	0.962
TNFB	0.099	0.012	<0.001	0.144	0.617	0.019	0.597	0.006	0.54	0.016	0.02	0.526	<0.001
CSF1	0.018	<0.001	<0.001	0.158	<0.001	<0.001	0.594	0.002	0.163	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
Age	0.266	0.41	0.034	0.243	0.561	0.056	0.018	0.642	0.396	0.123	0.496	0.016	0.675
Body mass ind	0.973	0.329	0.023	<0.001	0.001	0.084	0.339	0.521	0.015	0.175	0.525	0.002	<0.001
Waist circumfe	0.493	0.96	0.918	<0.001	0.115	0.023	0.902	0.288	<0.001	0.083	0.141	0.003	0.007
Educational att	0.915	0.604	0.079	0.019	0.283	0.571	0.075	0.014	0.021	0.705	0.387	0.227	0.53
Alcohol consur	0.33	0.043	0.483	0.005	0.367	0.827	0.358	0.022	0.02	0.766	0.366	0.09	0.586
Systolic blood p	0.203	0.691	0.456	<0.001	0.263	0.061	0.271	0.838	0.338	0.068	0.526	0.001	0.094
Diastolic blood	0.23	0.85	0.134	<0.001	0.779	0.123	0.418	0.66	0.036	0.06	0.494	0.022	0.78
Hemoglobin A	0.444	0.558	0.356	0.609	0.193	0.472	0.846	0.253	0.07	0.533	0.188	<0.001	0.005
Duration of kn	0.366	0.009	0.413	0.002	0.701	0.634	0.734	0.06	<0.001	0.701	0.673	0.003	0.011
High-density li	0.052	0.879	0.031	<0.001	0.755	0.002	0.318	0.093	0.005	<0.001	0.002	0.361	0.31
Low-density lip	0.469	0.457	0.469	0.36	0.132	0.12	0.411	0.245	0.423	0.361	0.925	<0.001	0.919
Triglycerides	0.461	0.418	0.266	<0.001	0.103	0.006	0.531	0.436	<0.001	0.05	0.479	<0.001	<0.001
Albumin	0.81	0.564	<0.001	0.052	0.099	0.15	0.286	0.291	0.09	0.071	0.758	0.779	0.203
Fibrinogen	0.394	0.122	0.116	0.291	0.004	0.534	0.888	0.743	0.333	0.416	0.858	0.085	0.257
C-reactive prot	0.864	0.352	0.001	0.266	<0.001	0.019	0.064	0.6	0.148	0.226	0.936	0.001	<0.001
Serum amyloid	0.015	0.226	<0.001	0.194	0.001	0.86	0.762	0.683	0.48	0.15	0.424	0.001	<0.001
Leucocyte coun	0.008	0.043	<0.001	<0.001	0.741	0.001	0.775	0.207	<0.001	0.003	0.003	0.625	0.698
Serum adipone	0.123	0.233	0.511	0.153	<0.001	0.005	0.024	0.954	0.165	0.016	0.079	0.039	0.112
Uric acid	0.514	0.187	0.891	<0.001	0.09	0.005	0.625	0.033	<0.001	0.011	0.227	<0.001	0.319
Creatinine	0.713	0.046	0.401	<0.001	0.681	0.245	0.812	0.003	<0.001	0.393	0.895	0.097	0.016
Rényi4, baselin	0.744	0.182	0.004	0.814	0.01	0.436	0.966	0.057	0.529	0.324	0.153	0.067	0.054
TP, baseline	0.947	0.136	0.008	0.88	0.021	0.704	0.896	0.403	0.82	0.437	0.211	0.031	0.035
SDWS, baselin	0.624	0.229	0.045	0.911	0.05	0.379	0.598	0.248	0.953	0.233	0.214	0.239	0.138
SDSA,baseline	0.68	0.116	0.047	0.991	0.248	0.249	0.87	0.022	0.801	0.321	0.197	0.016	0.77
CE, baseline	0.953	0.023	0.025	0.815	0.428	0.619	0.593	0.034	0.675	0.659	0.325	0.017	0.437
Rényi4, follow-	0.496	0.79	0.245	0.113	0.758	0.983	0.84	0.622	0.022	0.983	0.475	0.086	0.051
TP, follow-up	0.148	0.64	0.075	0.342	0.883	0.973	0.732	0.726	0.212	0.919	0.236	0.012	0.014
SDWS, follow-	0.829	0.503	0.432	0.378	0.91	0.899	0.65	0.38	0.474	0.559	0.705	0.142	0.073
SDSA, follow-u	0.36	0.084	0.321	0.064	0.457	0.621	0.386	0.434	0.02	0.714	0.415	0.012	0.033
CE, follow-up	0.858	0.707	0.122	0.035	0.487	0.672	0.375	0.195	0.007	0.659	0.699	0.014	0.022

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	TM	VSIG2	AMBP	PRELP	HO1	XCL1	IL16	SORT1	CEACAM8	PTX3	PSGL1	CCL17	MMP7
BMP6	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.6	0.7	0.3	<0.1	0.3	0.6	0.1
ANGPT1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.4	0.8	0.3	0.1	0.2	0.7	<0.1
ADM	0.4	0.4	0.5	0.5	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.4
CD40L	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.7	0.7	0.3	-0.1	0.2	0.7	-0.1
PGF	0.6	0.4	0.5	0.5	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.3
ADAMTS13	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2
BOC	0.4	0.3	0.2	0.4	0.1	0.2	-0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2
IL4RA	0.4	0.3	0.3	0.4	0.2	0.2	-0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.2
SRC	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	-0.1
IL1RA	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.4	0.3	0.7	0.6	0.5	0.1	0.3	0.4	0.1
TNFRSF10A	0.4	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	0.2	0.4	0.4	0.1	0.3	0.2	0.3
STK4	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.6	0.5	0.1	-0.1	0.2	0.5	-0.1
IDUA	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.5	0.5	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.1
TNFRSF11A	0.6	0.5	0.5	0.5	0.2	0.3	-0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3
PAR1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.7	0.7	0.3	<0.1	0.3	0.6	-0.1
TRAILR2	0.5	0.4	0.4	0.4	0.3	0.4	0.2	0.3	0.4	0.2	0.2	0.2	0.4
PRSS27	0.4	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1
TIE2	0.5	0.4	0.3	0.4	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2
TF	0.5	0.4	0.3	0.4	0.3	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2
IL1RL2	0.3	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
PDGFB	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.6	0.8	0.3	0.1	0.2	0.7	0.1
IL27	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	-0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2
IL17D	0.4	0.3	0.2	0.4	<0.1	0.3	-0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2
LOX1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.4	0.7	0.3	0.2	0.3	0.1
GAL9	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.3	0.6	0.5	0.4	<0.1	0.2	0.4	0.2
GIF	0.2	0.4	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
SCF	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.1
IL18	0.4	0.2	0.2	0.2	0.4	0.3	0.2	0.3	0.4	0.1	0.1	0.2	0.1
PLGR	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.3
RAGE	0.4	0.3	0.3	0.4	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.3
SOD2	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.4	0.5	0.2	-0.1	0.2	0.4	<0.1
CTRC	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
FGF23	0.3	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3
SPON2	0.5	0.4	0.5	0.5	0.1	0.3	-0.3	<0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.5
GH	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1
FS	0.2	0.2	0.4	0.3	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2
GLO1	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.1	0.8	0.6	0.2	-0.1	0.3	0.6	-0.1
CD84	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.7	0.8	0.3	<0.1	0.2	0.7	<0.1
SERPINA12	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
REN	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1
DECR1	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.1	0.7	0.6	0.2	-0.1	0.2	0.6	-0.1
MERTK	0.3	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.3
KIM1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.3
THBS2	0.3	0.3	0.2	0.4	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2
TM	1	0.4	0.5	0.5	0.3	0.3	0.1	0.4	0.3	0.2	0.1	0.2	0.3
VSIG2	0.4	1	0.4	0.4	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3
AMBP	0.5	0.4	1	0.5	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3
PRELP	0.5	0.4	0.5	1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.4
HO1	0.3	0.1	0.1	0.2	1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1
XCL1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2
IL16	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	1	0.6	0.3	-0.1	0.3	0.5	-0.1
SORT1	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.6	1	0.4	0.1	0.3	0.7	0.2
CEACAM8	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	1	0.2	0.1	0.3	0.1
PTX3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	1	<0.1	<0.1	0.1
PSGL1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	<0.1	1	0.3	<0.1
CCL17	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.5	0.7	0.3	<0.1	0.3	1	0.1
MMP7	0.3	0.3	0.3	0.4	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	1
IGGFC	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
ITGB1BP2	0.1	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.1	0.7	0.6	0.2	-0.1	0.2	0.6	-0.1
DCN	0.5	0.4	0.4	0.6	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.3
DKK1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.6	0.8	0.4	<0.1	0.2	0.7	<0.1
LPL	0.1	0.2	0.1	0.3	-0.2	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2
PRSS8	0.3	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2
AGRP	0.4	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2
HBEGF	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.6	0.8	0.4	0.1	0.3	0.7	<0.1

GDF2	0.3	0.4	0.2	0.4	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3
FABP2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
THPO	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.6	0.2	0.1	0.2	0.5	0.2
MARCO	0.4	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2
GT	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
MMP12	0.2	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.3
ACE2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1
PDL2	0.4	0.4	0.3	0.4	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2
CTSL1	0.5	0.3	0.3	0.4	0.3	0.3	-0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.3
HOSCAR	0.5	0.3	0.4	0.4	0.2	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2
TNFRSF13B	0.4	0.3	0.3	0.4	0.2	0.4	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3
TGM2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	-0.1
LEP	0.1	0.2	0.3	0.3	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
CA5A	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1
HSP27	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CD4	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.3	0.6	0.5	0.4	<0.1	0.3	0.4	0.2
NEMO	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.1	0.8	0.6	0.2	-0.2	0.2	0.6	-0.1
VEGFD	0.3	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2
PARP1	0.1	-0.2	-0.2	-0.1	0.2	0.1	0.9	0.5	0.2	-0.1	0.3	0.5	-0.1
HAOX1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1
TNFRSF14	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.5	0.6	0.3	0.1	0.2	0.5	<0.1
LDL_RC	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.3	<0.1	<0.1
ITGB2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	-0.1
IL17RA	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.3	<0.1
TNFR2	0.4	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1
MMP9	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.6	0.3	0.1	0.2	<0.1
EPHB4	0.4	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1
IL2RA	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1
ALCAM	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
SELP	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.7	0.7	0.3	<0.1	0.2	0.7	-0.1
CSTB	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.7	0.6	0.3	<0.1	0.3	0.5	<0.1
CD163	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
GRN	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1
NTPROBNP	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.1
PLC	0.4	0.3	0.4	0.4	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2
LTBR	0.4	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1
NOTCH3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1
TIMP4	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2
CNTN1	0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2
CDH5	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1
TLT2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	0.4	0.2	<0.1	<0.1	0.4	-0.1
FABP4	0.2	0.3	0.3	0.4	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3
TFPI	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2
PAI	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.5	0.7	0.4	<0.1	0.3	0.6	0.1
CCL24	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
TR	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1
TNFRSF10C	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1
GDF15	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2
SELE	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.1
DLK1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
MPO	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.5	0.4	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.1
CXCL16	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
IL6RA	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1
RETN	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	<0.1	0.2	0.1
IGFBP1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.1
CHIT1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
TRAP	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1
GP6	0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.7	0.7	0.2	<0.1	0.2	0.7	-0.1
PSPD	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
EPCAM	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
APN	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
AXL	0.4	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1
IL1RT1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1
MMP2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
FAS	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1
MB	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
TNFSF13B	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
PCSK9	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
UPAR	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.4	0.2	0.1	0.3	0.2
OPN	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.3

PGLYRP1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.5	0.3	-0.1	0.1	0.1
CPA1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
JAMA	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.6	0.6	0.2	-0.1	0.2	0.6	-0.1
GAL4	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1
IL1RT2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
SHPS1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1
CCL15	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
CASP3	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.1	0.7	0.6	0.2	-0.1	0.2	0.6	-0.1
CPB1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
CH13L1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1
ST2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
TPA	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1
SCGB3A2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
EGFR	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
IGFBP7	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1
CD93	0.5	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1
IL18BP	0.4	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	-0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.1
COL1A1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2
PON3	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	<0.1	-0.2	-0.1	0.1
CTSZ	0.3	0.2	0.3	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
MMP3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
RARRES2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.4	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1
ICAM2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1
KLK6	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1
PDGFA	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.5	0.8	0.4	0.1	0.2	0.7	<0.1
TNFR1	0.4	0.4	0.4	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2
IGFBP2	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.1
VWF	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1
PECAM1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.2	0.1	0.6	0.6	0.2	<0.1	0.2	0.6	-0.1
MEPE	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL16	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
IL8	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.4	0.6	0.4	0.1	0.2	0.5	0.2
VEGFA	0.4	0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.6	0.4	0.1	0.2	0.5	0.1
CD8A	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2
MCP3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.4	0.1
CDCP1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2
CD244	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.7	0.6	0.3	-0.1	0.2	0.5	-0.1
IL7	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.6	0.7	0.3	<0.1	0.2	0.6	<0.1
OPG	0.2	0.3	0.3	0.4	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
LAP_TGFB1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.6	0.8	0.4	<0.1	0.3	0.7	<0.1
UPA	0.3	0.2	0.1	0.4	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
IL6	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.4	0.1	<0.1	<0.1	0.3
MCP1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1
CXCL11	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.3	0.7	0.6	0.3	<0.1	0.2	0.6	<0.1
AXIN1	<0.1	-0.2	-0.2	-0.2	0.1	0.1	0.7	0.6	0.2	-0.1	0.2	0.6	-0.1
TRAIL	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3
CXCL9	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2
CST5	0.2	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2
OSM	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.6	0.3	0.1	0.2	<0.1
CXCL1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.7	0.6	0.2	-0.1	0.3	0.6	<0.1
CCL4	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.4	0.6	0.4	<0.1	0.2	0.5	<0.1
CD6	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.7	0.4	0.2	-0.1	0.4	0.4	<0.1
TGFA	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	0.3	0.5	0.3	0.1	0.2	0.2
MCP4	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.6	0.7	0.3	<0.1	0.2	0.7	<0.1
CCL11	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.4	0.2	0.4	0.2	<0.1	0.1	0.4	0.1
TNFSF14	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.8	0.7	0.4	-0.1	0.3	0.6	<0.1
MMP1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	0.6	0.3	0.1	0.1	0.5	<0.1
LIFR	0.3	0.3	0.3	0.4	0.1	0.2	-0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.2
FGF21	0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	<0.1	0.2
CCL19	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2
IL15RA	0.4	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1
IL10RB	0.5	0.4	0.5	0.4	0.1	0.2	-0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2
IL18R1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1
PDL1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.6	0.6	0.3	0.1	0.3	0.5	<0.1
CXCL5	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.7	0.6	0.2	-0.1	0.2	0.6	<0.1
TRANCE	0.3	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
HGF	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.4	0.4	0.6	0.5	0.2	0.3	0.4	0.2
IL12B	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2
MMP10	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2
IL10	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2

TNF	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	0.1	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2
CCL23	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1
CD5	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.2	0.7	0.4	0.3	-0.1	0.3	0.5	-0.1
CCL3	0.3	0.1	0.1	0.1	0.3	0.4	0.3	0.5	0.3	<0.1	0.3	0.4	0.1
FLT3L	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2
CXCL6	0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.7	0.6	0.3	<0.1	0.2	0.6	<0.1
CXCL10	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1
4EBP1	0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.8	0.7	0.3	-0.1	0.3	0.6	-0.1
SIRT2	0.1	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.1	0.8	0.6	0.2	-0.1	0.3	0.6	-0.1
CCL28	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2
DNER	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
ENRAGE	0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.4	0.5	0.1	0.1	0.3	<0.1
CD40	0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.2	0.2	0.7	0.7	0.3	-0.1	0.2	0.6	-0.1
IFNG	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
FGF19	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
MCP2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.4	0.5	0.3	<0.1	0.2	0.5	<0.1
CASP8	0.2	-0.2	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.9	0.6	0.3	-0.1	0.3	0.6	-0.1
CCL25	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
CX3CL1	0.4	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.2
TNFRSF9	0.4	0.3	0.2	0.2	0.1	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.2
NT3	0.2	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
TWEAK	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.3	<0.1
CCL20	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.2
ST1A1	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	0.2	0.1	0.7	0.6	0.2	-0.1	0.3	0.6	-0.1
STAMBP	0.1	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.1	0.8	0.6	0.2	-0.1	0.3	0.6	-0.1
ADA	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.8	0.6	0.3	-0.1	0.3	0.5	-0.1
TNFB	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
CSF1	0.4	0.3	0.4	0.4	0.1	0.3	-0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.3
Age	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1
Body mass ind	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1
Waist circumfe	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1
Educational att	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Alcohol consur	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1
Systolic blood	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
Diastolic blood	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1
Hemoglobin A	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
Duration of kn	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
High-density li	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.2	0.1	-0.2	-0.1	0.1
Low-density lip	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1
Triglycerides	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	-0.2	0.3	0.1	<0.1
Albumin	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1
Fibrinogen	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1
C-reactive prot	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1
Serum amyloid	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1
Leucocyte cour	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.1
Serum adipone	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	0.1	<0.1
Uric acid	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1
Creatinine	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1
Rényi4, baselin	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1
TP, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1
SDWS, baselin	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1
SDSA,baseline	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
CE, baseline	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Rényi4, follow-	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TP, follow-up	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
SDWS, follow-	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDSA, follow-u	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
CE, follow-up	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1

Spearman correlation *P*

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted *P* in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	TM	VSIG2	AMBP	PRELP	HO1	XCL1	IL16	SORT1	CEACA	PTX3	PSGL1	CCL17	MMP7
BMP6	<0.001	1	1	0.212	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
ANGPT1	0.002	1	1	1	0.361	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.919	0.001	<0.001	1

ADM	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	0.252	1	<0.001	0.003	1	1	<0.001
CD40L	0.434	0.113	0.185	1	0.005	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
PGF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.177	<0.001	0.033	1	0.674	<0.001
ADAMTS13	1	0.513	0.003	<0.001	1	0.109	1	1	1	1	0.279	1	0.016
BOC	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	1	0.022	0.029	1	1	0.034	1	1	0.025
IL4RA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.046	<0.001	0.029	1	0.003	<0.001	1	1	0.004
SRC	1	1	1	1	1	1	<0.001	0.132	1	1	1	<0.001	1
IL1RA	<0.001	1	0.115	0.135	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.459
TNFRSF10A	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.121	<0.001	<0.001	<0.001
STK4	1	0.33	1	1	1	1	<0.001	<0.001	0.133	0.256	0.002	<0.001	1
IDUA	0.001	1	1	0.244	<0.001	0.037	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
TNFRSF11A	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.003	1	0.074	<0.001
PAR1	0.009	1	1	1	0.007	0.046	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
TRAILR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001
PRSS27	<0.001	0.006	0.731	0.001	0.039	0.015	0.064	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1
TIE2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.005	0.125	1	0.094	<0.001	1	1	0.002
TF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.27	1	1	0.016	1	1	0.001
IL1RL2	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	0.533	1	0.068	0.448	1	1	1	0.002
PDGFB	0.003	1	1	1	0.036	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	<0.001	1
IL27	<0.001	0.041	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.007	1	0.266	<0.001	1	1	0.001
IL17D	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.034	1	0.098	1	1	<0.001
LOX1	<0.001	0.811	0.276	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.057	<0.001	1
GAL9	<0.001	1	0.027	0.546	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001
GIF	<0.001	<0.001	0.005	0.004	1	1	1	1	1	0.56	0.867	1	1
SCF	0.001	0.539	0.002	0.001	1	1	0.007	1	1	0.129	<0.001	1	0.087
IL18	<0.001	0.025	0.032	0.002	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	1	0.315	<0.001	1
PLGR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.126	1	0.02	0.104	1	1	<0.001
RAGE	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.701	0.008	1	1	0.022	1	1	<0.001
SOD2	0.004	1	0.01	0.003	1	0.041	<0.001	<0.001	0.004	1	0.001	<0.001	1
CTRC	<0.001	0.003	0.06	0.008	1	0.01	1	0.007	1	0.606	1	0.617	0.001
FGF23	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.006	0.33	1	1	0.011	1	1	<0.001
SPON2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.271	<0.001	1	0.89	<0.001
GH	1	1	1	1	0.038	1	0.113	1	0.096	1	0.12	0.572	0.342
FS	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.075	1	1	1	0.039	0.075	1	1	<0.001
GLO1	1	0.002	0.008	0.795	0.157	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.077	<0.001	<0.001	1
CD84	<0.001	0.792	1	1	0.043	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.01	<0.001	1
SERPINA12	1	0.317	1	0.305	1	1	1	1	1	1	1	1	1
REN	0.006	0.003	0.001	0.849	<0.001	1	1	1	0.001	0.009	0.576	0.429	1
DECR1	1	0.001	0.001	0.122	0.317	1	<0.001	<0.001	0.001	0.074	<0.001	<0.001	0.585
MERTK	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.385	0.579	<0.001	1	1	<0.001	1	1	<0.001
KIM1	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.391	1	0.015	0.02	1	0.002	1	<0.001
THBS2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	1	0.107	0.085	0.02	0.012	1	<0.001
TM	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.101	<0.001	<0.001	0.001	0.257	<0.001	<0.001
VSIG2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	0.071	1	0.212	0.023	1	1	<0.001
AMBP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.074	0.005	1	0.64	0.018	1	1	1	<0.001
PRELP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	1	0.001	0.001	0.002	0.454	1	<0.001
HO1	<0.001	0.081	0.003	<0.001	<0.001	0.017	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.539	0.026	1
XC1L1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.067	<0.001	<0.001	0.436	0.332	<0.001	<0.001
IL16	0.004	0.002	0.144	0.696	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.209	<0.001	<0.001	1
SORT1	<0.001	0.4	0.029	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.063
CEACAM8	<0.001	0.008	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.096	<0.001	0.169
PTX3	<0.001	0.001	0.051	<0.001	0.123	0.019	0.008	0.061	<0.001	<0.001	1	1	0.373
PSGL1	0.01	0.386	0.121	0.02	0.024	0.014	<0.001	<0.001	0.003	0.731	<0.001	<0.001	1
CCL17	<0.001	0.759	0.97	0.136	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.513	<0.001	<0.001	1
MMP7	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.055	<0.001	0.305	0.002	0.006	0.016	0.329	0.249	<0.001
IGGFC	0.051	0.18	0.155	0.042	0.684	0.814	0.518	0.699	0.297	0.811	0.024	0.85	0.78
ITGB1BP2	0.166	0.001	0.001	0.125	0.018	0.046	<0.001	<0.001	<0.001	0.153	<0.001	<0.001	0.232
DCN	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	0.008	0.013	<0.001	0.444	0.696	<0.001
DDK1	<0.001	0.228	0.956	0.133	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.407	<0.001	<0.001	0.542
LPL	0.042	0.002	0.005	<0.001	0.002	0.432	<0.001	0.383	0.015	0.083	0.004	0.332	<0.001
PRSS8	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.344	<0.001	<0.001	0.773	0.006	0.003	<0.001
AGRP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.155	<0.001	<0.001	0.007	0.001	0.001	<0.001
HBEGF	<0.001	0.53	0.742	0.064	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.276	<0.001	<0.001	0.628
GDF2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.439	0.9	0.002	0.169	0.372	0.03	0.938	0.879	<0.001
FABP2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.105	0.002	0.3	0.479	0.042	0.067	0.368	0.405	0.002
THPO	<0.001	0.121	0.001	0.001	0.009	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	0.063	<0.001	<0.001	<0.001
MARCO	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.312	<0.001	<0.001	0.063	0.006	0.073	<0.001
GT	0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.733	0.218	0.176	0.654	0.385	0.702	0.645	0.718	0.001
MMP12	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.805	<0.001	0.863	0.001	<0.001	0.148	0.957	<0.001	<0.001
ACE2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.209	<0.001	<0.001	0.56	<0.001	0.216	0.003

PDL2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.019	0.081	0.016	0.001	0.626	0.583	<0.001
CTSL1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.156	<0.001	<0.001	<0.001	0.82	0.435	<0.001
HOSCAR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.915	0.003	<0.001	<0.001	0.178	0.129	<0.001
TNFRSF13B	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.407	0.001	<0.001	<0.001	0.056	0.004	<0.001
TGM2	<0.001	0.375	0.023	0.002	<0.001	0.682	0.022	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.008
LEP	0.063	<0.001	<0.001	<0.001	0.24	0.26	0.891	0.029	0.517	0.57	0.04	0.92	<0.001
CA5A	0.001	0.024	<0.001	0.318	<0.001	0.006	0.165	0.005	<0.001	0.679	0.002	0.295	0.667
HSP27	0.037	0.894	0.401	0.659	0.364	0.008	0.014	<0.001	0.034	0.179	0.831	0.009	0.098
CD4	<0.001	0.538	0.052	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.95	<0.001	<0.001	0.001
NEMO	0.965	<0.001	<0.001	0.017	0.016	0.138	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.052
VEGFD	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.729	0.008	0.031	0.968	0.045	<0.001	0.415	0.188	<0.001
PARP1	0.307	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	0.044	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.011
HAOX1	0.036	0.94	0.457	0.82	<0.001	0.081	0.029	0.003	0.039	0.099	<0.001	0.472	0.848
TNFRSF14	<0.001	0.601	0.221	0.225	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.088	<0.001	<0.001	0.816
LDL_RC	0.001	0.06	<0.001	<0.001	0.035	0.723	0.065	0.001	0.026	0.081	<0.001	0.389	0.511
ITGB2	<0.001	0.078	0.613	0.017	0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.318	0.001	<0.001	0.19
IL17RA	0.012	0.577	0.551	0.644	0.119	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	0.879	0.003	<0.001	0.696
TNFR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.053	<0.001	<0.001	0.001	0.392	<0.001	0.058
MMP9	0.153	0.473	0.201	0.323	0.009	<0.001	0.285	<0.001	<0.001	<0.001	0.096	0.001	0.814
EPHB4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.003	<0.001	0.267	0.018	<0.001	0.04	0.286	0.332
IL2RA	<0.001	0.007	0.001	0.035	0.008	<0.001	0.426	0.122	<0.001	0.082	0.12	0.02	0.248
ALCAM	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.048	0.046	<0.001	0.454	0.213	0.006	0.332	0.597	0.001
SELP	0.015	0.029	0.018	0.38	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.578	<0.001	<0.001	0.158
CSTB	0.001	0.236	0.917	0.489	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.888	<0.001	<0.001	0.362
CD163	<0.001	0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	0.521	0.018	<0.001	0.859	0.475	0.655	0.182
GRN	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.006	0.008	0.72	0.473	0.004	0.002	0.27	0.602	0.025
NTPROBNP	0.533	0.016	0.337	0.008	0.009	0.113	0.002	0.038	0.164	0.441	0.001	0.074	0.011
PLC	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.027	0.08	0.169	0.002	0.002	0.896	0.531	<0.001
LTBR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.509	0.007	0.002	<0.001	0.646	0.005	0.046
NOTCH3	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.021	0.035	<0.001	0.949	0.543	<0.001	0.075	0.019	0.006
TIMP4	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	0.048	0.312	0.022	0.976	0.165	0.003	0.238	0.431	<0.001
CNTN1	<0.001	<0.001	0.057	<0.001	0.745	0.916	0.001	0.934	0.225	0.006	0.692	0.064	<0.001
CDH5	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.002	0.043	0.001	0.763	0.22	0.012	0.226	0.261	0.449
TLT2	<0.001	0.771	0.62	0.572	0.019	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	0.344	0.819	<0.001	0.177
FABP4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.03	0.072	0.693	0.009	0.024	0.122	0.045	0.858	<0.001
TFPI	0.042	0.59	0.007	0.008	0.343	0.211	0.075	0.003	0.001	0.462	0.428	0.005	0.002
PAI	<0.001	0.517	0.071	0.129	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.492	<0.001	<0.001	0.291
CCL24	0.084	0.254	0.747	0.45	0.518	0.002	0.19	0.043	0.004	0.22	0.742	0.009	0.94
TR	0.02	0.445	0.087	0.002	0.023	0.017	0.523	<0.001	0.001	<0.001	0.827	0.214	0.323
TNFRSF10C	0.143	0.389	0.129	0.061	0.074	0.796	0.098	0.123	0.004	0.11	0.248	0.052	0.692
GDF15	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.412	0.249	<0.001	<0.001	0.293	0.223	<0.001
SELE	0.001	0.014	0.014	0.007	<0.001	0.002	0.305	0.004	<0.001	0.353	0.002	0.651	0.221
DLK1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.472	0.925	0.006	0.101	0.062	0.583	0.191	0.003
MPO	0.007	0.824	0.721	0.069	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.381	0.012	<0.001	0.071
CXCL16	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.496	0.039	0.205	0.004	0.009	0.812	0.255	0.097
IL6RA	0.1	0.062	0.009	0.003	0.051	0.659	0.009	0.81	0.189	0.021	0.014	0.329	0.005
RETN	<0.001	0.053	0.001	0.008	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.863	<0.001	0.129
IGFBP1	0.253	0.053	0.597	0.056	0.013	0.288	<0.001	0.004	0.193	0.07	<0.001	0.301	0.024
CHIT1	0.001	0.419	0.035	0.092	0.189	0.008	0.079	0.021	0.009	0.055	0.391	0.016	0.005
TRAP	<0.001	0.004	0.028	0.013	<0.001	0.624	0.119	0.066	<0.001	0.687	0.003	0.117	0.009
GP6	0.151	0.002	0.008	0.122	0.006	0.029	<0.001	<0.001	<0.001	0.388	<0.001	<0.001	0.027
PSPD	0.013	0.026	0.224	0.176	0.048	0.145	0.121	0.636	0.159	0.52	0.429	0.619	0.615
EPCAM	0.708	0.025	0.293	0.093	0.026	0.137	0.071	0.681	0.329	0.171	0.706	0.03	0.802
APN	0.002	0.077	0.061	<0.001	<0.001	0.501	0.101	0.281	0.83	0.372	0.019	0.823	0.007
AXL	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.025	0.734	0.049	0.087	0.25	0.184	0.19
IL1RT1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.03	0.019	<0.001	0.274	0.271	<0.001	0.064	0.009	0.027
MMP2	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	0.154	0.217	0.001	0.76	0.86	0.007	0.344	0.14	0.021
FAS	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.002	0.044	<0.001	<0.001	0.013	0.008	0.001	0.235
MB	<0.001	0.004	<0.001	0.004	<0.001	0.484	0.28	0.094	0.05	0.05	0.456	0.036	0.467
TNFSF13B	0.022	0.002	0.046	<0.001	0.169	0.013	0.858	0.189	0.013	0.041	0.981	0.494	<0.001
PCSK9	0.056	0.062	<0.001	0.001	0.005	0.265	0.605	<0.001	0.008	0.177	<0.001	0.117	0.095
UPAR	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.01	<0.001	<0.001
OPN	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	0.065	0.34	0.004	<0.001	0.149	0.982	<0.001
PGLYRP1	<0.001	0.026	0.001	0.001	0.006	<0.001	0.358	0.001	<0.001	<0.001	0.117	0.027	0.158
CPA1	0.002	<0.001	<0.001	0.001	0.011	0.106	0.447	0.301	0.642	0.017	0.228	0.736	<0.001
JAMA	0.273	0.011	0.002	0.205	0.01	0.035	<0.001	<0.001	<0.001	0.291	<0.001	<0.001	0.075
GAL4	0.002	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	0.429	0.003	<0.001	0.41	<0.001	0.703	0.022
IL1RT2	0.003	0.119	0.008	0.005	<0.001	0.355	0.417	0.143	0.166	0.141	0.031	0.655	0.547
SHPS1	<0.001	0.001	0.001	<0.001	0.013	0.025	0.296	0.018	0.002	0.009	0.548	0.038	0.005
CCL15	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	0.002	0.131	0.81	0.05	0.036	0.028	0.842	<0.001

CASP3	0.35	0.002	0.001	0.026	0.012	0.085	<0.001	<0.001	<0.001	0.29	<0.001	<0.001	0.011
CPB1	0.001	0.001	<0.001	0.001	0.005	0.028	0.431	0.216	0.272	0.004	0.118	0.656	<0.001
CHI3L1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.588	0.02	<0.001	0.36	0.013	0.248	0.179
ST2	0.116	0.577	0.402	0.721	<0.001	0.988	0.645	0.233	0.022	0.267	0.176	0.583	0.903
TPA	0.015	0.037	0.459	0.079	<0.001	0.046	0.008	0.063	0.003	0.327	0.001	0.074	0.43
SCGB3A2	0.796	0.009	0.978	0.302	0.337	0.747	0.159	0.379	0.894	0.062	0.653	0.554	0.051
EGFR	0.131	0.521	0.002	0.048	0.379	0.012	0.007	0.385	0.537	0.023	0.969	0.062	0.773
IGFBP7	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.077	0.456	0.002	0.01	0.3	0.926	0.003
CD93	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	0.031	0.021	0.461	0.163	0.023	0.079	0.45	0.386
IL18BP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.071	0.951	<0.001	0.001	0.133	0.902	0.038
COL1A1	0.001	0.007	<0.001	<0.001	0.339	0.015	0.009	0.813	0.993	0.093	0.135	0.792	0.001
PON3	0.925	0.667	0.206	0.487	0.006	0.352	<0.001	0.015	<0.001	0.383	0.001	0.047	0.101
CTSZ	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	0.028	0.107	0.012	<0.001	0.038	0.021	0.017	0.028
MMP3	<0.001	0.113	0.011	0.101	<0.001	0.155	0.783	0.425	<0.001	0.005	0.689	0.877	0.643
RARRES2	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	0.028	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.033	0.008	<0.001	0.011
ICAM2	0.012	0.002	0.205	0.001	0.013	0.036	0.063	0.053	0.067	<0.001	0.187	0.958	0.37
KLK6	<0.001	0.001	0.001	0.006	0.133	0.355	0.007	0.024	0.964	0.159	0.045	0.119	0.024
PDGFA	0.002	0.245	0.522	0.702	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.086	<0.001	<0.001	0.709
TNFR1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.327	<0.001	<0.001	<0.001	0.458	0.001	0.001
IGFBP2	0.007	0.187	0.873	0.04	0.118	0.027	<0.001	0.035	0.576	0.002	<0.001	0.462	0.021
VWF	<0.001	0.001	0.001	0.001	0.003	0.036	0.281	0.239	<0.001	<0.001	0.396	0.445	0.005
PECAM1	0.099	0.04	0.002	0.203	0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	0.414	<0.001	<0.001	0.113
MEPE	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.047	0.343	0.911	0.165	0.014	0.353	0.837	0.765
CCL16	0.001	0.019	<0.001	0.005	0.001	0.006	0.873	0.267	0.02	0.188	0.683	0.026	0.063
IL8	<0.001	0.331	0.382	0.058	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	0.001
VEGFA	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.006
CD8A	<0.001	0.001	0.092	<0.001	0.024	<0.001	0.678	0.241	<0.001	0.003	0.047	0.608	<0.001
MCP3	<0.001	0.276	0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.711	0.011	<0.001	0.006
CDCP1	<0.001	0.038	0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.18	0.001	<0.001	0.125	0.202	0.093	<0.001
CD244	<0.001	0.126	0.019	0.57	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.162	<0.001	<0.001	0.149
IL7	0.043	0.052	0.178	0.563	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.908	<0.001	<0.001	0.338
OPG	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	0.275	0.029	0.004	0.004	0.191	0.505	<0.001
LAP_TGFB1	<0.001	0.777	0.828	0.192	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.445	<0.001	<0.001	0.963
UPA	<0.001	0.001	0.111	<0.001	0.219	<0.001	0.286	0.159	0.038	0.212	0.992	0.687	0.001
IL6	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.332	0.001	<0.001	0.006	0.468	0.556	<0.001
MCP1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	0.245	<0.001	<0.001	0.012	0.012	<0.001	0.012
CXCL11	0.055	0.005	0.035	0.959	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.523	0.001	<0.001	0.803
AXIN1	0.957	<0.001	<0.001	0.001	0.029	0.141	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.019
TRAIL	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.552	0.005	0.34	0.301	0.042	0.498	0.948	0.406	<0.001
CXCL9	0.002	0.036	0.009	<0.001	0.02	<0.001	0.303	0.04	<0.001	0.049	0.998	0.311	<0.001
CST5	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.593	0.149	0.001	0.696	0.803	0.015	0.079	0.094	0.001
OSM	0.152	0.793	0.136	0.425	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	0.436
CXCL1	0.221	0.011	0.004	0.383	0.017	0.055	<0.001	<0.001	<0.001	0.183	<0.001	<0.001	0.58
CCL4	<0.001	0.428	0.309	0.221	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.868	<0.001	<0.001	0.738
CD6	0.001	0.155	0.263	0.365	0.004	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	0.456
TGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.048	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	0.001	0.002
MCP4	<0.001	0.175	0.326	0.461	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.547	<0.001	<0.001	0.765
CCL11	0.031	<0.001	0.392	0.001	0.479	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.722	0.158	<0.001	0.013
TNFSF14	<0.001	0.04	0.221	0.356	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.288	<0.001	<0.001	0.761
MMP1	0.002	0.998	0.882	0.441	0.037	0.027	<0.001	<0.001	<0.001	0.163	0.006	<0.001	0.896
LIFR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.78	0.017	<0.001	0.64	<0.001	<0.001
FGF21	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.093	0.442	0.002	0.001	0.602	<0.001	0.322	<0.001
CCL19	0.014	0.464	0.006	0.002	0.079	<0.001	0.996	0.003	<0.001	0.449	0.949	0.015	<0.001
IL15RA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.844	0.153	<0.001	0.27	0.785	0.15	0.077
IL10RB	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	<0.001	0.001	0.428	<0.001	0.001	0.549	0.441	<0.001
IL18R1	0.001	0.089	0.001	0.004	0.003	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.167	<0.001	0.102	0.312
PDL1	<0.001	0.112	0.431	0.84	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.219	<0.001	<0.001	0.318
CXCL5	0.066	0.054	0.042	0.586	0.054	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	0.978
TRANCE	<0.001	0.018	<0.001	0.002	0.877	0.002	0.395	0.067	0.068	0.49	0.747	0.075	0.077
HGF	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL12B	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.068	<0.001	0.801	0.006	0.002	0.001	0.453	0.499	0.002
MMP10	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.516	<0.001	0.653	0.336	<0.001	0.004	0.325	0.948	<0.001
IL10	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.039	<0.001	0.024	0.969	<0.001	0.025	0.284	0.979	<0.001
TNF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.218	<0.001	<0.001	0.03	0.334	<0.001	<0.001
CCL23	<0.001	0.038	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	0.064	<0.001	<0.001	<0.001	0.291	<0.001	0.043
CD5	<0.001	0.074	0.068	0.121	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.04	<0.001	<0.001	0.242
CCL3	<0.001	0.228	0.018	0.18	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.717	<0.001	<0.001	0.006
FLT3L	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.423	0.004	0.07	0.02	0.068	0.804	<0.001	0.415	0.002
CXCL6	0.007	0.001	0.037	0.798	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.462	<0.001	<0.001	0.981
CXCL10	<0.001	0.503	0.024	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.146	0.046	<0.001	0.085

4EBP1	0.077	<0.001	0.009	0.083	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	0.157	<0.001	<0.001	0.027
SIRT2	0.188	<0.001	0.001	0.034	0.009	0.033	<0.001	<0.001	<0.001	0.087	<0.001	<0.001	0.027
CCL28	0.099	0.103	0.893	<0.001	0.058	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	0.254	0.024	<0.001	<0.001
DNER	<0.001	0.076	0.068	<0.001	0.08	0.789	0.095	0.403	0.893	0.934	0.098	0.328	0.04
ENRAGE	0.016	0.001	0.214	0.633	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.059	0.011	<0.001	0.571
CD40	0.024	0.002	0.007	0.094	0.002	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.085	<0.001	<0.001	0.132
IFNG	0.006	0.523	0.092	0.024	0.005	<0.001	0.853	0.43	0.046	0.45	0.217	0.694	0.043
FGF19	<0.001	0.101	0.005	0.003	0.264	0.012	0.309	0.129	0.016	0.063	0.024	0.478	0.014
MCP2	0.006	0.375	0.349	0.182	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.374	0.002	<0.001	0.357
CASP8	0.001	0.001	0.021	0.231	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	0.28	<0.001	<0.001	0.006
CCL25	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.971	0.111	0.274	0.398	0.04	0.345	0.251	0.693	<0.001
CX3CL1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.037	<0.001	0.011	0.99	0.26	0.001	0.03	0.903	<0.001
TNFRSF9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.03	<0.001	0.748	0.01	<0.001	0.033	0.745	0.004	<0.001
NT3	0.002	0.032	<0.001	<0.001	0.095	0.145	0.383	0.025	0.146	0.041	0.018	0.043	0.047
TWEAK	<0.001	0.765	0.427	0.031	0.809	0.009	<0.001	<0.001	0.002	0.768	0.624	<0.001	0.794
CCL20	0.037	0.021	0.009	<0.001	0.151	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.824	0.001	0.008	<0.001
ST1A1	0.572	<0.001	<0.001	0.004	0.001	0.027	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.004
STAMBP	0.275	<0.001	<0.001	0.015	0.009	0.087	<0.001	<0.001	<0.001	0.023	<0.001	<0.001	0.015
ADA	0.001	0.022	0.061	0.47	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.127	<0.001	<0.001	0.094
TNFB	0.069	0.039	0.064	<0.001	0.348	<0.001	0.493	0.595	0.528	0.115	0.685	0.686	0.025
CSF1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	0.158	0.045	<0.001	<0.001	0.546	0.825	<0.001
Age	0.016	0.06	0.01	<0.001	0.001	0.192	0.019	<0.001	0.041	0.883	0.035	0.019	0.008
Body mass index	0.217	0.466	<0.001	0.03	0.05	0.489	0.009	0.003	0.006	0.781	<0.001	0.041	0.761
Waist circumference	0.009	0.533	0.002	0.745	<0.001	0.133	0.001	0.01	0.002	0.653	<0.001	0.004	0.51
Educational attainment	0.274	0.545	0.301	0.05	0.482	0.984	1	0.215	0.816	0.212	0.606	0.489	0.102
Alcohol consumption	0.037	0.83	0.208	0.446	<0.001	0.534	0.129	0.306	0.152	0.589	0.106	0.463	0.102
Systolic blood pressure	0.239	0.818	0.05	0.767	<0.001	0.595	0.014	0.003	0.028	0.865	0.021	0.193	0.595
Diastolic blood pressure	0.445	0.391	0.189	0.414	0.002	0.552	0.033	0.009	0.323	0.483	0.006	0.306	0.178
Hemoglobin A1c	0.197	0.136	0.019	0.142	0.807	0.261	0.099	0.107	0.031	0.48	0.02	0.367	0.507
Duration of known diabetes	0.106	0.436	0.004	0.223	0.13	0.273	0.024	0.014	0.062	0.474	0.005	0.955	0.413
High-density lipoprotein	0.977	0.142	0.048	0.065	0.281	0.008	<0.001	0.468	0.001	0.009	0.002	0.058	0.077
Low-density lipoprotein	0.98	0.68	0.306	0.918	0.095	0.039	0.021	0.125	0.485	0.03	0.002	0.208	0.878
Triglycerides	0.075	0.289	<0.001	0.041	0.105	0.086	<0.001	0.003	<0.001	0.001	<0.001	0.151	0.792
Albumin	0.605	0.19	0.001	0.291	0.877	0.611	0.13	0.226	0.213	0.286	0.043	0.128	0.278
Fibrinogen	0.374	0.901	0.006	0.3	0.566	0.237	0.353	0.031	0.006	0.294	0.298	0.308	0.011
C-reactive protein	0.025	0.35	<0.001	0.017	0.012	0.006	0.024	<0.001	<0.001	0.001	0.069	0.094	0.04
Serum amyloid A	0.07	0.339	0.004	0.018	0.001	0.004	0.795	0.149	<0.001	0.222	0.751	0.547	0.008
Leucocyte count	0.323	0.051	0.449	0.079	0.023	0.607	<0.001	0.31	0.03	0.042	0.001	0.047	0.008
Serum adiponectin	0.488	0.183	0.157	0.739	0.832	0.07	0.004	0.047	<0.001	0.028	0.041	0.061	0.339
Uric acid	0.002	0.331	0.014	0.411	<0.001	0.097	0.001	0.065	<0.001	0.501	<0.001	0.021	0.937
Creatinine	<0.001	0.076	<0.001	0.228	0.006	0.959	0.019	0.366	<0.001	0.013	0.523	0.033	0.736
Rényi4, baseline	0.142	0.805	0.111	0.077	0.73	0.452	0.176	0.5	0.386	0.047	0.16	0.101	0.071
TP, baseline	0.08	0.516	0.042	0.05	0.675	0.323	0.694	0.533	0.318	0.093	0.16	0.189	0.061
SDWS, baseline	0.566	0.616	0.328	0.09	0.369	0.598	0.389	0.116	0.832	0.166	0.046	0.038	0.11
SDSA, baseline	0.227	0.599	0.306	0.358	0.787	0.894	0.341	0.742	0.598	0.112	0.817	0.211	0.019
CE, baseline	0.13	0.318	0.194	0.152	0.839	0.347	0.617	0.398	0.177	0.12	0.833	0.41	0.017
Rényi4, follow-up	0.429	0.239	0.042	0.058	0.993	0.324	0.609	0.921	0.938	0.427	0.59	0.647	0.837
TP, follow-up	0.281	0.226	0.038	0.012	1	0.322	0.376	0.524	0.653	0.582	0.325	0.182	0.645
SDWS, follow-up	0.713	0.488	0.379	0.2	0.473	0.935	0.559	0.54	0.557	0.423	0.63	0.843	0.709
SDSA, follow-up	0.317	0.125	0.05	0.207	0.43	0.286	0.731	0.937	0.912	0.709	0.064	0.86	0.51
CE, follow-up	0.451	0.113	0.095	0.14	0.814	0.306	0.717	0.945	0.993	0.727	0.241	0.934	0.994

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	IGGFC	ITGB1B	DCN	DKK1	LPL	PRSS8	AGRP	HBEGF	GDF2	FABP2	THPO	MARCC	GT
BMP6	0.1	0.7	0.1	0.7	-0.1	0.1	0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.4	0.2	<0.1
ANGPT1	<0.1	0.6	<0.1	0.9	<0.1	0.1	0.1	0.8	<0.1	<0.1	0.6	0.1	<0.1
ADM	0.1	-0.2	0.5	-0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.3	0.2
CD40L	<0.1	0.9	-0.1	0.8	-0.1	<0.1	<0.1	0.8	-0.1	-0.1	0.5	<0.1	<0.1
PGF	0.1	-0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.4	0.4	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2
ADAMTS13	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
BOC	0.1	-0.2	0.5	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.5	0.3	0.1	0.3	0.1
IL4RA	0.1	-0.2	0.4	-0.1	0.1	0.2	0.3	-0.1	0.3	0.3	0.1	0.3	0.2
SRC	<0.1	0.4	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
IL1RA	<0.1	0.5	0.1	0.5	-0.2	0.2	0.1	0.5	-0.1	<0.1	0.3	0.2	-0.1
TNFRSF10A	<0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1
STK4	<0.1	0.8	-0.2	0.5	-0.1	<0.1	-0.1	0.5	-0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1
IDUA	<0.1	0.4	<0.1	0.5	<0.1	0.1	0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1
TNFRSF11A	<0.1	<0.1	0.5	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.4	0.2
PAR1	<0.1	0.9	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.5	0.1	<0.1
TRAILR2	0.1	<0.1	0.4	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.1
PRSS27	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.1	0.1	0.2	0.4	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1
TIE2	0.1	-0.2	0.4	-0.1	0.1	0.3	0.4	<0.1	0.4	0.2	0.1	0.2	0.2
TF	0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.5	0.3	0.2	0.2	0.3
IL1RL2	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2
PDGFB	<0.1	0.7	<0.1	0.9	<0.1	0.1	0.1	0.9	<0.1	<0.1	0.6	0.1	<0.1
IL27	0.1	-0.2	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1
IL17D	0.1	<0.1	0.5	0.1	0.4	0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1
LOX1	0.1	0.2	0.1	0.4	-0.1	0.2	0.2	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1
GAL9	0.1	0.4	0.1	0.5	-0.1	0.2	0.2	0.5	-0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1
GIF	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	<0.1
SCF	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.4	-0.1	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.3	0.1	0.1
IL18	<0.1	0.2	0.2	0.3	-0.1	0.4	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.1
PLGR	0.1	-0.2	0.4	<0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1
RAGE	0.1	-0.2	0.4	-0.1	0.4	0.1	0.2	-0.1	0.4	0.3	0.2	0.1	0.2
SOD2	<0.1	0.5	0.1	0.5	<0.1	0.1	0.2	0.5	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1
CTRC	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2
FGF23	0.1	-0.1	0.3	-0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2
SPON2	<0.1	-0.3	0.6	-0.1	0.3	0.3	0.3	-0.1	0.4	0.3	0.1	0.3	0.2
GH	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3	-0.3	-0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1	-0.1	0.1
FS	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2
GLO1	<0.1	0.9	-0.2	0.7	-0.2	<0.1	<0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	-0.1
CD84	<0.1	0.8	-0.1	0.8	<0.1	<0.1	0.1	0.8	<0.1	<0.1	0.6	0.1	<0.1
SERPINA12	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
REN	0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
DECR1	<0.1	0.9	-0.2	0.7	-0.2	<0.1	-0.1	0.6	-0.2	-0.1	0.3	<0.1	-0.1
MERTK	<0.1	-0.3	0.4	-0.1	0.2	0.1	0.3	-0.1	0.4	0.2	0.1	0.2	0.2
KIM1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1
THBS2	0.1	-0.2	0.5	<0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.4	<0.1
TM	0.1	0.1	0.5	0.2	0.1	0.3	0.4	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	0.2
VSIG2	0.1	-0.2	0.4	-0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.1	0.2	0.2
AMBP	0.1	-0.2	0.4	<0.1	0.1	0.4	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2
PRELP	0.1	-0.1	0.6	0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	0.4	0.3	0.2	0.4	0.1
HO1	<0.1	0.1	0.2	0.2	-0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1
XCL1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1
IL16	<0.1	0.7	-0.1	0.6	-0.2	<0.1	0.1	0.6	-0.2	-0.1	0.3	0.1	-0.1
SORT1	<0.1	0.6	0.1	0.8	<0.1	0.2	0.2	0.8	0.1	<0.1	0.6	0.3	<0.1
CEACAM8	0.1	0.2	0.1	0.4	-0.1	0.3	0.2	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1
PTX3	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
PSGL1	0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1
CCL17	<0.1	0.6	<0.1	0.7	<0.1	0.1	0.2	0.7	<0.1	<0.1	0.5	0.1	<0.1
MMP7	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2
IGGFC	1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
ITGB1BP2	<0.1	1	-0.2	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.5	<0.1	<0.1
DCN	0.1	-0.2	1	<0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.4	0.3	0.1	0.4	0.2
DKK1	<0.1	0.7	<0.1	1	<0.1	0.1	0.1	0.9	<0.1	<0.1	0.6	0.1	<0.1
LPL	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	1	-0.2	<0.1	<0.1	0.5	0.3	0.2	<0.1	0.2
PRSS8	<0.1	<0.1	0.3	0.1	-0.2	1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1
AGRP	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.3	1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3
HBEGF	<0.1	0.7	<0.1	0.9	<0.1	0.1	0.1	1	<0.1	<0.1	0.6	0.1	<0.1

GDF2	0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.5	<0.1	0.2	<0.1	1	0.3	0.3	0.2	0.2
FABP2	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.3	1	0.2	0.2	0.3
THPO	<0.1	0.5	0.1	0.6	0.2	0.1	0.2	0.6	0.3	0.2	1	0.1	0.1
MARCO	0.1	<0.1	0.4	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	1	0.2
GT	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	1
MMP12	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1
ACE2	0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.3	0.5	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1
PDL2	0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.4	0.2
CTSL1	<0.1	-0.2	0.5	0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.4	0.1
HOSCAR	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1
TNFRSF13B	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	0.2	0.3	0.1	0.4	0.2
TGM2	<0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
LEP	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1
CA5A	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.3	0.3	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1
HSP27	<0.1	-0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	<0.1
CD4	<0.1	0.5	<0.1	0.5	-0.2	0.2	0.3	0.5	-0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1
NEMO	<0.1	0.9	-0.2	0.7	-0.2	<0.1	-0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	-0.1
VEGFD	<0.1	-0.2	0.4	<0.1	0.3	0.1	0.2	-0.1	0.5	0.3	0.1	0.1	0.1
PARP1	<0.1	0.7	-0.2	0.6	-0.2	<0.1	<0.1	0.6	-0.2	-0.1	0.3	<0.1	-0.1
HAOX1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
TNFRSF14	<0.1	0.6	<0.1	0.6	-0.1	0.1	0.1	0.6	-0.1	<0.1	0.4	0.1	<0.1
LDL_RC	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1
ITGB2	0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1
IL17RA	0.1	0.3	<0.1	0.4	<0.1	0.1	<0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1
TNFR2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1
MMP9	<0.1	0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.1	<0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1
EPHB4	<0.1	-0.2	0.3	-0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
IL2RA	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1
ALCAM	<0.1	-0.2	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.1	0.2	0.1
SELP	<0.1	0.8	-0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.1	0.8	-0.1	-0.1	0.5	0.1	<0.1
CSTB	<0.1	0.6	-0.1	0.6	-0.1	0.1	0.1	0.6	-0.2	-0.1	0.3	0.1	-0.1
CD163	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.6	<0.1
GRN	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1
NTPROBNP	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.3	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
PLC	0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1
LTBR	<0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
NOTCH3	0.1	-0.2	0.4	-0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	<0.1
TIMP4	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
CNTN1	<0.1	-0.2	0.3	-0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.4	0.1	<0.1	0.2	0.1
CDH5	0.1	-0.2	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1
TLT2	<0.1	0.4	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1
FABP4	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1
TFPI	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1
PAI	<0.1	0.5	<0.1	0.8	-0.2	0.3	0.2	0.7	-0.1	<0.1	0.5	0.2	<0.1
CCL24	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
TR	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1
TNFRSF10C	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
GDF15	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
SELE	0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1
DLK1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
MPO	<0.1	0.4	<0.1	0.4	-0.1	0.1	0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1
CXCL16	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1
IL6RA	0.1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2
RETN	<0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1
IGFBP1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.3	-0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2
CHIT1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
TRAP	0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1
GP6	<0.1	0.9	-0.2	0.8	-0.1	<0.1	<0.1	0.8	-0.2	-0.1	0.5	<0.1	-0.1
PSPD	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
EPCAM	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1
APN	<0.1	-0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
AXL	<0.1	-0.2	0.3	-0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1
IL1RT1	<0.1	-0.3	0.3	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1
MMP2	0.1	-0.2	0.4	-0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	<0.1
FAS	<0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
MB	0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
TNFSF13B	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1
PCSK9	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1
UPAR	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1
OPN	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1

PGLYRP1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1
CPA1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1
JAMA	<0.1	0.8	-0.2	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	<0.1
GAL4	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.5	<0.1	0.2	0.1
IL1RT2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1
SHPS1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1
CCL15	<0.1	-0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
CASP3	<0.1	0.9	-0.2	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	-0.1
CPB1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1
CH13L1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.4	0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1
ST2	0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.3	0.2	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1
TPA	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
SCGB3A2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1
EGFR	<0.1	-0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1
IGFBP7	0.1	-0.2	0.4	-0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.1
CD93	0.1	-0.2	0.3	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1
IL18BP	<0.1	-0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.3	0.2	-0.1	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.1
COL1A1	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1
PON3	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.4	-0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.1	0.2	-0.1	0.1
CTSZ	<0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1
MMP3	<0.1	-0.2	0.2	-0.1	-0.3	0.3	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1
RARRES2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.4	0.1	0.1	0.4	0.2	0.1
ICAM2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1
KLK6	<0.1	-0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1
PDGFA	<0.1	0.7	<0.1	0.9	<0.1	0.1	0.1	0.9	<0.1	-0.1	0.6	0.1	-0.1
TNFR1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1
IGFBP2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.3	-0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1
VWF	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1
PECAM1	<0.1	0.8	-0.2	0.6	-0.1	<0.1	<0.1	0.6	-0.1	-0.1	0.4	0.1	-0.1
MEPE	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
CCL16	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1
IL8	<0.1	0.4	<0.1	0.6	-0.2	0.1	0.2	0.5	-0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1
VEGFA	<0.1	0.4	0.2	0.6	<0.1	0.2	0.2	0.6	<0.1	0.1	0.4	0.3	0.1
CD8A	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1
MCP3	<0.1	0.3	0.1	0.4	-0.1	0.2	0.1	0.4	-0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1
CDCP1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.4	<0.1
CD244	<0.1	0.8	-0.1	0.7	-0.2	<0.1	<0.1	0.6	-0.1	-0.1	0.4	0.1	<0.1
IL7	<0.1	0.7	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.5	0.2	<0.1
OPG	<0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1
LAP_TGFB1	<0.1	0.7	<0.1	0.9	-0.1	0.1	0.1	0.8	-0.1	<0.1	0.6	0.2	<0.1
UPA	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.3	0.1
IL6	0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1
MCP1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1
CXCL11	<0.1	0.7	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.3	0.1	<0.1
AXIN1	<0.1	0.9	-0.2	0.7	-0.2	<0.1	-0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	-0.1
TRAIL	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2
CXCL9	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1
CST5	0.1	-0.2	0.3	-0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2
OSM	<0.1	0.2	<0.1	0.4	-0.2	0.2	<0.1	0.3	-0.2	<0.1	0.2	0.1	-0.1
CXCL1	<0.1	0.8	-0.2	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	<0.1
CCL4	<0.1	0.4	0.1	0.5	-0.2	0.2	0.2	0.5	-0.1	<0.1	0.3	0.3	<0.1
CD6	0.1	0.5	-0.1	0.4	-0.1	0.1	0.1	0.5	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
TGFA	<0.1	<0.1	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1
MCP4	<0.1	0.7	<0.1	0.8	-0.1	0.1	0.1	0.8	-0.1	-0.1	0.5	0.1	<0.1
CCL11	<0.1	0.2	0.1	0.4	<0.1	0.2	0.1	0.4	-0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1
TNFSF14	<0.1	0.8	-0.1	0.7	-0.2	0.1	0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.4	0.1	<0.1
MMP1	<0.1	0.5	<0.1	0.7	-0.1	0.1	0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.5	0.1	<0.1
LIFR	0.1	-0.3	0.5	-0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.2	-0.1	0.3	0.1
FGF21	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
CCL19	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
IL15RA	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.4	0.1
IL10RB	0.1	-0.2	0.4	-0.1	0.1	0.3	0.2	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2
IL18R1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1
PDL1	0.1	0.6	<0.1	0.6	-0.2	0.1	0.1	0.6	-0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1
CXCL5	<0.1	0.7	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.5	<0.1	<0.1
TRANCE	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1
HGF	<0.1	0.3	0.2	0.5	-0.2	0.3	0.1	0.5	-0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1
IL12B	<0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1
MMP10	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1
IL10	<0.1	-0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1

TNF	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.1
CCL23	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2
CD5	<0.1	0.6	-0.1	0.5	-0.2	0.1	0.1	0.5	-0.2	-0.1	0.2	0.1	-0.1
CCL3	0.1	0.3	0.1	0.4	-0.2	0.2	0.2	0.4	-0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1
FLT3L	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1
CXCL6	<0.1	0.7	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.4	0.1	<0.1
CXCL10	<0.1	0.2	0.2	0.3	-0.2	0.2	0.2	0.3	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1
4EBP1	<0.1	0.9	-0.2	0.7	-0.2	0.1	<0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	-0.1
SIRT2	<0.1	1	-0.2	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	<0.1
CCL28	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1
DNER	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1
ENRAGE	<0.1	0.4	<0.1	0.4	-0.2	0.1	0.1	0.4	-0.1	<0.1	0.3	0.1	-0.1
CD40	<0.1	0.9	-0.2	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.4	0.1	-0.1
IFNG	0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1
FGF19	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1
MCP2	<0.1	0.5	<0.1	0.6	<0.1	0.1	0.1	0.6	-0.1	<0.1	0.4	0.2	<0.1
CASP8	<0.1	0.8	-0.1	0.7	-0.2	<0.1	0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	-0.1
CCL25	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2
CX3CL1	<0.1	-0.2	0.4	-0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2
TNFRSF9	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1
NT3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
TWEAK	<0.1	0.3	0.1	0.4	0.2	-0.1	0.1	0.4	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1
CCL20	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1
ST1A1	<0.1	0.9	-0.2	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	-0.1
STAMBP	<0.1	0.9	-0.2	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	-0.1
ADA	0.1	0.7	-0.1	0.6	-0.2	0.1	<0.1	0.6	-0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1
TNFB	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1
CSF1	<0.1	-0.2	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1
Age	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
Body mass index	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1
Waist circumference	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.4	0.4	<0.1	0.1	-0.3	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
Educational attainment	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1
Alcohol consumption	0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.3	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Systolic blood pressure	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1
Diastolic blood pressure	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Hemoglobin A1c	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1
Duration of known diabetes	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
High-density lipoprotein	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.4	-0.2	-0.1	<0.1	0.4	0.1	0.2	-0.1	0.1
Low-density lipoprotein	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
Triglycerides	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.3	0.4	0.3	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1
Albumin	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Fibrinogen	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1
C-reactive protein	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1
Serum amyloid A	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
Leucocyte count	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.5	-0.3	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.1
Serum adiponectin	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Uric acid	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.4	0.4	0.2	<0.1	-0.3	0.1	-0.1	0.2	<0.1
Creatinine	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.4	0.2	0.2	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Rényi4, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
TP, baseline	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1
SDWS, baseline	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
SDSA, baseline	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
CE, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
Rényi4, follow-up	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
TP, follow-up	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
SDWS, follow-up	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
SDSA, follow-up	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
CE, follow-up	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	IGGFC	ITGB1B	DCN	DKK1	LPL	PRSS8	AGRP	HBEGF	GDF2	FABP2	THPO	MARCC	GT
BMP6	1	<0.001	1	<0.001	1	0.364	0.904	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1
ANGPT1	1	<0.001	1	<0.001	1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	0.222	1

ADM	1	0.061	<0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.513	<0.001	<0.001
CD40L	1	<0.001	0.125	<0.001	0.308	1	1	<0.001	0.415	1	<0.001	1	1
PGF	1	0.175	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.065	<0.001	0.001
ADAMTS13	1	0.429	<0.001	1	0.035	1	0.09	1	<0.001	1	1	<0.001	1
BOC	0.908	0.004	<0.001	1	<0.001	0.009	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.262	<0.001	0.179
IL4RA	1	0.003	<0.001	1	0.077	0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.277	<0.001	0.001
SRC	1	<0.001	1	<0.001	1	1	1	0.001	1	1	1	0.477	1
IL1RA	1	<0.001	1	<0.001	0.006	<0.001	0.073	<0.001	0.08	1	<0.001	<0.001	1
TNFRSF10A	1	0.117	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.534	0.249	0.074	<0.001	1
STK4	1	<0.001	0.041	<0.001	1	1	1	<0.001	0.241	1	<0.001	1	1
IDUA	1	<0.001	1	<0.001	1	0.355	0.609	<0.001	1	1	<0.001	0.002	1
TNFRSF11A	1	1	<0.001	0.01	0.004	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.062
PAR1	1	<0.001	0.214	<0.001	1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	1	1
TRAILR2	1	1	<0.001	0.001	1	<0.001	<0.001	0.002	0.087	<0.001	<0.001	<0.001	0.332
PRSS27	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.196	0.026	<0.001	0.02	0.06	<0.001	0.121	1
TIE2	1	0.002	<0.001	1	0.149	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.755	<0.001	<0.001
TF	1	0.159	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.004	0.001	<0.001
IL1RL2	1	1	<0.001	0.565	<0.001	0.577	0.014	0.795	<0.001	0.17	<0.001	<0.001	0.02
PDGFB	1	<0.001	1	<0.001	1	1	0.961	<0.001	1	1	<0.001	0.292	1
IL27	0.156	0.016	<0.001	1	0.005	1	0.366	1	<0.001	0.001	1	<0.001	0.633
IL17D	0.185	1	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.51	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.095
LOX1	1	<0.001	0.091	<0.001	1	<0.001	0.054	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1
GAL9	1	<0.001	1	<0.001	0.086	0.003	0.018	<0.001	0.139	1	<0.001	<0.001	1
GIF	0.224	1	<0.001	1	1	0.004	0.019	1	<0.001	0.689	1	1	1
SCF	1	0.665	<0.001	1	<0.001	1	1	1	<0.001	1	<0.001	1	0.155
IL18	1	0.032	0.003	<0.001	0.079	<0.001	0.003	<0.001	1	<0.001	0.056	<0.001	1
PLGR	1	0.022	<0.001	1	0.051	<0.001	0.005	1	<0.001	<0.001	1	0.012	0.203
RAGE	1	0.003	<0.001	1	<0.001	1	0.001	1	<0.001	<0.001	0.048	0.184	0.01
SOD2	1	<0.001	0.968	<0.001	1	0.111	0.034	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1
CTRC	1	1	0.018	0.07	0.102	1	0.007	0.135	<0.001	0.427	0.012	0.002	0.005
FGF23	0.283	0.221	<0.001	1	0.002	0.025	<0.001	0.951	<0.001	<0.001	1	0.001	0.003
SPON2	1	<0.001	<0.001	0.251	<0.001	<0.001	<0.001	0.142	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001
GH	1	1	1	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.139	0.971	1	0.558
FS	1	0.596	<0.001	1	1	<0.001	0.124	1	0.051	0.813	1	0.002	0.066
GLO1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.029	1	1	<0.001	0.003	0.123	<0.001	1	1
CD84	1	<0.001	1	<0.001	1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	0.348	1
SERPINA12	1	1	0.415	1	0.238	1	1	1	<0.001	0.574	1	1	1
REN	0.061	1	<0.001	1	0.003	<0.001	<0.001	1	1	1	1	0.565	1
DECR1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	1	1	<0.001	<0.001	0.39	<0.001	1	1
MERTK	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.109	<0.001	1	<0.001	0.002	1	0.002	0.008
KIM1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.013	1	0.008	0.152
THBS2	1	0.07	<0.001	1	1	<0.001	0.043	1	<0.001	0.019	1	<0.001	1
TM	1	1	<0.001	<0.001	0.879	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.032
VSIG2	1	0.021	<0.001	1	0.069	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.002	0.001
AMBP	1	0.041	<0.001	1	0.128	<0.001	<0.001	1	0.001	0.008	0.039	<0.001	0.013
PRELP	0.879	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.039	<0.001	0.086
HO1	1	0.425	0.012	0.018	0.055	<0.001	0.001	0.005	1	1	0.222	0.006	1
XC1L1	1	0.945	<0.001	<0.001	1	0.049	<0.001	0.002	1	0.056	0.18	<0.001	1
IL16	1	<0.001	0.319	<0.001	0.008	1	1	<0.001	0.052	1	<0.001	1	1
SORT1	1	<0.001	0.216	<0.001	1	0.005	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1
CEACAM8	1	0.001	0.321	<0.001	0.358	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.869	<0.001	<0.001	1
PTX3	1	1	<0.001	1	1	1	0.181	1	0.653	1	1	1	1
PSGL1	0.541	0.001	1	<0.001	0.123	0.152	0.018	<0.001	1	1	0.015	0.159	1
CCL17	1	<0.001	1	<0.001	1	0.089	0.041	<0.001	1	1	<0.001	1	1
MMP7	1	1	<0.001	1	0.003	0.002	<0.001	1	<0.001	0.047	0.002	0.003	0.019
IGGFC	<0.001	1	0.441	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
ITGB1BP2	0.542	<0.001	0.003	<0.001	1	1	1	<0.001	0.176	1	<0.001	1	1
DCN	0.019	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.022
DDK1	0.658	<0.001	0.871	<0.001	1	1	0.376	<0.001	1	1	<0.001	0.169	1
LPL	0.333	0.081	<0.001	0.9	<0.001	0.046	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.007
PRSS8	0.53	0.651	<0.001	0.12	0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.002	1	<0.001	0.457
AGRP	0.2	0.577	<0.001	0.016	0.44	<0.001	<0.001	0.358	<0.001	0.002	0.04	<0.001	<0.001
HBEGF	0.674	<0.001	0.481	<0.001	0.766	0.198	0.015	<0.001	1	1	<0.001	0.159	1
GDF2	0.139	0.007	<0.001	0.606	<0.001	0.599	<0.001	0.976	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.002
FABP2	0.088	0.055	<0.001	0.587	<0.001	<0.001	<0.001	0.859	<0.001	<0.001	0.027	<0.001	<0.001
THPO	0.728	<0.001	0.155	<0.001	<0.001	0.252	0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.976	0.171
MARCO	0.144	0.598	<0.001	0.006	0.317	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.048	<0.001	0.022
GT	0.073	0.485	0.001	0.534	<0.001	0.02	<0.001	0.819	<0.001	<0.001	0.007	0.001	<0.001
MMP12	0.926	0.667	<0.001	0.12	0.256	<0.001	<0.001	0.835	0.042	<0.001	0.036	<0.001	0.006
ACE2	0.12	0.253	<0.001	0.625	<0.001	<0.001	<0.001	0.511	0.883	0.158	0.576	<0.001	0.154

PDL2	0.019	0.004	<0.001	0.834	0.005	<0.001	<0.001	0.514	<0.001	<0.001	0.113	<0.001	<0.001
CTSL1	0.624	0.002	<0.001	0.118	0.02	<0.001	<0.001	0.388	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003
HOSCAR	0.915	0.212	<0.001	0.359	0.016	<0.001	<0.001	0.152	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.003
TNFRSF13B	0.339	0.848	<0.001	0.045	0.027	<0.001	<0.001	0.165	0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001
TGM2	0.663	0.028	<0.001	0.002	0.217	<0.001	0.01	0.004	0.626	0.043	0.016	0.011	0.737
LEP	0.286	0.867	<0.001	0.114	<0.001	0.516	0.903	0.087	<0.001	0.025	0.005	<0.001	0.004
CA5A	0.364	0.996	0.116	0.79	<0.001	<0.001	<0.001	0.903	0.054	0.635	0.217	<0.001	0.626
HSP27	0.808	0.311	0.233	<0.001	0.887	0.155	0.701	0.001	0.325	0.409	0.002	0.112	0.606
CD4	0.361	<0.001	0.784	<0.001	0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.017	0.303	<0.001	<0.001	0.612
NEMO	0.958	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.728	0.164	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	0.904	0.11
VEGFD	0.569	<0.001	<0.001	0.401	<0.001	0.015	<0.001	0.271	<0.001	<0.001	0.009	0.004	0.003
PARP1	0.751	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.816	0.471	<0.001	<0.001	0.034	<0.001	0.508	0.12
HAOX1	0.184	0.797	0.803	0.436	<0.001	<0.001	<0.001	0.345	0.041	0.518	0.201	0.014	0.972
TNFRSF14	0.919	<0.001	0.881	<0.001	0.025	0.021	0.015	<0.001	0.009	0.57	<0.001	0.002	0.385
LDL_RC	0.098	0.9	0.007	0.111	0.707	<0.001	<0.001	0.145	0.038	0.711	0.373	<0.001	0.007
ITGB2	0.273	<0.001	0.006	<0.001	0.858	0.207	0.254	<0.001	0.682	0.464	0.012	<0.001	0.043
IL17RA	0.219	<0.001	0.813	<0.001	0.371	0.114	0.481	<0.001	0.303	0.398	<0.001	0.886	0.129
TNFR2	0.443	0.688	<0.001	0.002	0.141	<0.001	<0.001	0.002	0.413	0.027	0.056	<0.001	0.763
MMP9	0.789	0.186	0.384	<0.001	0.014	0.008	0.588	<0.001	0.045	0.922	0.008	0.007	0.059
EPHB4	0.437	<0.001	<0.001	0.03	0.302	<0.001	0.002	0.245	0.022	0.019	0.78	0.019	0.069
IL2RA	0.845	0.834	0.004	0.154	0.264	<0.001	0.105	0.145	0.264	0.075	0.724	<0.001	0.143
ALCAM	0.436	0.002	<0.001	0.472	<0.001	0.107	0.013	0.653	<0.001	0.009	0.11	<0.001	0.058
SELP	0.972	<0.001	0.005	<0.001	0.012	0.375	0.288	<0.001	0.008	0.078	<0.001	0.197	0.375
CSTB	0.647	<0.001	0.3	<0.001	0.033	0.035	0.109	<0.001	0.002	0.231	<0.001	0.014	0.217
CD163	0.355	0.284	<0.001	0.808	0.008	<0.001	0.011	0.694	0.482	0.028	0.007	<0.001	0.702
GRN	0.242	0.138	<0.001	0.78	0.086	0.039	0.057	0.417	<0.001	0.159	0.184	<0.001	0.547
NTPROBNP	0.5	0.063	0.011	0.098	<0.001	0.011	0.97	0.138	0.008	0.319	0.802	0.151	0.299
PLC	0.115	0.004	<0.001	0.653	0.121	<0.001	<0.001	0.974	<0.001	<0.001	0.371	<0.001	0.094
LTBR	0.84	0.749	<0.001	0.085	0.317	0.002	0.02	0.027	0.085	0.081	0.003	0.021	0.628
NOTCH3	0.068	<0.001	<0.001	0.076	<0.001	0.126	0.101	0.165	<0.001	0.093	0.753	<0.001	0.553
TIMP4	0.318	0.026	<0.001	0.222	<0.001	0.048	0.005	0.735	<0.001	0.037	0.298	0.003	0.003
CNTN1	0.366	0.001	<0.001	0.299	<0.001	0.534	0.031	0.485	<0.001	0.007	0.551	<0.001	0.005
CDH5	0.021	<0.001	<0.001	0.041	0.033	0.001	0.278	0.209	<0.001	0.138	0.19	0.001	0.218
TLT2	0.949	<0.001	0.324	<0.001	0.942	0.554	0.438	<0.001	0.527	0.359	<0.001	0.02	0.441
FABP4	0.506	0.487	<0.001	0.306	<0.001	0.019	0.011	0.18	<0.001	0.003	0.014	<0.001	0.016
TFPI	0.4	0.068	0.384	0.002	0.564	0.116	0.001	0.004	0.005	0.905	<0.001	0.03	0.019
PAI	0.592	<0.001	0.438	<0.001	0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.191	0.56	<0.001	<0.001	0.626
CCL24	0.39	0.363	0.998	0.014	0.644	0.312	0.008	0.021	0.422	0.915	0.442	0.029	0.549
TR	0.735	0.265	<0.001	0.001	0.107	0.046	0.095	0.004	0.079	0.996	0.011	0.005	0.226
TNFRSF10C	0.109	0.76	0.9	0.209	0.121	0.69	0.441	0.158	0.488	0.438	0.073	0.746	0.783
GDF15	0.943	0.028	<0.001	0.64	0.012	<0.001	0.001	0.75	0.878	0.009	0.764	0.004	0.944
SELE	0.063	0.241	<0.001	0.409	<0.001	<0.001	0.002	0.244	0.901	0.831	0.12	<0.001	0.378
DLK1	0.061	0.316	<0.001	0.258	0.098	<0.001	<0.001	0.276	<0.001	0.01	0.177	0.117	0.076
MPO	0.534	<0.001	0.623	<0.001	0.099	0.115	0.257	<0.001	0.095	0.47	<0.001	0.002	0.288
CXCL16	0.914	0.007	<0.001	0.644	0.002	<0.001	0.018	0.299	<0.001	0.104	0.001	0.044	0.133
IL6RA	0.022	0.005	0.001	0.264	0.4	0.166	0.014	0.286	0.002	0.019	0.603	0.007	<0.001
RETN	0.494	0.001	0.34	<0.001	0.856	0.202	0.03	<0.001	0.078	0.468	0.002	0.002	0.93
IGFBP1	0.899	0.186	0.279	0.148	<0.001	<0.001	0.157	0.199	<0.001	<0.001	0.035	0.502	0.002
CHIT1	0.523	0.134	0.471	0.042	0.376	0.108	0.121	0.088	0.786	0.158	0.004	0.005	0.992
TRAP	0.28	0.255	0.001	0.878	0.002	<0.001	<0.001	0.946	0.054	0.128	0.581	0.001	0.88
GP6	0.998	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	0.99	0.736	<0.001	0.001	0.035	<0.001	0.368	0.277
PSPD	0.012	0.201	0.002	0.95	0.328	<0.001	0.086	0.796	0.064	0.004	0.901	0.09	0.839
EPCAM	0.61	0.174	0.07	0.293	0.002	0.042	0.764	0.264	<0.001	<0.001	0.957	0.139	0.014
APN	0.389	0.001	<0.001	0.399	0.085	<0.001	<0.001	0.659	<0.001	0.451	0.426	0.001	0.523
AXL	0.357	<0.001	<0.001	0.084	0.093	<0.001	<0.001	0.246	0.001	<0.001	0.383	<0.001	0.038
IL1RT1	0.39	<0.001	<0.001	0.008	0.009	0.003	0.004	0.044	<0.001	0.007	0.924	0.017	0.078
MMP2	0.023	<0.001	<0.001	0.064	<0.001	0.018	0.075	0.113	<0.001	0.007	0.507	0.008	0.855
FAS	0.76	0.453	<0.001	0.009	0.411	<0.001	0.151	0.01	0.745	0.029	0.084	0.006	0.894
MB	0.224	0.658	<0.001	0.226	0.184	<0.001	<0.001	0.287	0.359	0.125	0.916	0.025	0.642
TNFSF13B	0.512	0.21	<0.001	0.618	<0.001	0.104	0.377	0.43	0.001	0.046	0.083	<0.001	0.911
PCSK9	0.38	0.487	0.008	0.012	0.001	<0.001	0.001	0.01	<0.001	0.023	<0.001	<0.001	0.287
UPAR	0.21	0.007	<0.001	<0.001	0.762	<0.001	0.028	<0.001	0.594	0.066	0.002	<0.001	0.257
OPN	0.323	0.019	<0.001	0.479	0.029	0.007	0.084	0.307	0.01	0.094	0.496	0.002	0.584
PGLYRP1	0.989	0.325	0.079	0.003	0.636	0.35	0.001	<0.001	0.174	0.397	0.147	<0.001	0.347
CPA1	0.882	0.112	<0.001	0.54	0.271	<0.001	0.003	0.945	0.008	0.148	0.186	0.048	0.022
JAMA	0.953	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	0.552	0.939	<0.001	0.001	0.061	<0.001	0.336	0.369
GAL4	0.236	0.771	<0.001	0.686	0.741	<0.001	0.015	0.25	0.022	<0.001	0.784	<0.001	0.011
IL1RT2	0.213	0.02	0.003	0.445	0.005	<0.001	0.003	0.926	0.037	0.241	0.157	0.001	0.896
SHPS1	0.449	0.81	<0.001	0.277	0.334	0.001	0.009	0.104	0.639	0.491	0.196	<0.001	0.646
CCL15	0.442	0.002	<0.001	0.509	0.587	0.01	<0.001	0.799	0.025	0.002	0.216	0.368	0.014

CASP3	0.813	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	0.747	0.54	<0.001	<0.001	0.045	<0.001	0.848	0.231
CPB1	0.627	0.078	<0.001	0.521	0.371	<0.001	0.001	0.8	0.022	0.095	0.101	0.001	0.012
CHI3L1	0.88	0.343	<0.001	0.891	0.002	<0.001	0.001	0.967	0.129	0.156	0.021	0.006	0.43
ST2	0.102	0.174	0.002	0.641	<0.001	<0.001	0.001	0.884	0.213	0.355	0.067	<0.001	0.343
TPA	0.128	0.082	0.698	0.973	<0.001	<0.001	0.049	0.605	0.143	0.665	0.084	0.009	0.806
SCGB3A2	0.721	0.101	0.539	0.067	<0.001	0.822	0.089	0.325	<0.001	0.021	0.023	0.169	0.356
EGFR	0.416	0.001	0.009	0.263	<0.001	0.214	0.114	0.54	<0.001	0.328	0.008	0.141	0.028
IGFBP7	0.127	0.001	<0.001	0.235	0.562	<0.001	<0.001	0.469	0.002	0.001	0.264	<0.001	0.273
CD93	0.288	<0.001	<0.001	0.281	0.007	<0.001	0.069	0.485	<0.001	0.006	0.454	0.025	0.258
IL18BP	0.371	<0.001	<0.001	0.118	0.347	<0.001	<0.001	0.157	0.309	<0.001	0.207	<0.001	0.269
COL1A1	0.707	0.027	<0.001	0.605	<0.001	0.115	0.212	0.44	<0.001	0.113	0.203	0.125	0.81
PON3	0.907	0.002	0.961	0.011	<0.001	<0.001	0.432	0.021	<0.001	0.162	<0.001	0.093	0.086
CTS2	0.342	0.738	0.001	0.193	0.21	<0.001	0.009	0.057	0.249	0.06	0.142	0.002	0.985
MMP3	0.696	0.001	<0.001	0.053	<0.001	<0.001	0.017	0.099	0.042	0.049	0.025	0.275	0.374
RARRES2	0.223	<0.001	0.016	<0.001	0.126	0.003	0.001	<0.001	0.091	0.209	<0.001	<0.001	0.151
ICAM2	0.807	0.088	<0.001	0.501	0.144	0.093	0.009	0.116	0.002	0.974	0.903	0.002	0.046
KLK6	0.723	0.001	0.042	0.008	0.049	0.321	0.003	0.042	<0.001	0.006	0.793	0.506	0.045
PDGFA	0.884	<0.001	0.373	<0.001	0.466	0.161	0.128	<0.001	0.341	0.232	<0.001	0.006	0.301
TNFR1	0.642	0.434	<0.001	0.025	0.858	<0.001	<0.001	0.008	0.496	0.013	0.011	<0.001	0.262
IGFBP2	0.315	0.005	0.03	0.198	<0.001	<0.001	0.018	0.069	<0.001	0.002	0.001	0.54	0.379
VWF	0.429	0.025	0.009	0.124	0.428	0.004	0.002	0.259	0.171	0.039	0.795	<0.001	0.426
PECAM1	0.593	<0.001	0.001	<0.001	0.014	0.977	0.728	<0.001	0.003	0.047	<0.001	0.118	0.192
MEPE	0.078	0.259	<0.001	0.669	0.591	0.001	0.01	0.856	0.119	0.076	0.841	0.387	0.006
CCL16	0.467	0.127	0.003	0.641	0.006	<0.001	0.002	0.871	0.345	0.002	0.92	<0.001	0.527
IL8	0.54	<0.001	0.473	<0.001	0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.141	0.533	<0.001	<0.001	0.355
VEGFA	0.976	<0.001	<0.001	<0.001	0.981	<0.001	<0.001	<0.001	0.827	0.238	<0.001	<0.001	0.278
CD8A	0.916	0.168	0.006	0.584	0.447	0.026	0.018	0.894	0.144	0.022	0.13	<0.001	0.245
MCP3	0.567	<0.001	0.027	<0.001	0.111	<0.001	0.01	<0.001	0.055	0.23	<0.001	<0.001	0.732
CDCP1	0.159	0.768	<0.001	0.535	0.228	<0.001	0.011	0.744	0.756	<0.001	0.297	<0.001	0.443
CD244	0.377	<0.001	0.057	<0.001	0.002	0.972	0.532	<0.001	0.004	0.134	<0.001	0.004	0.449
IL7	0.499	<0.001	0.123	<0.001	0.294	0.851	0.423	<0.001	0.082	0.122	<0.001	0.002	0.811
OPG	0.508	0.012	<0.001	0.908	0.054	<0.001	0.013	0.665	<0.001	0.031	0.983	<0.001	0.289
LAP_TGFB1	0.825	<0.001	0.968	<0.001	0.069	0.015	0.017	<0.001	0.072	0.681	<0.001	0.001	0.967
UPA	0.135	0.106	<0.001	0.365	0.008	0.032	0.003	0.5	<0.001	0.01	0.029	<0.001	0.016
IL6	0.111	0.215	<0.001	0.694	0.011	<0.001	0.053	0.878	0.078	0.191	0.628	<0.001	0.136
MCP1	0.957	0.527	<0.001	<0.001	0.451	<0.001	<0.001	<0.001	0.622	0.002	0.003	<0.001	0.142
CXCL11	0.536	<0.001	0.116	<0.001	0.005	0.942	0.424	<0.001	0.001	0.125	<0.001	0.005	0.528
AXIN1	0.889	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.656	0.074	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.913	0.266
TRAIL	0.047	0.041	<0.001	0.861	0.009	0.159	0.013	0.41	0.002	<0.001	0.007	<0.001	<0.001
CXCL9	0.481	0.997	0.003	0.418	0.453	0.013	0.006	0.604	1	0.004	0.826	<0.001	0.006
CST5	0.017	<0.001	<0.001	0.037	0.001	0.013	0.005	0.033	<0.001	<0.001	0.484	<0.001	0.001
OSM	0.777	<0.001	0.601	<0.001	<0.001	0.001	0.679	<0.001	<0.001	0.511	<0.001	0.009	0.082
CXCL1	0.974	<0.001	<0.001	<0.001	0.033	0.606	0.551	<0.001	0.01	0.021	<0.001	0.844	0.892
CCL4	0.779	<0.001	0.091	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	0.968	<0.001	<0.001	0.67
CD6	0.139	<0.001	0.189	<0.001	0.034	0.296	0.027	<0.001	0.023	0.381	<0.001	0.004	0.251
TGFA	0.936	0.409	<0.001	<0.001	0.286	<0.001	<0.001	<0.001	0.987	0.065	0.043	<0.001	0.556
MCP4	0.659	<0.001	0.768	<0.001	0.105	0.226	0.018	<0.001	0.207	0.202	<0.001	0.015	0.743
CCL11	0.866	<0.001	0.126	<0.001	0.338	0.001	0.021	<0.001	0.303	0.065	<0.001	0.001	0.639
TNFSF14	0.766	<0.001	0.085	<0.001	0.001	0.262	0.283	<0.001	0.001	0.106	<0.001	0.04	0.479
MMP1	0.908	<0.001	0.914	<0.001	0.137	0.003	0.043	<0.001	0.51	0.961	<0.001	0.158	0.943
LIFR	0.164	<0.001	<0.001	0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.001	0.09	<0.001	0.012
FGF21	0.665	0.634	0.002	0.96	0.003	<0.001	<0.001	0.774	0.131	0.283	0.737	0.009	0.013
CCL19	0.164	0.272	0.101	0.05	0.169	0.019	0.005	0.051	0.6	0.749	0.63	<0.001	0.837
IL15RA	0.833	0.19	<0.001	0.723	0.328	<0.001	<0.001	0.535	0.45	<0.001	0.209	<0.001	0.011
IL10RB	0.091	<0.001	<0.001	0.112	0.185	<0.001	<0.001	0.22	0.017	<0.001	0.522	<0.001	<0.001
IL18R1	0.022	0.67	0.004	0.018	0.063	0.004	0.1	0.01	0.125	0.713	0.967	<0.001	0.986
PDL1	0.126	<0.001	0.611	<0.001	<0.001	0.037	0.13	<0.001	<0.001	0.432	<0.001	0.005	0.375
CXCL5	0.996	<0.001	0.079	<0.001	0.565	0.339	0.774	<0.001	0.214	0.013	<0.001	0.795	0.542
TRANCE	0.034	0.966	<0.001	0.086	0.35	0.024	<0.001	0.202	0.172	0.09	0.276	<0.001	0.013
HGF	0.806	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	0.028	0.623	<0.001	<0.001	0.997
IL12B	0.331	0.363	<0.001	0.069	0.492	0.037	<0.001	0.47	0.027	0.039	0.886	<0.001	0.138
MMP10	0.426	0.108	<0.001	0.933	0.928	<0.001	0.237	0.507	0.604	0.096	0.982	0.001	0.722
IL10	0.404	0.002	<0.001	0.101	0.629	0.009	0.005	0.074	0.889	0.025	0.224	<0.001	0.043
TNF	0.434	0.394	<0.001	0.002	0.422	<0.001	0.001	0.006	0.92	0.001	0.106	<0.001	0.005
CCL23	0.539	0.454	<0.001	<0.001	0.578	0.035	<0.001	<0.001	0.051	0.113	<0.001	<0.001	0.002
CD5	0.515	<0.001	0.009	<0.001	0.001	0.306	0.172	<0.001	<0.001	0.198	<0.001	0.05	0.3
CCL3	0.263	<0.001	0.037	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.6	<0.001	<0.001	0.111
FLT3L	0.622	0.279	<0.001	0.858	0.246	<0.001	0.001	0.925	<0.001	<0.001	0.338	0.017	0.053
CXCL6	0.539	<0.001	0.018	<0.001	0.033	0.948	0.037	<0.001	0.02	0.025	<0.001	0.123	0.55
CXCL10	0.536	<0.001	0.002	<0.001	0.002	0.001	0.001	<0.001	0.233	0.529	0.009	<0.001	0.193

4EBP1	0.72	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.172	0.703	<0.001	<0.001	0.021	<0.001	0.459	0.174
SIRT2	0.893	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.658	0.5	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	0.726	0.399
CCL28	0.591	0.001	<0.001	<0.001	0.828	0.412	0.428	<0.001	0.325	0.58	0.021	0.001	0.218
DNER	0.312	0.005	<0.001	0.427	0.008	0.003	0.03	0.213	<0.001	0.001	0.302	0.059	0.059
ENRAGE	0.456	<0.001	0.605	<0.001	0.001	0.06	0.163	<0.001	0.004	0.695	<0.001	0.009	0.297
CD40	0.485	<0.001	0.001	<0.001	0.006	0.972	0.55	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	0.221	0.242
IFNG	0.259	0.281	0.003	0.499	0.068	0.005	0.033	0.512	0.535	0.047	0.467	<0.001	0.26
FGF19	0.77	0.141	0.003	0.737	0.58	0.006	<0.001	0.906	0.01	0.532	0.214	0.002	0.248
MCP2	0.382	<0.001	0.905	<0.001	0.356	0.101	0.094	<0.001	0.035	0.913	<0.001	<0.001	0.649
CASP8	0.83	<0.001	0.017	<0.001	<0.001	0.443	0.263	<0.001	<0.001	0.098	<0.001	0.752	0.225
CCL25	0.541	0.013	<0.001	0.3	0.011	0.004	0.001	0.377	<0.001	<0.001	0.656	<0.001	<0.001
CX3CL1	0.514	<0.001	<0.001	0.202	0.002	<0.001	<0.001	0.52	<0.001	<0.001	0.991	<0.001	<0.001
TNFRSF9	0.767	0.432	<0.001	0.118	0.609	<0.001	<0.001	0.431	0.7	<0.001	0.537	<0.001	0.056
NT3	0.061	0.098	<0.001	0.091	<0.001	0.017	0.032	0.057	0.082	0.06	0.008	0.006	0.062
TWEAK	0.824	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	0.036	0.236	<0.001	0.001	0.269	<0.001	0.003	0.077
CCL20	0.288	0.001	0.008	<0.001	0.431	<0.001	0.031	<0.001	0.578	0.004	0.131	<0.001	0.029
ST1A1	0.523	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.796	0.508	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	0.763	0.083
STAMBP	0.947	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.873	0.32	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	0.862	0.214
ADA	0.211	<0.001	0.121	<0.001	0.001	0.28	0.537	<0.001	0.003	0.348	<0.001	0.041	0.671
TNFB	0.11	0.045	<0.001	0.691	<0.001	0.642	0.101	0.856	0.014	0.028	0.272	<0.001	0.072
CSF1	0.574	0.001	<0.001	0.598	0.02	0.001	0.036	0.532	0.003	0.002	0.1	<0.001	0.064
Age	0.478	0.08	0.001	0.004	0.513	0.198	0.495	0.028	0.275	0.291	0.125	0.051	0.845
Body mass index	0.389	0.357	0.003	0.091	0.022	<0.001	0.209	0.027	0.002	0.088	0.549	0.001	0.228
Waist circumference	0.204	0.575	0.016	0.287	<0.001	<0.001	0.383	0.192	<0.001	0.358	0.014	0.005	0.319
Educational attainment	0.466	0.188	0.212	0.083	<0.001	0.113	0.11	0.188	0.052	0.862	0.005	0.69	0.204
Alcohol consumption	0.273	0.23	0.218	0.908	<0.001	<0.001	0.019	0.734	0.124	0.735	0.171	0.333	0.864
Systolic blood pressure	0.81	0.176	0.58	0.243	<0.001	0.024	0.475	0.293	<0.001	0.168	0.106	0.127	0.369
Diastolic blood pressure	0.711	0.351	0.8	0.353	<0.001	<0.001	0.08	0.486	<0.001	0.099	0.38	0.706	0.345
Hemoglobin A1c	0.506	0.655	0.104	0.253	0.083	0.079	0.345	0.748	0.912	0.292	0.788	0.002	0.764
Duration of known diabetes	0.597	0.727	0.107	0.374	0.014	0.064	0.133	0.339	0.095	0.254	0.608	0.134	0.006
High-density lipoprotein	0.57	0.051	0.074	0.235	<0.001	<0.001	0.103	0.753	<0.001	0.003	<0.001	0.13	0.084
Low-density lipoprotein	0.747	0.188	0.128	0.369	0.263	0.691	0.158	0.812	0.138	0.686	0.018	0.161	0.064
Triglycerides	0.067	0.305	0.569	0.348	<0.001	<0.001	<0.001	0.44	0.003	0.33	0.062	<0.001	0.08
Albumin	0.335	0.121	0.202	0.589	<0.001	0.554	0.14	0.224	0.369	0.034	0.135	0.913	0.908
Fibrinogen	0.809	0.678	0.572	0.253	0.173	0.48	0.024	0.614	0.216	0.843	0.019	<0.001	0.156
C-reactive protein	0.748	0.221	0.811	0.01	0.005	0.005	0.239	0.006	0.006	0.732	0.005	<0.001	0.672
Serum amyloid A	0.404	0.299	0.473	0.963	0.697	0.129	0.605	0.31	0.993	0.059	0.009	0.014	0.023
Leucocyte count	0.765	0.066	0.114	0.523	<0.001	<0.001	0.783	0.677	<0.001	0.079	<0.001	0.977	0.004
Serum adiponectin	0.738	0.041	0.025	0.017	<0.001	0.017	0.665	0.004	<0.001	0.121	0.515	0.73	0.161
Uric acid	0.031	0.652	0.726	0.742	<0.001	<0.001	<0.001	0.438	<0.001	0.2	0.01	0.001	0.564
Creatinine	0.237	0.873	0.064	0.552	<0.001	<0.001	<0.001	0.843	<0.001	0.885	0.255	0.805	0.914
Rényi4, baseline	0.559	0.447	0.319	0.264	0.513	0.838	0.391	0.239	0.853	0.8	0.398	0.034	0.042
TP, baseline	0.65	0.708	0.131	0.558	0.606	0.778	0.153	0.384	0.366	0.198	0.905	0.028	0.097
SDWS, baseline	0.878	0.303	0.531	0.124	0.873	0.708	0.335	0.093	0.865	0.345	0.627	0.188	0.078
SDSA, baseline	0.583	0.279	0.467	0.625	0.546	0.809	0.102	0.496	0.361	0.79	0.942	0.057	0.175
CE, baseline	0.407	0.507	0.344	0.985	0.761	0.691	0.206	0.805	0.584	0.502	0.798	0.03	0.035
Rényi4, follow-up	0.06	0.844	0.143	0.294	0.674	0.033	0.011	0.637	0.477	0.942	0.54	0.057	0.977
TP, follow-up	0.133	0.798	0.027	0.87	0.365	0.027	0.035	0.695	0.629	0.264	0.871	0.016	0.65
SDWS, follow-up	0.012	0.795	0.186	0.133	0.45	0.304	0.121	0.365	0.994	0.432	0.311	0.169	0.922
SDSA, follow-up	0.403	0.469	0.11	0.186	0.112	0.008	0.006	0.308	0.904	0.589	0.207	0.025	0.356
CE, follow-up	0.238	0.472	0.025	0.125	0.162	0.009	0.016	0.207	0.68	0.533	0.142	0.026	0.621

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	MMP12	ACE2	PDL2	CTSL1	HOSCAR	TNFRSF	TGM2	LEP	CA5A	HSP27	CD4	NEMO	VEGFD
BMP6	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.2	0.5	0.7	-0.1
ANGPT1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.4	0.6	<0.1
ADM	0.3	0.2	0.3	0.4	0.4	0.4	0.2	0.4	0.2	<0.1	0.1	-0.2	0.3
CD40L	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.9	-0.2
PGF	0.3	0.3	0.4	0.5	0.5	0.5	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.2	0.3
ADAMTS13	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2
BOC	0.1	0.1	0.4	0.4	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.3	0.4
IL4RA	0.2	0.2	0.4	0.4	0.4	0.3	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.4
SRC	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.1	0.4	<0.1
IL1RA	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	-0.2	0.6	0.5	-0.1
TNFRSF10A	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.4	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.4	0.1	0.1
STK4	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.9	-0.2
IDUA	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.4	0.4	<0.1
TNFRSF11A	0.3	0.2	0.4	0.5	0.5	0.4	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.2
PAR1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.8	-0.1
TRAILR2	0.4	0.3	0.3	0.5	0.5	0.5	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.4	<0.1	0.2
PRSS27	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2
TIE2	0.2	0.3	0.4	0.4	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	0.3
TF	0.1	0.1	0.4	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.4
IL1RL2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
PDGFB	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.7	<0.1
IL27	0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.2
IL17D	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.3
LOX1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.1
GAL9	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.6	0.4	-0.1
GIF	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.3
SCF	0.1	-0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	-0.2	-0.2	0.2
IL18	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.3	0.2	<0.1
PLGR	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.3
RAGE	0.1	-0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.2	-0.2	<0.1	-0.1	-0.3	0.5
SOD2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.5	<0.1
CTRC	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
FGF23	0.3	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	0.1
SPON2	0.3	0.2	0.4	0.5	0.4	0.4	0.1	0.4	0.1	0.1	<0.1	-0.4	0.4
GH	-0.1	-0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.2	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.2
FS	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.2
GLO1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.9	-0.2
CD84	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.5	0.8	-0.1
SERPINA12	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1
REN	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
DECR1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.9	-0.2
MERTK	0.1	0.1	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.3	0.3
KIM1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.3
THBS2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	-0.1	0.1	-0.2	0.2
TM	0.2	0.2	0.4	0.5	0.5	0.4	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.3	<0.1	0.3
VSIG2	0.3	0.2	0.4	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.3
AMBP	0.2	0.2	0.3	0.3	0.4	0.3	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	-0.2	0.2
PRELP	0.3	0.2	0.4	0.4	0.4	0.4	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.3
HO1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.3	<0.1	0.4	0.1	<0.1
XCL1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.4	0.4	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1
IL16	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.6	0.8	-0.1
SORT1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	-0.2	0.5	0.6	<0.1
CEACAM8	0.3	0.2	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.2	-0.1	0.4	0.2	0.1
PTX3	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	0.2
PSGL1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	<0.1
CCL17	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.4	0.6	-0.1
MMP7	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.2
IGGFC	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ITGB1BP2	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.9	-0.2
DCN	0.2	0.3	0.4	0.5	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.4
DKK1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.2	0.5	0.7	<0.1
LPL	0.1	-0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.4	-0.3	<0.1	-0.2	-0.2	0.3
PRSS8	0.2	0.5	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.1
AGRP	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.4	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	-0.1	0.2
HBEGF	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.5	0.7	-0.1

GDF2	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.5
FABP2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.3
THPO	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.4	0.1
MARCO	0.2	0.2	0.4	0.4	0.3	0.4	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1
GT	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
MMP12	1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.4	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1
ACE2	0.1	1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.4	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
PDL2	0.2	0.1	1	0.4	0.4	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.3
CTSL1	0.3	0.2	0.4	1	0.5	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.2	0.3
HOSCAR	0.3	0.2	0.4	0.5	1	0.3	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.2
TNFRSF13B	0.4	0.1	0.3	0.3	0.3	1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.2
TGM2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
LEP	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
CA5A	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1
HSP27	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	1	-0.2	<0.1	0.1
CD4	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	-0.2	1	0.5	<0.1
NEMO	<0.1	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	1	-0.3
VEGFD	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.3	1
PARP1	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.6	0.8	-0.2
HAOX1	-0.1	0.5	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.5	<0.1	0.1	<0.1	-0.1
TNFRSF14	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.5	0.5	-0.1
LDL_RC	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
ITGB2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1
IL17RA	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	0.3	0.3	-0.1
TNFR2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.4	0.4	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.3	<0.1	0.1
MMP9	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1
EPHB4	0.1	0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.3	0.2
IL2RA	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
ALCAM	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.3
SELP	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.8	-0.2
CSTB	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.6	0.6	-0.2
CD163	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	<0.1
GRN	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2
NTPROBNP	0.2	-0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2
PLC	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.4	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.2
LTBR	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	-0.2	0.2	-0.1	0.2
NOTCH3	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.3	0.3
TIMP4	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2
CNTN1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.3
CDH5	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.3	0.2
TLT2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.4	<0.1
FABP4	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.7	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1
TFPI	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
PAI	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.5	0.5	-0.1
CCL24	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
TR	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
TNFRSF10C	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
GDF15	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1
SELE	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
DLK1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2
MPO	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.4	0.4	-0.1
CXCL16	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.2
IL6RA	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1
RETN	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1
IGFBP1	0.1	-0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	-0.1	0.2
CHIT1	0.3	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
TRAP	0.1	0.4	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1
GP6	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.9	-0.2
PSPD	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2
EPCAM	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2
APN	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1
AXL	0.1	0.2	0.4	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.1
IL1RT1	0.1	0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.3	0.3
MMP2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.4
FAS	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1
MB	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
TNFSF13B	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2
PCSK9	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
UPAR	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1
OPN	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1

PGLYRP1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1
CPA1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
JAMA	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.8	-0.2
GAL4	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1
IL1RT2	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1
SHPS1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1
CCL15	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.2
CASP3	<0.1	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.9	-0.2
CPB1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
CH13L1	0.2	0.4	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1
ST2	<0.1	0.4	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
TPA	0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1
SCGB3A2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2
EGFR	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.3
IGFBP7	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.2
CD93	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2	0.3
IL18BP	0.3	0.2	0.4	0.3	0.4	0.3	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.2	0.1
COL1A1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2
PON3	<0.1	-0.3	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.3	<0.1	-0.2	-0.2	0.2
CTSZ	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.1
MMP3	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.4	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
RARRES2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1
ICAM2	0.1	0.1	0.5	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2
KLK6	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.2
PDGFA	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.4	0.6	-0.1
TNFR1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.3	-0.1	0.1
IGFBP2	0.2	-0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.3	-0.2	-0.1	<0.1	-0.2	0.3
VWF	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1
PECAM1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.7	-0.2
MEPE	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1
CCL16	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1
IL8	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.5	0.4	-0.1
VEGFA	0.3	0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.3	<0.1
CD8A	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1
MCP3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.3	-0.1
CDCP1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2	<0.1	<0.1
CD244	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.5	0.7	-0.2
IL7	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.6	-0.1
OPG	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.2
LAP_TGFB1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.2	0.5	0.7	-0.1
UPA	0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2
IL6	0.3	0.3	0.2	0.4	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	-0.1	<0.1
MCP1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
CXCL11	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.5	0.7	-0.2
AXIN1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	1	-0.3
TRAIL	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1
CXCL9	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	<0.1	-0.1
CST5	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.2
OSM	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	-0.1
CXCL1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.8	-0.2
CCL4	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.4	0.4	-0.2
CD6	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.6	0.5	<0.1
TGFA	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.3	<0.1	<0.1
MCP4	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.6	-0.1
CCL11	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1
TNFSF14	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.6	0.7	-0.2
MMP1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.5	<0.1
LIFR	0.1	0.3	0.5	0.4	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.4	0.2
FGF21	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.1
CCL19	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1
IL15RA	0.2	0.2	0.4	0.3	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.1
IL10RB	0.2	0.2	0.4	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	-0.3	0.1
IL18R1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	-0.1	0.2	<0.1	-0.1
PDL1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	-0.2	0.5	0.6	-0.1
CXCL5	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.5	0.7	-0.1
TRANCE	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1
HGF	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	-0.1	0.4	0.3	-0.1
IL12B	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	0.3	0.1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1
MMP10	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2
IL10	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.2	<0.1

TNF	0.3	0.2	0.3	0.3	0.4	0.3	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.3	<0.1	<0.1
CCL23	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1
CD5	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.6	0.6	-0.1
CCL3	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	-0.1	0.5	0.3	-0.1
FLT3L	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2
CXCL6	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.7	-0.2
CXCL10	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	-0.1
4EBP1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.5	0.9	-0.2
SIRT2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.9	-0.2
CCL28	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1
DNER	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.3
ENRAGE	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.4	0.3	-0.1
CD40	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.5	0.9	-0.2
IFNG	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	-0.1	-0.1
FGF19	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1
MCP2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.4	-0.1
CASP8	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.6	0.8	-0.2
CCL25	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2
CX3CL1	0.1	<0.1	0.4	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.2	0.2
TNFRSF9	0.4	0.1	0.3	0.3	0.3	0.5	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	-0.1	0.1
NT3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
TWEAK	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.1	0.2	0.2
CCL20	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1
ST1A1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.9	-0.2
STAMBP	<0.1	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.9	-0.2
ADA	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.6	0.7	-0.1
TNFB	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1
CSF1	0.3	0.1	0.3	0.5	0.4	0.3	0.1	0.3	0.1	-0.1	0.1	-0.2	0.2
Age	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	-0.1
Body mass index	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.5	0.3	<0.1	0.2	0.1	-0.2
Waist circumference	0.1	0.4	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.4	<0.1	0.2	0.1	-0.2
Educational attainment	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Alcohol consumption	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
Systolic blood pressure	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.1
Diastolic blood pressure	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.2
Hemoglobin A1c	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
Duration of known diabetes	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
High-density lipoprotein	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.2	-0.2	0.2
Low-density lipoprotein	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1
Triglycerides	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	-0.1
Albumin	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.2
Fibrinogen	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1
C-reactive protein	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.1	<0.1
Serum amyloid A	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
Leucocyte count	<0.1	-0.3	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	-0.3	-0.1	-0.1	-0.2	0.3
Serum adiponectin	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1
Uric acid	0.1	0.4	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.2	0.3	<0.1	0.2	0.1	-0.2
Creatinine	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.3	0.3	<0.1	0.2	0.1	-0.1
Rényi4, baseline	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
TP, baseline	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
SDWS, baseline	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDSA, baseline	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1
CE, baseline	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Rényi4, follow-up	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TP, follow-up	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDWS, follow-up	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDSA, follow-up	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CE, follow-up	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	MMP12	ACE2	PDL2	CTSL1	HOSCAR	TNFRSF	TGM2	LEP	CA5A	HSP27	CD4	NEMO	VEGFD
BMP6	1	0.002	1	1	1	0.009	0.256	1	0.05	0.001	<0.001	<0.001	1
ANGPT1	1	1	1	1	1	1	0.655	1	1	0.011	<0.001	<0.001	1

ADM	<0.001	0.042	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	0.045	1	0.532	0.001	<0.001
CD40L	1	1	0.642	0.952	1	1	0.335	1	1	0.923	<0.001	<0.001	0.03
PGF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.014	1	0.021	0.009	<0.001
ADAMTS13	1	0.157	0.003	0.114	0.009	1	1	0.001	0.687	1	1	0.282	<0.001
BOC	1	0.379	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	1	1	1	1	<0.001	<0.001
IL4RA	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.066	1	1	1	1	<0.001	<0.001
SRC	1	1	1	1	1	1	1	1	1	<0.001	1	<0.001	1
IL1RA	0.102	<0.001	1	0.003	<0.001	0.004	0.009	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.518
TNFRSF10A	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.333	<0.001	0.093	0.75	<0.001	0.181	0.295
STK4	1	1	0.394	0.013	1	1	1	1	1	0.061	<0.001	<0.001	0.021
IDUA	1	<0.001	1	0.791	1	1	0.585	0.698	1	0.43	<0.001	<0.001	1
TNFRSF11A	<0.001	0.058	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.103	1	0.024	0.377	<0.001
PAR1	1	1	1	1	1	1	0.026	1	1	0.724	<0.001	<0.001	0.099
TRAILR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	0.12	0.002	0.165	<0.001	1	0.004
PRSS27	0.646	1	0.004	<0.001	0.047	0.003	0.019	1	1	0.223	0.171	0.063	0.062
TIE2	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.373	1	1	1	<0.001	<0.001
TF	1	0.107	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	0.26	1	1	1	0.003	<0.001
IL1RL2	0.426	1	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	1	1	0.025
PDGFB	0.858	1	1	1	1	1	0.173	1	1	0.108	<0.001	<0.001	1
IL27	0.164	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1	<0.001	0.054
IL17D	0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.029	1	1	1	1	<0.001
LOX1	<0.001	0.003	0.177	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.58	0.729	<0.001	<0.001	0.452
GAL9	0.005	0.392	0.33	<0.001	<0.001	<0.001	0.101	0.094	<0.001	0.131	<0.001	<0.001	0.584
GIF	1	0.659	0.309	1	1	0.012	0.685	0.951	1	1	1	1	<0.001
SCF	1	<0.001	<0.001	0.002	0.179	1	1	1	0.054	1	0.02	0.006	0.001
IL18	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	1	<0.001	0.05	1
PLGR	<0.001	1	0.002	<0.001	<0.001	0.003	0.346	0.231	1	1	1	0.006	<0.001
RAGE	0.23	0.9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.006	0.061	1	1	<0.001	<0.001
SOD2	1	1	1	1	1	0.855	0.092	1	0.469	0.048	<0.001	<0.001	1
CTRC	1	0.543	0.014	<0.001	0.153	0.019	1	0.047	1	1	1	1	0.001
FGF23	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.388	<0.001	1	1	1	0.005	0.166
SPON2	<0.001	0.065	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.618	1	1	<0.001	<0.001
GH	1	<0.001	1	1	1	1	0.003	<0.001	0.004	1	0.111	0.092	<0.001
FS	<0.001	0.009	0.323	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.003	1	1	1	0.021	0.004
GLO1	1	1	0.01	0.006	1	1	1	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001
CD84	1	1	1	1	1	1	0.294	1	1	0.011	<0.001	<0.001	0.607
SERPINA12	1	1	1	1	1	1	1	<0.001	1	1	1	1	0.624
REN	0.118	<0.001	0.044	0.001	0.021	0.014	<0.001	1	0.028	1	1	1	1
DECR1	1	1	0.007	0.003	0.528	1	1	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001
MERTK	0.247	0.433	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.069	0.172	1	1	1	<0.001	<0.001
KIM1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.001	0.008	0.108	0.074	0.003	1	0.975	1	<0.001
THBS2	0.342	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.613	<0.001	0.003	1	1	0.015	<0.001
TM	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.026	0.79	<0.001	1	<0.001
VSIG2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.007	0.541	1	1	0.001	<0.001
AMBP	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.513	<0.001	0.014	1	1	0.007	<0.001
PRELP	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.064	<0.001	1	1	0.014	0.395	<0.001
HO1	1	<0.001	0.043	<0.001	0.002	0.059	0.008	1	<0.001	1	<0.001	0.388	1
XCCL1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.17	0.206	<0.001	1	0.196
IL16	1	1	0.438	1	1	1	0.499	1	1	0.334	<0.001	<0.001	0.668
SORT1	0.035	0.007	1	0.002	0.075	0.02	0.005	0.632	0.135	0.001	<0.001	<0.001	1
CEACAM8	<0.001	<0.001	0.38	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.006	0.724	<0.001	0.001	0.921
PTX3	1	1	0.037	<0.001	0.011	0.004	0.003	1	1	1	1	0.035	0.012
PSGL1	1	<0.001	1	1	1	1	0.008	0.845	0.069	1	<0.001	<0.001	1
CCL17	0.016	1	1	1	1	0.114	0.021	1	1	0.219	<0.001	<0.001	1
MMP7	<0.001	0.086	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.212	0.001	1	1	0.027	1	0.001
IGGFC	1	1	0.445	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
ITGB1BP2	1	1	0.115	0.07	1	1	0.619	1	1	1	<0.001	<0.001	0.001
DCN	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001
DDK1	1	1	1	1	1	0.929	0.053	1	1	0.007	<0.001	<0.001	1
LPL	1	<0.001	0.138	0.455	0.369	0.605	1	<0.001	<0.001	1	0.03	0.03	<0.001
PRSS8	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.027	1	0.365
AGRP	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.257	1	0.011	1	<0.001	1	0.006
HBEGF	1	1	1	1	1	1	0.115	1	1	0.02	<0.001	<0.001	1
GDF2	0.881	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.038	1	<0.001	1	1	0.401	<0.001	<0.001
FABP2	0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.886	0.557	1	1	1	0.226	<0.001
THPO	0.759	1	1	0.003	0.044	0.174	0.376	0.124	1	0.067	<0.001	<0.001	0.23
MARCO	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.28	0.005	0.004	1	<0.001	1	0.114
GT	0.169	1	0.001	0.083	0.081	0.007	1	0.112	1	1	1	1	0.075
MMP12	<0.001	1	0.022	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	1	0.001	1	0.187
ACE2	0.052	<0.001	0.354	<0.001	0.012	0.475	0.025	1	<0.001	1	0.095	1	1

PDL2	0.001	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.828	0.332	1	1	0.498	0.008	<0.001
CTSL1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	0.133	0.002	1	0.01	0.003	<0.001
HOSCAR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.035	0.001	0.054	1	0.23	0.428	<0.001
TNFRSF13B	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.063	0.775	1	<0.001	1	<0.001
TGM2	0.062	0.001	0.039	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	0.178	1	1
LEP	0.066	0.566	0.014	0.005	<0.001	0.002	0.274	<0.001	1	1	1	1	1
CA5A	0.423	<0.001	0.149	<0.001	0.002	0.037	0.073	0.157	<0.001	1	0.002	1	0.271
HSP27	0.896	0.884	0.362	0.33	0.132	0.558	0.331	0.933	0.725	<0.001	0.003	1	1
CD4	<0.001	0.003	0.022	<0.001	0.009	<0.001	0.007	0.928	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
NEMO	0.76	0.872	<0.001	<0.001	0.018	0.139	0.112	0.481	0.554	0.518	<0.001	<0.001	<0.001
VEGFD	0.007	0.602	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.369	0.13	0.011	0.264	0.353	<0.001	<0.001
PARP1	0.303	0.307	<0.001	0.002	0.184	0.806	0.061	0.168	0.191	0.038	<0.001	<0.001	<0.001
HAOX1	0.1	<0.001	0.702	0.106	0.882	0.659	0.117	0.909	<0.001	0.763	0.008	0.54	0.068
TNFRSF14	0.005	0.525	0.025	0.082	0.015	<0.001	0.004	0.6	0.051	0.001	<0.001	<0.001	0.02
LDL_RC	0.272	0.001	0.017	0.072	0.012	0.022	0.033	<0.001	0.01	0.015	0.016	0.868	0.071
ITGB2	0.219	0.212	0.031	0.045	0.261	0.006	0.01	0.048	0.109	0.401	<0.001	0.002	0.581
IL17RA	0.316	0.822	0.234	0.307	0.736	0.034	0.083	0.075	0.609	0.002	<0.001	<0.001	0.258
TNFR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.167	<0.001	0.007	<0.001	0.775	0.136
MMP9	0.001	0.001	0.476	<0.001	<0.001	0.028	<0.001	0.602	0.2	0.154	0.002	0.212	0.656
EPHB4	0.005	0.098	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	0.841	0.777	0.149	0.444	<0.001	<0.001
IL2RA	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.927	0.125	0.533	0.003	0.611	0.255
ALCAM	0.004	0.884	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.871	<0.001	0.772	0.451	0.383	<0.001	<0.001
SELP	0.737	0.385	0.076	0.037	0.33	0.954	0.013	0.321	0.656	0.013	<0.001	<0.001	<0.001
CSTB	0.034	0.369	0.912	0.801	0.334	0.008	0.011	0.219	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
CD163	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.047	0.079	<0.001	0.81	0.001	0.488	0.498
GRN	<0.001	0.112	<0.001	0.001	0.001	<0.001	0.031	0.002	0.571	0.8	0.025	0.012	0.001
NTPROBNP	0.002	<0.001	0.146	0.667	0.109	0.014	0.071	<0.001	0.008	0.137	0.26	0.004	0.001
PLC	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.11	0.547	0.119	<0.001	<0.001
LTBR	0.002	0.186	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.464	0.094	0.002	0.002	0.177	0.002
NOTCH3	0.019	0.043	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	0.176	0.046	0.132	0.737	0.334	<0.001	<0.001
TIMP4	0.003	0.252	0.001	0.002	0.004	<0.001	0.08	<0.001	0.041	0.057	0.84	0.004	<0.001
CNTN1	0.339	0.569	<0.001	0.001	0.082	0.004	0.164	<0.001	0.038	0.484	0.015	<0.001	<0.001
CDH5	0.296	0.029	<0.001	0.001	0.001	<0.001	0.149	0.094	0.663	0.055	0.212	<0.001	<0.001
TLT2	0.03	0.02	0.063	0.735	0.003	0.001	0.06	0.368	0.568	0.004	<0.001	<0.001	0.777
FABP4	0.003	0.336	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.539	<0.001	0.129	0.822	0.138	0.135	0.016
TFPI	0.011	0.261	0.193	0.054	0.407	0.363	0.622	0.062	0.025	0.347	0.024	0.188	0.002
PAI	0.04	<0.001	0.862	0.11	0.449	0.041	<0.001	0.028	0.001	0.01	<0.001	<0.001	0.081
CCL24	0.106	0.201	0.912	0.08	0.347	0.087	0.24	0.089	0.979	0.329	0.008	0.231	0.606
TR	0.003	0.538	<0.001	<0.001	0.003	0.101	<0.001	0.002	0.094	0.171	0.234	0.943	0.344
TNFRSF10C	0.12	0.63	0.38	0.011	<0.001	0.184	0.689	0.099	0.55	0.612	0.631	0.33	0.478
GDF15	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.481	0.003	0.432	0.013	0.005	0.02
SELE	0.137	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.029	0.003	0.072	<0.001	0.82	0.004	0.562	0.486
DLK1	0.054	0.055	<0.001	<0.001	<0.001	0.266	0.249	0.003	0.101	0.719	0.204	0.12	0.001
MPO	0.03	0.084	0.864	0.276	0.826	0.021	0.405	0.613	0.094	0.006	<0.001	<0.001	0.201
CXCL16	0.032	0.074	<0.001	0.01	0.011	0.01	0.007	<0.001	0.428	0.632	0.365	0.002	<0.001
IL6RA	0.092	0.033	0.002	0.004	0.378	0.037	0.077	0.217	0.231	0.777	0.556	0.001	0.16
RETN	<0.001	0.975	0.056	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	0.021	0.164	0.002	<0.001	0.003	0.106
IGFBP1	0.004	<0.001	0.201	0.471	0.517	0.051	0.008	0.003	<0.001	0.815	0.164	0.003	<0.001
CHIT1	<0.001	0.298	0.007	<0.001	0.001	0.006	0.484	0.759	0.508	0.16	0.011	0.472	0.43
TRAP	0.273	<0.001	0.007	0.002	0.155	<0.001	0.002	0.225	0.002	0.309	0.003	0.529	0.019
GP6	0.988	0.884	0.024	0.001	0.151	0.482	0.059	0.293	0.782	0.253	<0.001	<0.001	<0.001
PSPD	0.004	0.404	0.066	0.095	0.124	0.033	0.091	0.626	0.562	0.714	0.104	0.026	<0.001
EPCAM	0.617	0.419	0.123	0.811	0.74	0.389	0.425	0.001	0.126	0.032	0.031	0.147	0.001
APN	0.664	<0.001	0.003	<0.001	0.115	0.072	0.003	0.195	0.062	0.509	0.175	<0.001	0.003
AXL	0.064	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.087	0.282	0.041	0.51	0.067	<0.001	0.003
IL1RT1	0.003	0.091	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.044	0.762	0.916	0.521	0.048	<0.001	<0.001
MMP2	0.415	0.189	<0.001	0.005	0.089	0.001	0.197	0.071	0.059	0.755	0.076	<0.001	<0.001
FAS	0.026	<0.001	0.001	0.002	0.006	<0.001	<0.001	0.757	0.007	0.037	<0.001	0.624	0.021
MB	0.069	0.002	<0.001	<0.001	0.055	0.001	0.057	0.002	0.016	0.377	0.006	0.633	0.763
TNFSF13B	<0.001	0.77	0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.919	<0.001	0.899	0.472	0.031	0.103	0.001
PCSK9	0.008	0.006	0.052	0.089	0.049	0.002	<0.001	<0.001	0.144	0.538	0.061	0.999	<0.001
UPAR	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.028	0.194	0.199	0.006	<0.001	0.011	0.094
OPN	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.743	0.508	0.709	0.179	0.397	0.01	0.005
PGLYRP1	<0.001	0.154	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.689	0.115	0.085	<0.001	0.76	0.517
CPA1	0.043	<0.001	0.001	0.005	0.443	0.012	0.692	0.854	0.216	0.362	0.699	0.13	0.01
JAMA	0.935	0.845	0.007	<0.001	0.056	0.85	0.089	0.176	0.952	0.63	<0.001	<0.001	<0.001
GAL4	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.013	<0.001	0.02	0.002	<0.001	0.306	0.003	0.748	0.216
IL1RT2	0.73	<0.001	0.038	0.096	0.56	0.314	0.044	0.55	<0.001	0.273	0.229	0.023	0.373
SHPS1	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.263	0.578	0.314	0.004	<0.001	0.944	0.069
CCL15	0.001	0.009	0.096	<0.001	0.002	<0.001	0.031	0.02	0.043	0.828	0.589	0.001	<0.001

CASP3	0.969	0.625	0.001	<0.001	0.059	0.768	0.045	0.255	0.674	0.812	<0.001	<0.001	<0.001
CPB1	0.006	<0.001	<0.001	0.001	0.104	<0.001	0.207	0.652	0.265	0.253	0.337	0.085	0.007
CHI3L1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.218	0.001	0.116	<0.001	0.723	0.387
ST2	0.42	<0.001	0.007	0.04	0.924	0.788	0.011	<0.001	<0.001	0.734	0.08	0.488	0.343
TPA	0.287	<0.001	0.406	0.605	0.727	0.061	0.001	0.323	0.002	0.917	<0.001	0.005	0.548
SCGB3A2	0.14	0.4	0.616	0.722	0.187	0.3	0.677	0.078	0.029	0.32	0.25	0.07	<0.001
EGFR	0.825	0.441	0.004	0.523	0.976	0.716	0.296	0.009	0.005	0.097	0.003	<0.001	<0.001
IGFBP7	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.777	0.052	0.231	0.126	<0.001	0.001
CD93	0.003	0.905	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.012	0.678	0.295	0.176	0.664	<0.001	<0.001
IL18BP	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.041	0.479	0.006	0.046	0.012	<0.001	0.006
COL1A1	0.044	0.498	<0.001	0.018	0.011	0.172	0.501	0.882	0.043	0.804	0.887	0.009	0.002
PON3	0.344	<0.001	0.117	0.241	0.283	0.864	0.197	0.014	<0.001	0.941	<0.001	<0.001	<0.001
CTSZ	0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	0.046	<0.001	0.177	0.001	0.715	0.058
MMP3	0.712	<0.001	0.005	0.01	0.371	0.097	0.009	<0.001	0.217	0.9	0.078	0.015	0.327
RARRES2	<0.001	0.219	0.099	0.003	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.055	0.101	<0.001	0.004	0.212
ICAM2	0.304	0.299	<0.001	0.03	0.026	0.037	0.072	0.1	0.34	0.024	0.624	0.036	0.002
KLK6	0.158	0.214	0.001	0.097	0.149	0.008	0.475	0.026	0.104	0.319	0.163	<0.001	<0.001
PDGFA	0.134	0.38	0.952	0.868	0.829	0.408	0.004	0.642	0.897	<0.001	<0.001	<0.001	0.126
TNFR1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.036	<0.001	0.183	0.011
IGFBP2	0.001	<0.001	0.003	0.003	0.032	0.001	0.498	<0.001	<0.001	0.235	0.53	<0.001	<0.001
VWF	<0.001	<0.001	0.218	0.001	0.022	<0.001	0.411	0.991	0.136	0.727	0.173	0.01	0.202
PECAM1	0.841	0.619	0.099	0.001	0.167	0.973	0.065	0.16	0.536	0.26	<0.001	<0.001	<0.001
MEPE	0.697	0.292	<0.001	0.207	0.084	0.019	0.102	0.009	0.528	0.632	0.254	0.088	0.087
CCL16	0.001	<0.001	0.572	0.01	0.019	<0.001	0.003	0.379	<0.001	0.2	0.043	0.149	0.876
IL8	<0.001	<0.001	0.047	<0.001	0.026	0.003	0.044	0.718	0.003	0.001	<0.001	<0.001	0.065
VEGFA	<0.001	0.012	0.023	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.001	0.125	<0.001	<0.001	0.52
CD8A	0.001	0.024	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	0.812	0.507	0.086	0.688	<0.001	0.132	0.226
MCP3	<0.001	0.003	0.253	<0.001	0.001	<0.001	0.006	0.01	0.011	0.599	<0.001	<0.001	0.011
CDCP1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.204	0.766	<0.001	0.205	<0.001	0.622	0.815
CD244	0.749	0.37	0.935	0.471	0.363	0.152	0.019	0.771	0.101	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL7	0.567	0.379	0.316	0.864	0.912	0.851	0.79	0.358	0.419	0.007	<0.001	<0.001	0.016
OPG	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.227	<0.001	0.212	0.328	0.299	<0.001	0.002
LAP_TGFB1	0.215	0.021	0.732	0.433	0.181	0.028	0.001	0.065	0.341	0.001	<0.001	<0.001	0.087
UPA	0.004	0.055	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.602	0.016	0.278	0.931	0.098	0.045	<0.001
IL6	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.388	<0.001	<0.001	0.889	<0.001	0.247	0.782
MCP1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.032	<0.001	0.029	0.384	0.074	0.851	0.003	0.402	0.04
CXCL11	0.07	0.53	0.855	0.995	0.665	0.06	0.127	0.784	0.205	0.004	<0.001	<0.001	0.001
AXIN1	0.619	0.713	<0.001	<0.001	0.014	0.18	0.267	0.578	0.744	0.317	<0.001	<0.001	<0.001
TRAIL	<0.001	0.045	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.515	0.002	0.017	0.587	0.064	0.016	0.005
CXCL9	<0.001	0.029	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.828	0.066	0.001	0.417	<0.001	0.59	0.153
CST5	0.189	0.064	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.819	0.204	0.869	0.78	0.054	<0.001	<0.001
OSM	0.003	<0.001	0.722	<0.001	0.001	0.041	<0.001	0.443	0.014	0.222	<0.001	<0.001	0.199
CXCL1	0.614	0.72	0.051	0.019	0.117	0.708	0.179	0.351	0.657	0.028	<0.001	<0.001	0.001
CCL4	0.377	<0.001	0.015	<0.001	0.001	0.001	0.003	0.124	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	0.002
CD6	0.617	0.045	0.857	0.511	0.362	0.189	0.126	0.447	0.277	0.243	<0.001	<0.001	0.439
TGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.034	0.003	0.105	<0.001	0.998	0.616
MCP4	0.158	0.212	0.894	0.976	0.661	0.208	0.074	0.641	0.594	0.007	<0.001	<0.001	0.013
CCL11	<0.001	0.003	0.147	0.058	0.148	<0.001	0.586	0.013	0.493	0.175	<0.001	<0.001	0.811
TNFSF14	0.303	0.038	0.117	0.544	0.493	0.164	0.02	0.161	0.059	0.01	<0.001	<0.001	0.001
MMP1	0.145	0.59	0.947	0.306	0.988	0.203	0.014	0.763	0.73	0.074	<0.001	<0.001	0.863
LIFR	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.213	<0.001	0.094	0.237	0.228	<0.001	<0.001
FGF21	0.002	<0.001	0.052	0.002	0.004	0.002	0.018	<0.001	<0.001	0.244	<0.001	0.933	0.309
CCL19	<0.001	0.002	0.004	0.005	0.049	0.001	0.596	0.073	0.049	0.891	0.003	0.649	0.286
IL15RA	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.055	0.924	<0.001	0.585	<0.001	0.04	0.114
IL10RB	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.002	0.886	0.56	<0.001	0.004
IL18R1	0.003	<0.001	0.036	<0.001	<0.001	0.002	0.006	<0.001	<0.001	0.239	<0.001	0.512	0.258
PDL1	0.049	0.044	0.105	0.166	0.162	0.001	0.01	0.045	0.01	0.001	<0.001	<0.001	0.006
CXCL5	0.089	0.557	0.061	0.068	0.19	0.978	0.453	0.054	0.472	0.002	<0.001	<0.001	0.007
TRANCE	0.004	0.835	<0.001	0.005	0.028	<0.001	0.049	0.001	0.447	0.19	<0.001	0.588	0.026
HGF	<0.001	<0.001	0.045	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.036	<0.001	<0.001	0.179
IL12B	<0.001	0.443	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.26	<0.001	0.023	0.014	0.001	0.011	0.336
MMP10	<0.001	0.264	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.236	0.457	0.985	0.908	0.033	0.03	<0.001
IL10	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.72	0.364	0.129	0.562	0.006	<0.001	0.425
TNF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.154	<0.001	<0.001	0.098	<0.001	0.984	0.813
CCL23	<0.001	0.197	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.201	0.147	0.234	0.367	<0.001	0.756	0.038
CD5	0.056	0.554	0.927	0.57	0.255	0.007	0.023	0.971	0.1	0.022	<0.001	<0.001	0.126
CCL3	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.174	0.206	<0.001	0.025	<0.001	<0.001	0.006
FLT3L	0.001	0.011	0.002	<0.001	0.001	<0.001	0.069	<0.001	0.143	0.32	0.04	0.073	<0.001
CXCL6	0.987	0.606	0.416	0.5	0.578	0.961	0.074	0.886	0.37	0.009	<0.001	<0.001	<0.001
CXCL10	0.003	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	0.135	0.016	<0.001	0.448	<0.001	0.002	0.013

4EBP1	0.892	0.253	0.008	0.015	0.195	0.752	<0.001	0.645	0.249	0.189	<0.001	<0.001	<0.001
SIRT2	0.847	0.361	0.004	0.001	0.123	0.614	0.023	0.952	0.993	0.196	<0.001	<0.001	<0.001
CCL28	0.097	0.053	0.002	0.009	0.181	<0.001	0.643	0.269	0.592	0.003	0.001	0.016	0.012
DNER	0.615	0.001	<0.001	<0.001	0.231	0.775	0.098	0.228	0.133	0.037	0.031	0.002	<0.001
ENRAGE	0.002	0.038	0.898	<0.001	0.422	0.013	<0.001	0.418	0.042	0.021	<0.001	<0.001	0.069
CD40	0.836	0.724	0.092	0.062	0.498	0.768	0.097	0.945	0.255	0.023	<0.001	<0.001	<0.001
IFNG	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.838	0.004	<0.001	0.436	0.001	0.13	0.158
FGF19	0.437	0.013	0.003	0.033	0.012	0.006	0.031	0.193	0.045	0.796	0.123	0.023	0.023
MCP2	0.199	0.077	0.738	0.767	0.362	0.123	0.012	0.791	0.58	0.151	<0.001	<0.001	0.013
CASP8	0.662	0.589	0.092	0.239	0.884	0.492	<0.001	0.949	0.125	0.029	<0.001	<0.001	0.001
CCL25	<0.001	0.2	<0.001	0.001	<0.001	0.001	0.493	0.259	0.848	0.804	0.065	0.002	<0.001
CX3CL1	0.092	0.504	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.405	0.148	0.629	0.076	0.278	<0.001	<0.001
TNFRSF9	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.128	0.034	0.008	0.286	<0.001	0.253	0.062
NT3	0.026	0.578	0.189	0.299	0.013	0.001	0.026	0.132	0.111	0.469	0.198	0.534	0.016
TWEAK	0.67	0.002	0.01	0.085	0.208	0.044	0.449	0.811	<0.001	0.104	0.004	<0.001	0.002
CCL20	<0.001	<0.001	0.292	0.002	0.001	0.004	0.588	0.008	0.068	0.077	<0.001	<0.001	0.811
ST1A1	0.287	0.508	0.002	<0.001	0.056	0.363	0.027	0.46	0.631	0.525	<0.001	<0.001	<0.001
STAMBP	0.7	0.527	0.002	<0.001	0.067	0.451	0.014	0.671	0.895	0.127	<0.001	<0.001	<0.001
ADA	0.69	0.425	0.427	0.437	0.757	0.132	0.011	0.935	0.058	0.018	<0.001	<0.001	0.005
TNFB	0.014	0.49	0.001	0.003	<0.001	0.001	0.562	<0.001	0.611	0.823	0.077	0.011	0.016
CSF1	<0.001	0.043	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.195	<0.001	0.015	0.2	0.174	<0.001	<0.001
Age	0.001	0.377	0.102	0.001	0.069	0.009	0.296	0.676	0.126	0.04	0.002	0.132	0.028
Body mass index	0.031	<0.001	0.783	0.148	0.05	0.039	0.003	<0.001	<0.001	0.641	0.002	0.083	0.001
Waist circumference	0.138	<0.001	0.672	0.003	0.233	0.135	0.001	0.049	<0.001	0.829	<0.001	0.034	<0.001
Educational attainment	0.079	0.087	0.658	0.305	0.606	0.789	0.108	<0.001	0.43	0.814	0.619	0.542	0.851
Alcohol consumption	0.016	<0.001	0.389	0.502	0.05	0.626	0.011	<0.001	0.455	0.137	0.021	0.901	0.096
Systolic blood pressure	0.891	<0.001	0.678	0.039	0.964	0.67	0.004	0.185	<0.001	0.029	0.007	0.087	0.006
Diastolic blood pressure	0.141	<0.001	0.44	0.604	0.46	0.967	0.023	0.179	<0.001	0.824	0.052	0.103	0.001
Hemoglobin A1c	0.088	0.005	0.023	0.21	0.458	0.158	0.146	0.003	0.022	0.874	0.044	0.739	0.787
Duration of known diabetes	0.995	0.003	0.001	0.399	0.844	1	0.243	0.759	0.053	0.085	0.031	0.687	0.532
High-density lipoprotein	0.408	<0.001	0.555	0.386	0.179	0.06	0.034	0.013	<0.001	0.469	<0.001	0.001	<0.001
Low-density lipoprotein	0.328	0.463	0.059	0.481	0.694	0.661	0.887	0.193	0.608	0.182	0.325	0.119	0.714
Triglycerides	0.087	<0.001	0.484	0.269	0.162	0.103	0.038	0.024	<0.001	0.032	<0.001	0.031	0.066
Albumin	0.147	0.064	0.703	0.026	0.001	0.081	0.564	<0.001	0.641	0.955	0.75	0.071	0.001
Fibrinogen	<0.001	0.419	0.685	<0.001	0.083	<0.001	0.597	<0.001	0.025	0.997	0.091	0.842	0.21
C-reactive protein	<0.001	0.004	0.553	<0.001	<0.001	<0.001	0.469	<0.001	0.001	0.278	0.001	0.235	0.716
Serum amyloid A	0.003	0.016	0.041	<0.001	0.001	0.025	0.764	<0.001	0.006	0.746	0.379	0.125	0.904
Leucocyte count	0.895	<0.001	0.06	0.302	0.492	0.541	0.003	<0.001	<0.001	0.196	0.005	0.001	<0.001
Serum adiponectin	0.024	0.021	0.019	0.337	0.011	0.357	0.75	0.124	0.009	0.726	0.004	0.011	0.221
Uric acid	0.017	<0.001	0.634	0.001	0.309	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	0.838	<0.001	0.025	<0.001
Creatinine	0.361	<0.001	0.206	0.013	0.973	0.026	0.178	<0.001	<0.001	0.891	<0.001	0.28	0.017
Rényi4, baseline	0.034	0.936	0.377	0.014	0.023	0.044	0.372	0.233	0.542	0.695	0.127	0.415	0.639
TP, baseline	0.042	0.937	0.362	0.025	0.014	0.018	0.621	0.046	0.635	0.845	0.141	0.656	0.133
SDWS, baseline	0.06	0.296	0.296	0.086	0.1	0.113	0.12	0.171	0.928	0.961	0.25	0.362	0.334
SDSA, baseline	0.171	0.287	0.241	0.037	0.122	0.497	0.199	0.766	0.253	0.576	0.054	0.199	0.146
CE, baseline	0.033	0.277	0.119	0.011	0.06	0.441	0.23	0.78	0.155	0.982	0.02	0.566	0.327
Rényi4, follow-up	0.073	0.006	0.433	0.16	0.008	0.207	0.852	0.255	0.015	0.489	0.549	0.99	0.972
TP, follow-up	0.065	0.022	0.282	0.084	0.008	0.209	0.675	0.02	0.015	0.861	0.237	0.948	0.642
SDWS, follow-up	0.211	0.156	0.753	0.446	0.065	0.952	0.548	0.093	0.16	0.771	0.671	0.704	0.892
SDSA, follow-up	0.227	<0.001	0.551	0.847	0.083	0.586	0.378	0.236	0.05	0.168	0.414	0.604	0.325
CE, follow-up	0.046	<0.001	0.34	0.498	0.022	0.15	0.488	0.382	0.015	0.198	0.379	0.611	0.406

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	PARP1	HAOX1	TNFRSF14	LDL_RC	ITGB2	IL17RA	TNFR2	MMP9	EPHB4	IL2RA	ALCAM	SELP	CSTB
BMP6	0.6	0.1	0.5	<0.1	0.2	0.4	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.7	0.5
ANGPT1	0.4	<0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	-0.1	0.1	<0.1	0.7	0.4
ADM	-0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	-0.1	<0.1
CD40L	0.7	<0.1	0.6	<0.1	0.2	0.4	0.1	0.2	-0.2	<0.1	-0.1	0.8	0.6
PGF	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.4	0.2	0.1	-0.1	<0.1
ADAMTS13	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1
BOC	-0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	-0.2	-0.2
IL4RA	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	0.2	-0.2	-0.2
SRC	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.1
IL1RA	0.6	0.2	0.4	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.5	0.7
TNFRSF10A	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3
STK4	0.6	<0.1	0.4	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	-0.2	0.6	0.4
IDUA	0.5	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.4
TNFRSF11A	-0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.4	0.2	0.4	0.2	0.3	<0.1	0.1
PAR1	0.7	<0.1	0.6	<0.1	0.2	0.4	0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.8	0.6
TRAILR2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.5	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.3
PRSS27	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2
TIE2	-0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.3	-0.1	-0.1
TF	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.3	-0.1	-0.1
IL1RL2	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1
PDGFB	0.5	<0.1	0.6	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	-0.1	0.1	<0.1	0.8	0.6
IL27	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	-0.1
IL17D	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1
LOX1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.7	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3
GAL9	0.5	0.1	0.5	0.1	0.3	0.2	0.4	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.4	0.6
GIF	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
SCF	-0.2	-0.2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.1	-0.1
IL18	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2
PLGR	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	-0.2	<0.1
RAGE	-0.3	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.3	-0.2	-0.2
SOD2	0.4	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.5	0.3
CTRC	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
FGF23	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.2	-0.1
SPON2	-0.4	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.1	0.4	0.2	0.4	-0.3	-0.1
GH	-0.1	-0.3	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2	0.1	-0.1	-0.1
FS	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1
GLO1	0.8	0.1	0.5	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.2	0.8	0.6
CD84	0.6	<0.1	0.6	<0.1	0.2	0.4	0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.8	0.6
SERPINA12	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1
REN	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1
DECR1	0.7	<0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.2	0.8	0.6
MERTK	-0.3	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	-0.2	-0.2
KIM1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
THBS2	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	-0.1	<0.1
TM	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.4	0.1	0.4	0.2	0.3	0.1	0.2
VSIG2	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.2	-0.1	-0.1
AMBP	-0.2	<0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	-0.1	<0.1
PRELP	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1
HO1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3
XCL1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2
IL16	0.9	0.1	0.5	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.2	0.7	0.7
SORT1	0.5	0.1	0.6	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.7	0.6
CEACAM8	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.6	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3
PTX3	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1
PSGL1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.3
CCL17	0.5	<0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.7	0.5
MMP7	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1
IGGFC	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ITGB1BP2	0.7	<0.1	0.6	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.2	0.8	0.6
DCN	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.3	-0.1	-0.1
DKK1	0.6	<0.1	0.6	0.1	0.3	0.4	0.2	0.3	-0.1	0.1	<0.1	0.8	0.6
LPL	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.1
PRSS8	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1
AGRP	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
HBEGF	0.6	<0.1	0.6	0.1	0.3	0.4	0.2	0.3	-0.1	0.1	<0.1	0.8	0.6

GDF2	-0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.4	-0.1	-0.2
FABP2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1
THPO	0.3	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.5	0.3
MARCO	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1
GT	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
MMP12	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1
ACE2	0.1	0.5	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PDL2	-0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.4	0.2	0.3	-0.1	<0.1
CTSL1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	<0.1
HOSCAR	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1
TNFRSF13B	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.1
TGM2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
LEP	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1
CA5A	0.1	0.5	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
HSP27	-0.1	<0.1	-0.2	0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2
CD4	0.6	0.1	0.5	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.5	0.6
NEMO	0.8	<0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	-0.3	<0.1	-0.2	0.8	0.6
VEGFD	-0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	-0.2	-0.2
PARP1	1	0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	-0.2	<0.1	-0.2	0.7	0.7
HAOX1	0.1	1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
TNFRSF14	0.5	0.1	1	0.2	0.6	0.6	0.6	0.2	0.3	0.4	0.3	0.8	0.8
LDL_RC	<0.1	0.2	0.2	1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.4	0.1	0.2
ITGB2	0.2	0.1	0.6	0.2	1	0.5	0.4	0.1	0.1	0.3	0.2	0.4	0.4
IL17RA	0.3	0.1	0.6	0.1	0.5	1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.5	0.4
TNFR2	0.1	0.1	0.6	0.3	0.4	0.3	1	0.3	0.7	0.6	0.5	0.2	0.4
MMP9	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2
EPHB4	-0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.7	0.2	1	0.5	0.6	-0.1	0.1
IL2RA	<0.1	0.1	0.4	0.2	0.3	0.2	0.6	0.3	0.5	1	0.4	0.2	0.3
ALCAM	-0.2	<0.1	0.3	0.4	0.2	0.2	0.5	0.1	0.6	0.4	1	<0.1	0.2
SELP	0.7	0.1	0.8	0.1	0.4	0.5	0.2	0.2	-0.1	0.2	<0.1	1	0.7
CSTB	0.7	0.1	0.8	0.2	0.4	0.4	0.4	0.2	0.1	0.3	0.2	0.7	1
CD163	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.4	0.1	0.5	0.2	0.3	0.4	0.4	0.1	0.2
GRN	-0.1	0.1	0.3	0.3	0.4	0.2	0.6	0.2	0.5	0.4	0.6	0.1	0.3
NTPROBNP	-0.2	-0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.3	-0.1	<0.1
PLC	-0.2	<0.1	0.4	0.4	0.2	0.2	0.6	0.2	0.7	0.5	0.6	<0.1	0.2
LTBR	<0.1	<0.1	0.6	0.2	0.4	0.4	0.7	0.2	0.7	0.5	0.5	0.2	0.3
NOTCH3	-0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.5	0.2	0.6	0.3	0.7	-0.1	0.1
TIMP4	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.4	0.3	0.4	<0.1	0.1
CNTN1	-0.2	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.1	0.5	0.2	0.7	-0.1	<0.1
CDH5	-0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.5	0.2	0.6	0.4	0.6	<0.1	0.1
TLT2	0.3	<0.1	0.7	0.3	0.4	0.4	0.6	0.2	0.4	0.4	0.4	0.6	0.6
FABP4	-0.1	<0.1	0.1	0.4	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.5	<0.1	0.2
TFPI	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2
PAI	0.5	0.2	0.6	0.3	0.4	0.4	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.7	0.6
CCL24	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
TR	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2
TNFRSF10C	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
GDF15	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.5	0.3	0.5	0.4	0.3	0.1	0.3
SELE	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2
DLK1	-0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.4	0.1	0.4	0.2	0.4	<0.1	0.1
MPO	0.4	0.1	0.6	0.1	0.7	0.5	0.3	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.6	0.5
CXCL16	-0.2	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.4	0.2	0.5	0.3	0.5	<0.1	0.2
IL6RA	-0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	<0.1
RETN	0.1	<0.1	0.5	0.1	0.3	0.3	0.5	0.4	0.4	0.4	0.3	0.3	0.4
IGFBP1	-0.2	-0.3	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.3	-0.1	<0.1
CHIT1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2
TRAP	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.5	0.2	0.4	0.3	0.3	0.1	0.3
GP6	0.7	<0.1	0.7	0.1	0.3	0.4	0.2	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.9	0.7
PSPD	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.3	<0.1	<0.1
EPCAM	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1
APN	-0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.4	0.2	0.6	<0.1	0.1
AXL	-0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.6	0.1	0.6	0.4	0.6	-0.1	0.1
IL1RT1	-0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.5	0.2	0.7	0.4	0.7	-0.1	<0.1
MMP2	-0.2	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.5	0.2	0.6	-0.1	<0.1
FAS	0.1	0.2	0.5	0.3	0.5	0.4	0.6	0.2	0.5	0.5	0.4	0.3	0.4
MB	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.4	0.1	0.4	0.3	0.3	0.1	0.2
TNFSF13B	-0.1	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.5	0.2	0.4	0.4	0.6	0.1	0.2
PCSK9	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.5	0.2	0.2
UPAR	0.2	<0.1	0.6	0.2	0.7	0.5	0.6	0.4	0.3	0.4	0.4	0.4	0.5
OPN	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.5	0.2	0.5	0.4	0.5	<0.1	0.2

PGLYRP1	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.5	0.6	0.5	0.4	0.3	0.2	0.3
CPA1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1
JAMA	0.6	<0.1	0.7	0.1	0.4	0.5	0.2	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.9	0.7
GAL4	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.4	0.1	0.2
IL1RT2	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.5	<0.1	0.1
SHPS1	<0.1	<0.1	0.4	0.2	0.3	0.3	0.6	0.1	0.5	0.4	0.4	0.1	0.3
CCL15	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	0.5	0.3	0.4	<0.1	0.1
CASP3	0.7	<0.1	0.7	0.1	0.3	0.4	0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.9	0.7
CPB1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1
CHI3L1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.1
ST2	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2
TPA	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2
SCGB3A2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1
EGFR	-0.2	<0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	0.2	0.1	0.4	0.2	0.7	<0.1	<0.1
IGFBP7	-0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.6	0.2	0.6	0.5	0.6	<0.1	0.2
CD93	-0.2	-0.1	0.4	0.3	0.3	0.2	0.7	0.1	0.7	0.5	0.6	<0.1	0.1
IL18BP	-0.1	0.2	0.4	0.2	0.2	0.2	0.8	0.2	0.7	0.6	0.6	<0.1	0.2
COL1A1	-0.2	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.4	0.3	0.4	<0.1	0.1
PON3	-0.3	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.4	-0.1	-0.1
CTSZ	0.1	0.2	0.4	0.2	0.3	0.2	0.6	0.2	0.5	0.4	0.4	0.1	0.3
MMP3	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.1
RARRES2	0.2	0.1	0.5	0.4	0.3	0.3	0.5	0.3	0.4	0.4	0.5	0.4	0.5
ICAM2	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.4	0.2	0.5	0.3	0.5	0.1	0.1
KLK6	-0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.4	<0.1	0.5	0.3	0.4	-0.1	0.1
PDGFA	0.5	<0.1	0.7	0.1	0.4	0.5	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.8	0.6
TNFR1	<0.1	0.1	0.6	0.3	0.3	0.2	0.9	0.3	0.7	0.6	0.5	0.1	0.4
IGFBP2	-0.2	-0.2	0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.4	0.2	0.3	-0.1	<0.1
VWF	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1
PECAM1	0.6	0.1	0.8	0.1	0.5	0.5	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.9	0.7
MEPE	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	0.5	0.3	0.3	<0.1	0.1
CCL16	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.4	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2
IL8	0.4	0.1	0.5	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.5	0.5
VEGFA	0.3	<0.1	0.5	0.2	0.2	0.2	0.3	0.4	0.1	0.2	0.1	0.4	0.4
CD8A	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1
MCP3	0.2	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.4	0.4
CDCP1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2
CD244	0.7	0.1	0.6	<0.1	0.3	0.4	0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.7	0.6
IL7	0.5	0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.7	0.5
OPG	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	-0.1	0.1
LAP_TGFB1	0.6	<0.1	0.6	0.1	0.3	0.4	0.2	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.8	0.6
UPA	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.3	-0.1	<0.1
IL6	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.3	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1
MCP1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1
CXCL11	0.6	<0.1	0.5	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.7	0.6
AXIN1	0.7	<0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.2	0.8	0.6
TRAIL	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1
CXCL9	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2
CST5	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	-0.2	-0.1
OSM	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.9	<0.1	0.2	-0.1	0.3	0.2
CXCL1	0.7	<0.1	0.6	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.7	0.7
CCL4	0.4	0.2	0.5	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.5	0.5
CD6	0.6	0.1	0.4	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.5	0.6
TGFA	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.3	0.5	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2
MCP4	0.6	<0.1	0.6	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.7	0.6
CCL11	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2
TNFSF14	0.8	0.1	0.6	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.7	0.7
MMP1	0.3	<0.1	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.5	0.4
LIFR	-0.3	0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	-0.2	-0.2
FGF21	<0.1	0.3	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
CCL19	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1
IL15RA	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.5	0.1	0.4	0.3	0.2	<0.1	0.1
IL10RB	-0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.5	0.3	0.3	-0.2	<0.1
IL18R1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3
PDL1	0.6	0.1	0.6	<0.1	0.3	0.4	0.3	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.6	0.6
CXCL5	0.7	<0.1	0.5	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.7	0.6
TRANCE	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1
HGF	0.3	0.2	0.4	0.2	0.3	0.2	0.3	0.5	0.1	0.2	0.1	0.4	0.5
IL12B	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.4	0.1	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.1
MMP10	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1
IL10	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	<0.1

TNF	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.5	0.2	0.2	0.4	0.2	0.1	0.2
CCL23	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
CD5	0.7	0.1	0.5	0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.5	0.7
CCL3	0.3	0.2	0.5	0.2	0.3	0.2	0.5	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.5
FLT3L	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1
CXCL6	0.7	0.1	0.6	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.7	0.6
CXCL10	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.4	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3
4EBP1	0.8	0.1	0.6	<0.1	0.2	0.4	0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.2	0.8	0.7
SIRT2	0.8	<0.1	0.6	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.2	0.8	0.7
CCL28	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2
DNER	-0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1
ENRAGE	0.4	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.4	<0.1	0.1	-0.1	0.4	0.4
CD40	0.7	<0.1	0.6	<0.1	0.2	0.4	0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.8	0.7
IFNG	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1
FGF19	-0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
MCP2	0.4	<0.1	0.5	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.5	0.5
CASP8	0.9	0.1	0.6	0.1	0.3	0.4	0.2	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.7	0.7
CCL25	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1
CX3CL1	-0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.4	-0.1	0.5	0.2	0.3	-0.1	<0.1
TNFRSF9	-0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.5	0.2	0.4	0.5	0.3	<0.1	0.2
NT3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
TWEAK	0.2	-0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2
CCL20	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2
ST1A1	0.8	<0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.2	0.8	0.6
STAMBP	0.8	<0.1	0.6	<0.1	0.2	0.4	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.2	0.8	0.7
ADA	0.8	0.1	0.6	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.6	0.7
TNFB	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	<0.1
CSF1	-0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.5	0.2	0.4	0.3	0.3	-0.1	0.1
Age	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
Body mass ind	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2
Waist circumfe	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.2	0.1	0.2
Educational att	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1
Alcohol consur	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Systolic blood p	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1
Diastolic blood	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1
Hemoglobin A1c	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Duration of kno	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
High-density lip	-0.2	-0.2	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.1
Low-density lip	0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1
Triglycerides	0.1	0.3	0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
Albumin	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1
Fibrinogen	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2
C-reactive prot	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2
Serum amyloid A	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
Leucocyte count	-0.2	-0.3	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.1
Serum adipone	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.5	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2
Uric acid	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.2	0.1	0.1
Creatinine	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	-0.2	<0.1	0.2
Rényi4, baseline	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
TP, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
SDWS, baseline	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
SDSA, baseline	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
CE, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Rényi4, follow-	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TP, follow-up	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDWS, follow-	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
SDSA, follow-up	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
CE, follow-up	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	PARP1	HAOX1	TNFRSF14	LDL_RC	ITGB2	IL17RA	TNFR2	MMP9	EPHB4	IL2RA	ALCAM	SELP	CSTB
BMP6	<0.001	0.509	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.299	0.125	0.093	1	0.962	<0.001	<0.001
ANGPT1	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.558	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001

ADM	0.002	1	1	0.188	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.147	1
CD40L	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.053	0.022	1	0.339	<0.001	<0.001
PGF	1	0.304	0.082	0.789	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.075	1	1
ADAMTS13	0.324	1	0.475	1	1	1	1	1	1	1	0.051	0.099	1
BOC	<0.001	1	1	1	1	1	0.29	1	<0.001	1	<0.001	0.013	0.013
IL4RA	<0.001	1	1	1	1	1	<0.001	1	<0.001	0.173	0.005	0.03	0.027
SRC	0.001	1	1	1	1	1	1	1	0.512	1	0.745	<0.001	0.662
IL1RA	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.323	1	<0.001	<0.001
TNFRSF10A	0.004	1	<0.001	0.025	0.005	0.011	<0.001	0.006	0.001	0.007	0.029	0.018	<0.001
STK4	<0.001	1	<0.001	1	0.925	0.001	1	1	<0.001	1	0.016	<0.001	<0.001
IDUA	<0.001	0.002	<0.001	0.32	0.004	0.085	1	0.056	1	1	1	<0.001	<0.001
TNFRSF11A	0.014	1	<0.001	0.455	0.032	1	<0.001	0.003	<0.001	0.004	<0.001	1	1
PAR1	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.315	1	0.07	1	0.879	<0.001	<0.001
TRAILR2	0.176	1	<0.001	1	0.004	1	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.01	0.284	<0.001
PRSS27	0.098	1	<0.001	1	0.229	0.003	0.005	0.523	0.028	1	0.654	<0.001	0.023
TIE2	0.004	0.018	1	0.022	1	1	0.009	1	<0.001	1	<0.001	0.427	0.231
TF	0.035	1	1	1	1	1	0.023	1	<0.001	0.364	<0.001	1	1
IL1RL2	1	1	1	<0.001	1	1	1	1	1	1	<0.001	1	1
PDGFB	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.07	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001
IL27	<0.001	1	1	1	0.007	1	<0.001	1	0.012	1	<0.001	0.663	1
IL17D	0.835	0.146	0.725	1	0.095	0.892	0.015	1	<0.001	1	<0.001	1	1
LOX1	0.011	1	<0.001	1	0.024	0.051	<0.001	<0.001	1	0.016	1	<0.001	<0.001
GAL9	<0.001	0.074	<0.001	0.331	<0.001	<0.001	<0.001	0.082	1	<0.001	1	<0.001	<0.001
GIF	1	1	1	1	1	1	0.932	1	0.028	1	0.432	1	1
SCF	<0.001	0.001	1	1	1	0.805	1	1	<0.001	1	<0.001	0.946	0.997
IL18	0.007	0.005	<0.001	1	0.158	1	<0.001	0.017	1	0.002	1	0.006	<0.001
PLGR	0.002	1	1	1	1	1	0.001	0.314	<0.001	0.001	0.019	0.065	1
RAGE	<0.001	0.138	1	1	1	1	0.162	1	<0.001	1	<0.001	0.004	0.058
SOD2	<0.001	1	<0.001	0.056	0.024	0.059	1	0.687	1	1	1	<0.001	<0.001
CTRC	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0.632	1	1	1
FGF23	0.021	1	1	1	1	1	0.218	1	0.294	0.78	0.343	0.036	1
SPON2	<0.001	1	1	0.096	1	1	<0.001	0.455	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.079
GH	0.186	<0.001	0.198	0.623	1	1	0.09	0.156	1	0.024	0.113	0.524	0.82
FS	0.057	1	1	0.243	1	1	0.669	0.041	0.273	1	0.084	0.566	1
GLO1	<0.001	1	<0.001	1	0.103	<0.001	1	1	<0.001	1	0.001	<0.001	<0.001
CD84	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.094	0.059	0.735	1	1	<0.001	<0.001
SERPINA12	1	1	0.996	1	1	1	1	1	1	1	0.352	1	1
REN	1	0.008	0.111	1	0.486	1	<0.001	0.003	0.185	0.004	1	1	1
DECR1	<0.001	1	<0.001	1	0.004	<0.001	1	1	<0.001	1	0.001	<0.001	<0.001
MERTK	<0.001	1	0.581	1	1	1	1	1	0.001	1	<0.001	<0.001	0.003
KIM1	1	0.799	1	0.002	1	1	1	1	1	1	0.528	1	1
THBS2	0.806	0.014	1	0.003	0.223	1	<0.001	0.006	0.007	0.3	<0.001	0.651	1
TM	1	0.761	<0.001	0.024	0.001	0.299	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.353	0.029
VSIG2	0.003	1	1	1	1	1	<0.001	1	<0.001	0.193	<0.001	0.637	1
AMBP	0.017	1	1	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	0.03	0.014	0.414	1
PRELP	0.413	1	1	0.001	0.39	1	0.001	1	<0.001	0.741	<0.001	1	1
HO1	<0.001	<0.001	<0.001	0.751	0.031	1	<0.001	0.228	0.074	0.197	0.983	0.015	<0.001
XCCL1	0.908	1	<0.001	1	0.042	0.352	<0.001	0.005	0.094	<0.001	0.949	0.086	0.004
IL16	<0.001	0.639	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	0.006	1	0.01	<0.001	<0.001
SORT1	<0.001	0.084	<0.001	0.033	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001
CEACAM8	<0.001	0.822	<0.001	0.576	0.029	<0.001	<0.001	<0.001	0.422	0.002	1	<0.001	<0.001
PTX3	0.075	1	1	1	1	1	0.028	<0.001	0.004	1	0.16	1	1
PSGL1	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	0.017	0.077	1	1	0.841	1	1	<0.001	<0.001
CCL17	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.002	0.027	1	0.451	1	<0.001	<0.001
MMP7	0.264	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0.021	1	1
IGGFC	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
ITGB1BP2	<0.001	1	<0.001	1	0.007	<0.001	1	1	<0.001	1	0.054	<0.001	<0.001
DCN	0.003	1	1	0.182	0.165	1	<0.001	1	<0.001	0.122	<0.001	0.135	1
DDK1	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.062	<0.001	0.658	1	1	<0.001	<0.001
LPL	<0.001	<0.001	0.555	1	1	1	1	0.345	1	1	<0.001	0.287	0.717
PRSS8	1	0.001	0.487	<0.001	1	1	<0.001	0.203	0.007	<0.001	1	1	0.754
AGRP	1	0.001	0.356	<0.001	1	1	0.007	1	0.051	1	0.315	1	1
HBEGF	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.056	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001
GDF2	<0.001	0.856	0.227	0.807	1	1	1	0.919	0.504	1	<0.001	0.212	0.052
FABP2	0.727	1	1	1	1	1	0.596	1	0.438	1	0.226	1	1
THPO	<0.001	1	<0.001	1	0.291	0.001	1	0.206	1	1	1	<0.001	<0.001
MARCO	1	0.342	0.072	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.186	0.448	0.003	0.001	1	0.327
GT	1	1	1	0.19	0.883	1	1	1	1	1	1	1	1
MMP12	1	1	0.131	1	1	1	<0.001	0.027	0.138	<0.001	0.114	1	0.732
ACE2	1	<0.001	1	0.019	1	1	0.01	0.037	1	0.286	1	1	1

PDL2	0.015	1	0.561	0.395	0.678	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1
CTSL1	0.073	1	1	1	0.929	1	<0.001	0.001	0.003	<0.001	0.002	0.776	1
HOSCAR	1	1	0.367	0.286	1	1	<0.001	0.012	<0.001	0.004	0.001	1	1
TNFRSF13B	1	1	0.004	0.496	0.153	0.736	<0.001	0.611	<0.001	<0.001	0.003	1	0.207
TGM2	1	1	0.109	0.705	0.243	1	0.017	<0.001	0.217	0.121	1	0.308	0.266
LEP	1	1	1	<0.001	0.976	1	1	1	1	1	<0.001	1	1
CA5A	1	<0.001	1	0.242	1	1	0.003	1	1	1	1	1	0.291
HSP27	0.798	1	0.023	0.349	1	0.049	0.178	1	1	1	1	0.307	0.01
CD4	<0.001	0.205	<0.001	0.386	<0.001	<0.001	<0.001	0.064	1	0.088	1	<0.001	<0.001
NEMO	<0.001	1	<0.001	1	0.048	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
VEGFD	0.016	1	0.45	1	1	1	1	1	0.001	1	<0.001	0.003	0.038
PARP1	<0.001	0.312	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
HAOX1	0.013	<0.001	1	0.005	1	1	0.189	1	1	1	1	1	0.609
TNFRSF14	<0.001	0.051	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LDL_RC	0.589	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.366	<0.001	1	0.001	0.001	<0.001	0.371	0.004
ITGB2	<0.001	0.162	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.908	0.114	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL17RA	<0.001	0.144	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.01	<0.001	0.04	<0.001	<0.001
TNFR2	0.278	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP9	0.679	0.632	<0.001	0.092	0.044	0.096	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.096	0.002	0.003
EPHB4	<0.001	0.712	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.166
IL2RA	0.807	0.186	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.056	<0.001
ALCAM	<0.001	0.458	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.044
SELP	<0.001	0.132	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.273	0.002	0.603	<0.001	<0.001
CSTB	<0.001	0.028	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	0.001	<0.001	<0.001
CD163	0.911	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.21	<0.001
GRN	0.168	0.127	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.058	<0.001
NTPROBNP	<0.001	<0.001	0.182	0.997	0.126	0.253	0.001	0.937	<0.001	0.01	<0.001	0.073	0.931
PLC	0.002	0.321	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.986	<0.001
LTBR	0.581	0.477	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
NOTCH3	<0.001	0.811	0.001	<0.001	<0.001	0.059	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.053	0.214
TIMP4	0.004	0.871	0.02	0.001	0.044	0.352	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.558	0.059
CNTN1	<0.001	0.582	0.034	<0.001	<0.001	0.268	<0.001	0.201	<0.001	<0.001	<0.001	0.104	0.351
CDH5	<0.001	0.126	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.442	0.074
TLT2	<0.001	0.889	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
FABP4	0.069	0.633	0.006	<0.001	0.001	0.629	<0.001	0.04	<0.001	0.003	<0.001	0.949	<0.001
TFPI	0.574	0.524	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PAI	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.377	<0.001	0.044	<0.001	<0.001
CCL24	0.337	0.696	0.004	0.043	0.207	0.134	0.014	<0.001	0.023	0.127	0.002	0.004	0.054
TR	0.611	0.158	<0.001	0.006	<0.001	0.004	<0.001	0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.03	<0.001
TNFRSF10C	0.028	0.054	0.011	0.037	0.059	0.399	<0.001	<0.001	0.003	0.004	<0.001	0.23	0.414
GDF15	0.332	0.203	<0.001	0.179	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.192	<0.001
SELE	0.516	<0.001	0.006	<0.001	0.002	0.03	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.102	<0.001
DLK1	0.153	0.249	<0.001	<0.001	<0.001	0.278	<0.001	0.049	<0.001	<0.001	<0.001	0.438	0.016
MPO	<0.001	0.059	<0.001	0.038	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.56	<0.001	0.685	<0.001	<0.001
CXCL16	0.002	0.797	<0.001	<0.001	0.002	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.408	0.001
IL6RA	0.001	0.326	0.53	0.001	0.794	0.394	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.524	0.941
RETN	0.006	0.45	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IGFBP1	<0.001	<0.001	0.336	0.263	0.463	0.82	0.023	0.287	<0.001	0.011	<0.001	0.232	0.329
CHIT1	0.182	0.068	<0.001	0.642	0.193	0.132	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.072	<0.001
TRAP	0.14	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	<0.001
GP6	<0.001	0.518	<0.001	0.027	<0.001	<0.001	0.001	0.002	0.082	0.057	0.488	<0.001	<0.001
PSPD	0.158	0.462	0.016	0.001	0.01	0.005	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	0.585	0.525
EPCAM	0.096	0.772	0.064	0.002	0.597	0.601	0.895	0.762	0.157	0.503	<0.001	0.329	0.3
APN	0.019	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.08	<0.001	<0.001	<0.001	0.978	0.057
AXL	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.027	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	0.177	0.014
IL1RT1	<0.001	0.462	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.092	0.682
MMP2	<0.001	0.3	0.011	<0.001	0.002	0.034	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	0.054	0.848
FAS	0.114	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MB	0.664	0.761	<0.001	0.002	0.002	0.037	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	0.282	<0.001
TNFSF13B	0.154	0.389	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.141	<0.001
PCSK9	0.749	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
UPAR	0.002	0.48	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
OPN	0.005	0.649	<0.001	0.02	0.016	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.928	<0.001
PGLYRP1	0.967	0.887	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
CPA1	0.221	0.025	0.024	0.063	0.615	0.414	<0.001	0.095	<0.001	<0.001	<0.001	0.97	0.241
JAMA	<0.001	0.407	<0.001	0.068	<0.001	<0.001	0.001	0.035	0.014	0.025	0.142	<0.001	<0.001
GAL4	0.653	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.003	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.082	<0.001
IL1RT2	0.318	<0.001	0.002	<0.001	0.002	0.004	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	0.873	0.006
SHPS1	0.642	0.539	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001
CCL15	0.056	0.09	<0.001	0.004	0.187	0.048	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	0.409	0.023

CASP3	<0.001	0.477	<0.001	0.186	<0.001	<0.001	0.012	0.035	0.003	0.181	0.08	<0.001	<0.001
CPB1	0.199	0.034	<0.001	0.011	0.182	0.232	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.616	0.041
CH3L1	0.786	<0.001	<0.001	0.003	0.16	0.276	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.525	0.007
ST2	0.417	<0.001	0.003	0.013	0.123	0.089	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.257	0.001
TPA	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.128	0.028	0.004	0.122	<0.001	<0.001
SCGB3A2	0.212	0.243	0.257	0.648	0.182	0.536	0.01	0.737	<0.001	0.024	<0.001	0.801	0.682
EGFR	<0.001	0.965	0.096	<0.001	0.009	0.064	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	0.493	0.426
IGFBP7	0.012	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.936	0.001
CD93	0.001	0.21	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	0.956	0.009
IL18BP	0.007	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.567	<0.001
COL1A1	0.001	0.24	0.003	0.007	0.257	0.472	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	0.794	0.103
PON3	<0.001	<0.001	0.467	0.562	0.387	0.98	0.915	0.033	<0.001	0.841	<0.001	0.06	0.01
CTSZ	0.232	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001
MMP3	0.597	0.018	0.012	0.27	0.352	0.093	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.824	0.243	0.299
RARRES2	<0.001	0.247	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ICAM2	0.032	0.625	<0.001	<0.001	0.008	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.07	0.007
KLK6	0.001	0.68	<0.001	0.003	0.726	0.197	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.034	0.307
PDGFA	<0.001	0.865	<0.001	0.028	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.818	0.001	0.124	<0.001	<0.001
TNFR1	0.836	0.083	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001
IGFBP2	<0.001	<0.001	0.017	0.001	0.942	0.349	<0.001	0.617	<0.001	<0.001	<0.001	0.141	0.776
VWF	0.089	0.052	<0.001	0.002	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.289	0.121
PECAM1	<0.001	0.09	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	0.419	0.001	0.834	<0.001	<0.001
MEPE	0.212	0.776	<0.001	0.006	0.182	0.016	<0.001	0.032	<0.001	<0.001	<0.001	0.9	0.003
CCL16	0.402	0.031	<0.001	<0.001	0.007	0.056	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.262	<0.001
IL8	<0.001	0.014	<0.001	0.184	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.298	<0.001	0.304	<0.001	<0.001
VEGFA	<0.001	0.515	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	0.013	<0.001	<0.001
CD8A	0.975	0.252	0.003	0.186	<0.001	0.127	<0.001	0.027	<0.001	0.001	0.021	0.941	0.099
MCP3	<0.001	0.587	<0.001	0.036	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.21	<0.001	0.03	<0.001	<0.001
CDCP1	0.496	<0.001	0.005	0.017	0.004	0.464	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.961	<0.001
CD244	<0.001	0.068	<0.001	0.532	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	0.219	0.058	0.32	<0.001	<0.001
IL7	<0.001	0.113	<0.001	0.327	<0.001	<0.001	0.037	0.002	0.006	0.742	0.147	<0.001	<0.001
OPG	0.035	0.733	0.385	<0.001	0.009	0.475	<0.001	0.006	<0.001	0.006	<0.001	0.108	0.264
LAP_TGFB1	<0.001	0.46	<0.001	0.076	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.658	0.041	0.792	<0.001	<0.001
UPA	0.056	0.562	0.413	0.01	<0.001	0.415	<0.001	0.518	<0.001	0.009	<0.001	0.179	0.748
IL6	0.825	0.001	0.002	0.025	0.059	0.35	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.413	0.746	0.005
MCP1	0.053	0.153	<0.001	0.002	0.014	0.506	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.031	0.019	0.147
CXCL11	<0.001	0.375	<0.001	0.628	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	0.021	0.046	0.016	<0.001	<0.001
AXIN1	<0.001	0.397	<0.001	0.986	0.001	<0.001	0.78	0.298	<0.001	0.756	<0.001	<0.001	<0.001
TRAIL	0.008	0.927	0.51	0.069	0.278	0.388	<0.001	0.324	0.071	0.004	0.002	0.165	0.52
CXCL9	0.994	0.308	<0.001	0.213	<0.001	0.101	<0.001	0.055	0.001	<0.001	0.003	0.64	0.001
CST5	<0.001	0.839	0.469	0.205	0.958	0.465	0.005	0.738	<0.001	0.03	<0.001	0.001	0.035
OSM	0.001	0.641	<0.001	0.25	0.314	0.133	<0.001	<0.001	0.378	0.002	0.283	<0.001	<0.001
CXCL1	<0.001	0.471	<0.001	0.457	<0.001	<0.001	0.089	0.236	0.001	0.697	0.021	<0.001	<0.001
CCL4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.077	<0.001	0.087	<0.001	<0.001
CD6	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.257	0.13	0.031	0.352	<0.001	<0.001
TGFA	0.538	0.137	<0.001	0.039	0.03	0.26	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.02	<0.001
MCP4	<0.001	0.678	<0.001	0.521	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.146	0.202	0.133	<0.001	<0.001
CCL11	0.006	0.887	<0.001	0.558	0.002	<0.001	0.005	<0.001	0.978	0.002	0.987	<0.001	<0.001
TNFSF14	<0.001	0.025	<0.001	0.141	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.003	0.124	0.024	<0.001	<0.001
MMP1	<0.001	0.894	<0.001	0.79	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	0.731	0.047	0.478	<0.001	<0.001
LIFR	<0.001	0.01	0.056	<0.001	0.068	0.742	<0.001	0.018	<0.001	0.032	<0.001	<0.001	0.002
FGF21	0.58	<0.001	0.125	<0.001	0.98	0.609	0.005	0.395	0.104	0.043	0.176	0.525	0.131
CCL19	0.804	0.099	<0.001	0.005	0.051	0.464	<0.001	0.001	0.008	<0.001	0.021	0.043	0.021
IL15RA	0.295	0.007	<0.001	0.168	0.001	0.063	<0.001	0.034	<0.001	<0.001	<0.001	0.683	0.06
IL10RB	<0.001	0.152	0.057	<0.001	0.334	0.745	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.608
IL18R1	0.037	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.092	<0.001	<0.001	0.003	0.005	<0.001	0.072	<0.001
PDL1	<0.001	0.034	<0.001	0.943	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.231	<0.001	0.157	<0.001	<0.001
CXCL5	<0.001	0.819	<0.001	0.158	<0.001	<0.001	0.038	0.094	0.003	0.402	0.252	<0.001	<0.001
TRANCE	0.587	0.752	0.005	<0.001	0.033	0.416	<0.001	0.431	<0.001	<0.001	0.003	0.502	0.079
HGF	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.155	<0.001	0.084	<0.001	<0.001
IL12B	0.138	0.273	<0.001	0.002	<0.001	0.132	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	0.94	0.026
MMP10	0.283	0.652	0.064	0.52	0.805	0.677	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.109	0.534	0.232
IL10	0.003	0.024	0.781	0.099	0.443	0.317	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.049	0.051	0.877
TNF	0.919	0.194	<0.001	0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.033	<0.001
CCL23	0.745	0.625	<0.001	<0.001	0.068	0.032	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	0.031	0.047	0.01
CD5	<0.001	0.253	<0.001	0.089	<0.001	<0.001	<0.001	0.064	0.906	<0.001	0.167	<0.001	<0.001
CCL3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.041	<0.001	<0.001
FLT3L	0.446	0.116	0.214	<0.001	0.035	0.644	<0.001	0.618	<0.001	0.006	<0.001	0.342	0.098
CXCL6	<0.001	0.061	<0.001	0.254	<0.001	<0.001	0.01	0.002	0.013	0.376	0.103	<0.001	<0.001
CXCL10	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	0.001	0.024	<0.001	0.034	<0.001	<0.001

4EBP1	<0.001	0.068	<0.001	0.32	<0.001	<0.001	0.022	0.006	0.001	0.322	<0.001	<0.001	<0.001
SIRT2	<0.001	0.618	<0.001	0.699	<0.001	<0.001	0.326	0.105	<0.001	0.905	0.001	<0.001	<0.001
CCL28	0.016	0.955	0.001	0.962	0.146	<0.001	0.008	0.032	0.027	0.081	0.019	<0.001	0.001
DNER	0.01	0.213	0.031	<0.001	0.269	0.815	0.293	0.98	0.176	0.677	<0.001	0.091	0.006
ENRAGE	<0.001	0.301	<0.001	0.303	0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.37	0.094	0.23	<0.001	<0.001
CD40	<0.001	0.868	<0.001	0.979	<0.001	<0.001	0.003	0.033	0.005	0.14	0.008	<0.001	<0.001
IFNG	0.983	0.002	0.002	0.22	<0.001	0.103	<0.001	0.881	0.004	<0.001	0.011	0.855	0.011
FGF19	0.099	0.002	0.327	0.18	0.38	0.503	0.028	0.052	0.003	0.437	0.014	0.376	0.97
MCP2	<0.001	0.746	<0.001	0.059	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.31	0.002	0.306	<0.001	<0.001
CASP8	<0.001	0.038	<0.001	0.124	<0.001	<0.001	0.001	0.004	0.018	0.208	0.008	<0.001	<0.001
CCL25	0.035	0.205	0.078	0.02	0.013	0.031	<0.001	0.973	<0.001	0.013	<0.001	0.318	0.26
CX3CL1	<0.001	0.504	0.003	0.117	0.328	0.257	<0.001	0.212	<0.001	<0.001	<0.001	0.027	0.751
TNFRSF9	0.305	0.265	<0.001	0.008	<0.001	0.085	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.426	<0.001
NT3	0.747	0.357	0.18	0.029	0.056	0.054	0.178	0.385	0.084	0.526	0.005	0.048	0.055
TWEAK	0.001	0.001	<0.001	0.168	0.003	<0.001	0.005	0.024	0.02	0.447	<0.001	<0.001	<0.001
CCL20	0.007	0.039	0.001	0.002	0.029	0.111	<0.001	<0.001	0.469	0.004	0.225	<0.001	<0.001
ST1A1	<0.001	0.365	<0.001	0.658	<0.001	<0.001	0.826	0.147	<0.001	0.598	<0.001	<0.001	<0.001
STAMBP	<0.001	0.571	<0.001	0.705	<0.001	<0.001	0.324	0.113	<0.001	0.954	<0.001	<0.001	<0.001
ADA	<0.001	0.016	<0.001	0.045	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	0.521	0.006	0.342	<0.001	<0.001
TNFB	0.101	0.429	0.48	0.003	0.002	0.594	<0.001	0.966	0.079	0.002	<0.001	0.13	0.939
CSF1	0.001	0.463	0.003	0.065	0.025	0.518	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	0.091
Age	0.067	0.255	<0.001	0.547	0.159	0.035	<0.001	0.326	0.055	0.182	0.072	0.008	<0.001
Body mass index	0.033	0.005	0.037	<0.001	0.003	0.964	0.001	0.001	0.694	0.027	0.313	0.277	<0.001
Waist circumference	0.001	<0.001	0.008	0.001	0.072	0.613	<0.001	0.032	0.75	0.002	<0.001	0.084	<0.001
Educational attainment	0.868	0.01	0.452	0.541	0.375	0.432	0.537	0.159	0.33	0.064	0.015	0.894	0.262
Alcohol consumption	0.172	0.017	0.695	0.395	0.686	0.147	0.422	0.807	0.108	0.2	0.025	0.819	0.559
Systolic blood pressure	0.023	<0.001	0.023	0.042	0.175	0.115	0.023	0.025	0.882	0.045	0.2	0.137	0.009
Diastolic blood pressure	0.029	<0.001	0.278	0.001	0.995	0.145	0.68	0.557	0.464	0.623	0.009	0.212	0.217
Hemoglobin A1c	0.286	0.045	0.843	0.049	0.013	0.968	0.299	0.142	0.418	0.332	0.499	0.89	0.369
Duration of known diabetes	0.101	0.003	0.02	0.627	0.001	0.016	0.003	0.069	0.077	0.17	0.501	0.237	0.04
High-density lipoprotein	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	0.68	0.42	0.042	0.642	0.449	0.027	<0.001	0.136	0.003
Low-density lipoprotein	0.059	0.82	0.775	<0.001	0.898	0.699	0.398	0.5	0.021	0.314	0.962	0.103	0.206
Triglycerides	0.003	<0.001	0.051	<0.001	0.811	0.362	0.023	0.051	0.868	0.033	0.961	0.015	0.003
Albumin	0.035	0.196	0.995	0.692	0.888	0.576	0.058	0.013	0.085	0.238	0.356	0.028	0.566
Fibrinogen	0.866	0.861	0.002	0.076	0.067	0.541	<0.001	0.001	0.226	0.001	0.113	0.03	0.001
C-reactive protein	0.231	0.03	<0.001	0.014	0.192	0.44	<0.001	<0.001	0.025	<0.001	0.038	0.009	<0.001
Serum amyloid A	0.706	0.028	0.259	0.92	0.372	0.821	0.002	<0.001	0.327	0.165	0.015	0.887	0.13
Leucocyte count	<0.001	<0.001	0.072	0.491	0.662	0.962	0.258	0.104	0.204	0.176	<0.001	0.024	0.01
Serum adiponectin	0.014	0.874	0.019	0.325	0.835	0.153	0.02	<0.001	0.843	0.013	0.179	<0.001	0.002
Uric acid	<0.001	<0.001	0.024	0.039	0.319	0.963	<0.001	0.008	0.278	<0.001	<0.001	0.15	0.003
Creatinine	0.008	0.002	<0.001	0.924	0.489	0.288	<0.001	0.183	<0.001	0.001	0.002	0.454	<0.001
Rényi4, baseline	0.204	0.563	0.986	0.918	0.549	0.526	0.451	0.288	0.758	0.688	0.905	0.13	0.523
TP, baseline	0.66	0.444	0.63	0.729	0.873	0.281	0.816	0.093	0.443	0.833	0.683	0.232	0.47
SDWS, baseline	0.302	0.891	0.521	0.502	0.778	0.115	0.921	0.05	0.207	0.779	0.774	0.081	0.501
SDSA, baseline	0.439	0.308	0.99	0.536	0.508	0.382	0.623	0.232	0.517	0.975	0.641	0.102	0.962
CE, baseline	0.637	0.402	0.436	0.575	0.759	0.572	0.303	0.29	0.261	0.739	0.873	0.392	0.69
Rényi4, follow-up	0.486	0.079	0.759	0.333	0.707	0.961	0.408	0.084	0.851	0.451	0.375	0.527	0.795
TP, follow-up	0.395	0.102	0.881	0.595	0.372	0.919	0.474	0.093	0.944	0.939	0.685	0.82	0.981
SDWS, follow-up	0.69	0.303	0.316	0.753	0.577	0.626	0.819	0.038	0.341	0.678	0.477	0.132	0.803
SDSA, follow-up	0.958	0.011	0.385	0.548	0.657	0.813	0.717	0.041	0.968	0.572	0.393	0.249	0.066
CE, follow-up	0.989	0.054	0.725	0.801	0.781	0.853	0.36	0.04	0.941	0.35	0.386	0.312	0.19

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	CD163	GRN	NTPROF	PLC	LTBR	NOTCH2	TIMP4	CNTN1	CDH5	TLT2	FABP4	TFPI	PAI
BMP6	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.6
ANGPT1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.1	0.2	0.8
ADM	0.2	0.3	0.2	0.5	0.3	0.3	0.4	0.2	0.1	<0.1	0.5	0.1	0.1
CD40L	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.2	0.5	<0.1	0.1	0.7
PGF	0.2	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1
ADAMTS13	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1
BOC	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.4	0.2	0.4	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1
IL4RA	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
SRC	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2
IL1RA	0.3	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.5
TNFRSF10A	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3
STK4	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	0.3	<0.1	0.1	0.4
IDUA	0.2	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.4
TNFRSF11A	0.2	0.2	0.2	0.4	0.4	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	<0.1	0.2
PAR1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.5	<0.1	0.1	0.6
TRAILR2	0.2	0.2	<0.1	0.4	0.4	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2
PRSS27	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.3
TIE2	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.5	<0.1	0.2	0.1	<0.1
TF	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.1	<0.1
IL1RL2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1
PDGFB	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.8
IL27	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1
IL17D	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1
LOX1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.4
GAL9	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.4
GIF	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
SCF	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1
IL18	0.3	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2
PLGR	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1
RAGE	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1
SOD2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.4
CTRC	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1
FGF23	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1
SPON2	0.2	0.2	0.2	0.5	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.4	0.1	<0.1
GH	-0.2	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2
FS	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1
GLO1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.3	-0.1	-0.2	-0.2	0.4	-0.1	0.1	0.5
CD84	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.6	<0.1	0.1	0.6
SERPINA12	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1
REN	0.2	0.2	-0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
DECR1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	0.4	-0.1	0.1	0.5
MERTK	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.1
KIM1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1
THBS2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.3	<0.1	0.1
TM	0.2	0.2	<0.1	0.4	0.4	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2
VSIG2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.3	<0.1	<0.1
AMBP	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1
PRELP	0.2	0.2	0.1	0.4	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.4	0.1	0.1
HO1	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2
XCL1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
IL16	<0.1	<0.1	-0.2	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	0.4	<0.1	0.1	0.5
SORT1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.1	0.7
CEACAM8	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.4
PTX3	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
PSGL1	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3
CCL17	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.6
MMP7	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.2	0.1
IGGFC	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ITGB1BP2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	0.4	<0.1	0.1	0.5
DCN	0.2	0.2	0.1	0.4	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.3	<0.1	<0.1
DKK1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.5	0.1	0.2	0.8
LPL	-0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.2
PRSS8	0.2	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3
AGRP	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2
HBEGF	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.5	0.1	0.1	0.7

GDF2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.4	0.2	<0.1	0.2	0.1	-0.1
FABP2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
THPO	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.1	0.3	0.5
MARCO	0.6	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2
GT	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
MMP12	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
ACE2	0.3	0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2
PDL2	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	<0.1
CTSL1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1
HOSCAR	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1
TNFRSF13B	0.2	0.2	0.1	0.4	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1
TGM2	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
LEP	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.7	-0.1	0.1
CA5A	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2
HSP27	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CD4	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.5
NEMO	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.3	-0.1	-0.2	-0.3	0.4	-0.1	0.1	0.5
VEGFD	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.1
PARP1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	0.3	-0.1	<0.1	0.5
HAOX1	0.3	0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
TNFRSF14	0.2	0.3	0.1	0.4	0.6	0.2	0.1	0.1	0.2	0.7	0.1	0.3	0.6
LDL_RC	0.3	0.3	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	0.3	0.3
ITGB2	0.4	0.4	0.1	0.2	0.4	0.2	0.1	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	0.4
IL17RA	0.1	0.2	0.1	0.2	0.4	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	<0.1	0.2	0.4
TNFR2	0.5	0.6	0.2	0.6	0.7	0.5	0.3	0.3	0.5	0.6	0.3	0.3	0.3
MMP9	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3
EPHB4	0.3	0.5	0.2	0.7	0.7	0.6	0.4	0.5	0.6	0.4	0.2	0.3	<0.1
IL2RA	0.4	0.4	0.1	0.5	0.5	0.3	0.3	0.2	0.4	0.4	0.1	0.2	0.2
ALCAM	0.4	0.6	0.3	0.6	0.5	0.7	0.4	0.7	0.6	0.4	0.5	0.3	0.1
SELP	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.6	<0.1	0.2	0.7
CSTB	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.6	0.2	0.2	0.6
CD163	1	0.5	0.1	0.4	0.3	0.4	0.2	0.3	0.4	0.2	0.2	0.1	0.2
GRN	0.5	1	0.2	0.5	0.5	0.5	0.4	0.5	0.4	0.4	0.3	0.4	0.2
NTPROBNP	0.1	0.2	1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1
PLC	0.4	0.5	0.2	1	0.6	0.7	0.4	0.5	0.5	0.4	0.5	0.3	0.2
LTBR	0.3	0.5	0.2	0.6	1	0.5	0.3	0.4	0.4	0.5	0.2	0.3	0.2
NOTCH3	0.4	0.5	0.3	0.7	0.5	1	0.5	0.7	0.6	0.3	0.3	0.3	0.1
TIMP4	0.2	0.4	0.3	0.4	0.3	0.5	1	0.4	0.3	0.1	0.5	0.3	0.1
CNTN1	0.3	0.5	0.2	0.5	0.4	0.7	0.4	1	0.5	0.2	0.4	0.3	0.1
CDH5	0.4	0.4	0.1	0.5	0.4	0.6	0.3	0.5	1	0.3	0.3	0.2	0.1
TLT2	0.2	0.4	0.1	0.4	0.5	0.3	0.1	0.2	0.3	1	0.2	0.3	0.4
FABP4	0.2	0.3	0.2	0.5	0.2	0.3	0.5	0.4	0.3	0.2	1	0.1	0.2
TFPI	0.1	0.4	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	1	0.2
PAI	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.4	0.2	0.2	1
CCL24	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2
TR	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2
TNFRSF10C	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1
GDF15	0.3	0.4	0.1	0.5	0.5	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2
SELE	0.4	0.3	-0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.4	0.1	0.2	0.1	0.2
DLK1	0.2	0.3	<0.1	0.5	0.4	0.4	0.1	0.4	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2
MPO	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.4
CXCL16	0.3	0.5	0.2	0.5	0.5	0.5	0.4	0.5	0.5	0.2	0.4	0.4	0.2
IL6RA	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1
RETN	0.2	0.4	0.2	0.4	0.5	0.3	0.2	0.2	0.2	0.5	0.2	0.2	0.3
IGFBP1	-0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.2
CHIT1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
TRAP	0.4	0.4	<0.1	0.4	0.4	0.3	0.2	0.2	0.4	0.2	0.1	0.3	0.2
GP6	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.6	<0.1	0.2	0.7
PSPD	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1
EPCAM	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1
APN	0.4	0.4	<0.1	0.5	0.4	0.5	0.3	0.5	0.5	0.1	0.2	0.3	0.2
AXL	0.6	0.6	0.2	0.5	0.5	0.6	0.3	0.5	0.5	0.4	0.3	0.2	0.1
IL1RT1	0.3	0.5	0.2	0.6	0.5	0.6	0.4	0.5	0.6	0.3	0.2	0.3	<0.1
MMP2	0.3	0.5	0.3	0.6	0.4	0.7	0.4	0.6	0.5	0.2	0.2	0.3	0.1
FAS	0.3	0.4	0.1	0.5	0.7	0.4	0.2	0.3	0.4	0.5	0.2	0.3	0.3
MB	0.3	0.3	<0.1	0.5	0.4	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1
TNFSF13B	0.3	0.6	0.3	0.4	0.4	0.5	0.3	0.5	0.4	0.3	0.3	0.2	0.1
PCSK9	0.2	0.5	0.2	0.4	0.3	0.4	0.4	0.4	0.3	0.3	0.3	0.4	0.3
UPAR	0.4	0.5	0.2	0.4	0.6	0.3	0.2	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.4
OPN	0.3	0.4	0.2	0.5	0.5	0.5	0.3	0.4	0.4	0.2	0.2	0.3	0.1

PGLYRP1	0.3	0.4	0.2	0.5	0.4	0.3	0.3	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.2
CPA1	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1
JAMA	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	-0.2	<0.1	-0.1	-0.1	0.5	<0.1	0.2	0.6
GAL4	0.3	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.1	0.3	0.1	0.2
IL1RT2	0.4	0.4	<0.1	0.5	0.3	0.4	0.2	0.3	0.4	0.2	0.2	0.3	0.2
SHPS1	0.3	0.4	0.2	0.5	0.5	0.4	0.3	0.3	0.4	0.4	0.2	0.3	0.2
CCL15	0.1	0.4	0.1	0.5	0.4	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.1
CASP3	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.2	0.5	<0.1	0.2	0.6
CPB1	0.2	0.4	0.1	0.4	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1
CH13L1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2
ST2	0.4	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1
TPA	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2
SCGB3A2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1
EGFR	0.2	0.5	0.1	0.4	0.3	0.5	0.4	0.6	0.5	0.3	0.3	0.4	0.1
IGFBP7	0.5	0.5	0.2	0.7	0.5	0.6	0.4	0.5	0.5	0.3	0.3	0.4	0.2
CD93	0.3	0.5	0.2	0.7	0.7	0.6	0.3	0.5	0.6	0.4	0.2	0.3	<0.1
IL18BP	0.6	0.5	0.2	0.6	0.6	0.6	0.3	0.4	0.6	0.4	0.2	0.2	0.1
COL1A1	0.2	0.2	0.1	0.5	0.4	0.5	0.3	0.4	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1
PON3	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.4	0.2	0.1	<0.1	0.3	-0.1
CTSZ	0.3	0.5	0.1	0.5	0.6	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.3
MMP3	0.2	0.1	-0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1
RARRES2	0.2	0.5	0.1	0.6	0.5	0.3	0.4	0.3	0.3	0.5	0.5	0.4	0.5
ICAM2	0.2	0.3	0.1	0.4	0.3	0.4	0.3	0.3	0.6	0.3	0.2	0.2	0.1
KLK6	0.1	0.3	0.2	0.5	0.5	0.4	0.3	0.5	0.4	0.2	0.1	0.3	-0.1
PDGFA	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.1	0.3	0.9
TNFR1	0.4	0.5	0.2	0.7	0.8	0.5	0.3	0.4	0.5	0.5	0.4	0.3	0.3
IGFBP2	-0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.3	-0.2
VWF	0.3	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1
PECAM1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	<0.1	0.2	0.6
MEPE	0.2	0.3	<0.1	0.5	0.4	0.3	0.2	0.3	0.4	0.3	0.1	0.2	<0.1
CCL16	0.3	0.3	0.1	0.5	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2
IL8	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.6
VEGFA	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.4	0.2	0.1	0.6
CD8A	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1
MCP3	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.5
CDCP1	0.4	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1
CD244	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.5	<0.1	0.1	0.5
IL7	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.2	0.6
OPG	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1
LAP_TGFB1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.5	0.1	0.1	0.8
UPA	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.4	0.1	0.1	0.1	<0.1
IL6	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
MCP1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3
CXCL11	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.4	-0.1	0.1	0.5
AXIN1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2	<0.1	-0.3	-0.1	-0.2	-0.2	0.4	-0.1	0.1	0.5
TRAIL	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1
CXCL9	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
CST5	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1
OSM	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.4
CXCL1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.6
CCL4	0.3	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	0.6
CD6	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.4
TGFA	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3
MCP4	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.2	0.7
CCL11	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.4
TNFSF14	0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.6
MMP1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.6
LIFR	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	0.4	0.3	0.3	0.4	-0.1	0.2	0.1	-0.1
FGF21	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3
CCL19	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
IL15RA	0.3	0.2	0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1
IL10RB	0.2	0.2	0.1	0.4	0.4	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	<0.1
IL18R1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3
PDL1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.5	-0.1	<0.1	0.5
CXCL5	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.6
TRANCE	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2
HGF	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.6
IL12B	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	-0.1	0.1
MMP10	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
IL10	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1

TNF	0.4	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2
CCL23	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1
CD5	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.4
CCL3	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	0.5
FLT3L	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1
CXCL6	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.5	<0.1	0.1	0.6
CXCL10	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.3
4EBP1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	0.4	<0.1	0.1	0.6
SIRT2	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	0.4	<0.1	0.1	0.6
CCL28	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2
DNER	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
ENRAGE	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3
CD40	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.5	<0.1	0.1	0.5
IFNG	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
FGF19	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1
MCP2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.6
CASP8	<0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.6
CCL25	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	<0.1
CX3CL1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	-0.1
TNFRSF9	0.3	0.3	0.1	0.4	0.4	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2
NT3	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
TWEAK	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.4	<0.1	0.2	0.3
CCL20	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
ST1A1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	0.4	-0.1	<0.1	0.5
STAMBP	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	0.5	-0.1	0.1	0.6
ADA	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.1	0.5
TNFB	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1
CSF1	0.2	0.3	0.2	0.4	0.4	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	<0.1	<0.1
Age	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
Body mass index	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.4	-0.1	0.3
Waist circumference	0.3	<0.1	-0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3
Educational attainment	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	<0.1
Alcohol consumption	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.1
Systolic blood pressure	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2
Diastolic blood pressure	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
Hemoglobin A1c	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1
Duration of known diabetes	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
High-density lipoprotein	-0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1
Low-density lipoprotein	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.4	0.1
Triglycerides	0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2
Albumin	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.1
Fibrinogen	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
C-reactive protein	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2
Serum amyloid A	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1
Leucocyte count	-0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1
Serum adiponectin	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
Uric acid	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
Creatinine	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.1	0.1
Rényi4, baseline	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
TP, baseline	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
SDWS, baseline	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
SDSA, baseline	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CE, baseline	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Rényi4, follow-up	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1
TP, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDWS, follow-up	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1
SDSA, follow-up	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
CE, follow-up	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	CD163	GRN	NTPRO1	PLC	LTBR	NOTCH3	TIMP4	CNTN1	CDH5	TLT2	FABP4	TFPI	PAI
BMP6	0.396	1	0.79	1	1	1	0.438	0.499	1	<0.001	1	1	<0.001
ANGPT1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	<0.001	1	0.054	<0.001

ADM	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	0.104	1	<0.001	1	1
CD40L	1	1	0.484	0.28	1	0.011	0.478	0.466	0.07	<0.001	1	0.708	<0.001
PGF	<0.001	0.016	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.08	0.108	<0.001	1	0.247	1	1
ADAMTS13	1	0.187	1	1	1	0.004	0.932	<0.001	1	1	0.009	1	1
BOC	0.009	0.002	0.283	<0.001	0.001	<0.001	0.028	<0.001	<0.001	1	0.458	1	1
IL4RA	0.596	0.169	0.542	<0.001	0.001	<0.001	0.134	0.495	0.14	1	1	1	1
SRC	1	1	1	0.902	1	0.854	1	1	0.068	1	1	1	0.036
IL1RA	<0.001	0.814	0.15	1	0.855	1	1	0.918	1	<0.001	<0.001	1	<0.001
TNFRSF10A	0.005	0.002	1	<0.001	<0.001	0.121	0.123	1	0.049	0.016	<0.001	1	<0.001
STK4	1	0.745	0.795	0.008	1	<0.001	1	0.041	<0.001	<0.001	1	1	<0.001
IDUA	0.024	0.923	1	1	1	1	1	1	1	0.001	1	1	<0.001
TNFRSF11A	0.002	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.001	0.007	<0.001	1	0.006
PAR1	1	1	1	1	1	0.003	1	0.068	0.085	<0.001	1	0.92	<0.001
TRAILR2	0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.13	0.276	1	0.013	0.013	<0.001	0.419	<0.001
PRSS27	1	1	1	0.098	0.005	0.706	1	0.512	1	<0.001	1	1	<0.001
TIE2	0.008	0.01	1	<0.001	0.102	<0.001	0.623	<0.001	<0.001	1	0.04	1	1
TF	0.986	0.138	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.002	1	1
IL1RL2	0.223	0.725	0.285	0.006	1	0.002	0.021	<0.001	0.007	0.033	<0.001	1	0.211
PDGFB	1	1	1	1	1	1	1	1	0.414	<0.001	1	0.129	<0.001
IL27	<0.001	0.022	1	0.021	0.038	0.001	0.257	0.386	0.199	1	0.608	1	1
IL17D	1	0.106	0.003	<0.001	0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.029	1	<0.001	1	1
LOX1	0.023	0.304	1	0.858	1	1	1	1	1	<0.001	1	0.375	<0.001
GAL9	<0.001	0.042	1	0.22	0.199	1	1	0.24	1	<0.001	0.022	1	<0.001
GIF	1	1	1	<0.001	0.067	0.007	0.214	0.008	0.462	1	0.102	1	1
SCF	1	0.075	0.848	0.005	0.01	<0.001	0.115	<0.001	0.013	1	1	0.301	1
IL18	<0.001	1	0.17	1	0.616	1	1	1	0.308	0.018	1	1	<0.001
PLGR	1	0.007	0.898	<0.001	<0.001	0.354	0.009	0.009	0.79	1	0.006	1	1
RAGE	1	0.128	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.22
SOD2	1	1	1	1	1	1	1	1	0.47	<0.001	1	1	<0.001
CTRC	1	0.765	1	1	1	1	1	0.29	0.057	1	0.051	1	0.929
FGF23	0.619	0.604	0.974	<0.001	0.123	1	0.579	0.13	1	1	<0.001	1	1
SPON2	0.039	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1
GH	0.001	1	0.004	1	1	1	0.577	0.145	1	1	0.076	1	0.033
FS	1	0.178	1	0.003	0.838	0.837	0.07	1	0.94	1	<0.001	0.555	1
GLO1	1	1	0.334	0.011	1	<0.001	0.159	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001
CD84	1	1	1	1	0.975	0.152	1	0.918	0.217	<0.001	1	0.783	<0.001
SERPINA12	1	1	1	1	1	1	1	0.04	1	1	0.008	0.631	1
REN	0.007	0.065	<0.001	0.028	0.12	1	1	1	0.103	1	1	1	0.178
DECR1	1	1	0.149	0.01	1	<0.001	0.442	0.002	<0.001	<0.001	1	1	<0.001
MERTK	1	0.108	0.937	0.029	1	0.406	0.375	0.001	0.004	0.578	0.379	0.363	0.435
KIM1	0.532	1	1	0.039	1	0.37	0.506	0.867	1	0.966	<0.001	1	1
THBS2	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.007	<0.001	0.02	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1
TM	<0.001	0.004	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.357	0.012	<0.001	<0.001	0.001	0.866	0.002
VSIG2	0.028	0.007	0.386	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1
AMBP	0.282	0.109	1	<0.001	<0.001	0.029	0.005	1	0.069	1	<0.001	0.176	1
PRELP	0.006	0.009	0.214	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	1	<0.001	0.211	1
HO1	<0.001	0.153	0.232	0.023	0.09	0.484	0.972	1	0.049	0.433	0.651	1	<0.001
XCCL1	<0.001	0.207	1	0.589	0.006	0.744	1	1	0.891	0.179	1	1	0.001
IL16	1	1	0.065	1	1	0.007	0.503	0.03	0.035	<0.001	1	1	<0.001
SORT1	0.413	1	0.81	1	0.178	1	1	1	1	<0.001	0.226	0.09	<0.001
CEACAM8	<0.001	0.108	1	0.064	0.063	1	1	1	1	<0.001	0.545	0.024	<0.001
PTX3	1	0.058	1	0.065	<0.001	0.005	0.094	0.162	0.302	1	1	1	1
PSGL1	1	1	0.021	1	1	1	1	1	1	1	0.918	1	<0.001
CCL17	1	1	1	1	0.145	0.432	1	1	1	<0.001	1	0.137	<0.001
MMP7	1	0.557	0.263	0.017	0.941	0.167	0.001	0.001	1	1	<0.001	0.053	1
IGGFC	1	1	1	1	1	1	1	1	0.487	1	1	1	1
ITGB1BP2	1	1	1	0.101	1	<0.001	0.573	0.028	<0.001	<0.001	1	1	<0.001
DCN	<0.001	0.003	0.278	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1
DKK1	1	1	1	1	1	1	1	1	0.85	<0.001	1	0.061	<0.001
LPL	0.205	1	<0.001	1	1	0.001	<0.001	<0.001	0.71	1	<0.001	1	0.041
PRSS8	<0.001	0.814	0.266	<0.001	0.05	1	0.978	1	0.019	1	0.449	1	<0.001
AGRP	0.27	1	1	<0.001	0.47	1	0.126	0.676	1	1	0.283	0.045	0.064
HBEGF	1	1	1	1	0.595	1	1	1	1	<0.001	1	0.121	<0.001
GDF2	1	0.003	0.2	0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	1	<0.001	0.142	1
FABP2	0.624	1	1	0.002	1	1	0.78	0.175	1	1	0.08	1	1
THPO	0.188	1	1	1	0.094	1	1	1	1	<0.001	0.341	<0.001	<0.001
MARCO	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.473	0.001	0.086	0.01	0.026	0.454	0.001	0.651	0.001
GT	1	1	1	1	1	1	0.086	0.141	1	1	0.386	0.431	1
MMP12	0.02	0.015	0.069	0.002	0.069	0.432	0.088	1	1	0.645	0.095	0.28	0.833
ACE2	<0.001	1	0.01	0.144	1	0.897	1	1	0.632	0.461	1	1	<0.001

PDL2	<0.001	0.004	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.023	<0.001	<0.001	1	0.02	1	1
CTSL1	<0.001	0.042	1	<0.001	0.003	0.001	0.068	0.04	0.035	1	0.001	1	1
HOSCAR	<0.001	0.045	1	<0.001	0.001	0.239	0.099	1	0.037	0.085	0.002	1	1
TNFRSF13B	0.005	<0.001	0.345	<0.001	<0.001	0.004	0.009	0.12	0.013	0.037	<0.001	1	0.856
TGM2	0.968	0.679	1	0.023	0.026	1	1	1	1	1	1	1	0.004
LEP	1	0.056	<0.001	0.002	1	0.95	<0.001	0.001	1	1	<0.001	1	0.622
CA5A	<0.001	1	0.213	1	1	1	0.848	0.797	1	1	1	0.562	0.023
HSP27	1	1	1	1	0.062	1	1	1	1	0.118	1	1	0.25
CD4	0.045	0.554	1	1	0.052	1	1	0.357	1	<0.001	1	0.546	<0.001
NEMO	1	0.291	0.104	0.006	1	<0.001	0.116	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001
VEGFD	1	0.039	0.023	0.004	0.069	<0.001	0.001	<0.001	0.002	1	0.377	0.07	1
PARP1	1	1	0.006	0.06	1	<0.001	0.114	0.001	0.003	<0.001	1	1	<0.001
HAOX1	<0.001	1	0.003	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0.046
TNFRSF14	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.039	0.468	0.732	<0.001	<0.001	0.166	<0.001	<0.001
LDL_RC	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ITGB2	<0.001	<0.001	1	0.003	<0.001	0.001	0.914	0.012	<0.001	<0.001	0.025	0.057	<0.001
IL17RA	0.092	<0.001	1	0.019	<0.001	1	1	1	0.353	<0.001	1	<0.001	<0.001
TNFR2	<0.001	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP9	<0.001	0.001	1	0.002	0.024	0.007	0.085	1	0.062	<0.001	0.844	0.149	<0.001
EPHB4	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
IL2RA	<0.001	<0.001	0.25	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.086	<0.001	0.003
ALCAM	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.9
SELP	1	1	1	1	0.008	1	1	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001
CSTB	<0.001	<0.001	1	0.001	<0.001	1	1	1	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001
CD163	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.087	0.001
GRN	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.054
NTPROBNP	0.303	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	0.842	0.144	0.003	1	0.495
PLC	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003
LTBR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
NOTCH3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
TIMP4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.734	<0.001	<0.001	1
CNTN1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
CDH5	<0.001	<0.001	0.04	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
TLT2	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	0.034	<0.001	<0.001	<0.001	0.028	<0.001	<0.001
FABP4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.095	0.007
TFPI	0.003	<0.001	0.162	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001
PAI	<0.001	0.002	0.022	<0.001	<0.001	0.142	0.062	0.068	0.133	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL24	0.001	0.039	0.153	0.001	0.027	<0.001	0.185	0.088	0.009	0.007	0.802	0.006	0.001
TR	<0.001	<0.001	0.097	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF10C	0.176	<0.001	0.06	<0.001	<0.001	<0.001	0.046	0.002	<0.001	<0.001	0.003	0.06	0.321
GDF15	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
SELE	<0.001	<0.001	0.063	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.061	<0.001	0.003	<0.001
DLK1	<0.001	<0.001	0.317	<0.001	<0.001	<0.001	0.036	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.001
MPO	<0.001	<0.001	0.843	0.554	<0.001	0.986	0.851	0.709	0.971	<0.001	0.315	0.009	<0.001
CXCL16	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL6RA	<0.001	<0.001	0.252	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.138	<0.001	<0.001	0.533
RETN	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IGFBP1	0.048	<0.001	<0.001	0.003	0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.069	0.051	0.254	<0.001	0.002
CHIT1	0.006	0.005	0.139	<0.001	<0.001	<0.001	0.065	0.053	0.003	<0.001	0.197	0.013	0.041
TRAP	<0.001	<0.001	0.918	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001
GP6	0.418	0.23	0.171	0.506	0.001	0.012	0.38	0.079	0.044	<0.001	0.961	<0.001	<0.001
PSPD	<0.001	<0.001	0.106	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	0.113	0.015	0.064
EPCAM	0.067	0.012	0.689	0.021	0.894	0.157	<0.001	<0.001	0.013	0.253	0.001	0.223	0.923
APN	<0.001	<0.001	0.48	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.001
AXL	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.233
IL1RT1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.922
MMP2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.269
FAS	<0.001	<0.001	0.064	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MB	<0.001	<0.001	0.812	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.003
TNFSF13B	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006
PCSK9	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
UPAR	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
OPN	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.04
PGLYRP1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CPA1	0.001	<0.001	0.681	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.399	0.013	<0.001	0.088
JAMA	0.431	0.068	0.224	0.283	0.001	0.002	0.417	0.077	0.014	<0.001	0.699	<0.001	<0.001
GAL4	<0.001	<0.001	0.347	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.021	<0.001	0.015	<0.001
IL1RT2	<0.001	<0.001	0.339	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SHPS1	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL15	0.01	<0.001	0.041	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007

CASP3	0.844	0.444	0.081	0.131	0.04	0.001	0.238	0.024	0.002	<0.001	0.625	0.001	<0.001
CPB1	<0.001	<0.001	0.193	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.06	0.001	<0.001	0.051
CHI3L1	<0.001	<0.001	0.273	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.708	<0.001	0.159	0.045	0.079	<0.001
ST2	<0.001	<0.001	0.338	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.019	<0.001	0.152	0.776	<0.001	0.004
TPA	<0.001	0.009	0.931	<0.001	<0.001	0.014	0.004	0.074	<0.001	0.002	0.096	<0.001	<0.001
SCGB3A2	0.503	0.001	0.045	0.055	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.119	0.499	<0.001	0.343
EGFR	<0.001	<0.001	0.026	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.145
IGFBP7	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD93	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.316
IL18BP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.139
COL1A1	<0.001	<0.001	0.042	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.046
PON3	0.159	<0.001	0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	0.97	<0.001	0.003
CTSZ	<0.001	<0.001	0.225	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001
MMP3	<0.001	0.015	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	0.021	0.458	<0.001	0.416	0.006	<0.001	0.698
RARRES2	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ICAM2	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.031
KLK6	0.006	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	0.213
PDGFA	0.17	0.003	0.439	0.159	<0.001	0.84	0.45	0.407	0.684	<0.001	0.203	<0.001	<0.001
TNFR1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IGFBP2	0.09	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.543	<0.001	0.001
VWF	<0.001	<0.001	0.047	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.001	<0.001	0.235	0.001	0.001	0.035
PECAM1	0.021	0.003	0.161	0.901	<0.001	0.087	0.902	0.387	0.945	<0.001	0.893	<0.001	<0.001
MEPE	<0.001	<0.001	0.529	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.043	<0.001	0.338
CCL16	<0.001	<0.001	0.228	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.017	<0.001	<0.001	<0.001
IL8	<0.001	0.002	0.044	0.406	0.008	0.424	0.281	0.51	0.757	<0.001	0.102	0.033	<0.001
VEGFA	<0.001	0.002	0.954	<0.001	<0.001	0.108	0.001	0.139	0.068	<0.001	<0.001	0.03	<0.001
CD8A	<0.001	<0.001	0.052	0.041	<0.001	0.009	0.327	0.105	0.003	0.002	0.595	0.188	0.31
MCP3	<0.001	0.002	0.396	0.007	<0.001	0.429	0.135	0.852	0.572	<0.001	0.002	0.034	<0.001
CDCP1	<0.001	<0.001	0.753	<0.001	<0.001	<0.001	0.071	0.01	<0.001	0.07	0.007	0.447	0.006
CD244	0.001	0.64	0.008	0.288	0.031	0.051	0.068	0.02	0.261	<0.001	0.686	0.184	<0.001
IL7	0.417	0.72	0.242	0.058	0.562	0.068	0.237	0.097	0.017	<0.001	0.845	0.001	<0.001
OPG	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.429	<0.001	0.071	0.453
LAP_TGFB1	0.104	0.297	0.077	0.97	0.015	0.412	0.989	0.182	0.571	<0.001	0.138	0.014	<0.001
UPA	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	0.003	0.044	0.719
IL6	<0.001	0.001	0.641	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	0.091	0.059	0.28	<0.001	0.033	0.006
MCP1	<0.001	<0.001	0.102	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.047	<0.001	0.021	0.016	0.015	<0.001
CXCL11	0.026	0.691	0.098	0.053	0.514	0.033	0.05	0.004	0.028	<0.001	0.151	0.042	<0.001
AXIN1	0.77	0.027	0.002	<0.001	0.421	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	0.126	0.119	<0.001
TRAIL	<0.001	0.001	0.23	0.001	0.011	0.012	0.004	0.003	0.001	0.081	0.004	0.011	0.607
CXCL9	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	0.004	0.014	0.009	0.34	0.069	<0.001	0.01	0.195	0.188
CST5	0.028	0.001	0.005	<0.001	0.009	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.914	0.072	0.328	0.03
OSM	0.005	0.096	0.034	0.582	0.226	0.95	0.538	0.057	0.928	<0.001	0.696	0.216	<0.001
CXCL1	0.419	0.432	0.052	0.02	0.396	<0.001	0.103	0.01	0.002	<0.001	0.589	0.011	<0.001
CCL4	<0.001	0.009	0.125	0.007	0.002	0.21	0.901	0.644	0.143	<0.001	0.079	0.063	<0.001
CD6	0.017	0.377	0.032	0.571	0.585	0.214	0.543	0.156	0.552	<0.001	0.545	0.051	<0.001
TGFA	<0.001	<0.001	0.178	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.019	<0.001	<0.001	<0.001	0.123	<0.001
MCP4	0.697	0.869	0.062	0.781	0.053	0.3	0.151	0.129	0.058	<0.001	0.896	0.002	<0.001
CCL11	0.005	0.116	0.994	0.989	0.143	0.014	0.498	0.825	0.386	0.002	0.086	0.011	<0.001
TNFSF14	0.171	0.972	<0.001	0.067	0.284	0.002	0.189	0.001	0.003	<0.001	0.632	0.062	<0.001
MMP1	0.238	0.946	0.279	0.389	0.025	0.237	0.648	0.636	0.094	<0.001	0.595	0.125	<0.001
LIFR	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.077	<0.001	0.256	0.194
FGF21	0.007	0.02	0.886	<0.001	0.007	0.737	<0.001	0.079	0.846	0.678	<0.001	<0.001	<0.001
CCL19	<0.001	0.003	0.634	0.004	0.005	0.018	0.031	0.373	0.021	0.021	0.007	0.004	0.012
IL15RA	<0.001	<0.001	0.029	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.131	<0.001	<0.001	0.123	0.963	0.287
IL10RB	<0.001	<0.001	0.158	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.524	0.992
IL18R1	<0.001	<0.001	0.808	<0.001	0.001	0.002	0.17	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	0.206	<0.001
PDL1	0.005	0.24	0.032	0.788	0.001	0.102	0.064	0.001	0.515	<0.001	0.026	0.412	<0.001
CXCL5	0.36	0.818	0.64	0.066	0.234	0.02	0.236	0.327	0.019	<0.001	0.322	0.009	<0.001
TRANCE	0.002	0.006	0.033	<0.001	0.001	0.001	0.014	0.001	0.027	<0.001	0.001	0.008	0.001
HGF	<0.001	<0.001	0.145	<0.001	<0.001	0.013	0.031	0.164	0.008	<0.001	<0.001	0.095	<0.001
IL12B	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.054	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.156	0.045
MMP10	0.001	0.002	0.089	0.006	0.001	<0.001	0.065	0.227	0.137	0.115	0.524	0.033	0.969
IL10	<0.001	<0.001	0.224	0.002	0.018	0.002	<0.001	0.199	0.047	0.552	0.077	0.961	0.964
TNF	<0.001	<0.001	0.02	<0.001	<0.001	0.003	0.001	0.14	<0.001	<0.001	<0.001	0.432	<0.001
CCL23	0.724	0.001	0.106	<0.001	<0.001	0.534	0.047	0.72	0.586	0.001	0.001	0.001	0.011
CD5	0.047	0.367	0.037	0.977	0.012	0.124	0.043	0.015	0.306	<0.001	0.975	0.608	<0.001
CCL3	<0.001	<0.001	0.609	<0.001	<0.001	0.108	0.66	0.804	0.062	<0.001	0.007	0.068	<0.001
FLT3L	0.049	<0.001	0.078	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	0.984	<0.001	0.537	0.294
CXCL6	0.303	0.943	0.027	0.256	0.347	0.024	0.093	0.024	0.04	<0.001	0.776	0.013	<0.001
CXCL10	<0.001	0.002	0.415	<0.001	0.001	0.018	0.511	0.469	0.081	<0.001	0.015	0.261	<0.001

4EBP1	0.812	0.417	0.002	0.03	0.478	<0.001	0.056	<0.001	<0.001	<0.001	0.438	0.138	<0.001
SIRT2	0.555	0.179	0.013	0.001	0.868	<0.001	0.037	<0.001	<0.001	<0.001	0.447	0.084	<0.001
CCL28	0.027	0.015	0.082	0.332	0.108	<0.001	0.086	0.007	0.054	0.071	0.215	0.017	0.002
DNER	0.097	0.013	0.066	0.198	0.877	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	0.488	0.876	0.013	0.783
ENRAGE	0.192	0.493	0.036	0.827	0.007	0.531	0.898	0.015	0.074	<0.001	0.521	0.006	<0.001
CD40	0.673	0.584	0.03	0.056	0.25	<0.001	0.023	<0.001	0.002	<0.001	0.569	0.093	<0.001
IFNG	<0.001	<0.001	0.157	0.001	0.008	0.175	0.07	0.419	0.023	0.012	0.034	0.909	0.249
FGF19	0.192	0.005	0.392	0.019	0.121	0.002	0.025	0.018	0.001	0.788	0.283	<0.001	0.356
MCP2	0.004	0.049	0.509	0.258	0.014	0.534	0.261	0.434	0.532	<0.001	0.664	0.007	<0.001
CASP8	0.61	0.958	0.002	0.18	0.169	0.002	0.182	0.004	0.007	<0.001	0.899	0.261	<0.001
CCL25	0.002	<0.001	0.362	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.528	0.002	<0.001	0.895
CX3CL1	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	0.015	0.509	0.159
TNFRSF9	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.209	0.001
NT3	0.859	0.018	0.017	0.04	0.014	0.083	0.006	0.001	0.12	0.178	0.256	0.038	0.191
TWEAK	0.45	0.024	0.096	0.082	0.007	<0.001	0.077	<0.001	<0.001	<0.001	0.52	<0.001	<0.001
CCL20	<0.001	0.028	0.25	0.14	0.161	0.039	0.099	0.296	0.11	0.003	0.085	0.004	<0.001
ST1A1	0.482	0.013	0.005	<0.001	0.234	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.184	0.79	<0.001
STAMBP	0.683	0.094	0.006	0.001	0.847	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	0.168	0.118	<0.001
ADA	0.016	0.116	0.003	0.755	0.038	0.204	0.295	0.224	0.677	<0.001	0.51	0.176	<0.001
TNFB	<0.001	<0.001	<0.001	0.04	0.305	<0.001	0.036	0.001	0.005	0.006	<0.001	0.171	0.852
CSF1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.368	0.572
Age	0.015	0.802	0.005	<0.001	0.001	0.002	0.219	0.381	0.295	0.007	0.027	0.657	0.022
Body mass index	<0.001	0.077	0.921	<0.001	0.217	0.69	<0.001	0.167	0.301	0.313	<0.001	0.139	<0.001
Waist circumference	<0.001	0.88	<0.001	<0.001	0.066	0.79	0.617	0.001	0.07	0.778	0.012	0.338	<0.001
Educational attainment	0.345	0.075	0.012	0.257	0.695	0.35	0.018	0.422	0.603	0.817	<0.001	0.313	0.659
Alcohol consumption	0.84	0.269	<0.001	0.114	0.823	0.193	0.631	0.005	0.91	0.135	<0.001	0.345	0.118
Systolic blood pressure	<0.001	0.753	0.865	0.27	0.744	0.964	0.523	0.082	0.498	0.654	0.35	0.243	0.002
Diastolic blood pressure	0.13	0.106	0.298	0.49	0.291	0.188	0.334	0.022	0.357	0.988	0.337	0.249	0.004
Hemoglobin A1c	0.014	0.109	0.854	0.489	0.974	0.382	0.745	0.2	0.959	0.55	0.001	0.597	0.158
Duration of known diabetes	0.137	0.06	0.135	0.878	0.243	0.227	0.813	0.272	0.034	0.781	0.934	0.258	0.108
High-density lipoprotein	0.002	0.223	0.001	0.906	0.863	<0.001	<0.001	<0.001	0.207	0.266	0.024	0.42	0.011
Low-density lipoprotein	0.883	0.529	0.045	0.863	0.552	0.176	0.589	0.775	0.073	0.183	0.096	<0.001	0.25
Triglycerides	<0.001	0.697	0.062	0.005	0.504	0.186	0.458	0.328	0.357	0.19	<0.001	0.069	<0.001
Albumin	0.851	0.434	0.002	0.284	0.081	0.079	<0.001	0.898	0.89	0.766	0.002	0.951	0.233
Fibrinogen	0.003	0.021	0.408	0.034	0.005	0.326	0.05	0.523	0.123	0.036	<0.001	0.008	0.055
C-reactive protein	0.001	<0.001	0.67	0.002	<0.001	0.332	0.028	0.255	0.191	0.003	<0.001	0.253	<0.001
Serum amyloid A	0.089	0.021	0.227	0.303	0.123	0.327	0.001	0.699	0.523	0.644	<0.001	0.969	0.187
Leucocyte count	0.01	0.034	<0.001	0.475	0.318	<0.001	<0.001	<0.001	0.561	0.604	<0.001	0.033	0.004
Serum adiponectin	0.832	0.151	0.904	0.681	0.213	0.08	0.405	0.025	0.125	0.134	0.463	0.405	<0.001
Uric acid	<0.001	0.784	<0.001	0.001	0.228	0.029	0.148	<0.001	0.98	0.427	0.414	0.779	<0.001
Creatinine	0.098	0.519	<0.001	<0.001	<0.001	0.283	0.094	0.004	0.841	0.217	0.002	0.137	0.192
Rényi4, baseline	0.182	0.62	0.519	0.585	0.3	0.71	0.334	0.587	0.966	0.876	0.114	0.219	0.577
TP, baseline	0.136	0.652	0.573	0.61	0.66	0.655	0.102	0.744	0.794	0.971	0.077	0.141	0.475
SDWS, baseline	0.31	0.998	0.332	0.828	0.654	0.968	0.228	0.564	0.367	0.987	0.437	0.098	0.143
SDSA, baseline	0.611	0.638	0.018	0.804	0.607	0.786	0.492	0.855	0.618	0.892	0.362	0.989	0.773
CE, baseline	0.525	0.914	0.278	0.969	0.501	0.68	0.437	0.725	0.64	0.958	0.277	0.356	0.446
Rényi4, follow-up	0.233	0.831	0.401	0.985	0.513	0.718	0.617	0.231	0.293	0.077	0.257	0.556	0.912
TP, follow-up	0.364	0.991	0.343	0.86	0.531	0.645	0.688	0.704	0.31	0.064	0.043	0.331	0.491
SDWS, follow-up	0.559	0.413	0.03	0.984	0.771	0.861	0.439	0.604	0.068	0.029	0.192	0.176	0.693
SDSA, follow-up	0.11	0.98	0.258	0.258	0.864	0.567	0.405	0.081	0.7	0.028	0.206	0.918	0.832
CE, follow-up	0.205	0.991	0.999	0.879	0.631	0.933	0.913	0.185	0.787	0.021	0.59	0.64	0.936

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	CCL24	TR	TNFRSF	GDF15	SELE	DLK1	MPO	CXCL16	IL6RA	RETN	IGFBP1	CHIT1	TRAP
BMP6	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1
ANGPT1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1
ADM	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1
CD40L	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
PGF	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2
ADAMTS13	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1
BOC	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
IL4RA	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
SRC	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
IL1RA	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.5	0.1	<0.1	0.3	-0.3	0.1	0.1
TNFRSF10A	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1
STK4	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1
IDUA	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1
TNFRSF11A	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	0.1	0.3	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1
PAR1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
TRAILR2	0.1	0.1	0.1	0.5	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2
PRSS27	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
TIE2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1
TF	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2
IL1RL2	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PDGFB	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1
IL27	-0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
IL17D	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1
LOX1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.4	<0.1	0.2	0.1
GAL9	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.2	0.1
GIF	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1
SCF	0.1	0.3	0.1	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1
IL18	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.1	0.2
PLGR	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
RAGE	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1
SOD2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1
CTRC	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
FGF23	<0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
SPON2	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1
GH	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.2
FS	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1
GLO1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.1	-0.2	0.1	-0.1	<0.1	<0.1
CD84	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
SERPINA12	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
REN	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.1	0.3
DECR1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.2	-0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1
MERTK	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
KIM1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1
THBS2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.2
TM	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2
VSIG2	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
AMBP	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1
PRELP	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
HO1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.3
XCL1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
IL16	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.5	-0.1	-0.1	0.2	-0.2	0.1	0.1
SORT1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1
CEACAM8	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.1	0.4	0.1	0.1	0.4	-0.1	0.1	0.2
PTX3	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
PSGL1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.1
CCL17	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1
MMP7	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
IGGFC	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
ITGB1BP2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1
DCN	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2
DKK1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
LPL	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.2
PRSS8	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.2	0.1	0.3
AGRP	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
HBEGF	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1

GDF2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.1
FABP2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
THPO	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
MARCO	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2
GT	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1
MMP12	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1
ACE2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.3	-0.1	0.4
PDL2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
CTSL1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2
HOSCAR	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1
TNFRSF13B	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2
TGM2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2
LEP	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1
CA5A	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.2
HSP27	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CD4	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.1	0.1
NEMO	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.2	-0.2	0.1	-0.1	<0.1	<0.1
VEGFD	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1
PARP1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.2	-0.2	0.1	-0.2	0.1	0.1
HAOX1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.3	-0.1	0.3
TNFRSF14	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.6	0.2	<0.1	0.5	<0.1	0.2	0.3
LDL_RC	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.3	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.3
ITGB2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.7	0.2	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2
IL17RA	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.5	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.3
TNFR2	0.1	0.2	0.2	0.5	0.3	0.4	0.3	0.4	0.2	0.5	0.1	0.2	0.5
MMP9	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.4	-0.1	0.2	0.2
EPHB4	0.1	0.2	0.1	0.5	0.3	0.4	<0.1	0.5	0.2	0.4	0.2	0.2	0.4
IL2RA	0.1	0.1	0.1	0.4	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.4	0.1	0.2	0.3
ALCAM	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.4	<0.1	0.5	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3
SELP	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.1	0.1
CSTB	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.5	0.2	<0.1	0.4	<0.1	0.2	0.3
CD163	0.2	0.2	0.1	0.3	0.4	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.4
GRN	0.1	0.3	0.2	0.4	0.3	0.3	0.2	0.5	0.2	0.4	0.2	0.1	0.4
NTPROBNP	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1
PLC	0.2	0.2	0.2	0.5	0.3	0.5	<0.1	0.5	0.3	0.4	0.1	0.2	0.4
LTBR	0.1	0.2	0.2	0.5	0.2	0.4	0.3	0.5	0.2	0.5	0.2	0.2	0.4
NOTCH3	0.2	0.3	0.2	0.4	0.3	0.4	<0.1	0.5	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3
TIMP4	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2
CNTN1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.4	<0.1	0.5	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2
CDH5	0.1	0.2	0.2	0.3	0.4	0.3	<0.1	0.5	0.2	0.2	0.1	0.1	0.4
TLT2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.5	0.1	0.2	0.2
FABP4	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1
TFPI	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3
PAI	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	<0.1	0.3	-0.2	0.1	0.2
CCL24	1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2
TR	0.1	1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1
TNFRSF10C	<0.1	0.1	1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1
GDF15	0.1	0.2	0.2	1	0.3	0.2	0.1	0.4	0.1	0.4	0.2	0.2	0.4
SELE	0.1	0.1	0.1	0.3	1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	-0.2	<0.1	0.3
DLK1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	1	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2
MPO	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	1	<0.1	<0.1	0.4	-0.1	0.1	0.2
CXCL16	0.1	0.2	0.2	0.4	0.2	0.3	<0.1	1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.4
IL6RA	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	1	0.2	0.1	0.1	0.2
RETN	0.1	0.2	0.3	0.4	0.2	0.2	0.4	0.3	0.2	1	0.1	0.2	0.2
IGFBP1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	-0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	1	0.1	-0.1
CHIT1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	1	0.1
TRAP	0.2	0.1	0.1	0.4	0.3	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	-0.1	0.1	1
GP6	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	<0.1	-0.1	0.3	-0.1	0.1	0.1
PSPD	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
EPCAM	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
APN	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.5
AXL	0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.4	<0.1	0.4	0.2	0.3	0.1	0.1	0.4
IL1RT1	0.1	0.3	0.1	0.4	0.3	0.3	<0.1	0.5	0.3	0.2	0.3	0.2	0.4
MMP2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.5	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3
FAS	0.1	0.1	0.2	0.4	0.2	0.3	0.3	0.4	0.2	0.4	<0.1	0.1	0.5
MB	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.4	0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3
TNFSF13B	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.4	0.2	0.4	0.2	0.2	0.3
PCSK9	0.2	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.5	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3
UPAR	0.1	0.2	0.2	0.5	0.2	0.2	0.6	0.3	0.1	0.6	0.1	0.2	0.4
OPN	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	0.3	0.1	0.4	0.2	0.3	0.2	0.2	0.4

PGLYRP1	0.2	0.2	0.3	0.4	0.2	0.1	0.3	0.4	0.2	0.6	0.1	0.2	0.3
CPA1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.3
JAMA	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.5	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1
GAL4	0.1	0.1	0.1	0.4	0.4	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3
IL1RT2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.1	-0.1	0.1	0.5
SHPS1	0.1	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	0.4	0.1	0.3	0.3
CCL15	0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3
CASP3	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1
CPB1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.3
CHI3L1	0.1	0.1	0.1	0.4	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3
ST2	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.4
TPA	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.4
SCGB3A2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.4	<0.1	0.1
EGFR	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.5	0.3	0.1	0.2	0.1	0.3
IGFBP7	0.2	0.3	0.1	0.5	0.4	0.4	0.1	0.5	0.3	0.3	0.1	0.1	0.5
CD93	0.2	0.1	0.2	0.4	0.2	0.5	0.1	0.5	0.2	0.4	0.3	0.2	0.3
IL18BP	0.1	0.2	0.2	0.5	0.4	0.4	0.1	0.4	0.3	0.4	0.1	0.3	0.4
COL1A1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2
PON3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.2	<0.1	0.4	0.1	<0.1
CTSZ	0.1	0.1	0.2	0.5	0.3	0.3	0.2	0.4	0.1	0.4	<0.1	0.2	0.4
MMP3	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.4
RARRES2	0.1	0.3	0.2	0.4	0.2	0.2	0.2	0.5	0.2	0.4	0.1	0.2	0.3
ICAM2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.5	0.3	0.1	0.4	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2
KLK6	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	-0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2
PDGFA	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.5	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1
TNFR1	0.1	0.2	0.2	0.6	0.3	0.5	0.2	0.5	0.2	0.5	0.1	0.2	0.5
IGFBP2	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.6	0.2	0.1
VWF	0.1	0.2	0.1	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.3
PECAM1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2
MEPE	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3
CCL16	0.1	0.1	0.1	0.4	0.2	0.1	0.1	0.4	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.4
IL8	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2
VEGFA	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.3	-0.1	0.2	0.1
CD8A	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1
MCP3	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1
CDCP1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.4	0.3
CD244	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.3	-0.1	0.1	<0.1
IL7	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
OPG	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
LAP_TGFB1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
UPA	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
IL6	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	-0.1	0.1	0.2
MCP1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2
CXCL11	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
AXIN1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.2	-0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1
TRAIL	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1
CXCL9	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
CST5	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1
OSM	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	-0.1	0.1	0.1
CXCL1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
CCL4	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.1	0.2
CD6	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
TGFA	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1
MCP4	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
CCL11	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
TNFSF14	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.5	-0.1	-0.1	0.2	-0.2	0.1	<0.1
MMP1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1
LIFR	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
FGF21	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
CCL19	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2
IL15RA	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
IL10RB	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	-0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2
IL18R1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.2	0.1	0.2
PDL1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.3	-0.1	0.2	0.1
CXCL5	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
TRANCE	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
HGF	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.4	0.2	<0.1	0.3	-0.2	0.1	0.2
IL12B	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1
MMP10	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1
IL10	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1

TNF	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1
CCL23	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1
CD5	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.3	-0.1	0.1	0.1
CCL3	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	0.2	0.2
FLT3L	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
CXCL6	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
CXCL10	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
4EBP1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.2	-0.2	0.1	<0.1
SIRT2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
CCL28	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2
DNER	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2
ENRAGE	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.1	0.3	-0.1	0.1	0.1
CD40	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
IFNG	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
FGF19	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1
MCP2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1
CASP8	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.5	-0.1	-0.1	0.2	-0.2	0.1	<0.1
CCL25	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2
CX3CL1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
TNFRSF9	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2
NT3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
TWEAK	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1
CCL20	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1
ST1A1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.2	-0.2	0.1	-0.2	<0.1	-0.1
STAMBP	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	-0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1
ADA	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1
TNFB	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CSF1	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1
Age	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1
Body mass index	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.4	<0.1	0.1
Waist circumference	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.5	<0.1	0.2
Educational attainment	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1
Alcohol consumption	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2
Systolic blood pressure	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.1
Diastolic blood pressure	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.1
Hemoglobin A1c	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Duration of known diabetes	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.1
High-density lipoprotein	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	<0.1	<0.1
Low-density lipoprotein	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1
Triglycerides	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.3	-0.1	0.2
Albumin	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Fibrinogen	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1
C-reactive protein	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.1
Serum amyloid A	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1
Leucocyte count	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.4	<0.1	-0.1
Serum adiponectin	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	-0.1	<0.1	<0.1
Uric acid	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.2
Creatinine	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2
Rényi4, baseline	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
TP, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
SDWS, baseline	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
SDSA, baseline	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
CE, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
Rényi4, follow-up	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
TP, follow-up	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDWS, follow-up	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDSA, follow-up	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
CE, follow-up	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	CCL24	TR	TNFRSF	GDF15	SELE	DLK1	MPO	CXCL16	IL6RA	RETN	IGFBP1	CHIT1	TRAP
BMP6	0.115	1	1	1	0.833	1	<0.001	1	0.836	0.017	0.109	1	1
ANGPT1	0.224	0.109	0.909	1	1	1	<0.001	1	1	0.011	1	1	1

ADM	1	0.399	0.739	<0.001	0.931	0.001	1	<0.001	0.002	<0.001	1	1	0.104
CD40L	1	1	1	1	1	1	<0.001	1	0.34	0.009	1	1	1
PGF	1	1	1	<0.001	0.007	<0.001	1	<0.001	1	0.04	1	0.607	<0.001
ADAMTS13	1	1	1	1	0.467	0.216	1	1	1	1	1	0.019	1
BOC	1	1	1	1	0.134	<0.001	0.435	0.007	0.179	1	0.749	1	0.46
IL4RA	1	1	1	0.015	0.837	0.176	1	0.036	1	0.647	0.092	0.122	1
SRC	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
IL1RA	1	0.162	1	0.166	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.635	0.18
TNFRSF10A	1	1	0.622	<0.001	0.017	0.029	0.003	0.004	1	<0.001	1	0.78	0.131
STK4	1	1	1	0.036	1	1	<0.001	0.492	1	1	0.616	1	1
IDUA	0.116	1	1	1	0.219	1	<0.001	1	1	0.335	0.51	1	0.192
TNFRSF11A	1	<0.001	0.069	<0.001	0.282	<0.001	1	<0.001	0.113	<0.001	1	0.946	0.755
PAR1	1	1	1	1	1	1	<0.001	1	0.629	<0.001	1	1	1
TRAILR2	0.854	0.967	0.143	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.002	1	<0.001	1	0.009	<0.001
PRSS27	1	1	1	1	1	0.177	0.092	0.345	1	0.394	1	1	1
TIE2	1	0.012	1	0.379	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	1	1	1	0.082
TF	1	0.125	1	0.073	0.004	0.001	1	<0.001	0.057	1	1	0.612	0.035
IL1RL2	1	0.038	1	1	1	0.001	1	0.005	0.105	1	1	1	1
PDGFB	0.388	0.168	1	1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	1	0.905	1
IL27	1	0.001	1	0.049	1	1	0.457	1	0.108	0.187	0.172	1	1
IL17D	1	1	1	0.422	1	0.005	1	0.021	1	1	<0.001	1	1
LOX1	0.437	0.029	<0.001	<0.001	0.001	0.668	<0.001	0.016	1	<0.001	1	0.051	0.785
GAL9	1	0.178	1	0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	0.515	0.012	0.112
GIF	1	1	1	0.66	1	0.023	1	0.004	1	1	1	1	0.162
SCF	1	<0.001	1	1	1	<0.001	1	0.007	0.071	1	0.003	0.148	1
IL18	1	1	1	0.106	0.001	0.636	0.011	1	1	0.078	0.006	1	0.008
PLGR	1	0.678	0.955	<0.001	1	0.001	1	0.035	0.187	0.143	0.121	1	1
RAGE	1	1	1	1	1	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	1	1
SOD2	1	1	1	1	1	1	<0.001	1	1	1	1	1	1
CTRC	1	0.577	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
FGF23	1	0.776	1	0.023	1	0.024	1	1	1	1	0.365	0.38	1
SPON2	1	1	0.661	<0.001	0.393	<0.001	1	<0.001	0.023	0.186	0.001	0.213	0.226
GH	0.061	1	1	1	0.013	1	1	1	1	1	<0.001	1	0.046
FS	1	1	0.086	<0.001	1	1	1	0.001	0.763	0.544	0.002	1	1
GLO1	1	1	1	1	1	1	<0.001	0.152	0.022	0.078	0.127	1	1
CD84	1	0.569	1	0.598	1	1	<0.001	1	0.871	0.001	1	0.969	1
SERPINA12	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
REN	1	1	1	<0.001	0.003	0.293	0.912	0.395	0.344	1	0.001	1	<0.001
DECR1	1	1	1	0.908	1	1	<0.001	0.067	0.052	0.113	0.209	1	1
MERTK	1	1	1	0.127	1	1	1	0.108	1	1	0.05	0.19	1
KIM1	1	1	1	<0.001	<0.001	0.101	1	0.263	1	1	1	1	0.083
THBS2	1	1	1	<0.001	<0.001	0.213	1	<0.001	0.058	0.609	1	1	0.03
TM	1	0.458	1	0.001	0.022	<0.001	0.176	0.004	1	0.001	1	0.039	0.001
VSIG2	1	1	1	<0.001	0.341	<0.001	1	<0.001	1	1	1	1	0.117
AMBP	1	1	1	0.001	0.333	<0.001	1	<0.001	0.228	0.025	1	0.75	0.617
PRELP	1	0.047	1	<0.001	0.179	<0.001	1	<0.001	0.077	0.215	1	1	0.321
HO1	1	0.51	1	<0.001	<0.001	0.113	0.007	0.142	1	0.029	0.321	1	<0.001
XC1L1	0.052	0.406	1	0.002	0.058	1	<0.001	1	1	0.001	1	0.203	1
IL16	1	1	1	1	1	1	<0.001	0.828	0.227	0.003	0.012	1	1
SORT1	0.888	0.002	1	1	0.112	0.161	<0.001	1	1	<0.001	0.115	0.473	1
CEACAM8	0.103	0.031	0.12	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.106	1	<0.001	1	0.219	0.002
PTX3	1	<0.001	1	<0.001	1	1	1	0.218	0.48	<0.001	1	1	1
PSGL1	1	1	1	1	0.047	1	0.303	1	0.334	1	0.001	1	0.075
CCL17	0.232	1	1	1	1	1	<0.001	1	1	0.005	1	0.379	1
MMP7	1	1	1	<0.001	1	0.09	1	1	0.133	1	0.548	0.143	0.219
IGGFC	1	1	1	1	1	1	1	1	0.503	1	1	1	1
ITGB1BP2	1	1	1	0.619	1	1	<0.001	0.19	0.128	0.019	1	1	1
DCN	1	0.01	1	<0.001	0.002	<0.001	1	<0.001	0.02	1	1	1	0.027
DKK1	0.334	0.042	1	1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	1	0.878	1
LPL	1	1	1	0.3	0.009	1	1	0.068	1	1	<0.001	1	0.054
PRSS8	1	0.948	1	<0.001	<0.001	0.002	1	0.003	1	1	0.003	1	<0.001
AGRP	0.213	1	1	0.029	0.047	0.001	1	0.429	0.328	0.663	1	1	0.003
HBEGF	0.474	0.122	1	1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	1	1	1
GDF2	1	1	1	1	1	0.007	1	<0.001	0.05	1	<0.001	1	1
FABP2	1	1	1	0.221	1	0.246	1	1	0.436	1	0.006	1	1
THPO	1	0.272	1	1	1	1	0.001	0.041	1	0.072	0.748	0.115	1
MARCO	0.638	0.131	1	0.111	<0.001	1	0.057	0.911	0.189	0.058	1	0.125	0.02
GT	1	1	1	1	1	1	1	1	0.003	1	0.058	1	1
MMP12	1	0.083	1	<0.001	1	1	0.661	0.689	1	0.002	0.121	<0.001	1
ACE2	1	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	0.706	1	<0.001	1	<0.001

PDL2	1	0.003	1	0.087	<0.001	<0.001	1	0.003	0.055	1	1	0.182	0.18
CTSL1	1	<0.001	0.282	<0.001	0.001	0.008	1	0.246	0.118	0.007	1	0.01	0.053
HOSCAR	1	0.092	0.002	<0.001	0.07	0.001	1	0.266	1	0.001	1	0.031	1
TNFRSF13B	1	1	1	<0.001	0.639	1	0.487	0.251	0.779	<0.001	1	0.17	0.004
TGM2	1	0.004	1	0.019	0.089	1	1	0.18	1	0.312	0.207	1	0.05
LEP	1	0.066	1	1	1	0.084	1	0.007	1	0.471	0.08	1	1
CA5A	1	1	1	0.09	<0.001	1	1	1	1	1	<0.001	1	0.055
HSP27	1	1	1	1	1	1	0.167	1	1	0.071	1	1	1
CD4	0.215	1	1	0.315	0.105	1	<0.001	1	1	<0.001	1	0.262	0.093
NEMO	1	1	1	0.147	1	1	<0.001	0.07	0.029	0.081	0.079	1	1
VEGFD	1	1	1	0.461	1	0.031	1	<0.001	1	1	<0.001	1	0.449
PARP1	1	1	0.612	1	1	1	<0.001	0.052	0.04	0.149	0.006	1	1
HAOX1	1	1	1	1	<0.001	1	1	1	1	1	<0.001	1	<0.001
TNFRSF14	0.115	0.005	0.264	<0.001	0.156	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001
LDL_RC	0.893	0.155	0.791	1	<0.001	<0.001	0.794	<0.001	0.041	0.097	1	1	<0.001
ITGB2	1	<0.001	1	0.022	0.055	0.01	<0.001	0.048	1	<0.001	1	1	<0.001
IL17RA	1	0.108	1	0.007	0.66	1	<0.001	0.096	1	<0.001	1	1	<0.001
TNFR2	0.337	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.513	<0.001	<0.001
MMP9	0.009	0.044	<0.001	<0.001	<0.001	0.991	0.004	<0.001	0.01	<0.001	1	0.053	0.001
EPHB4	0.524	0.003	0.092	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL2RA	1	0.105	0.108	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	0.015	<0.001	0.272	<0.001	<0.001
ALCAM	0.057	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
SELP	0.123	0.652	1	1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	1	1	0.34
CSTB	1	0.016	1	<0.001	0.006	0.384	<0.001	0.025	1	<0.001	1	<0.001	<0.001
CD163	0.044	0.017	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.976	0.157	<0.001
GRN	0.819	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.145	<0.001
NTPROBNP	1	1	1	0.177	1	1	1	0.029	1	0.026	<0.001	1	1
PLC	0.029	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.074	0.004	<0.001
LTBR	0.594	<0.001	0.01	<0.001	0.02	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.023	<0.001	<0.001
NOTCH3	0.01	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001
TIMP4	1	<0.001	0.951	<0.001	0.008	0.774	1	<0.001	0.003	<0.001	0.035	1	<0.001
CNTN1	1	<0.001	0.054	<0.001	0.098	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.058	<0.001	1	<0.001
CDH5	0.237	0.02	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.003	1	0.075	<0.001
TLT2	0.189	<0.001	<0.001	0.013	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.006	<0.001
FABP4	1	0.001	0.095	0.001	0.003	<0.001	1	<0.001	0.004	<0.001	1	1	0.152
TFPI	0.158	0.005	1	<0.001	0.096	0.095	0.224	<0.001	0.011	0.002	<0.001	0.317	<0.001
PAI	0.02	0.004	1	0.032	<0.001	0.032	<0.001	0.017	1	<0.001	0.069	0.854	<0.001
CCL24	<0.001	0.076	1	0.075	1	1	1	1	0.093	0.54	1	0.387	0.002
TR	0.003	<0.001	1	0.009	0.156	0.005	0.024	0.012	0.131	0.005	1	0.051	1
TNFRSF10C	0.785	0.108	<0.001	0.003	1	0.011	1	0.001	1	<0.001	1	0.141	1
GDF15	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	0.77	<0.001	0.255	<0.001	0.039	<0.001	<0.001
SELE	0.053	0.006	0.093	<0.001	<0.001	0.001	0.333	<0.001	0.075	0.013	0.024	1	<0.001
DLK1	0.123	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.003	0.001	1	0.267	0.003
MPO	0.087	0.001	0.437	0.036	0.014	0.202	<0.001	1	1	<0.001	0.301	1	0.004
CXCL16	0.051	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.618	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	0.561	<0.001
IL6RA	0.003	0.005	0.064	0.01	0.003	<0.001	0.371	<0.001	<0.001	0.011	1	0.833	<0.001
RETN	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.002	<0.001
IGFBP1	0.551	0.144	0.19	0.001	0.001	0.435	0.012	0.001	0.055	0.051	<0.001	1	1
CHIT1	0.016	0.002	0.005	<0.001	0.675	0.011	0.138	0.025	0.04	<0.001	0.065	<0.001	1
TRAP	<0.001	0.186	0.309	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.204	0.084	<0.001
GP6	0.049	0.105	0.376	0.938	0.786	0.889	<0.001	0.666	0.11	<0.001	0.208	0.009	0.133
PSPD	0.641	0.012	0.039	0.002	<0.001	<0.001	0.519	<0.001	0.021	0.005	0.026	0.007	<0.001
EPCAM	0.992	0.083	0.65	0.511	0.061	0.635	0.376	<0.001	0.096	0.51	0.842	0.606	0.005
APN	0.13	0.001	0.075	<0.001	<0.001	<0.001	0.633	<0.001	<0.001	0.036	0.402	0.067	<0.001
AXL	0.009	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	0.573	<0.001	<0.001	<0.001	0.031	0.003	<0.001
IL1RT1	0.016	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	0.472	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
MMP2	0.011	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.408	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.189	<0.001
FAS	0.012	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.687	0.312	<0.001
MB	0.002	0.003	0.136	<0.001	<0.001	<0.001	0.167	<0.001	<0.001	<0.001	0.197	0.009	<0.001
TNFSF13B	0.124	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PCSK9	0.002	<0.001	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	0.046	<0.001
UPAR	0.067	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	0.051	<0.001	<0.001
OPN	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.042	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PGLYRP1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001
CPA1	0.28	0.304	0.835	<0.001	0.001	0.004	0.919	<0.001	<0.001	0.25	0.66	0.977	<0.001
JAMA	0.129	0.249	0.753	0.706	0.313	0.816	<0.001	1	0.28	<0.001	0.433	0.121	0.051
GAL4	0.261	0.011	0.023	<0.001	<0.001	0.006	0.16	<0.001	<0.001	0.002	0.077	0.203	<0.001
IL1RT2	0.031	0.121	0.043	<0.001	<0.001	<0.001	0.548	<0.001	<0.001	0.235	0.215	0.227	<0.001
SHPS1	0.05	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001
CCL15	0.169	0.012	0.103	<0.001	0.057	<0.001	0.48	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.248	<0.001

CASP3	0.084	0.247	0.966	0.605	0.407	0.544	<0.001	0.555	0.039	<0.001	0.162	0.068	0.237
CPB1	0.1	0.008	0.941	<0.001	<0.001	<0.001	0.542	<0.001	<0.001	0.009	0.648	0.395	<0.001
CH3L1	0.077	0.066	0.04	<0.001	<0.001	0.003	0.197	<0.001	0.041	0.007	0.747	0.074	<0.001
ST2	0.006	0.001	0.362	<0.001	<0.001	0.267	0.051	<0.001	<0.001	0.021	0.003	0.185	<0.001
TPA	0.055	0.143	0.552	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	0.003	0.005	<0.001	0.011	0.279	<0.001
SCGB3A2	0.943	0.269	0.331	<0.001	0.664	0.631	0.66	<0.001	0.053	0.211	<0.001	0.67	0.012
EGFR	0.017	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.148	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	0.075	<0.001
IGFBP7	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	0.232	<0.001	<0.001	<0.001	0.023	0.007	<0.001
CD93	<0.001	0.02	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.227	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL18BP	0.004	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.209	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001
COL1A1	<0.001	0.001	0.027	0.002	0.001	<0.001	0.878	<0.001	0.001	0.002	0.002	0.04	<0.001
PON3	0.355	0.105	0.47	0.93	0.055	0.333	0.003	<0.001	<0.001	0.648	<0.001	0.207	0.555
CTSZ	0.033	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	0.807	0.001	<0.001
MMP3	0.282	0.223	0.399	<0.001	<0.001	0.021	0.359	<0.001	0.009	0.027	0.892	0.049	<0.001
RARRES2	0.099	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.194	<0.001	<0.001
ICAM2	0.016	<0.001	0.142	<0.001	<0.001	<0.001	0.295	<0.001	<0.001	<0.001	0.079	0.193	<0.001
KLK6	0.436	0.036	0.007	<0.001	0.062	<0.001	0.219	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001
PDGFA	0.001	<0.001	0.048	0.053	0.131	0.168	<0.001	0.011	0.818	<0.001	0.992	0.011	0.06
TNFR1	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.051	<0.001	<0.001
IGFBP2	0.128	0.093	0.015	<0.001	0.016	0.669	0.13	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	0.002	0.248
VWF	0.019	0.001	0.19	<0.001	0.967	0.045	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.212	0.005	<0.001
PECAM1	0.03	0.122	0.723	0.25	0.192	0.771	<0.001	0.471	0.62	<0.001	0.448	0.125	0.001
MEPE	0.009	0.57	0.137	<0.001	0.063	<0.001	0.94	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.288	<0.001
CCL16	0.019	0.311	0.031	<0.001	<0.001	0.05	0.306	<0.001	<0.001	<0.001	0.508	0.051	<0.001
IL8	0.03	0.096	0.39	<0.001	0.001	0.476	<0.001	0.208	0.589	<0.001	0.423	<0.001	0.002
VEGFA	0.126	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.468	<0.001	0.297	0.001	0.056
CD8A	0.386	0.003	0.103	0.001	0.018	0.02	<0.001	0.953	0.77	<0.001	0.697	0.763	0.051
MCP3	0.037	<0.001	0.209	<0.001	0.044	0.014	<0.001	0.001	0.27	<0.001	0.723	<0.001	0.054
CDCP1	0.86	0.021	0.144	<0.001	<0.001	0.007	0.021	0.046	0.077	0.029	0.294	<0.001	<0.001
CD244	0.367	0.043	0.994	0.326	0.152	0.741	<0.001	0.015	0.025	<0.001	0.007	0.037	0.645
IL7	0.03	0.006	0.546	0.556	0.937	0.998	<0.001	0.838	0.593	<0.001	0.161	0.025	0.453
OPG	0.897	<0.001	0.007	<0.001	0.001	0.002	0.264	<0.001	0.47	0.073	0.228	0.189	0.001
LAP_TGFB1	0.057	0.018	0.074	0.449	0.011	0.21	<0.001	0.486	0.287	<0.001	0.052	0.026	0.577
UPA	0.468	0.001	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	0.175	0.032	0.083	0.279	0.074	0.064	0.013
IL6	0.357	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	0.283	<0.001	0.007	0.001	<0.001	0.067	0.005	<0.001
MCP1	<0.001	0.137	0.061	<0.001	0.008	0.002	0.366	<0.001	0.304	0.017	0.652	0.04	<0.001
CXCL11	0.991	0.009	0.266	0.889	0.257	0.321	<0.001	0.032	0.149	<0.001	0.107	0.009	0.644
AXIN1	0.355	0.984	0.476	0.006	0.55	0.135	<0.001	0.002	0.001	0.002	0.003	0.26	0.56
TRAIL	0.863	0.598	<0.001	0.106	0.51	0.029	0.168	0.044	<0.001	0.036	0.447	0.174	0.046
CXCL9	0.854	0.003	0.232	<0.001	0.014	0.879	0.004	0.937	0.052	0.001	0.039	0.002	0.138
CST5	0.7	0.014	0.422	0.024	0.689	<0.001	0.007	<0.001	0.002	0.784	0.013	0.076	0.039
OSM	0.013	0.025	<0.001	<0.001	<0.001	0.762	<0.001	0.031	0.289	<0.001	0.015	0.057	0.129
CXCL1	0.393	0.32	0.488	0.292	0.915	0.921	<0.001	0.081	0.023	0.001	0.033	0.017	0.985
CCL4	0.061	0.001	0.431	0.016	<0.001	0.017	<0.001	0.446	0.996	<0.001	0.012	0.003	<0.001
CD6	0.647	0.985	0.292	0.259	0.043	0.976	<0.001	0.053	0.007	<0.001	0.078	0.138	0.399
TGFA	0.225	<0.001	0.165	<0.001	<0.001	0.003	0.004	0.001	0.171	<0.001	0.437	0.13	0.267
MCP4	0.008	0.023	0.703	0.844	0.423	0.407	<0.001	0.803	0.171	<0.001	0.222	0.009	0.636
CCL11	<0.001	<0.001	0.942	<0.001	0.159	0.813	<0.001	0.741	0.395	0.022	0.479	0.051	0.098
TNFSF14	0.13	0.036	0.943	0.79	0.174	0.851	<0.001	0.247	0.071	<0.001	<0.001	0.017	0.693
MMP1	0.044	0.009	0.111	0.175	0.642	0.597	<0.001	0.801	0.702	0.001	0.574	0.007	0.256
LIFR	0.742	<0.001	0.875	0.001	<0.001	0.005	0.49	<0.001	0.002	0.958	0.373	0.77	0.003
FGF21	0.617	0.073	0.89	<0.001	<0.001	0.003	0.739	<0.001	0.309	0.726	0.358	0.985	<0.001
CCL19	0.34	0.027	0.711	<0.001	<0.001	0.074	0.032	0.143	0.045	0.039	0.624	0.014	0.001
IL15RA	0.775	0.208	0.99	<0.001	<0.001	0.001	0.195	0.071	0.04	0.002	0.018	0.114	0.015
IL10RB	0.95	0.007	0.098	<0.001	<0.001	<0.001	0.177	<0.001	0.037	0.019	0.614	0.035	0.002
IL18R1	0.64	<0.001	0.365	<0.001	<0.001	0.024	<0.001	0.01	0.318	<0.001	<0.001	0.058	<0.001
PDL1	0.077	0.08	0.396	0.013	0.014	0.47	<0.001	0.115	0.143	<0.001	0.033	0.001	0.012
CXCL5	0.499	0.302	0.792	0.225	0.841	0.803	<0.001	0.295	0.009	0.002	0.202	0.049	0.701
TRANCE	0.546	0.5	0.037	0.529	0.295	0.014	0.162	0.041	0.037	0.008	0.459	0.633	0.001
HGF	0.003	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.001	0.506	<0.001	<0.001	0.031	<0.001
IL12B	0.645	<0.001	0.445	0.015	0.012	<0.001	0.015	0.144	0.07	<0.001	0.387	0.078	0.143
MMP10	0.559	0.061	0.056	<0.001	0.002	0.339	0.113	0.103	0.504	0.001	0.004	<0.001	0.223
IL10	0.522	0.461	0.067	<0.001	0.005	0.815	0.122	0.42	0.129	0.005	0.028	0.548	0.01
TNF	0.601	0.009	0.086	<0.001	<0.001	0.072	<0.001	0.046	0.077	<0.001	0.98	0.006	0.005
CCL23	0.861	0.039	0.048	0.004	0.37	0.004	0.094	0.004	0.032	<0.001	0.478	0.01	0.058
CD5	0.288	0.748	0.324	0.858	0.06	0.465	<0.001	0.034	0.014	<0.001	0.049	0.014	0.308
CCL3	0.276	0.003	0.37	<0.001	<0.001	0.018	<0.001	0.322	0.463	<0.001	0.094	0.001	<0.001
FLT3L	0.693	0.45	0.675	0.001	0.094	<0.001	0.59	0.009	0.856	0.911	0.273	0.531	0.023
CXCL6	0.102	0.002	0.689	0.433	0.056	0.325	<0.001	0.03	0.068	<0.001	0.006	0.005	0.792
CXCL10	0.612	0.008	0.535	0.002	<0.001	0.238	<0.001	0.745	0.018	0.011	0.36	0.003	0.005

4EBP1	0.163	0.194	0.385	0.615	0.27	0.377	<0.001	0.048	0.051	<0.001	<0.001	0.076	0.439
SIRT2	0.331	0.315	0.451	0.018	0.626	0.274	<0.001	0.02	0.003	0.001	0.009	0.125	0.38
CCL28	0.02	0.696	0.541	<0.001	0.001	0.749	0.005	0.7	0.817	0.001	0.023	0.669	0.001
DNER	0.836	0.022	0.472	0.822	0.06	0.001	0.336	0.006	0.043	0.002	0.134	0.332	<0.001
ENRAGE	0.042	0.001	0.039	0.004	0.005	0.733	<0.001	0.579	0.191	<0.001	0.093	0.122	0.006
CD40	0.393	0.209	0.968	0.249	0.891	0.922	<0.001	0.014	0.013	<0.001	0.029	0.01	0.964
IFNG	0.016	0.015	0.333	0.008	0.009	0.238	0.023	0.826	0.039	0.03	0.443	0.004	0.171
FGF19	0.975	0.112	0.487	0.008	0.338	0.278	0.028	0.015	0.031	0.504	0.001	0.573	0.041
MCP2	0.098	0.418	0.088	0.15	0.391	0.205	<0.001	0.011	0.66	<0.001	0.898	<0.001	0.058
CASP8	0.131	0.067	0.607	0.701	0.277	0.584	<0.001	0.277	0.014	<0.001	0.001	0.044	0.324
CCL25	0.722	0.055	0.921	<0.001	<0.001	0.123	0.396	<0.001	0.086	0.565	<0.001	0.451	0.001
CX3CL1	0.98	0.267	0.6	<0.001	0.028	<0.001	0.519	<0.001	0.199	0.02	<0.001	0.002	0.105
TNFRSF9	0.004	0.004	0.066	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	0.037	0.169	<0.001	0.013	0.002	0.002
NT3	0.555	0.228	0.994	0.036	0.303	0.399	0.017	0.025	0.449	0.097	0.069	0.937	0.742
TWEAK	0.028	0.01	0.158	0.024	0.118	0.004	0.002	0.078	0.222	0.001	0.001	0.013	0.69
CCL20	0.091	0.023	0.11	<0.001	<0.001	0.022	<0.001	0.474	0.554	<0.001	0.176	0.218	0.043
ST1A1	0.497	0.243	0.252	0.004	0.558	0.218	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	0.002	0.392	0.207
STAMBP	0.263	0.43	0.599	0.018	0.636	0.276	<0.001	0.014	0.004	0.001	0.004	0.179	0.64
ADA	0.128	0.057	0.467	0.889	0.015	0.937	<0.001	0.372	0.058	<0.001	0.034	0.148	0.017
TNFB	0.221	0.033	0.195	0.285	0.06	0.024	0.276	0.705	0.727	0.231	0.536	0.92	0.592
CSF1	0.618	<0.001	0.002	<0.001	0.001	<0.001	0.416	<0.001	0.152	<0.001	0.244	<0.001	0.032
Age	0.705	0.036	0.001	<0.001	0.987	0.003	0.01	0.602	0.724	<0.001	0.504	<0.001	0.215
Body mass ind	0.714	0.002	0.279	0.048	<0.001	0.039	0.001	0.041	0.531	0.001	<0.001	0.472	0.009
Waist circumfe	0.054	0.069	0.576	<0.001	<0.001	0.073	0.002	0.931	0.456	0.049	<0.001	0.66	<0.001
Educational att	0.307	0.104	0.002	0.94	0.746	0.496	0.818	0.149	0.902	0.618	0.239	0.318	0.148
Alcohol consur	0.761	0.022	0.019	0.5	0.002	0.243	0.554	0.353	0.609	0.119	0.013	0.166	<0.001
Systolic blood p	0.204	0.552	0.744	0.005	0.115	0.915	0.036	0.175	0.862	0.115	<0.001	0.567	0.003
Diastolic blood	0.12	1	0.214	0.479	0.02	0.267	0.552	0.116	0.604	0.639	<0.001	0.997	0.038
Hemoglobin A	0.685	0.019	0.402	0.016	0.242	0.034	0.103	0.487	0.085	0.251	0.003	0.381	0.66
Duration of kn	0.849	0.012	0.299	0.001	0.004	0.186	0.029	0.063	0.713	0.085	<0.001	0.327	0.272
High-density li	0.156	0.589	0.205	0.069	0.019	0.175	0.008	0.037	0.088	0.289	<0.001	0.904	0.43
Low-density lip	0.214	0.579	0.849	0.639	0.975	0.118	0.556	0.53	0.927	0.29	0.243	0.12	0.544
Triglycerides	0.59	0.389	0.843	0.214	<0.001	0.005	0.147	0.142	0.561	0.163	<0.001	0.175	<0.001
Albumin	0.803	0.543	0.316	0.319	0.29	0.999	0.817	0.008	0.402	0.007	0.111	0.964	0.556
Fibrinogen	0.551	<0.001	0.003	<0.001	0.332	0.454	<0.001	0.007	0.307	<0.001	0.128	0.001	0.163
C-reactive prot	0.983	0.012	0.006	<0.001	<0.001	0.329	0.001	<0.001	0.819	<0.001	0.029	0.393	0.022
Serum amyloid	0.042	0.016	0.184	<0.001	0.009	0.934	0.123	0.002	0.507	0.001	0.143	0.74	0.715
Leucocyte coun	0.868	0.192	0.825	0.056	0.001	0.519	0.119	0.041	0.965	0.559	<0.001	0.864	0.083
Serum adipone	0.556	0.647	<0.001	<0.001	<0.001	0.435	<0.001	0.095	0.866	<0.001	0.016	0.529	0.369
Uric acid	0.086	0.982	0.084	<0.001	<0.001	0.14	0.196	0.112	0.175	0.05	<0.001	0.316	<0.001
Creatinine	0.227	0.561	0.24	<0.001	0.189	0.067	0.249	0.613	0.417	0.002	0.088	0.087	<0.001
Rényi4, baseli	0.325	0.869	0.17	0.564	0.529	0.359	0.782	0.886	0.592	0.264	0.936	0.144	0.558
TP, baseline	0.555	0.74	0.66	0.775	0.589	0.491	0.81	0.692	0.403	0.278	0.855	0.307	0.519
SDWS, baselin	0.349	0.609	0.174	0.968	0.748	0.44	0.709	0.866	0.725	0.328	0.964	0.304	0.146
SDSA,baseline	0.26	0.737	0.473	0.968	0.598	0.962	0.589	0.699	0.973	0.499	0.933	0.036	0.858
CE, baseline	0.428	0.635	0.553	0.74	0.69	0.654	0.996	0.257	0.569	0.3	0.684	0.033	0.689
Rényi4, follow-	0.291	0.024	0.321	0.696	1	0.631	0.817	0.45	0.669	0.661	0.615	0.176	0.945
TP, follow-up	0.788	0.242	0.238	0.588	0.742	0.757	0.723	0.863	0.518	0.648	0.946	0.457	0.608
SDWS, follow-	0.46	0.061	0.448	0.728	0.096	0.445	0.878	0.486	0.432	0.577	0.815	0.41	0.739
SDSA, follow-u	0.453	0.013	0.37	0.758	0.552	0.577	0.371	0.394	0.634	0.239	0.374	0.22	0.864
CE, follow-up	0.628	0.032	0.254	0.483	0.397	0.602	0.436	0.231	0.725	0.731	0.844	0.254	0.702

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	GP6	PSPD	EPCAM	APN	AXL	IL1RT1	MMP2	FAS	MB	TNFSF13	PCSK9	UPAR	OPN
BMP6	0.6	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
ANGPT1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1
ADM	-0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3
CD40L	0.9	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1
PGF	-0.1	0.1	-0.1	0.2	0.4	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.3
ADAMTS13	-0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
BOC	-0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.3	0.4	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2
IL4RA	-0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3
SRC	0.4	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL1RA	0.5	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1
TNFRSF10A	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2
STK4	0.7	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.3	-0.2	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
IDUA	0.4	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1
TNFRSF11A	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3
PAR1	0.9	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1
TRAILR2	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.4	0.2	0.2	0.1	0.4	0.3
PRSS27	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1
TIE2	-0.2	0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2
TF	-0.1	0.1	0.5	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2
IL1RL2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
PDGFB	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1
IL27	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2
IL17D	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2
LOX1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.4	0.1
GAL9	0.4	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1
GIF	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
SCF	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.2
IL18	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1
PLGR	-0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1
RAGE	-0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2
SOD2	0.5	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
CTRC	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
FGF23	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
SPON2	-0.3	0.1	0.1	0.2	0.3	0.4	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.4
GH	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
FS	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
GLO1	0.9	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.3	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
CD84	0.8	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1
SERPINA12	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
REN	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1
DECR1	0.8	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.3	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
MERTK	-0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
KIM1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
THBS2	-0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2
TM	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.3
VSIG2	-0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2
AMBP	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2
PRELP	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2
HO1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1
XCL1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2
IL16	0.7	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1
SORT1	0.7	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1
CEACAM8	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.4	0.1
PTX3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2
PSGL1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1
CCL17	0.7	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1
MMP7	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3
IGGFC	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
ITGB1BP2	0.9	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.3	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
DCN	-0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3
DKK1	0.8	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1
LPL	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1
PRSS8	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1
AGRP	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1
HBEGF	0.8	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	-0.1

GDF2	-0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1
FABP2	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
THPO	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1
MARCO	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2
GT	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
MMP12	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2
ACE2	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1
PDL2	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.4	0.4	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2
CTSL1	-0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2
HOSCAR	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2
TNFRSF13B	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2
TGM2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1
LEP	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1
CA5A	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
HSP27	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CD4	0.5	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1
NEMO	0.9	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.3	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
VEGFD	-0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1
PARP1	0.7	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.3	-0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1
HAOX1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
TNFRSF14	0.7	0.1	-0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.5	0.3	0.3	0.3	0.6	0.2
LDL_RC	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.4	0.2	0.1
ITGB2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.5	0.2	0.3	0.3	0.7	0.1
IL17RA	0.4	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.5	0.1
TNFR2	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.6	0.5	0.3	0.6	0.4	0.5	0.3	0.6	0.5
MMP9	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.4	0.2
EPHB4	-0.1	0.3	0.1	0.4	0.6	0.7	0.5	0.5	0.4	0.4	0.3	0.3	0.5
IL2RA	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.2	0.5	0.3	0.4	0.2	0.4	0.4
ALCAM	<0.1	0.3	0.2	0.6	0.6	0.7	0.6	0.4	0.3	0.6	0.5	0.4	0.5
SELP	0.9	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.4	<0.1
CSTB	0.7	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.5	0.2
CD163	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.6	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.4	0.3
GRN	0.1	0.2	0.1	0.4	0.6	0.5	0.5	0.4	0.3	0.6	0.5	0.5	0.4
NTPROBNP	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2
PLC	<0.1	0.3	0.1	0.5	0.5	0.6	0.6	0.5	0.5	0.4	0.4	0.4	0.5
LTBR	0.2	0.3	<0.1	0.4	0.5	0.5	0.4	0.7	0.4	0.4	0.3	0.6	0.5
NOTCH3	-0.1	0.3	0.1	0.5	0.6	0.6	0.7	0.4	0.3	0.5	0.4	0.3	0.5
TIMP4	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.4	0.4	0.2	0.1	0.3	0.4	0.2	0.3
CNTN1	-0.1	0.3	0.2	0.5	0.5	0.5	0.6	0.3	0.2	0.5	0.4	0.2	0.4
CDH5	-0.1	0.3	0.1	0.5	0.5	0.6	0.5	0.4	0.3	0.4	0.3	0.3	0.4
TLT2	0.6	0.2	-0.1	0.1	0.4	0.3	0.2	0.5	0.2	0.3	0.3	0.4	0.2
FABP4	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2
TFPI	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.4	0.3	0.3
PAI	0.7	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.4	0.1
CCL24	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2
TR	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2
TNFRSF10C	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2
GDF15	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.4	0.3	0.4	0.3	0.3	0.3	0.5	0.4
SELE	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2
DLK1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.4	0.3	0.3	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	0.3
MPO	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.6	0.1
CXCL16	<0.1	0.3	0.2	0.4	0.4	0.5	0.5	0.4	0.3	0.4	0.5	0.3	0.4
IL6RA	-0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2
RETN	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.4	0.3	0.4	0.2	0.6	0.3
IGFBP1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2
CHIT1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2
TRAP	0.1	0.2	0.1	0.5	0.4	0.4	0.3	0.5	0.3	0.3	0.3	0.4	0.4
GP6	1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1
PSPD	<0.1	1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2
EPCAM	-0.1	0.1	1	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1
APN	<0.1	0.2	0.2	1	0.4	0.5	0.5	0.4	0.2	0.4	0.4	0.2	0.3
AXL	-0.1	0.2	<0.1	0.4	1	0.6	0.5	0.4	0.4	0.4	0.3	0.3	0.5
IL1RT1	-0.1	0.3	0.2	0.5	0.6	1	0.6	0.4	0.3	0.4	0.4	0.3	0.4
MMP2	-0.1	0.3	0.2	0.5	0.5	0.6	1	0.4	0.3	0.4	0.4	0.2	0.5
FAS	0.2	0.2	<0.1	0.4	0.4	0.4	0.4	1	0.4	0.4	0.3	0.6	0.4
MB	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.4	0.3	0.3	0.4	1	0.2	0.1	0.2	0.3
TNFSF13B	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.4	0.4	0.4	0.4	0.2	1	0.4	0.5	0.4
PCSK9	0.2	0.2	0.2	0.4	0.3	0.4	0.4	0.3	0.1	0.4	1	0.3	0.3
UPAR	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.6	0.2	0.5	0.3	1	0.4
OPN	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.5	0.4	0.5	0.4	0.3	0.4	0.3	0.4	1

PGLYRP1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.5	0.4
CPA1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2
JAMA	0.9	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	-0.1
GAL4	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	0.4	0.3	0.3
IL1RT2	<0.1	0.1	0.2	0.5	0.4	0.4	0.4	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3
SHPS1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.4	0.3	0.4	0.3	0.4	0.3	0.5	0.4
CCL15	-0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.4	0.3	0.4	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3
CASP3	1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.3	-0.1
CPB1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2
CHI3L1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3
ST2	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2
TPA	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1
SCGB3A2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.2
EGFR	<0.1	0.2	0.3	0.6	0.4	0.6	0.5	0.3	0.2	0.4	0.5	0.1	0.3
IGFBP7	<0.1	0.3	0.1	0.5	0.6	0.6	0.6	0.5	0.5	0.4	0.4	0.4	0.5
CD93	<0.1	0.3	<0.1	0.4	0.6	0.6	0.6	0.6	0.4	0.5	0.3	0.4	0.5
IL18BP	-0.1	0.3	<0.1	0.4	0.7	0.6	0.4	0.5	0.4	0.5	0.3	0.4	0.5
COL1A1	-0.1	0.3	0.1	0.3	0.4	0.4	0.4	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.7
PON3	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.4	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2
CTSZ	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.4	0.3	0.5	0.3	0.4	0.3	0.5	0.4
MMP3	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.2
RARRES2	0.4	0.1	0.1	0.3	0.3	0.4	0.3	0.5	0.3	0.4	0.5	0.4	0.3
ICAM2	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.4	0.6	0.4	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3
KLK6	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.4	0.5	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.4
PDGFA	0.8	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.4	0.1
TNFR1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.6	0.6	0.4	0.6	0.5	0.5	0.3	0.6	0.5
IGFBP2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3
VWF	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2
PECAM1	0.9	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.4	<0.1
MEPE	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.4	0.4	0.3	0.4	0.4	0.1	0.2	0.2	0.4
CCL16	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3
IL8	0.5	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1
VEGFA	0.4	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1
CD8A	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1
MCP3	0.3	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2
CDCP1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3
CD244	0.7	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
IL7	0.7	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1
OPG	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2
LAP_TGFB1	0.7	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1
UPA	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2
IL6	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3
MCP1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2
CXCL11	0.7	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
AXIN1	0.9	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.3	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
TRAIL	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2
CXCL9	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1
CST5	-0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
OSM	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1
CXCL1	0.8	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1
CCL4	0.4	0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1
CD6	0.5	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1
TGFA	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2
MCP4	0.7	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1
CCL11	0.3	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1
TNFSF14	0.8	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1
MMP1	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1
LIFR	-0.3	0.1	0.2	0.3	0.4	0.4	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2
FGF21	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
CCL19	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2
IL15RA	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.4	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2
IL10RB	-0.2	0.2	<0.1	0.1	0.4	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3
IL18R1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1
PDL1	0.6	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1
CXCL5	0.8	0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1
TRANCE	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2
HGF	0.4	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.4	0.2
IL12B	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2
MMP10	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2
IL10	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2

TNF	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2
CCL23	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CD5	0.6	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1
CCL3	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2
FLT3L	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1
CXCL6	0.8	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1
CXCL10	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1
4EBP1	0.9	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	-0.1
SIRT2	0.9	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.3	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1
CCL28	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1
DNER	-0.1	0.1	0.2	0.4	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
ENRAGE	0.4	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1
CD40	0.8	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1
IFNG	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1
FGF19	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
MCP2	0.6	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
CASP8	0.8	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1
CCL25	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
CX3CL1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	0.4	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3
TNFRSF9	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.4	0.2	0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	0.3	0.4
NT3	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1
TWEAK	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
CCL20	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1
ST1A1	0.8	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.3	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
STAMBP	0.9	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.3	-0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1
ADA	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1
TNFB	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
CSF1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.4	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	0.3	0.3
Age	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1
Body mass index	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1
Waist circumference	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.3	-0.1	<0.1	0.1	<0.1
Educational attainment	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
Alcohol consumption	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
Systolic blood pressure	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1
Diastolic blood pressure	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Hemoglobin A1c	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
Duration of known disease	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
High-density lipoprotein	-0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
Low-density lipoprotein	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1
Triglycerides	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1
Albumin	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
Fibrinogen	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2
C-reactive protein	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1
Serum amyloid A	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
Leucocyte count	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1
Serum adiponectin	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1
Uric acid	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.1	<0.1
Creatinine	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.4	-0.1	-0.2	0.1	0.1
Rényi4, baseline	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
TP, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDWS, baseline	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDSA, baseline	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
CE, baseline	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
Rényi4, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
TP, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDWS, follow-up	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
SDSA, follow-up	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CE, follow-up	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	GP6	PSPD	EPCAM	APN	AXL	IL1RT1	MMP2	FAS	MB	TNFSF13	PCSK9	UPAR	OPN
BMP6	<0.001	1	1	1	1	0.063	1	0.062	1	1	1	<0.001	1
ANGPT1	<0.001	1	1	1	1	1	1	0.773	1	1	0.222	<0.001	1

ADM	0.013	0.897	1	0.463	<0.001	0.001	0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.01	<0.001	<0.001
CD40L	<0.001	1	1	0.547	0.02	<0.001	0.01	1	1	1	1	0.003	0.899
PGF	0.376	0.099	1	0.038	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.739	1	0.03	<0.001
ADAMTS13	0.056	1	1	0.011	0.91	1	0.013	1	1	0.334	0.927	1	1
BOC	0.001	0.06	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	0.016	0.032	1	1	0.066
IL4RA	0.001	0.582	1	0.661	<0.001	<0.001	0.005	0.642	1	1	1	1	<0.001
SRC	<0.001	1	1	1	1	0.284	1	1	1	0.53	1	1	1
IL1RA	<0.001	1	1	1	1	0.012	0.7	0.029	1	0.011	0.187	<0.001	1
TNFRSF10A	0.065	1	1	1	1	0.112	1	0.003	1	0.08	0.001	<0.001	0.038
STK4	<0.001	1	1	0.202	0.005	<0.001	0.001	1	1	0.758	1	1	0.768
IDUA	<0.001	1	1	0.868	1	1	1	0.072	1	1	0.166	0.003	1
TNFRSF11A	1	0.592	1	0.698	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.001	0.114	<0.001	<0.001
PAR1	<0.001	1	1	0.517	0.361	0.017	0.022	1	1	1	1	0.003	1
TRAILR2	1	0.628	1	1	0.001	0.132	0.643	<0.001	<0.001	0.001	0.5	<0.001	<0.001
PRSS27	<0.001	1	1	1	1	1	0.096	0.085	0.181	1	1	0.025	1
TIE2	0.007	1	0.363	<0.001	<0.001	<0.001	0.017	0.4	1	0.798	0.06	1	0.006
TF	0.106	0.076	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	0.008	1	0.125	1	0.008
IL1RL2	1	1	1	0.274	<0.001	1	1	0.339	1	0.176	0.099	1	0.493
PDGFB	<0.001	1	1	1	0.907	0.657	0.769	0.459	1	1	0.226	<0.001	1
IL27	0.048	1	1	0.886	<0.001	<0.001	0.46	1	0.374	0.04	1	0.001	0.027
IL17D	1	0.464	1	1	0.078	0.027	<0.001	0.43	1	0.002	0.053	0.023	0.002
LOX1	<0.001	0.605	1	1	1	1	1	0.042	1	0.982	0.092	<0.001	0.826
GAL9	<0.001	1	1	1	1	1	1	0.003	0.047	0.003	1	<0.001	1
GIF	1	0.037	1	1	1	0.331	0.006	0.041	0.737	1	0.379	1	1
SCF	1	1	1	0.801	0.002	<0.001	0.008	1	0.006	0.648	1	1	0.001
IL18	0.071	1	1	1	0.003	1	1	0.119	0.093	1	1	0.007	1
PLGR	0.005	0.096	1	1	0.167	0.001	0.693	0.008	0.014	0.001	0.395	0.009	0.102
RAGE	0.001	<0.001	1	1	0.031	<0.001	<0.001	0.343	1	0.063	1	1	0.001
SOD2	<0.001	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0.221	0.359	1
CTRC	1	1	0.719	0.43	1	1	1	1	1	1	1	1	1
FGF23	0.017	1	1	1	1	0.633	1	0.711	0.184	0.825	1	1	0.854
SPON2	<0.001	0.102	0.511	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.112	<0.001	0.002	0.006	<0.001
GH	0.659	1	0.013	1	1	1	1	0.019	0.022	1	1	1	1
FS	0.141	1	1	1	1	1	0.45	1	1	0.131	0.225	0.482	0.154
GLO1	<0.001	1	1	0.154	0.003	<0.001	<0.001	1	1	1	1	0.112	0.504
CD84	<0.001	1	1	0.814	1	0.045	0.263	1	1	1	1	<0.001	1
SERPINA12	1	1	0.284	1	1	1	0.632	1	1	1	1	1	1
REN	1	1	1	0.076	1	0.205	1	0.001	0.022	1	1	0.108	1
DECR1	<0.001	1	1	0.034	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	1	0.126	0.306
MERTK	<0.001	1	0.208	<0.001	0.266	<0.001	0.044	1	1	1	1	1	1
KIM1	1	1	1	0.011	1	0.48	1	0.085	1	1	0.257	0.686	0.161
THBS2	0.059	0.145	0.386	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.004	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.004
TM	1	0.317	1	0.071	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.509	1	<0.001	<0.001
VSIG2	0.049	0.573	0.565	1	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	0.108	0.053	1	0.001	0.015
AMBP	0.199	1	1	1	0.002	0.001	0.171	0.001	0.003	0.943	0.013	0.255	<0.001
PRELP	1	1	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.017	0.099	0.013	0.035	<0.001	<0.001
HO1	0.159	0.975	0.579	<0.001	<0.001	0.647	1	0.001	<0.001	1	0.124	0.001	0.151
XC1L1	0.627	1	1	1	0.111	0.432	1	0.048	1	0.312	1	<0.001	0.001
IL16	<0.001	1	1	1	0.566	<0.001	0.023	0.904	1	1	1	0.003	1
SORT1	<0.001	1	1	1	1	1	1	0.008	1	1	<0.001	<0.001	1
CEACAM8	<0.001	1	1	1	0.998	1	1	0.005	1	0.312	0.207	<0.001	0.108
PTX3	1	1	1	1	1	<0.001	0.189	0.309	1	0.862	1	0.064	0.002
PSGL1	0.001	1	1	0.436	1	1	1	0.204	1	1	0.001	0.257	1
CCL17	<0.001	1	0.655	1	1	0.235	1	0.023	0.769	1	1	<0.001	1
MMP7	0.591	1	1	0.187	1	0.598	0.488	1	1	0.002	1	0.011	<0.001
IGGFC	1	0.301	1	1	1	1	0.511	1	1	1	1	1	1
ITGB1BP2	<0.001	1	1	0.036	0.004	<0.001	0.002	1	1	1	1	0.174	0.447
DCN	0.004	0.069	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	0.214	0.006	<0.001
DKK1	<0.001	1	1	1	1	0.198	1	0.231	1	1	0.291	<0.001	1
LPL	0.369	1	0.059	1	1	0.227	0.017	1	1	<0.001	0.026	1	0.635
PRSS8	1	0.001	0.879	0.016	0.002	0.092	0.413	<0.001	0.004	1	<0.001	0.001	0.188
AGRP	1	1	1	0.016	0.006	0.105	1	1	0.006	1	0.02	0.609	1
HBEGF	<0.001	1	1	1	1	0.915	1	0.256	1	1	0.241	<0.001	1
GDF2	0.032	1	0.002	<0.001	0.031	<0.001	<0.001	1	1	0.022	0.005	1	0.254
FABP2	0.742	0.108	0.001	1	0.017	0.175	0.18	0.641	1	0.94	0.515	1	1
THPO	<0.001	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0.001	0.068	1
MARCO	1	1	1	0.022	<0.001	0.406	0.196	0.151	0.564	0.001	0.004	<0.001	0.062
GT	1	1	0.334	1	0.807	1	1	1	1	1	1	1	1
MMP12	1	0.119	1	1	1	0.079	1	0.573	1	0.001	0.2	<0.001	<0.001
ACE2	1	1	1	<0.001	0.008	1	1	<0.001	0.056	1	0.159	0.101	0.138

[illegible]

CASP3	<0.001	0.658	0.252	0.155	0.01	<0.001	0.001	0.001	0.967	0.792	0.008	<0.001	0.188
CPB1	0.965	<0.001	0.116	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CHI3L1	0.922	<0.001	0.579	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001
ST2	0.327	0.101	0.297	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.08	<0.001	<0.001	<0.001
TPA	<0.001	0.019	0.302	<0.001	0.008	0.007	0.022	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008
SCGB3A2	0.704	0.009	0.026	<0.001	0.198	<0.001	0.001	0.001	0.705	<0.001	<0.001	<0.001	0.002
EGFR	0.584	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001
IGFBP7	0.429	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD93	0.349	<0.001	0.976	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL18BP	0.198	<0.001	0.532	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
COL1A1	0.306	<0.001	0.248	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PON3	0.084	0.054	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.446	0.576	<0.001	<0.001	0.769	<0.001
CTSZ	0.037	<0.001	0.461	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP3	0.293	0.067	0.477	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.987	0.055	<0.001	<0.001
RARRES2	<0.001	0.003	0.241	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ICAM2	0.511	0.006	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
KLK6	0.14	<0.001	0.014	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PDGFA	<0.001	0.329	0.318	0.242	0.798	0.985	0.828	<0.001	0.041	0.013	<0.001	<0.001	0.259
TNFR1	0.034	<0.001	0.64	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IGFBP2	0.067	0.003	0.997	0.214	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	0.008	<0.001	0.085	0.002	<0.001
VWF	0.996	0.013	0.468	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PECAM1	<0.001	0.367	0.243	0.833	0.48	0.293	0.085	<0.001	0.239	0.037	<0.001	<0.001	0.926
MEPE	0.704	0.016	0.15	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001
CCL16	0.393	0.007	0.347	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL8	<0.001	0.29	0.273	0.074	0.104	0.51	0.107	0.004	0.115	0.01	<0.001	<0.001	0.059
VEGFA	<0.001	0.091	0.286	0.189	0.039	0.268	0.545	<0.001	0.007	0.002	<0.001	<0.001	0.011
CD8A	0.375	0.193	0.166	0.538	<0.001	0.005	0.078	<0.001	0.287	0.001	0.104	<0.001	0.013
MCP3	<0.001	0.004	0.994	0.38	0.456	0.678	0.523	<0.001	0.064	<0.001	0.01	<0.001	0.002
CDCP1	0.92	0.002	0.385	0.002	<0.001	0.012	0.091	0.001	<0.001	<0.001	0.033	<0.001	<0.001
CD244	<0.001	0.457	0.033	0.156	0.709	0.007	0.01	0.002	0.081	0.819	0.37	<0.001	0.531
IL7	<0.001	0.754	0.162	0.307	0.09	0.006	0.004	0.803	0.485	0.878	0.093	<0.001	0.565
OPG	0.025	0.006	0.418	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.509	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LAP_TGFB1	<0.001	0.716	0.201	0.53	0.341	0.089	0.231	0.001	0.347	0.307	0.001	<0.001	0.935
UPA	0.066	0.012	0.714	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.076	<0.001	0.02	<0.001	<0.001
IL6	0.521	0.575	0.68	0.073	0.016	0.033	0.945	<0.001	0.057	<0.001	0.003	<0.001	<0.001
MCP1	0.26	0.013	0.787	0.019	<0.001	0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.094	0.004	<0.001	<0.001
CXCL11	<0.001	0.638	0.106	0.059	0.078	0.003	0.001	0.089	0.379	0.564	0.556	<0.001	0.579
AXIN1	<0.001	0.095	0.082	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.458	0.686	0.07	0.865	0.011	0.018
TRAIL	0.046	0.088	0.759	0.058	0.002	0.101	0.317	0.001	0.04	<0.001	0.488	0.024	<0.001
CXCL9	0.897	0.279	0.892	0.861	<0.001	0.017	0.366	0.004	0.003	<0.001	0.337	<0.001	0.011
CST5	0.001	0.013	0.213	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.032	0.057	0.017	0.03	0.755	0.005
OSM	<0.001	0.384	0.811	0.309	0.998	0.706	0.418	0.066	0.556	0.105	0.057	<0.001	0.035
CXCL1	<0.001	0.386	0.053	0.156	0.005	<0.001	<0.001	0.233	0.73	0.409	0.167	<0.001	0.05
CCL4	<0.001	0.028	0.132	0.048	0.001	0.854	0.925	<0.001	0.005	0.108	0.057	<0.001	0.114
CD6	<0.001	0.603	0.043	0.361	0.917	0.019	0.103	0.003	0.814	0.233	0.103	<0.001	0.654
TGFA	0.224	0.291	0.518	0.053	<0.001	<0.001	0.053	0.001	0.001	0.01	0.064	<0.001	<0.001
MCP4	<0.001	0.555	0.038	0.215	0.093	0.005	0.08	0.016	0.081	0.697	0.245	<0.001	0.845
CCL11	<0.001	0.011	0.173	0.959	0.917	0.391	0.309	0.02	0.674	0.694	0.124	<0.001	0.04
TNFSF14	<0.001	0.345	0.103	0.052	0.019	<0.001	<0.001	0.004	0.901	0.635	0.097	<0.001	0.554
MMP1	<0.001	0.714	0.786	0.472	0.23	0.504	0.718	0.015	0.033	0.783	0.109	0.001	0.762
LIFR	<0.001	0.034	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.105	0.269	<0.001	0.001	0.027	<0.001
FGF21	0.928	0.908	0.097	0.04	0.253	0.104	0.545	0.014	0.518	0.225	<0.001	0.007	0.28
CCL19	0.209	0.006	0.866	0.269	0.034	0.081	0.291	0.027	0.515	0.001	0.039	<0.001	0.002
IL15RA	0.306	0.019	0.152	0.339	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	0.183	<0.001	<0.001
IL10RB	<0.001	<0.001	0.831	0.043	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.02	0.001	<0.001
IL18R1	0.19	0.991	0.886	0.001	<0.001	0.258	0.026	<0.001	0.023	<0.001	0.001	<0.001	0.017
PDL1	<0.001	0.643	0.014	0.066	0.52	0.581	0.025	<0.001	0.008	0.465	0.698	<0.001	0.308
CXCL5	<0.001	0.285	0.129	0.181	0.001	0.002	0.01	0.061	0.725	0.882	0.068	<0.001	0.172
TRANCE	0.799	0.252	0.184	0.233	0.001	0.18	0.007	0.002	0.008	0.012	0.731	0.133	0.002
HGF	<0.001	0.119	0.383	0.05	0.011	0.908	0.384	<0.001	0.048	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL12B	0.496	0.008	0.224	0.16	<0.001	0.003	0.003	0.057	0.001	<0.001	0.097	<0.001	0.001
MMP10	0.137	0.068	0.807	0.283	0.008	<0.001	0.001	0.055	0.401	<0.001	0.046	<0.001	<0.001
IL10	0.005	0.252	0.498	0.431	<0.001	0.004	0.275	0.167	0.022	0.013	0.057	0.009	<0.001
TNF	0.247	0.001	0.801	0.494	<0.001	0.01	0.267	<0.001	0.005	<0.001	0.002	<0.001	<0.001
CCL23	0.048	0.523	0.709	0.394	0.021	0.049	0.994	0.003	0.004	0.374	0.06	0.006	0.034
CD5	<0.001	0.683	0.005	0.002	0.919	0.016	0.03	<0.001	0.16	0.173	0.933	<0.001	0.864
CCL3	<0.001	0.441	0.016	0.163	<0.001	0.758	0.486	<0.001	<0.001	0.003	0.088	<0.001	0.001
FLT3L	0.157	<0.001	0.397	0.007	0.047	0.006	<0.001	0.001	0.102	<0.001	0.002	0.125	0.2
CXCL6	<0.001	0.787	0.054	0.297	0.548	0.002	0.004	0.135	0.076	0.582	0.053	<0.001	0.191
CXCL10	<0.001	0.246	0.553	0.245	0.002	0.746	0.994	<0.001	<0.001	<0.001	0.045	<0.001	0.047

4EBP1	<0.001	0.388	0.137	0.022	0.004	<0.001	<0.001	0.022	0.702	0.229	0.114	<0.001	0.094
SIRT2	<0.001	0.207	0.184	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.381	0.556	0.135	0.235	0.005	0.041
CCL28	0.005	0.153	0.737	0.111	0.573	<0.001	<0.001	0.168	0.554	0.051	0.082	0.001	0.013
DNER	0.017	0.009	0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.302	0.205	0.048	0.005	0.64	0.002
ENRAGE	<0.001	0.565	0.134	0.885	0.5	0.631	0.042	0.06	0.106	0.213	0.124	<0.001	0.123
CD40	<0.001	0.224	0.022	0.005	0.02	<0.001	<0.001	0.052	0.488	0.94	0.775	<0.001	0.205
IFNG	0.475	0.046	0.53	0.229	<0.001	0.03	0.513	0.061	0.334	<0.001	0.772	<0.001	0.014
FGF19	0.172	0.625	0.403	0.349	0.003	0.006	0.023	0.264	0.318	0.49	0.042	0.543	0.028
MCP2	<0.001	0.066	0.543	0.5	0.754	0.525	0.983	<0.001	0.102	0.115	0.002	<0.001	0.049
CASP8	<0.001	0.481	0.118	0.043	0.109	<0.001	0.001	0.007	0.184	0.611	0.151	<0.001	0.157
CCL25	0.045	0.029	0.004	0.002	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.417	0.01	0.013	0.004	0.026
CX3CL1	0.004	0.032	0.311	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.755	0.004	<0.001
TNFRSF9	0.963	<0.001	0.156	0.213	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	0.03	<0.001	<0.001
NT3	0.103	0.122	0.091	0.015	0.869	0.048	0.002	0.383	0.371	0.005	<0.001	0.02	0.083
TWEAK	<0.001	0.049	0.64	0.32	0.007	0.026	0.002	0.014	0.138	0.092	0.032	0.096	0.054
CCL20	0.001	0.09	0.686	0.443	0.121	0.423	0.434	0.014	0.784	0.001	0.003	<0.001	0.005
ST1A1	<0.001	0.242	0.065	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.559	0.429	0.076	0.463	0.014	0.004
STAMBP	<0.001	0.218	0.121	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.225	0.799	0.146	0.451	0.002	0.023
ADA	<0.001	0.668	0.636	0.426	0.786	0.017	0.21	0.001	0.147	0.508	0.113	<0.001	0.568
TNFB	0.039	0.007	0.098	0.313	<0.001	0.066	0.006	0.125	0.231	<0.001	0.18	0.064	0.227
CSF1	0.003	0.113	0.762	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001
Age	0.005	0.045	0.063	0.334	0.046	0.247	0.539	0.003	0.019	0.245	0.079	0.001	0.038
Body mass index	0.337	0.48	0.235	0.725	0.519	0.103	0.719	0.001	0.046	0.051	0.036	0.001	0.334
Waist circumference	0.152	0.803	0.02	0.18	0.102	0.195	0.425	<0.001	<0.001	0.108	0.349	0.052	0.918
Educational attainment	0.638	0.625	0.863	0.764	0.476	0.585	0.374	0.143	0.041	0.021	0.031	0.146	0.73
Alcohol consumption	0.757	0.643	0.173	0.065	0.473	0.248	0.069	0.192	0.249	0.068	0.113	0.943	0.392
Systolic blood pressure	0.199	0.31	0.41	0.264	0.2	0.39	0.613	0.05	0.026	0.159	0.894	0.048	0.836
Diastolic blood pressure	0.347	0.491	0.723	0.636	0.956	0.187	0.313	0.173	0.069	0.026	0.993	0.935	0.894
Hemoglobin A1c	0.571	0.944	0.479	0.892	0.736	0.864	0.743	0.963	0.795	0.262	0.6	0.056	0.978
Duration of known diabetes	0.441	0.557	0.338	0.201	0.039	0.017	0.631	0.064	0.535	0.112	0.211	0.013	0.726
High-density lipoprotein	0.107	0.599	<0.001	0.016	0.91	0.001	0.005	0.034	0.092	0.052	0.006	0.583	0.16
Low-density lipoprotein	0.089	0.577	0.019	0.59	0.12	0.035	0.419	0.376	0.564	0.745	<0.001	0.739	0.066
Triglycerides	0.044	0.106	0.757	0.242	0.181	0.54	0.752	0.013	0.82	0.8	0.005	0.304	0.156
Albumin	0.051	0.231	0.411	0.497	0.455	0.136	0.043	0.936	0.07	0.121	0.044	0.143	0.017
Fibrinogen	0.111	0.85	0.45	0.634	0.421	0.803	0.364	0.011	0.694	0.001	0.136	<0.001	0.001
C-reactive protein	0.023	0.906	0.153	0.215	0.08	0.316	0.228	0.004	0.345	<0.001	0.003	<0.001	0.061
Serum amyloid A	0.968	0.753	0.114	0.083	0.118	0.227	0.49	0.494	0.262	0.003	0.002	0.001	0.144
Leucocyte count	0.024	0.475	<0.001	0.47	0.197	0.004	0.002	0.246	0.032	<0.001	0.096	0.807	0.134
Serum adiponectin	0.011	0.108	0.987	0.053	0.013	0.063	0.203	0.175	0.114	0.028	0.981	<0.001	0.074
Uric acid	0.336	0.408	0.435	0.883	0.315	0.033	0.009	0.004	<0.001	0.038	0.399	0.023	0.413
Creatinine	0.431	0.134	0.023	0.955	0.363	0.988	0.147	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.023	0.084
Rényi4, baseline	0.246	0.124	0.57	0.701	0.999	0.912	0.979	0.207	0.224	0.29	0.256	0.689	0.548
TP, baseline	0.33	0.52	0.845	0.837	0.984	0.714	0.925	0.076	0.044	0.153	0.329	0.91	0.945
SDWS, baseline	0.13	0.341	0.73	0.573	0.821	0.853	0.994	0.135	0.087	0.945	0.382	0.884	0.825
SDSA, baseline	0.179	0.215	0.644	0.537	0.756	0.898	0.434	0.33	0.988	0.222	0.258	0.795	0.531
CE, baseline	0.494	0.146	0.884	0.96	0.905	0.931	0.566	0.376	0.715	0.113	0.41	0.197	0.425
Rényi4, follow-up	0.858	0.749	0.701	0.946	0.694	0.713	0.318	0.65	0.047	0.413	0.212	0.816	0.41
TP, follow-up	0.884	0.69	0.653	0.979	0.919	0.762	0.507	0.411	0.053	0.839	0.477	0.729	0.547
SDWS, follow-up	0.451	0.252	0.676	0.994	0.665	0.468	0.868	0.129	0.017	0.934	0.308	0.97	0.835
SDSA, follow-up	0.228	0.441	0.7	0.339	0.999	0.739	0.245	0.919	0.056	0.145	0.465	0.717	0.493
CE, follow-up	0.306	0.325	0.789	0.633	0.808	0.672	0.69	0.835	0.212	0.384	0.456	0.968	0.949

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	PGLYRI	CPA1	JAMA	GAL4	IL1RT2	SHPS1	CCL15	CASP3	CPB1	CHI3L1	ST2	TPA	SCGB3A
BMP6	0.1	<0.1	0.6	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.6	<0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1
ANGPT1	0.2	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ADM	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.4	-0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1
CD40L	0.1	-0.1	0.8	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.9	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1
PGF	0.2	0.2	-0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	-0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1
ADAMTS13	<0.1	0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
BOC	<0.1	0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
IL4RA	0.1	0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1
SRC	<0.1	<0.1	0.4	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL1RA	0.2	<0.1	0.4	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.5	<0.1	0.2	0.1	0.1	-0.2
TNFRSF10A	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1
STK4	<0.1	<0.1	0.7	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.8	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
IDUA	<0.1	0.1	0.4	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1
TNFRSF11A	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1
PAR1	0.1	-0.1	0.8	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.9	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
TRAILR2	0.3	0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1
PRSS27	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TIE2	0.1	0.2	-0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1
TF	<0.1	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	-0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
IL1RL2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
PDGFB	0.2	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL27	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL17D	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1
LOX1	0.4	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
GAL9	0.2	<0.1	0.4	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1
GIF	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
SCF	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	-0.2	0.1
IL18	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1
PLGR	0.2	0.2	-0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
RAGE	0.1	0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2
SOD2	0.1	0.1	0.5	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
CTRC	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
FGF23	0.1	<0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.2	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1
SPON2	0.2	0.2	-0.3	0.2	0.1	0.2	0.3	-0.4	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1
GH	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.3	-0.2	0.1
FS	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1
GLO1	<0.1	-0.1	0.8	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.9	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1
CD84	0.1	-0.1	0.7	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.8	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
SERPINA12	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1
REN	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1
DECR1	<0.1	-0.1	0.8	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.9	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
MERTK	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.3	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
KIM1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
THBS2	0.1	0.2	-0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	-0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1
TM	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1
VSIG2	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	-0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1
AMBP	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	-0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1
PRELP	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1
HO1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1
XCL1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1
IL16	<0.1	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
SORT1	0.2	0.1	0.6	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.6	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
CEACAM8	0.5	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
PTX3	0.3	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
PSGL1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1
CCL17	0.1	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.6	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
MMP7	0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1
IGGFC	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
ITGB1BP2	<0.1	-0.1	0.8	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	0.9	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1
DCN	0.1	0.2	-0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	-0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1
DKK1	0.1	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
LPL	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.3	-0.2	0.2
PRSS8	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.4	0.2	0.2	<0.1
AGRP	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1
HBEGF	0.2	<0.1	0.7	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1

GDF2	-0.1	0.1	-0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.2	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.2
FABP2	<0.1	0.1	-0.1	0.5	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
THPO	0.1	-0.1	0.4	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.4	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1
MARCO	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1
GT	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MMP12	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1
ACE2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.3	<0.1
PDL2	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	-0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1
CTSL1	0.2	0.1	-0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	-0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1
HOSCAR	0.3	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1
TNFRSF13B	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1
TGM2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1
LEP	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1
CA5A	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1
HSP27	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CD4	0.2	<0.1	0.4	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.5	<0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1
NEMO	<0.1	-0.1	0.8	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	0.9	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
VEGFD	<0.1	0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
PARP1	<0.1	-0.1	0.6	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
HAOX1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	-0.1
TNFRSF14	0.4	0.1	0.7	0.2	0.2	0.4	0.2	0.7	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1
LDL_RC	0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1
ITGB2	0.2	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1
IL17RA	0.2	<0.1	0.5	0.1	0.1	0.3	0.1	0.4	0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1
TNFR2	0.5	0.2	0.2	0.3	0.3	0.6	0.4	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1
MMP9	0.6	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1
EPHB4	0.5	0.3	-0.1	0.3	0.3	0.5	0.5	-0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2
IL2RA	0.4	0.2	0.1	0.3	0.2	0.4	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1
ALCAM	0.3	0.2	-0.1	0.4	0.5	0.4	0.4	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2
SELP	0.2	<0.1	0.9	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.9	<0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1
CSTB	0.3	0.1	0.7	0.2	0.1	0.3	0.1	0.7	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1
CD163	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.4	0.3	<0.1
GRN	0.4	0.3	0.1	0.3	0.4	0.4	0.4	<0.1	0.4	0.2	0.2	0.1	0.2
NTPROBNP	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
PLC	0.5	0.3	-0.1	0.3	0.5	0.5	0.5	-0.1	0.4	0.3	0.3	0.3	0.1
LTBR	0.4	0.2	0.2	0.2	0.3	0.5	0.4	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2
NOTCH3	0.3	0.3	-0.2	0.3	0.4	0.4	0.4	-0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2
TIMP4	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	-0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.3
CNTN1	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2
CDH5	0.3	0.2	-0.1	0.3	0.4	0.4	0.3	-0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2
TLT2	0.4	<0.1	0.5	0.1	0.2	0.4	0.2	0.5	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1
FABP4	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1
TFPI	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2
PAI	0.2	0.1	0.6	0.2	0.2	0.2	0.1	0.6	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1
CCL24	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
TR	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
TNFRSF10C	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
GDF15	0.4	0.3	<0.1	0.4	0.3	0.4	0.4	<0.1	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2
SELE	0.2	0.2	-0.1	0.4	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	<0.1
DLK1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1
MPO	0.3	<0.1	0.5	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.5	<0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1
CXCL16	0.4	0.3	<0.1	0.3	0.4	0.4	0.4	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2
IL6RA	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1
RETN	0.6	0.1	0.3	0.2	0.1	0.4	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1
IGFBP1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.4
CHIT1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
TRAP	0.3	0.3	0.1	0.3	0.5	0.3	0.3	0.1	0.3	0.3	0.4	0.4	0.1
GP6	0.2	<0.1	0.9	0.1	<0.1	0.1	-0.1	1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
PSPD	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1
EPCAM	<0.1	0.1	-0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1
APN	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.5	0.3	0.3	-0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2
AXL	0.3	0.2	-0.1	0.3	0.4	0.4	0.3	-0.1	0.3	0.3	0.4	0.1	0.1
IL1RT1	0.3	0.3	-0.1	0.3	0.4	0.4	0.4	-0.2	0.4	0.3	0.3	0.1	0.3
MMP2	0.2	0.2	-0.2	0.3	0.4	0.3	0.3	-0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2
FAS	0.3	0.2	0.2	0.3	0.4	0.4	0.4	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2
MB	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	<0.1
TNFSF13B	0.3	0.1	0.1	0.2	0.3	0.4	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2
PCSK9	0.2	0.2	0.2	0.4	0.3	0.3	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3
UPAR	0.5	0.2	0.3	0.3	0.2	0.5	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2
OPN	0.4	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.4	0.3	-0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2

PGLYRP1	1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1
CPA1	0.1	1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	<0.1	0.9	0.3	0.2	0.1	0.2
JAMA	0.1	<0.1	1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.9	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1
GAL4	0.2	0.2	0.1	1	0.4	0.2	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2
IL1RT2	0.2	0.3	<0.1	0.4	1	0.2	0.3	-0.1	0.3	0.3	0.5	0.2	0.1
SHPS1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1
CCL15	0.3	0.3	<0.1	0.3	0.3	0.3	1	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2
CASP3	0.1	<0.1	0.9	0.1	-0.1	0.1	-0.1	1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
CPB1	0.2	0.9	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	<0.1	1	0.3	0.3	0.2	0.2
CH13L1	0.3	0.3	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.3	1	0.3	0.3	0.1
ST2	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.5	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.3	1	0.2	0.1
TPA	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	1	0.1
SCGB3A2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	1
EGFR	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.4	0.2	0.3	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.3
IGFBP7	0.4	0.3	<0.1	0.4	0.5	0.4	0.4	-0.1	0.4	0.4	0.4	0.3	0.2
CD93	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.5	0.4	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2
IL18BP	0.4	0.3	<0.1	0.4	0.4	0.5	0.4	-0.1	0.3	0.4	0.4	0.2	0.1
COL1A1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
PON3	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4
CTSZ	0.3	0.3	0.1	0.3	0.3	0.4	0.4	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1
MMP3	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.3	0.5	0.2	0.2
RARRES2	0.4	0.3	0.3	0.3	0.3	0.4	0.4	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1
ICAM2	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1
KLK6	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.3	0.4	0.4	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2
PDGFA	0.2	<0.1	0.7	0.1	0.1	0.2	0.1	0.7	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
TNFR1	0.5	0.3	0.1	0.4	0.3	0.6	0.4	<0.1	0.3	0.4	0.3	0.2	0.1
IGFBP2	0.3	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3
VWF	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.5	0.1
PECAM1	0.2	<0.1	1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.9	<0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1
MEPE	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2
CCL16	0.3	0.3	<0.1	0.3	0.4	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.1
IL8	0.2	0.1	0.4	0.2	0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1
VEGFA	0.3	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	<0.1	-0.1
CD8A	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1
MCP3	0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
CDCP1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	-0.1
CD244	0.1	-0.1	0.7	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1
IL7	0.1	<0.1	0.6	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
OPG	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1
LAP_TGFB1	0.2	<0.1	0.6	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.7	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1
UPA	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1
IL6	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1
MCP1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1
CXCL11	0.1	<0.1	0.6	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.2
AXIN1	<0.1	-0.1	0.8	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.9	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1
TRAIL	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
CXCL9	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
CST5	<0.1	0.2	-0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1
OSM	0.4	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1
CXCL1	<0.1	-0.1	0.7	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.8	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
CCL4	0.2	<0.1	0.4	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1
CD6	0.1	<0.1	0.5	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.5	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
TGFA	0.4	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	-0.1	<0.1
MCP4	0.1	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
CCL11	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
TNFSF14	0.1	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
MMP1	0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
LIFR	0.1	0.3	-0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	-0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	<0.1
FGF21	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.3	0.1
CCL19	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1
IL15RA	0.2	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1
IL10RB	0.2	0.1	-0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	<0.1
IL18R1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	-0.1
PDL1	0.2	<0.1	0.6	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.6	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
CXCL5	<0.1	<0.1	0.7	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.7	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
TRANCE	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
HGF	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	-0.1
IL12B	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
MMP10	0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1
IL10	0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1

TNF	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1
CCL23	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
CD5	0.1	-0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.5	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
CCL3	0.3	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1
FLT3L	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1
CXCL6	0.1	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
CXCL10	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1
4EBP1	0.1	<0.1	0.8	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.9	<0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1
SIRT2	<0.1	-0.1	0.8	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.9	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
CCL28	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
DNER	-0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
ENRAGE	0.3	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
CD40	0.1	<0.1	0.8	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
IFNG	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
FGF19	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1
MCP2	0.2	<0.1	0.5	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.5	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
CASP8	0.1	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.8	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1
CCL25	0.1	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2
CX3CL1	0.1	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	-0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1
TNFRSF9	0.3	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1
NT3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2
TWEAK	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
CCL20	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1
ST1A1	<0.1	-0.1	0.8	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	0.9	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
STAMBP	<0.1	-0.1	0.8	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.9	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
ADA	0.1	<0.1	0.6	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.7	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
TNFB	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CSF1	0.3	0.2	-0.2	0.1	0.1	0.3	0.3	-0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.1	<0.1
Age	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1
Body mass index	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	-0.2
Waist circumference	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	-0.3
Educational attainment	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
Alcohol consumption	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1
Systolic blood pressure	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.2
Diastolic blood pressure	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1
Hemoglobin A1c	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
Duration of known diabetes	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1
High-density lipoprotein	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.3
Low-density lipoprotein	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1
Triglycerides	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	-0.2
Albumin	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
Fibrinogen	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
C-reactive protein	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1
Serum amyloid A	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
Leucocyte count	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2	0.2
Serum adiponectin	0.4	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
Uric acid	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	-0.1
Creatinine	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1
Rényi4, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
TP, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
SDWS, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
SDSA, baseline	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
CE, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
Rényi4, follow-up	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TP, follow-up	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDWS, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDSA, follow-up	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CE, follow-up	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	PGLYRI	CPA1	JAMA	GAL4	IL1RT2	SHPS1	CCL15	CASP3	CPB1	CHI3L1	ST2	TPA	SCGB3A
BMP6	1	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	1	0.805	1	0.045	0.435
ANGPT1	0.057	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	1	1	1	1	1

ADM	<0.001	0.001	0.115	<0.001	1	0.002	<0.001	0.01	0.001	<0.001	1	0.463	1
CD40L	1	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	1	1	1	1	1
PGF	0.004	0.009	0.053	0.077	0.223	<0.001	0.001	0.056	<0.001	<0.001	0.231	1	1
ADAMTS13	1	1	0.048	1	1	1	0.388	0.017	1	1	1	1	1
BOC	1	1	<0.001	1	0.15	0.476	1	<0.001	0.901	1	0.579	1	1
IL4RA	0.076	1	0.004	0.834	1	0.08	0.027	<0.001	1	<0.001	1	1	1
SRC	1	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	1	1	1	1	1
IL1RA	<0.001	1	<0.001	0.008	1	0.214	1	<0.001	1	0.004	1	0.12	0.016
TNFRSF10A	0.001	0.029	0.058	<0.001	1	0.001	0.002	0.075	0.018	<0.001	1	1	1
STK4	1	1	<0.001	1	1	1	0.075	<0.001	1	1	1	1	1
IDUA	1	1	<0.001	0.042	0.819	1	1	<0.001	1	0.036	1	0.962	1
TNFRSF11A	<0.001	0.805	1	<0.001	1	0.001	<0.001	1	0.049	0.001	1	1	1
PAR1	1	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	1	1	1	0.001	1
TRAILR2	<0.001	0.388	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.098	<0.001	1	0.307	1
PRSS27	0.55	1	0.062	1	1	1	1	0.019	1	1	1	1	1
TIE2	0.857	0.035	0.018	0.032	0.001	0.068	0.38	0.002	0.036	0.032	0.067	1	1
TF	1	0.551	0.152	<0.001	0.004	0.084	0.003	0.033	0.448	0.083	0.329	1	0.04
IL1RL2	1	1	1	0.553	1	1	1	1	1	1	1	1	1
PDGFB	0.048	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	1	1	1	1	1
IL27	0.004	1	0.879	1	1	0.084	0.373	0.015	0.55	1	1	1	1
IL17D	1	1	1	0.137	1	0.038	0.072	1	0.585	1	1	1	1
LOX1	<0.001	1	<0.001	0.003	1	1	1	<0.001	1	0.001	1	1	1
GAL9	<0.001	1	<0.001	0.012	1	0.069	1	<0.001	1	0.036	1	1	0.556
GIF	1	0.801	1	1	1	1	0.238	1	0.412	1	1	0.303	1
SCF	1	1	0.167	1	1	0.944	1	0.147	1	0.001	1	0.029	0.541
IL18	0.916	0.639	0.271	0.008	1	1	1	0.18	0.193	<0.001	0.946	0.17	0.268
PLGR	0.028	0.067	0.017	0.003	0.365	0.907	<0.001	0.003	0.133	0.64	1	1	0.001
RAGE	0.888	1	0.002	1	1	0.094	0.016	<0.001	1	1	1	0.306	0.003
SOD2	1	1	<0.001	0.041	1	1	1	<0.001	1	1	1	1	1
CTRC	1	<0.001	1	1	1	1	0.902	1	<0.001	1	1	1	1
FGF23	1	1	0.055	1	1	1	0.009	0.017	1	1	0.833	1	1
SPON2	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.308	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.413
GH	1	1	1	1	0.16	1	1	0.361	1	0.009	<0.001	0.005	0.33
FS	0.076	0.749	0.143	1	1	1	0.605	0.049	1	0.045	1	1	1
GLO1	1	1	<0.001	1	1	1	0.108	<0.001	1	1	1	0.024	1
CD84	0.248	1	<0.001	1	1	1	0.927	<0.001	1	1	1	1	1
SERPINA12	1	1	1	1	1	1	0.436	1	1	0.174	0.014	1	1
REN	0.071	<0.001	1	0.01	<0.001	0.309	0.145	1	0.002	0.01	<0.001	0.008	1
DECR1	1	1	<0.001	1	1	1	0.112	<0.001	1	1	1	0.129	1
MERTK	1	1	<0.001	1	1	0.661	0.209	<0.001	1	1	1	1	1
KIM1	1	1	1	0.01	0.423	1	1	1	1	0.006	0.241	1	1
THBS2	0.103	0.004	0.027	<0.001	<0.001	0.349	0.004	0.013	0.018	0.001	0.554	0.047	1
TM	0.004	0.06	1	0.063	0.076	<0.001	0.006	1	0.02	<0.001	1	0.357	1
VSIG2	0.57	0.009	0.279	0.008	1	0.022	<0.001	0.052	0.018	0.002	1	0.779	0.22
AMBP	0.034	<0.001	0.071	0.225	0.215	0.021	<0.001	0.028	0.003	0.001	1	1	1
PRELP	0.04	0.025	1	<0.001	0.133	0.001	0.001	0.587	0.018	<0.001	1	1	1
HO1	0.165	0.27	0.24	<0.001	<0.001	0.321	0.182	0.295	0.128	<0.001	<0.001	0.004	1
XC1L1	0.001	1	0.755	0.009	1	0.567	0.066	1	0.614	0.004	1	0.948	1
IL16	1	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	1	1	1	0.201	1
SORT1	0.031	1	<0.001	0.083	1	0.425	1	<0.001	1	0.452	1	1	1
CEACAM8	<0.001	1	0.001	0.001	1	0.053	1	<0.001	1	<0.001	0.493	0.073	1
PTX3	<0.001	0.389	1	1	1	0.222	0.763	1	0.113	1	1	1	1
PSGL1	1	1	<0.001	0.014	0.674	1	0.622	<0.001	1	0.312	1	0.021	1
CCL17	0.593	1	<0.001	1	1	0.799	1	<0.001	1	1	1	1	1
MMP7	1	0.006	1	0.491	1	0.131	0.011	0.266	0.01	1	1	1	1
IGGFC	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
ITGB1BP2	1	1	<0.001	1	0.461	1	0.053	<0.001	1	1	1	1	1
DCN	1	0.01	0.001	0.001	0.077	0.002	0.002	0.001	0.004	0.002	0.057	1	1
DKK1	0.085	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	1	1	1	1	1
LPL	1	1	0.318	1	0.13	1	1	0.316	1	0.058	<0.001	0.007	0.005
PRSS8	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.025	0.243	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
AGRP	0.033	0.076	1	0.362	0.086	0.22	0.012	1	0.022	0.022	0.029	1	1
HBEGF	0.01	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	1	1	1	1	1
GDF2	1	0.197	0.038	0.491	0.782	1	0.567	0.011	0.509	1	1	1	0.004
FABP2	1	1	1	<0.001	1	1	0.072	0.926	1	1	1	1	0.475
THPO	1	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	1	0.483	1	1	0.514
MARCO	0.003	0.973	1	<0.001	0.039	0.003	1	1	0.04	0.17	0.008	0.218	1
GT	1	0.498	1	0.272	1	1	0.339	1	0.288	1	1	1	1
MMP12	<0.001	0.884	1	0.013	1	0.011	0.034	1	0.166	<0.001	1	1	1
ACE2	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.323	0.218	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1

PDL2	0.122	0.039	0.182	0.004	0.795	<0.001	1	0.029	0.003	0.002	0.188	1	1
CTSL1	<0.001	0.145	0.006	0.03	1	0.007	0.007	0.004	0.024	0.008	0.841	1	1
HOSCAR	<0.001	1	1	0.316	1	0.01	0.059	1	1	0.007	1	1	1
TNFRSF13B	0.001	0.292	1	0.001	1	0.001	<0.001	1	0.017	0.023	1	1	1
TGM2	0.041	1	1	0.468	0.903	1	0.681	0.925	1	0.013	0.262	0.028	1
LEP	1	1	1	0.054	1	1	0.463	1	1	1	0.01	1	1
CA5A	1	1	1	0.004	0.01	1	0.884	1	1	0.025	0.005	0.067	0.631
HSP27	1	1	1	1	1	0.103	1	1	1	1	1	1	1
CD4	0.001	1	<0.001	0.091	1	0.001	1	<0.001	1	<0.001	1	0.001	1
NEMO	1	1	<0.001	1	0.524	1	0.022	<0.001	1	1	1	0.135	1
VEGFD	1	0.254	<0.001	1	1	1	0.008	<0.001	0.176	1	1	1	<0.001
PARP1	1	1	<0.001	1	1	1	1	<0.001	1	1	1	0.182	1
HAOX1	1	0.551	1	0.008	<0.001	1	1	1	0.736	0.009	<0.001	0.007	1
TNFRSF14	<0.001	0.537	<0.001	0.001	0.052	<0.001	0.009	<0.001	0.017	0.009	0.075	<0.001	1
LDL_RC	0.377	1	1	<0.001	<0.001	0.001	0.102	1	0.262	0.073	0.313	0.001	1
ITGB2	0.006	1	<0.001	0.036	0.068	<0.001	1	<0.001	1	1	1	<0.001	1
IL17RA	0.002	1	<0.001	0.091	0.11	<0.001	0.985	<0.001	1	1	1	<0.001	1
TNFR2	<0.001	<0.001	0.022	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.304	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.259
MMP9	<0.001	1	0.755	0.018	0.377	0.45	0.278	0.754	0.113	<0.001	0.001	1	1
EPHB4	<0.001	<0.001	0.344	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.092	<0.001	<0.001	<0.001	0.616	0.002
IL2RA	<0.001	0.005	0.555	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	0.109	0.54
ALCAM	<0.001	0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.13	0.011	1	<0.001
SELP	0.021	1	<0.001	1	1	0.086	1	<0.001	1	1	1	<0.001	1
CSTB	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.15	<0.001	0.526	<0.001	0.857	0.186	0.039	<0.001	1
CD163	<0.001	0.027	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.257	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
GRN	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.003	<0.001	0.224	0.02
NTPROBNP	0.025	1	1	1	1	0.061	0.855	1	1	1	1	1	0.922
PLC	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
LTBR	<0.001	<0.001	0.043	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.833	<0.001	<0.001	0.019	0.001	0.008
NOTCH3	<0.001	<0.001	0.046	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.033	<0.001	<0.001	<0.001	0.33	0.007
TIMP4	<0.001	<0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.001	0.109	<0.001
CNTN1	0.004	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.53	<0.001	1	0.443	1	0.002
CDH5	<0.001	0.002	0.328	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.068	<0.001	0.001	<0.001	0.003	0.053
TLT2	<0.001	1	<0.001	0.479	0.038	<0.001	0.012	<0.001	1	1	1	0.051	1
FABP4	<0.001	0.321	1	<0.001	0.013	0.009	<0.001	1	0.043	0.932	1	1	1
TFPI	<0.001	0.005	0.002	0.36	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	0.001	1	<0.001	0.003	<0.001
PAI	0.002	1	<0.001	0.013	0.004	0.017	0.173	<0.001	1	0.011	0.112	<0.001	1
CCL24	0.032	1	1	1	0.665	1	1	1	1	1	0.166	1	1
TR	<0.001	1	1	0.276	1	0.013	0.294	1	0.204	1	0.035	1	1
TNFRSF10C	<0.001	1	1	0.519	0.89	0.04	1	1	1	0.839	1	1	1
GDF15	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
SELE	<0.001	0.019	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.001	<0.001	<0.001	0.001	1
DLK1	0.12	0.116	1	0.155	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	0.076	1	0.219	1
MPO	<0.001	1	<0.001	1	1	0.007	1	<0.001	1	1	1	<0.001	1
CXCL16	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.08	<0.001
IL6RA	<0.001	0.011	1	0.013	<0.001	0.046	<0.001	0.815	0.004	0.853	0.004	0.133	1
RETN	<0.001	1	<0.001	0.055	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.22	0.193	0.475	<0.001	1
IGFBP1	0.134	1	1	1	1	0.301	<0.001	1	1	1	0.087	0.264	<0.001
CHIT1	0.005	1	1	1	1	<0.001	1	1	1	1	1	1	1
TRAP	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.284
GP6	0.059	1	<0.001	1	1	0.382	1	<0.001	1	1	1	0.001	1
PSPD	1	0.393	1	0.002	0.181	0.019	0.007	1	0.013	<0.001	1	0.432	0.234
EPCAM	1	1	1	<0.001	<0.001	1	0.061	1	1	1	1	1	0.569
APN	0.02	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.049	<0.001	0.005	0.009
AXL	<0.001	<0.001	0.85	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.243	<0.001	<0.001	<0.001	0.197	1
IL1RT1	<0.001	<0.001	0.207	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	0.175	<0.001
MMP2	<0.001	<0.001	0.069	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.041	<0.001	<0.001	<0.001	0.49	0.02
FAS	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.041
MB	<0.001	0.335	1	0.161	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.029	0.005	<0.001	0.024	1
TNFSF13B	<0.001	0.364	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.025	0.202	1	0.015	0.01
PCSK9	<0.001	<0.001	0.061	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.199	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001
UPAR	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.011	<0.001	0.014
OPN	<0.001	0.005	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.213	0.064
PGLYRP1	<0.001	0.25	0.332	0.003	0.003	<0.001	<0.001	0.852	0.002	<0.001	<0.001	0.024	0.466
CPA1	0.01	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.196	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.21	0.021
JAMA	0.014	0.522	<0.001	1	1	0.375	1	<0.001	1	1	1	<0.001	1
GAL4	<0.001	<0.001	0.142	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	0.028
IL1RT2	<0.001	<0.001	0.431	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.452
SHPS1	<0.001	0.008	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.003	0.015	<0.001	0.003	0.468
CCL15	<0.001	<0.001	0.398	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	1	0.369	0.05

CASP3	0.041	0.468	<0.001	0.225	0.288	0.13	0.061	<0.001	1	1	1	<0.001	1
CPB1	<0.001	<0.001	0.938	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.501	<0.001	<0.001	<0.001	0.057	0.021
CH13L1	<0.001	<0.001	0.884	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.738	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
ST2	<0.001	<0.001	0.744	<0.001	<0.001	<0.001	0.109	0.836	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
TPA	0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	1
SCGB3A2	0.02	0.001	0.883	0.001	0.02	0.02	0.002	0.663	0.001	0.276	0.078	0.279	<0.001
EGFR	<0.001	<0.001	0.197	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.12	<0.001	0.76	<0.001	0.04	<0.001
IGFBP7	<0.001	<0.001	0.458	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.102	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD93	<0.001	<0.001	0.368	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.12	<0.001	<0.001	0.003	0.015	<0.001
IL18BP	<0.001	<0.001	0.091	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.029	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.013
COL1A1	<0.001	0.009	0.273	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.163	0.001	0.077	0.017	0.099	0.036
PON3	0.186	0.041	0.104	0.931	0.117	0.268	0.001	0.022	0.018	0.025	0.827	0.274	<0.001
CTSZ	<0.001	<0.001	0.052	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.092	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.019
MMP3	<0.001	<0.001	0.15	0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.06	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
RARRES2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	0.002	<0.001	0.004
ICAM2	<0.001	<0.001	0.865	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.571	<0.001	0.001	<0.001	0.012	0.017
KLK6	<0.001	<0.001	0.07	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	0.006	0.005	0.164	<0.001
PDGFA	<0.001	0.549	<0.001	0.128	0.145	0.001	0.263	<0.001	0.311	0.414	0.165	0.015	0.937
TNFR1	<0.001	<0.001	0.164	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.383	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.016
IGFBP2	<0.001	0.512	0.206	0.84	0.368	<0.001	<0.001	0.019	0.203	0.165	0.671	0.039	<0.001
VWF	<0.001	0.008	0.064	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.718	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.058
PECAM1	0.001	0.877	<0.001	0.018	0.768	<0.001	0.598	<0.001	0.552	0.585	0.133	<0.001	0.526
MEPE	<0.001	<0.001	0.893	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.762	<0.001	0.01	<0.001	0.005	<0.001
CCL16	<0.001	<0.001	0.916	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.941	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.028
IL8	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.047	0.07	0.09	<0.001	0.003	<0.001	0.001	0.046	0.926
VEGFA	<0.001	0.028	<0.001	0.024	0.133	0.003	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.684	0.356	0.223
CD8A	<0.001	0.383	0.717	0.03	0.483	0.001	0.01	0.363	0.035	<0.001	0.564	0.122	0.957
MCP3	<0.001	0.775	<0.001	0.004	0.374	0.003	0.006	<0.001	0.256	<0.001	0.127	0.068	0.783
CDCP1	0.008	0.085	0.486	<0.001	<0.001	<0.001	0.649	0.617	0.069	<0.001	<0.001	0.042	0.235
CD244	0.006	0.248	<0.001	0.237	0.482	0.02	0.148	<0.001	0.747	0.797	0.678	0.002	0.088
IL7	0.058	0.495	<0.001	0.582	0.22	0.674	0.252	<0.001	0.499	0.686	0.849	0.901	0.047
OPG	0.018	<0.001	0.018	<0.001	0.006	<0.001	0.009	0.003	<0.001	<0.001	0.037	0.429	0.092
LAP_TGFB1	0.001	0.589	<0.001	0.106	0.685	0.025	0.537	<0.001	0.398	0.03	0.825	0.158	0.239
UPA	0.002	0.002	0.083	<0.001	<0.001	<0.001	0.109	0.042	0.001	<0.001	0.108	0.01	0.921
IL6	<0.001	0.008	0.394	0.001	0.033	<0.001	0.001	0.332	0.003	<0.001	0.001	<0.001	0.964
MCP1	<0.001	<0.001	0.82	0.002	0.001	0.003	<0.001	0.883	<0.001	<0.001	0.025	0.009	0.984
CXCL11	0.021	0.787	<0.001	0.976	0.115	0.16	0.1	<0.001	0.969	0.478	0.828	0.035	0.002
AXIN1	0.784	0.091	<0.001	0.899	0.029	0.993	0.003	<0.001	0.064	0.484	0.505	0.002	0.062
TRAIL	0.01	0.425	0.044	0.081	0.369	0.002	0.07	0.033	0.348	0.174	0.775	0.598	0.097
CXCL9	<0.001	0.041	0.911	<0.001	0.758	<0.001	0.068	0.902	0.006	0.001	0.079	0.287	0.845
CST5	0.371	<0.001	<0.001	0.002	0.007	0.012	0.003	<0.001	<0.001	0.096	0.652	0.619	0.306
OSM	<0.001	0.657	0.001	0.072	0.813	0.25	0.347	<0.001	0.176	<0.001	0.011	0.934	0.179
CXCL1	0.469	0.305	<0.001	0.398	0.179	0.497	0.034	<0.001	0.238	0.429	0.353	0.091	0.398
CCL4	<0.001	0.577	<0.001	0.021	0.017	0.02	0.344	<0.001	0.109	0.001	0.017	0.002	0.09
CD6	0.098	0.607	<0.001	0.229	0.588	0.038	0.714	<0.001	0.933	0.246	0.946	0.007	0.919
TGFA	<0.001	0.022	0.892	<0.001	0.022	0.001	0.001	0.732	0.001	<0.001	0.003	0.243	0.774
MCP4	0.016	0.608	<0.001	0.955	0.382	0.317	0.298	<0.001	0.754	0.342	0.576	0.201	0.029
CCL11	0.007	0.118	<0.001	0.044	0.79	0.913	0.555	<0.001	0.032	<0.001	0.033	0.018	0.844
TNFSF14	0.004	0.264	<0.001	0.606	0.423	0.379	0.631	<0.001	0.407	0.598	0.901	0.034	0.033
MMP1	0.01	0.588	<0.001	0.776	0.619	0.833	0.927	<0.001	0.437	0.354	0.564	0.612	0.539
LIFR	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.662	0.463
FGF21	0.152	<0.001	0.916	<0.001	<0.001	0.081	<0.001	0.869	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	0.225
CCL19	0.004	0.009	0.121	0.002	0.127	0.005	0.083	0.353	0.001	<0.001	0.008	0.006	0.349
IL15RA	<0.001	0.009	0.235	<0.001	0.369	<0.001	<0.001	0.152	<0.001	<0.001	<0.001	0.35	0.204
IL10RB	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.041	0.423	0.679
IL18R1	<0.001	0.961	0.519	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.438	0.452	<0.001	<0.001	<0.001	0.02
PDL1	0.001	0.724	<0.001	0.066	0.99	0.001	0.835	<0.001	0.301	0.004	0.197	0.012	0.278
CXCL5	0.585	0.463	<0.001	0.621	0.019	0.443	0.054	<0.001	0.367	0.231	0.11	0.609	0.489
TRANCE	0.022	0.542	0.885	0.818	0.09	0.004	0.024	0.872	0.331	0.258	0.695	0.347	0.44
HGF	<0.001	0.031	<0.001	<0.001	0.001	0.001	0.007	<0.001	0.007	<0.001	0.002	0.001	0.005
IL12B	<0.001	0.258	0.281	0.056	0.127	0.001	0.055	0.195	0.013	0.089	0.946	0.992	0.004
MMP10	0.001	0.018	0.047	0.312	0.734	0.02	0.084	0.047	0.006	<0.001	0.002	0.939	0.004
IL10	<0.001	0.009	0.019	0.05	0.499	0.029	0.025	0.005	0.004	<0.001	0.028	0.162	0.65
TNF	<0.001	0.228	0.432	<0.001	0.104	<0.001	0.024	0.478	0.039	<0.001	0.027	0.387	0.041
CCL23	<0.001	0.014	0.269	0.371	0.645	0.01	0.408	0.265	0.004	0.006	0.72	0.147	0.955
CD5	0.004	0.285	<0.001	0.564	0.474	0.018	0.859	<0.001	0.589	0.143	0.723	0.108	0.601
CCL3	<0.001	0.039	<0.001	0.001	0.02	<0.001	0.007	<0.001	0.005	<0.001	0.019	0.001	0.033
FLT3L	0.342	0.089	0.081	<0.001	0.159	0.023	<0.001	0.265	0.106	<0.001	0.816	0.491	0.352
CXCL6	0.023	0.859	<0.001	0.474	0.599	0.237	0.09	<0.001	0.46	0.954	0.455	0.115	0.056
CXCL10	0.004	0.203	<0.001	0.001	0.086	<0.001	0.2	<0.001	0.055	0.002	0.183	0.056	0.053

4EBP1	0.143	0.626	<0.001	0.264	0.41	0.279	0.06	<0.001	0.704	0.28	0.419	0.001	0.096
SIRT2	0.407	0.171	<0.001	0.685	0.034	0.923	0.003	<0.001	0.166	0.381	0.357	0.053	0.063
CCL28	0.105	0.006	0.011	0.006	0.526	0.256	0.202	0.009	0.003	0.001	0.169	0.267	0.899
DNER	0.014	0.023	0.025	0.026	<0.001	0.718	0.353	0.009	0.024	0.182	0.068	0.292	0.076
ENRAGE	<0.001	0.946	<0.001	0.41	0.904	0.081	0.503	<0.001	0.916	0.018	0.007	0.204	0.227
CD40	0.04	0.319	<0.001	0.923	0.078	0.209	0.09	<0.001	0.416	0.872	0.445	0.018	0.138
IFNG	0.025	0.091	0.958	0.02	0.053	0.003	0.015	0.437	0.007	0.078	0.039	0.013	0.04
FGF19	0.107	0.001	0.153	0.036	0.272	0.192	0.062	0.152	0.003	<0.001	0.115	0.796	0.015
MCP2	<0.001	0.7	<0.001	0.063	0.076	0.004	0.733	<0.001	0.249	0.013	0.068	0.048	0.811
CASP8	0.023	0.297	<0.001	0.378	0.52	0.186	0.146	<0.001	0.461	0.26	0.679	0.017	0.036
CCL25	0.124	<0.001	0.103	<0.001	0.001	0.008	<0.001	0.053	<0.001	<0.001	0.001	0.412	<0.001
CX3CL1	0.008	0.001	0.004	0.01	0.573	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.621	0.286	0.282
TNFRSF9	<0.001	0.046	0.896	<0.001	0.54	<0.001	<0.001	0.703	0.002	<0.001	0.438	0.232	0.385
NT3	0.348	0.944	0.057	0.522	0.296	0.196	0.464	0.107	0.652	0.833	0.663	0.027	<0.001
TWEAK	0.008	0.783	<0.001	0.124	0.273	0.06	0.651	<0.001	0.519	0.265	0.173	0.337	0.553
CCL20	<0.001	0.083	0.016	<0.001	0.485	0.02	0.018	0.003	0.04	0.001	0.09	<0.001	0.74
ST1A1	0.866	0.062	<0.001	0.575	0.012	0.495	0.001	<0.001	0.072	0.622	0.431	0.141	0.022
STAMBP	0.542	0.118	<0.001	0.926	0.035	0.84	0.005	<0.001	0.1	0.542	0.5	0.01	0.102
ADA	0.006	0.799	<0.001	0.014	0.219	0.04	0.457	<0.001	0.668	0.026	0.146	0.086	0.046
TNFB	0.807	0.152	0.054	0.157	0.1	0.143	0.312	0.027	0.056	0.606	0.317	0.353	0.843
CSF1	<0.001	0.002	<0.001	0.016	0.058	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.99	0.231	0.82
Age	0.019	0.762	0.038	0.007	0.169	<0.001	0.126	0.024	0.399	0.002	0.884	0.664	0.102
Body mass ind	0.162	0.383	0.63	0.015	0.164	0.266	0.215	0.42	0.326	0.011	0.005	0.001	<0.001
Waist circumfe	0.203	0.027	0.423	0.008	<0.001	0.02	0.226	0.256	0.027	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
Educational att	0.335	0.469	0.644	0.381	0.421	0.977	0.554	0.837	0.301	0.174	0.091	0.03	0.304
Alcohol consur	0.574	<0.001	0.517	0.71	<0.001	0.261	0.928	0.731	0.008	<0.001	<0.001	0.002	0.831
Systolic blood p	0.32	0.216	0.605	0.154	0.356	0.283	0.657	0.462	0.318	0.004	<0.001	0.01	0.001
Diastolic blood	0.599	0.428	0.55	0.475	0.081	0.466	0.331	0.424	0.82	0.005	0.005	0.001	0.003
Hemoglobin A	0.05	0.912	0.949	0.006	0.269	0.671	0.52	0.861	0.704	0.008	0.155	0.062	0.121
Duration of kn	0.286	0.213	0.592	0.016	0.012	0.159	0.917	0.914	0.223	0.002	<0.001	0.173	0.146
High-density li	0.867	0.757	0.079	0.46	0.853	0.732	0.634	0.05	0.719	0.091	0.209	0.035	<0.001
Low-density lip	0.254	0.635	0.114	0.08	0.935	0.408	0.054	0.074	0.497	0.083	0.842	0.194	0.895
Triglycerides	0.132	0.085	0.087	<0.001	<0.001	0.245	0.41	0.085	0.026	<0.001	0.002	<0.001	<0.001
Albumin	0.027	0.084	0.042	0.884	0.026	0.892	0.032	0.05	0.245	0.028	0.645	0.283	0.009
Fibrinogen	<0.001	0.66	0.158	0.059	0.596	0.012	0.213	0.207	0.454	0.68	0.669	0.054	0.487
C-reactive prot	<0.001	0.976	0.1	0.012	0.589	0.002	0.093	0.079	0.486	0.002	0.85	0.109	0.852
Serum amyloid	<0.001	0.639	0.816	<0.001	0.976	0.608	0.009	0.582	0.382	0.166	0.647	0.71	0.127
Leucocyte coun	0.974	0.756	0.02	0.031	0.004	0.77	0.074	0.023	0.886	0.004	<0.001	0.002	<0.001
Serum adipone	<0.001	0.829	0.024	0.378	0.863	0.893	0.463	0.01	0.952	0.13	0.983	0.092	0.986
Uric acid	0.008	0.006	0.455	0.026	0.005	0.022	0.087	0.351	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.013
Creatinine	<0.001	0.003	0.544	0.46	0.007	<0.001	0.009	0.688	0.003	<0.001	<0.001	0.026	0.721
Rényi4, baseli	0.61	0.597	0.418	0.698	0.764	0.8	0.78	0.259	0.977	0.323	0.07	0.363	0.038
TP, baseline	0.756	0.733	0.593	0.97	0.852	0.988	0.726	0.465	0.599	0.687	0.014	0.588	0.13
SDWS, baselin	0.782	0.82	0.348	0.957	0.954	0.493	0.897	0.211	0.732	0.733	0.024	0.633	0.121
SDSA,baseline	0.679	0.926	0.23	0.865	0.396	0.976	0.775	0.148	0.917	0.463	0.12	0.938	0.529
CE, baseline	0.584	0.728	0.668	0.501	0.943	0.454	0.78	0.472	0.837	0.175	0.108	0.451	0.199
Rényi4, follow-	0.403	0.233	0.879	0.972	0.079	0.193	0.935	0.866	0.248	0.998	0.662	0.611	0.632
TP, follow-up	0.291	0.41	0.947	0.451	0.175	0.266	0.522	0.979	0.579	0.732	0.535	0.39	0.801
SDWS, follow-	0.36	0.95	0.611	0.865	0.245	0.799	0.504	0.528	0.836	0.817	0.901	0.781	0.754
SDSA, follow-u	0.197	0.093	0.421	0.645	0.015	0.226	0.684	0.335	0.213	0.452	0.974	0.816	0.245
CE, follow-up	0.391	0.237	0.552	0.532	0.026	0.128	0.622	0.492	0.288	0.483	0.973	0.797	0.142

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

L2	EGFR	IGFBP7	CD93	IL18BP	COL1A1	PON3	CTSZ	MMP3	RARRES1	ICAM2	KLK6	PDGFA	TNFR1
BMP6	-0.2	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.7	0.1
ANGPT1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.9	0.1
ADM	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.1	0.2	-0.1	0.4
CD40L	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.8	<0.1
PGF	<0.1	0.4	0.4	0.4	0.2	-0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.5
ADAMTS13	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
BOC	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2
IL4RA	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2
SRC	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1
IL1RA	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.4	0.2	<0.1	0.3	<0.1	-0.2	0.4	0.3
TNFRSF10A	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3
STK4	-0.1	-0.2	-0.2	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.5	-0.1
IDUA	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.3	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.4	0.1
TNFRSF11A	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.5
PAR1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.7	<0.1
TRAILR2	-0.1	0.2	0.3	0.4	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.5
PRSS27	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.4	0.2
TIE2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	-0.1	0.2
TF	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	-0.1	0.2
IL1RL2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
PDGFB	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.4	<0.1	-0.1	0.9	0.1
IL27	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
IL17D	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2
LOX1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	-0.1	0.4	0.2
GAL9	-0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.3	0.2	<0.1	0.3	0.1	-0.1	0.4	0.3
GIF	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
SCF	0.3	0.1	0.2	0.1	0.3	0.4	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1
IL18	-0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2
PLGR	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.3
RAGE	0.2	0.2	0.4	0.2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	-0.1	0.2
SOD2	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.4	0.1
CTRC	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
FGF23	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.2
SPON2	0.1	0.4	0.3	0.3	0.3	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.3	-0.1	0.4
GH	0.1	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1
FS	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
GLO1	-0.2	-0.2	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.6	<0.1
CD84	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	-0.1	0.7	0.1
SERPINA12	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
REN	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
DECR1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.6	<0.1
MERTK	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1
KIM1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
THBS2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.3
TM	0.1	0.3	0.5	0.4	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.4
VSIG2	<0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.4
AMBP	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.3	0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.4
PRELP	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3
HO1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3
XCL1	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2
IL16	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.5	<0.1
SORT1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.4	0.1	-0.1	0.8	0.2
CEACAM8	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.4	0.3
PTX3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2
PSGL1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	<0.1
CCL17	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.7	0.2
MMP7	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
IGGFC	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ITGB1BP2	-0.2	-0.2	-0.2	-0.2	-0.1	-0.2	<0.1	-0.2	0.2	-0.1	-0.2	0.7	<0.1
DCN	0.1	0.4	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3
DKK1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.9	0.1
LPL	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.4	-0.1	-0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
PRSS8	0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	-0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3
AGRP	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2
HBEGF	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.4	0.1	-0.1	0.9	0.1

GDF2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1
FABP2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1
THPO	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.6	0.1
MARCO	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2
GT	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1
MMP12	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3
ACE2	<0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.3	0.3	0.3	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2
PDL2	0.1	0.3	0.3	0.4	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.5	0.2	<0.1	0.3
CTSL1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3
HOSCAR	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3
TNFRSF13B	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3
TGM2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2
LEP	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.4	0.3	0.1	-0.1	<0.1	0.2
CA5A	-0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2
HSP27	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1
CD4	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.4	0.3
NEMO	-0.2	-0.2	-0.2	-0.2	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.6	-0.1
VEGFD	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1
PARP1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.3	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.5	<0.1
HAOX1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
TNFRSF14	0.1	0.3	0.4	0.4	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.5	0.2	0.2	0.7	0.6
LDL_RC	0.4	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.2	0.1	0.1	0.3
ITGB2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.4	0.3
IL17RA	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.5	0.2
TNFR2	0.2	0.6	0.7	0.8	0.3	<0.1	0.6	0.3	0.5	0.4	0.4	0.3	0.9
MMP9	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.3
EPHB4	0.4	0.6	0.7	0.7	0.4	0.2	0.5	0.3	0.4	0.5	0.5	<0.1	0.7
IL2RA	0.2	0.5	0.5	0.6	0.3	<0.1	0.4	0.2	0.4	0.3	0.3	0.2	0.6
ALCAM	0.7	0.6	0.6	0.6	0.4	0.4	0.4	<0.1	0.5	0.5	0.4	0.1	0.5
SELP	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.4	0.1	-0.1	0.8	0.1
CSTB	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.5	0.1	0.1	0.6	0.4
CD163	0.2	0.5	0.3	0.6	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.4
GRN	0.5	0.5	0.5	0.5	0.2	0.2	0.5	0.1	0.5	0.3	0.3	0.1	0.5
NTPROBNP	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2
PLC	0.4	0.7	0.7	0.6	0.5	0.2	0.5	0.3	0.6	0.4	0.5	0.1	0.7
LTBR	0.3	0.5	0.7	0.6	0.4	0.2	0.6	0.3	0.5	0.3	0.5	0.2	0.8
NOTCH3	0.5	0.6	0.6	0.6	0.5	0.3	0.3	0.2	0.3	0.4	0.4	<0.1	0.5
TIMP4	0.4	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	0.4	0.3	0.3	<0.1	0.3
CNTN1	0.6	0.5	0.5	0.4	0.4	0.4	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.5	<0.1	0.4
CDH5	0.5	0.5	0.6	0.6	0.4	0.2	0.3	0.2	0.3	0.6	0.4	<0.1	0.5
TLT2	0.3	0.3	0.4	0.4	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.5	0.3	0.2	0.5	0.5
FABP4	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	-0.1	0.5	0.2	0.1	0.1	0.4
TFPI	0.4	0.4	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.4	0.2	0.3	0.3	0.3
PAI	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.5	0.1	-0.1	0.9	0.3
CCL24	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1
TR	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2
TNFRSF10C	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2
GDF15	0.2	0.5	0.4	0.5	0.2	<0.1	0.5	0.4	0.4	0.2	0.3	0.1	0.6
SELE	0.2	0.4	0.2	0.4	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.5	0.1	0.1	0.3
DLK1	0.2	0.4	0.5	0.4	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.5
MPO	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.5	0.2
CXCL16	0.5	0.5	0.5	0.4	0.4	0.3	0.4	0.2	0.5	0.4	0.4	0.1	0.5
IL6RA	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2
RETN	0.1	0.3	0.4	0.4	0.2	<0.1	0.4	0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.5
IGFBP1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.4	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1
CHIT1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2
TRAP	0.3	0.5	0.3	0.4	0.2	<0.1	0.4	0.4	0.3	0.2	0.2	0.1	0.5
GP6	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.4	<0.1	-0.1	0.8	0.1
PSPD	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2
EPCAM	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
APN	0.6	0.5	0.4	0.4	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	0.3
AXL	0.4	0.6	0.6	0.7	0.4	0.2	0.4	0.2	0.3	0.4	0.4	<0.1	0.6
IL1RT1	0.6	0.6	0.6	0.6	0.4	0.4	0.4	0.3	0.4	0.6	0.5	<0.1	0.6
MMP2	0.5	0.6	0.6	0.4	0.4	0.3	0.3	0.3	0.3	0.4	0.4	<0.1	0.4
FAS	0.3	0.5	0.6	0.5	0.2	<0.1	0.5	0.3	0.5	0.3	0.3	0.2	0.6
MB	0.2	0.5	0.4	0.4	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.3	0.2	0.3	0.1	0.5
TNFSF13B	0.4	0.4	0.5	0.5	0.3	0.2	0.4	<0.1	0.4	0.3	0.3	0.1	0.5
PCSK9	0.5	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	0.5	0.3	0.2	0.2	0.3
UPAR	0.1	0.4	0.4	0.4	0.2	<0.1	0.5	0.2	0.4	0.3	0.2	0.4	0.6
OPN	0.3	0.5	0.5	0.5	0.7	0.2	0.4	0.2	0.3	0.3	0.4	0.1	0.5

PGLYRP1	0.2	0.4	0.3	0.4	0.2	0.1	0.3	0.2	0.4	0.3	0.3	0.2	0.5
CPA1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.3
JAMA	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.7	0.1
GAL4	0.2	0.4	0.2	0.4	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.4
IL1RT2	0.4	0.5	0.3	0.4	0.2	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.3
SHPS1	0.2	0.4	0.5	0.5	0.2	0.1	0.4	0.2	0.4	0.3	0.4	0.2	0.6
CCL15	0.3	0.4	0.4	0.4	0.2	0.2	0.4	0.2	0.4	0.2	0.4	0.1	0.4
CASP3	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.7	<0.1
CPB1	0.3	0.4	0.2	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	0.3
CHI3L1	<0.1	0.4	0.2	0.4	0.1	-0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.4
ST2	0.2	0.4	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.2	0.5	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3
TPA	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2
SCGB3A2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.4	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1
EGFR	1	0.4	0.4	0.3	0.3	0.5	0.3	0.1	0.5	0.4	0.4	0.1	0.3
IGFBP7	0.4	1	0.6	0.6	0.4	0.2	0.5	0.4	0.4	0.4	0.5	0.1	0.6
CD93	0.4	0.6	1	0.6	0.4	0.3	0.5	0.2	0.4	0.4	0.5	<0.1	0.7
IL18BP	0.3	0.6	0.6	1	0.3	0.1	0.5	0.3	0.4	0.4	0.4	<0.1	0.7
COL1A1	0.3	0.4	0.4	0.3	1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.3
PON3	0.5	0.2	0.3	0.1	0.3	1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	<0.1
CTSZ	0.3	0.5	0.5	0.5	0.2	<0.1	1	0.3	0.5	0.3	0.3	0.2	0.6
MMP3	0.1	0.4	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.3	1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3
RARRES2	0.5	0.4	0.4	0.4	0.2	0.1	0.5	<0.1	1	0.3	0.3	0.5	0.6
ICAM2	0.4	0.4	0.4	0.4	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	1	0.3	0.1	0.4
KLK6	0.4	0.5	0.5	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	1	-0.1	0.4
PDGFA	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.5	0.1	-0.1	1	0.2
TNFR1	0.3	0.6	0.7	0.7	0.3	<0.1	0.6	0.3	0.6	0.4	0.4	0.2	1
IGFBP2	0.2	0.3	0.4	0.3	0.3	0.5	0.1	0.1	0.1	0.2	0.4	<0.1	0.2
VWF	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3
PECAM1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	-0.1	0.7	0.1
MEPE	0.3	0.5	0.4	0.4	0.5	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.4	<0.1	0.4
CCL16	0.3	0.5	0.3	0.4	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.5	0.1	0.2	0.1	0.4
IL8	-0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	-0.1	0.6	0.3
VEGFA	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.2	0.3	<0.1	0.4	0.1	-0.1	0.6	0.4
CD8A	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3
MCP3	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.2	0.2	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.4	0.3
CDCP1	<0.1	0.2	0.1	0.5	0.1	-0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3
CD244	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.6	0.1
IL7	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.2	0.7	0.1
OPG	0.1	0.3	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2
LAP_TGFB1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	-0.1	0.3	0.1	-0.1	0.8	0.2
UPA	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2
IL6	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	-0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	-0.1	<0.1	0.3
MCP1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.3
CXCL11	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.6	0.1
AXIN1	-0.2	-0.2	-0.2	-0.2	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.6	<0.1
TRAIL	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2
CXCL9	<0.1	0.2	<0.1	0.4	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.3
CST5	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2
OSM	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.4	0.2
CXCL1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	-0.2	0.6	<0.1
CCL4	-0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	-0.1	0.5	0.3
CD6	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.4	0.1
TGFA	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	-0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.4
MCP4	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.8	0.1
CCL11	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.1
TNFSF14	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.3	0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.2	0.6	0.1
MMP1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.7	0.1
LIFR	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	-0.2	0.2
FGF21	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2
CCL19	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2
IL15RA	-0.1	0.3	0.3	0.5	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.4
IL10RB	0.1	0.3	0.4	0.4	0.2	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.4
IL18R1	0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	-0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.3
PDL1	-0.2	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.5	0.2
CXCL5	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2	0.3	<0.1	-0.2	0.7	<0.1
TRANCE	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2
HGF	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.3	0.3	0.1	0.4	0.1	-0.1	0.5	0.4
IL12B	0.1	0.2	0.2	0.4	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3
MMP10	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
IL10	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2

TNF	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	-0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.4
CCL23	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.3
CD5	-0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.4	0.2
CCL3	-0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	-0.2	0.3	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.4	0.4
FLT3L	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2
CXCL6	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.7	0.1
CXCL10	<0.1	0.2	<0.1	0.3	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.3
4EBP1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.3	0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.7	<0.1
SIRT2	-0.2	-0.2	-0.2	-0.2	-0.1	-0.2	<0.1	-0.2	0.2	-0.1	-0.2	0.7	<0.1
CCL28	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1
DNER	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1
ENRAGE	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.4	0.2
CD40	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.6	0.1
IFNG	<0.1	0.2	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
FGF19	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
MCP2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.6	0.2
CASP8	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.3	<0.1	-0.2	0.6	0.1
CCL25	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3
CX3CL1	0.1	0.3	0.4	0.4	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	-0.1	0.4
TNFRSF9	<0.1	0.3	0.4	0.5	0.4	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.5
NT3	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1
TWEAK	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.4	0.1
CCL20	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2
ST1A1	-0.2	-0.2	-0.2	-0.2	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.6	-0.1
STAMBP	-0.2	-0.2	-0.2	-0.2	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.7	<0.1
ADA	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.5	0.1
TNFB	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
CSF1	0.2	0.2	0.3	0.4	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.5
Age	-0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3
Body mass ind	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.4	0.2	<0.1	0.3	0.1	-0.2	0.1	0.2
Waist circumfe	-0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.4	0.3	0.3	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2
Educational att	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
Alcohol consur	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Systolic blood j	-0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.3	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1
Diastolic blood	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Hemoglobin A<	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Duration of kn	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2
High-density li	0.2	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.4	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
Low-density lip	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Triglycerides	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1
Albumin	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
Fibrinogen	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.2
C-reactive prot	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.3	0.2	<0.1	0.3	0.1	-0.1	0.2	0.3
Serum amyloid	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
Leucocyte cour	0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.4	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
Serum adipone	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1
Uric acid	-0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.3	0.2	0.3	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
Creatinine	-0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.2	0.4	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2
Rényi4, baselin	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
TP, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
SDWS, baselin	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
SDSA,baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
CE, baseline	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Rényi4, follow-	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
TP, follow-up	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
SDWS, follow-	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
SDSA, follow-u	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
CE, follow-up	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1

Spearman correlation *P*

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted *P* in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

2	EGFR	IGFBP7	CD93	IL18BP	COL1A1	PON3	CTS2	MMP3	RARRES1	ICAM2	KLK6	PDGFA	TNFR1
BMP6	0.016	1	1	1	1	0.001	1	1	0.093	1	0.028	<0.001	1
ANGPT1	1	1	1	1	1	1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	1

ADM	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.06	1	<0.001	1	<0.001	1	0.015	1	<0.001
CD40L	0.114	0.099	0.405	0.083	0.962	0.01	1	0.86	<0.001	1	0.011	<0.001	1
PGF	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.605	<0.001	<0.001	0.003	0.069	0.001	1	<0.001
ADAMTS13	0.079	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0.972	1	1
BOC	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	0.386	0.398	1	0.002	0.006	1	0.016
IL4RA	1	0.012	<0.001	<0.001	0.153	1	1	1	1	0.018	1	0.972	<0.001
SRC	1	1	0.717	0.563	1	0.937	1	1	1	1	1	0.001	1
IL1RA	0.802	1	1	0.328	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.011	<0.001	<0.001
TNFRSF10A	1	0.051	0.107	<0.001	1	0.003	<0.001	0.737	0.001	1	1	0.004	<0.001
STK4	0.086	0.069	0.001	0.001	1	0.14	1	0.302	0.976	0.952	0.121	<0.001	0.47
IDUA	1	1	1	1	1	0.028	<0.001	1	0.053	1	1	<0.001	1
TNFRSF11A	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	1	<0.001	1	<0.001	0.024	0.067	0.253	<0.001
PAR1	0.16	1	1	1	0.653	0.176	1	0.108	<0.001	1	0.148	<0.001	1
TRAILR2	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.033	0.12	<0.001	0.024	<0.001	1	0.404	0.026	<0.001
PRSS27	1	1	0.07	0.784	1	1	0.131	1	0.204	1	0.09	<0.001	0.016
TIE2	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.068	1	1	0.639	1	<0.001	0.427	0.965	<0.001
TF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.023	0.049	0.107	0.101	1	<0.001	0.001	1	0.001
IL1RL2	0.183	0.148	0.571	0.108	0.038	1	1	0.038	0.001	1	1	1	0.079
PDGFB	1	1	1	1	1	0.373	1	1	<0.001	1	0.248	<0.001	0.868
IL27	1	0.713	0.571	<0.001	1	1	1	1	1	0.536	1	1	0.013
IL17D	1	0.002	<0.001	0.019	0.001	0.501	1	1	0.392	1	0.002	1	0.005
LOX1	1	0.336	1	0.08	1	0.004	0.15	1	<0.001	0.782	1	<0.001	<0.001
GAL9	0.469	1	1	0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001
GIF	0.22	0.001	0.007	0.336	0.257	1	0.772	1	0.357	1	0.282	1	0.018
SCF	<0.001	0.13	<0.001	0.555	<0.001	<0.001	1	1	0.097	0.016	<0.001	1	0.133
IL18	0.983	0.445	1	<0.001	1	<0.001	0.136	1	1	1	1	0.044	0.001
PLGR	1	<0.001	<0.001	0.004	0.718	1	0.467	1	0.038	1	0.02	1	<0.001
RAGE	0.005	0.011	<0.001	0.023	<0.001	<0.001	1	1	1	0.935	<0.001	0.615	0.005
SOD2	1	1	1	1	1	0.284	1	1	0.004	1	1	<0.001	1
CTRC	1	1	1	1	1	1	1	1	0.749	1	1	0.403	1
FGF23	1	0.015	0.15	0.312	1	1	1	1	0.038	1	0.364	0.89	0.008
SPON2	0.15	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	0.291	<0.001	0.076	<0.001
GH	1	0.061	1	0.087	1	0.001	0.342	<0.001	1	1	1	0.95	0.187
FS	0.132	1	0.315	1	1	0.836	0.074	1	0.222	1	1	1	0.003
GLO1	0.003	0.043	0.002	0.077	0.041	0.001	1	0.898	0.005	1	0.007	<0.001	1
CD84	1	1	1	1	1	1	1	0.134	<0.001	1	0.509	<0.001	1
SERPINA12	0.739	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0.87	1	1
REN	1	<0.001	0.578	0.004	1	0.086	0.001	<0.001	0.206	1	1	1	0.003
DECR1	0.002	0.072	0.007	0.008	0.327	0.003	1	1	0.118	0.525	0.007	<0.001	1
MERTK	<0.001	0.907	0.359	0.503	1	0.276	1	1	1	<0.001	1	0.526	1
KIM1	1	0.077	1	0.976	1	1	0.004	0.684	0.674	1	1	1	0.027
THBS2	0.087	<0.001	0.02	<0.001	0.029	0.961	<0.001	1	0.059	0.026	1	1	<0.001
TM	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.034	1	<0.001	0.015	<0.001	0.284	0.004	0.049	<0.001
VSIG2	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.18	1	0.001	1	0.309	0.054	0.025	1	<0.001
AMBP	0.05	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	1	<0.001	0.267	<0.001	1	0.032	1	<0.001
PRELP	0.979	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	1	0.314	1	0.008	0.037	0.158	1	<0.001
HO1	1	<0.001	0.164	<0.001	1	0.153	<0.001	<0.001	0.618	0.315	1	0.174	<0.001
XCCL1	0.293	0.013	0.673	<0.001	0.363	1	0.612	1	0.106	0.759	1	0.003	<0.001
IL16	0.182	1	0.476	1	0.236	<0.001	1	1	<0.001	1	0.172	<0.001	1
SORT1	1	1	1	1	1	0.353	0.299	1	<0.001	1	0.541	<0.001	0.003
CEACAM8	1	0.052	1	0.002	1	0.006	0.015	0.011	<0.001	1	1	<0.001	<0.001
PTX3	0.523	0.254	0.528	0.038	1	1	0.796	0.133	0.717	0.015	1	1	0.001
PSGL1	1	1	1	1	1	0.02	0.486	1	0.202	1	0.931	<0.001	1
CCL17	1	1	1	1	1	0.956	0.393	1	<0.001	1	1	<0.001	0.041
MMP7	1	0.08	1	0.804	0.035	1	0.624	1	0.282	1	0.546	1	0.028
IGGFC	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
ITGB1BP2	0.042	0.037	0.013	0.007	0.601	0.055	1	0.029	0.003	1	0.021	<0.001	1
DCN	0.238	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.024	0.001	0.373	0.008	0.867	1	<0.001
DKK1	1	1	1	1	1	0.265	1	1	<0.001	1	0.213	<0.001	0.551
LPL	<0.001	1	0.192	1	0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	1	1	1
PRSS8	1	<0.001	0.005	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.079	1	1	1	<0.001
AGRP	1	<0.001	1	0.001	1	1	0.234	0.394	0.034	0.224	0.08	1	0.005
HBEGF	1	1	1	1	1	0.488	1	1	<0.001	1	0.874	<0.001	0.216
GDF2	<0.001	0.065	0.011	1	0.001	<0.001	1	0.871	1	0.059	0.006	1	1
FABP2	1	0.046	0.17	0.011	1	1	1	1	1	1	0.161	1	0.307
THPO	0.216	1	1	1	1	0.016	1	0.549	<0.001	1	1	<0.001	0.272
MARCO	1	<0.001	0.563	<0.001	1	1	0.057	1	0.003	0.067	1	0.166	<0.001
GT	0.612	1	1	1	1	1	1	1	1	0.936	0.928	1	1
MMP12	1	0.004	0.098	<0.001	0.911	1	0.019	1	<0.001	1	1	1	<0.001
ACE2	1	<0.001	1	0.027	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	1	0.029

PDL2	0.102	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	1	0.066	0.132	1	<0.001	0.027	1	<0.001
CTSL1	1	<0.001	0.022	<0.001	0.419	1	0.004	0.25	0.08	0.655	1	1	<0.001
HOSCAR	1	0.005	<0.001	<0.001	0.271	1	<0.001	1	0.062	0.573	1	1	<0.001
TNFRSF13B	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	0.78	0.203	1	<0.001
TGM2	1	0.005	0.301	0.856	1	1	0.368	0.219	0.006	1	1	0.123	0.016
LEP	0.221	1	1	1	1	0.343	0.947	<0.001	<0.001	1	0.584	1	0.049
CA5A	0.131	1	1	0.166	0.89	<0.001	0.002	1	1	1	1	1	0.004
HSP27	1	1	1	0.94	1	1	1	1	1	0.544	1	0.014	0.763
CD4	0.086	1	1	0.286	1	0.002	0.018	1	0.001	1	1	<0.001	<0.001
NEMO	0.002	0.015	0.001	0.001	0.227	0.002	1	0.353	0.119	0.765	0.011	<0.001	1
VEGFD	<0.001	0.018	<0.001	0.163	0.046	<0.001	1	1	1	0.057	0.002	1	0.264
PARP1	0.014	0.296	0.033	0.184	0.018	<0.001	1	1	0.011	0.689	0.026	<0.001	1
HAOX1	1	0.317	1	0.021	1	0.006	0.001	0.42	1	1	1	1	1
TNFRSF14	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.077	1	<0.001	0.3	<0.001	<0.001	0.011	<0.001	<0.001
LDL_RC	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.193	1	<0.001	1	<0.001	0.001	0.083	0.625	<0.001
ITGB2	0.22	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	0.21	1	<0.001	<0.001
IL17RA	1	0.048	0.003	0.017	1	1	0.002	1	<0.001	0.033	1	<0.001	<0.001
TNFR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP9	0.151	0.001	0.487	0.003	0.373	0.71	0.002	0.003	<0.001	0.006	1	<0.001	<0.001
EPHB4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
IL2RA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.032	<0.001
ALCAM	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
SELP	1	1	1	1	1	1	0.15	1	<0.001	1	0.732	<0.001	0.088
CSTB	1	0.036	0.219	0.001	1	0.256	<0.001	1	<0.001	0.183	1	<0.001	<0.001
CD163	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.166	1	<0.001
GRN	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.358	<0.001	<0.001	<0.001	0.086	<0.001
NTPROBNP	0.573	0.013	0.001	0.004	0.877	0.046	1	0.371	0.111	0.168	0.022	1	0.008
PLC	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
LTBR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.044	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001
NOTCH3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
TIMP4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.483	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
CNTN1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
CDH5	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
TLT2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.011	0.279	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
FABP4	<0.001	<0.001	0.001	0.004	0.017	1	<0.001	0.164	<0.001	0.003	0.328	1	<0.001
TFPI	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.163	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PAI	1	0.004	1	1	0.938	0.075	<0.001	1	<0.001	0.668	1	<0.001	<0.001
CCL24	0.39	0.014	0.016	0.122	0.002	1	0.707	1	1	0.384	1	0.02	0.104
TR	<0.001	<0.001	0.456	<0.001	0.045	1	0.317	1	<0.001	0.001	0.759	0.012	<0.001
TNFRSF10C	0.049	0.215	<0.001	0.063	0.604	1	0.008	1	0.006	1	0.194	0.986	<0.001
GDF15	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.067	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
SELE	0.004	<0.001	0.004	<0.001	0.024	1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	1	<0.001
DLK1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.48	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
MPO	1	1	1	1	1	0.085	0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001
CXCL16	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.271	<0.001
IL6RA	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.032	0.009	0.187	0.234	0.001	0.001	0.013	1	0.003
RETN	0.247	<0.001	<0.001	<0.001	0.047	1	<0.001	0.589	<0.001	0.003	0.004	<0.001	<0.001
IGFBP1	0.01	0.521	<0.001	0.172	0.049	<0.001	1	1	1	1	<0.001	1	1
CHIT1	1	0.183	0.002	<0.001	0.831	1	0.03	0.993	0.001	1	0.159	0.264	<0.001
TRAP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
GP6	1	1	1	1	1	1	0.785	1	<0.001	1	1	<0.001	0.729
PSPD	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.002	1	0.095	0.16	0.005	1	<0.001
EPCAM	<0.001	0.098	1	1	1	0.31	1	1	1	0.148	0.328	1	1
APN	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
AXL	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
IL1RT1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
MMP2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
FAS	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MB	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.851	<0.001
TNFSF13B	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.309	<0.001
PCSK9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
UPAR	0.16	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	1	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001
OPN	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
PGLYRP1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CPA1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.221	0.858	<0.001	0.003	<0.001	0.014	<0.001	1	<0.001
JAMA	1	1	1	1	1	1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	1
GAL4	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.058	1	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	0.003	1	<0.001
IL1RT2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
SHPS1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.041	<0.001
CCL15	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.018	<0.001	0.029	<0.001	0.001	<0.001	1	<0.001

CASP3	1	1	1	0.625	1	0.497	1	1	<0.001	1	0.319	<0.001	1
CPB1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.035	0.421	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
CHI3L1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.554	<0.001	<0.001	0.249	0.025	0.152	1	<0.001
ST2	0.005	<0.001	0.078	<0.001	0.401	1	<0.001	<0.001	0.051	<0.001	0.139	1	<0.001
TPA	0.842	<0.001	0.366	0.037	1	1	<0.001	0.001	0.001	0.296	1	0.359	<0.001
SCGB3A2	<0.001	0.001	0.006	0.312	0.761	<0.001	0.435	0.01	0.103	0.4	<0.001	1	0.374
EGFR	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.788	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
IGFBP7	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
CD93	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
IL18BP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.354	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
COL1A1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
PON3	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	1	1	0.185	<0.001	<0.001	1	1
CTSZ	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.807	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.026	<0.001
MMP3	0.037	<0.001	<0.001	<0.001	0.142	0.592	<0.001	<0.001	1	0.004	<0.001	1	<0.001
RARRES2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	0.355	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ICAM2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.266	<0.001
KLK6	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001
PDGFA	0.182	0.175	0.356	0.809	0.656	0.462	0.001	0.658	<0.001	0.011	0.194	<0.001	0.001
TNFR1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.704	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IGFBP2	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.105	0.113	0.007	0.001	<0.001	0.846	<0.001
VWF	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.085	0.718	<0.001	0.001	<0.001	0.182	0.008	0.369	<0.001
PECAM1	0.642	0.423	0.801	0.916	0.774	0.194	0.004	0.586	<0.001	0.057	0.217	<0.001	0.005
MEPE	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.647	<0.001
CCL16	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.681	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.036	<0.001
IL8	0.25	0.057	0.813	0.002	0.571	<0.001	<0.001	0.069	<0.001	0.308	0.036	<0.001	<0.001
VEGFA	0.775	0.004	0.028	<0.001	0.253	<0.001	<0.001	0.875	<0.001	0.186	0.245	<0.001	<0.001
CD8A	0.668	<0.001	0.008	<0.001	0.057	0.108	0.006	0.032	0.082	0.06	0.025	0.77	<0.001
MCP3	0.071	0.005	0.253	<0.001	0.158	0.001	<0.001	0.638	<0.001	0.989	0.507	<0.001	<0.001
CDCP1	0.717	<0.001	0.007	<0.001	0.179	0.001	<0.001	<0.001	0.033	0.169	0.654	0.652	<0.001
CD244	0.003	0.516	0.444	0.475	0.378	<0.001	0.072	0.318	<0.001	0.845	0.024	<0.001	0.009
IL7	0.197	0.012	0.005	0.238	0.323	0.032	0.253	0.011	<0.001	0.848	<0.001	<0.001	0.201
OPG	0.006	<0.001	0.003	<0.001	0.077	0.398	<0.001	0.133	0.001	0.006	0.537	0.927	<0.001
LAP_TGFB1	0.113	0.896	0.517	0.988	0.633	<0.001	0.016	0.298	<0.001	0.192	0.005	<0.001	<0.001
UPA	0.042	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.355	0.243	0.726	0.572	<0.001	0.037	0.184	<0.001
IL6	0.177	<0.001	0.225	<0.001	0.148	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.208	0.275	0.602	<0.001
MCP1	0.614	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.078	<0.001	0.001	0.001	0.039	0.132	<0.001	<0.001
CXCL11	0.002	0.092	0.003	0.513	0.039	<0.001	0.329	0.104	<0.001	0.73	<0.001	<0.001	0.138
AXIN1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	0.859	0.016	0.002	0.035	<0.001	<0.001	0.343
TRAIL	0.131	0.002	0.001	<0.001	<0.001	0.051	0.002	0.803	0.002	0.45	0.066	0.849	<0.001
CXCL9	0.728	<0.001	0.366	<0.001	0.785	0.108	0.004	0.147	0.001	0.097	0.571	0.318	<0.001
CST5	0.004	0.004	<0.001	<0.001	0.004	0.032	0.099	0.536	0.158	<0.001	<0.001	0.019	0.002
OSM	0.338	0.333	0.443	0.182	0.737	<0.001	0.008	0.003	<0.001	0.153	0.005	<0.001	<0.001
CXCL1	0.011	0.005	0.01	0.026	0.011	0.001	0.518	0.045	<0.001	0.939	<0.001	<0.001	0.708
CCL4	0.298	0.001	0.315	<0.001	0.635	<0.001	<0.001	0.222	<0.001	0.108	0.014	<0.001	<0.001
CD6	0.097	0.955	0.558	0.715	0.778	<0.001	0.22	0.869	<0.001	0.662	0.035	<0.001	0.084
TGFA	0.575	<0.001	0.017	<0.001	0.025	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001
MCP4	0.026	0.653	0.404	0.415	0.964	0.003	0.272	0.324	<0.001	0.973	0.023	<0.001	0.013
CCL11	0.007	0.008	0.782	0.034	0.146	0.541	0.168	0.064	0.036	0.652	0.579	<0.001	0.01
TNFSF14	0.003	0.083	0.018	0.117	0.276	<0.001	0.031	0.28	<0.001	0.223	<0.001	<0.001	0.075
MMP1	0.502	0.714	0.805	0.761	0.699	0.08	0.079	0.413	<0.001	0.668	0.18	<0.001	0.004
LIFR	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.049	0.007	0.041	0.181	<0.001	0.037	0.001	<0.001
FGF21	0.774	<0.001	0.551	0.034	0.986	0.005	<0.001	0.055	0.001	0.248	0.875	0.553	<0.001
CCL19	0.631	0.001	0.226	<0.001	0.016	0.094	0.006	0.18	0.002	0.007	0.492	0.038	<0.001
IL15RA	0.261	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.354	<0.001	<0.001	0.028	<0.001	0.001	0.754	<0.001
IL10RB	0.148	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.169	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.108	<0.001
IL18R1	0.304	<0.001	0.131	<0.001	0.544	<0.001	<0.001	0.462	<0.001	0.048	0.505	0.004	<0.001
PDL1	<0.001	0.512	0.414	<0.001	0.197	<0.001	0.001	0.018	<0.001	0.251	0.171	<0.001	<0.001
CXCL5	0.123	0.009	0.089	0.025	0.075	0.017	0.369	0.002	<0.001	0.768	0.002	<0.001	0.445
TRANCE	0.081	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.466	0.121	0.914	<0.001	0.245	0.052	0.209	<0.001
HGF	0.334	<0.001	0.15	<0.001	0.081	<0.001	<0.001	0.077	<0.001	0.053	0.053	<0.001	<0.001
IL12B	0.107	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	0.008	0.005	0.154	<0.001	0.002	0.523	0.298	<0.001
MMP10	0.518	0.001	<0.001	<0.001	0.037	0.436	0.012	<0.001	0.108	0.065	0.027	0.646	<0.001
IL10	0.941	<0.001	0.291	<0.001	0.059	0.645	<0.001	<0.001	0.068	0.045	0.343	0.379	<0.001
TNF	0.785	<0.001	0.014	<0.001	0.088	0.001	<0.001	0.243	<0.001	0.001	0.516	0.002	<0.001
CCL23	0.041	0.105	0.071	<0.001	0.404	0.396	0.125	0.004	<0.001	0.041	0.048	<0.001	<0.001
CD5	0.001	0.889	0.221	0.082	0.303	<0.001	0.008	0.754	<0.001	0.397	0.301	<0.001	<0.001
CCL3	0.155	<0.001	0.13	<0.001	0.443	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	0.232	0.786	<0.001	<0.001
FLT3L	0.013	0.003	<0.001	0.008	0.076	0.392	<0.001	0.464	0.016	0.418	0.821	0.273	<0.001
CXCL6	0.055	0.425	0.04	0.86	0.168	0.001	0.359	0.335	<0.001	0.391	0.008	<0.001	0.185
CXCL10	0.685	<0.001	0.71	<0.001	0.931	<0.001	0.009	0.229	<0.001	0.381	0.494	<0.001	<0.001

4EBP1	<0.001	0.048	0.003	0.047	0.011	<0.001	0.173	0.215	<0.001	0.324	<0.001	<0.001	0.335
SIRT2	0.001	0.001	<0.001	0.002	0.021	<0.001	0.894	0.002	<0.001	0.222	<0.001	<0.001	0.736
CCL28	0.725	0.01	0.702	0.007	0.082	0.656	0.133	0.809	0.838	<0.001	0.738	<0.001	0.018
DNER	<0.001	<0.001	0.037	0.194	<0.001	<0.001	0.992	0.001	0.382	0.04	0.001	0.349	0.875
ENRAGE	0.472	0.833	0.291	0.714	0.764	0.002	0.049	0.037	<0.001	0.624	0.043	<0.001	0.001
CD40	<0.001	0.032	0.057	0.136	0.071	<0.001	0.485	0.03	<0.001	0.503	0.004	<0.001	0.201
IFNG	0.666	0.002	0.534	<0.001	0.639	0.009	0.003	0.39	0.048	0.35	0.603	0.533	<0.001
FGF19	0.062	0.012	0.011	0.021	0.359	0.002	0.738	0.01	0.818	0.38	0.118	0.854	0.006
MCP2	0.973	0.092	0.49	0.027	0.436	0.01	0.003	0.474	<0.001	0.666	0.271	<0.001	<0.001
CASP8	0.01	0.151	0.072	0.369	0.043	<0.001	0.009	0.749	<0.001	0.72	0.002	<0.001	0.042
CCL25	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.079	0.005	0.007	0.012	0.019	<0.001	0.031	0.771	<0.001
CX3CL1	0.236	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.038	0.001	0.029	0.299	<0.001	<0.001	0.083	<0.001
TNFRSF9	0.634	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.437	<0.001	0.101	<0.001	0.002	<0.001	0.14	<0.001
NT3	0.007	0.067	0.021	0.405	0.026	0.003	0.165	0.46	0.002	0.475	0.983	0.088	0.031
TWEAK	0.002	0.023	<0.001	0.04	<0.001	<0.001	0.701	0.425	0.002	0.007	0.004	<0.001	0.035
CCL20	0.486	0.012	0.922	0.002	0.136	0.001	0.003	0.45	<0.001	0.274	0.582	<0.001	<0.001
ST1A1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	0.729	0.022	0.003	0.089	<0.001	<0.001	0.298
STAMBP	<0.001	0.001	0.001	0.001	0.019	<0.001	0.825	0.01	<0.001	0.106	<0.001	<0.001	0.667
ADA	0.096	0.858	0.732	0.61	0.375	<0.001	0.007	0.987	<0.001	0.984	0.116	<0.001	0.003
TNFB	0.363	0.041	0.028	<0.001	0.045	0.291	0.519	<0.001	0.065	0.177	0.524	0.539	0.007
CSF1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	0.177	<0.001	0.02	<0.001	<0.001	0.006	0.702	<0.001
Age	0.037	0.067	0.048	<0.001	0.789	<0.001	0.052	0.448	0.007	0.981	0.99	0.006	<0.001
Body mass index	0.463	0.064	0.576	0.598	0.384	<0.001	<0.001	0.471	<0.001	0.281	<0.001	0.063	<0.001
Waist circumference	0.012	<0.001	0.824	0.014	0.495	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	0.825	0.011	0.214	<0.001
Educational attainment	0.187	0.121	0.133	0.154	0.483	0.858	0.995	<0.001	0.006	0.411	0.012	0.174	0.582
Alcohol consumption	0.735	0.033	0.1	0.321	0.625	0.781	0.392	<0.001	0.543	0.134	0.969	0.912	0.474
Systolic blood pressure	0.261	0.078	0.321	0.285	0.044	<0.001	0.01	0.005	0.475	0.239	0.012	0.194	0.03
Diastolic blood pressure	0.352	0.149	0.107	0.693	0.173	<0.001	0.134	0.004	0.859	0.128	0.014	0.587	0.514
Hemoglobin A1c	0.787	0.337	0.8	0.598	0.278	<0.001	0.128	0.681	0.144	0.248	0.088	0.528	0.514
Duration of known diabetes	0.215	0.129	0.113	0.008	0.038	0.006	0.001	0.209	0.313	0.034	0.152	0.162	0.002
High-density lipoprotein	<0.001	0.665	0.13	0.088	0.042	<0.001	0.32	0.001	0.986	0.008	0.157	0.859	0.136
Low-density lipoprotein	0.034	0.2	0.663	0.284	0.056	0.473	0.445	0.694	0.071	0.223	0.696	0.681	0.277
Triglycerides	0.475	0.035	0.507	0.02	0.016	<0.001	0.042	0.072	0.004	0.982	0.151	0.353	0.005
Albumin	0.447	0.388	0.119	0.254	0.034	0.282	0.075	0.602	0.075	0.697	0.507	0.158	0.023
Fibrinogen	0.541	0.383	0.564	0.005	0.51	0.049	0.051	0.827	<0.001	0.562	0.86	0.043	<0.001
C-reactive protein	0.34	0.731	0.232	0.001	0.041	<0.001	<0.001	0.366	<0.001	0.09	0.04	<0.001	<0.001
Serum amyloid A	0.406	0.532	0.615	0.043	0.256	0.144	0.003	0.655	<0.001	0.334	0.441	0.582	0.001
Leucocyte count	<0.001	0.143	0.053	0.436	0.061	<0.001	0.372	<0.001	0.364	0.194	0.108	0.862	0.377
Serum adiponectin	0.245	0.916	0.239	0.926	0.43	<0.001	0.001	0.742	0.001	0.635	0.252	0.001	0.003
Uric acid	0.001	0.003	0.822	0.006	0.031	<0.001	<0.001	<0.001	0.213	0.372	0.651	0.57	<0.001
Creatinine	0.021	0.002	0.018	0.001	0.186	0.001	0.001	<0.001	0.109	0.557	0.001	0.682	<0.001
Rényi4, baseline	0.388	0.386	0.457	0.11	0.877	0.025	0.059	0.117	0.783	0.19	0.987	0.156	0.754
TP, baseline	0.569	0.707	0.497	0.136	0.853	0.175	0.11	0.04	0.852	0.227	0.903	0.201	0.966
SDWS, baseline	0.465	0.473	0.373	0.231	0.715	0.291	0.24	0.017	0.785	0.112	0.558	0.079	0.48
SDSA, baseline	0.786	0.506	0.518	0.569	0.806	0.38	0.035	0.334	0.815	0.243	0.857	0.312	0.528
CE, baseline	0.23	0.472	0.43	0.368	0.714	0.043	0.066	0.252	0.877	0.156	0.744	0.687	0.512
Rényi4, follow-up	0.107	0.876	0.455	0.471	0.229	0.023	0.887	0.997	0.749	0.311	0.203	0.45	0.515
TP, follow-up	0.249	0.995	0.464	0.719	0.267	0.149	0.91	0.776	0.904	0.445	0.224	0.976	0.422
SDWS, follow-up	0.215	0.672	0.443	0.819	0.864	0.285	0.867	0.61	0.547	0.022	0.306	0.301	0.905
SDSA, follow-up	0.35	0.945	0.577	0.482	0.281	0.133	0.743	0.215	0.086	0.254	0.407	0.224	0.86
CE, follow-up	0.115	0.358	0.665	0.4	0.646	0.042	0.838	0.257	0.171	0.348	0.469	0.217	0.705

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	IGFBP2	VWF	PECAM	MEPE	CCL16	IL8	VEGFA	CD8A	MCP3	CDCP1	CD244	IL7	OPG
BMP6	-0.2	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.5	0.5	0.1	0.3	0.1	0.7	0.6	0.1
ANGPT1	<0.1	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.5	0.6	-0.1	0.4	<0.1	0.5	0.7	<0.1
ADM	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.1	0.2
CD40L	-0.2	-0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.5	0.5	<0.1	0.4	<0.1	0.7	0.7	-0.1
PGF	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.2
ADAMTS13	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2
BOC	0.2	<0.1	-0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1
IL4RA	0.3	0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2
SRC	-0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	-0.1
IL1RA	-0.3	0.1	0.4	<0.1	0.1	0.5	0.5	0.1	0.4	0.3	0.6	0.5	0.1
TNFRSF10A	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.4
STK4	-0.2	-0.1	0.6	-0.1	-0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.6	0.5	-0.1
IDUA	-0.2	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.4	0.4	0.1
TNFRSF11A	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.4	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3
PAR1	-0.1	-0.1	0.8	<0.1	<0.1	0.4	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.8	0.6	-0.1
TRAILR2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.4	0.3	0.4	0.3	0.2	0.1	0.3
PRSS27	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1
TIE2	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2
TF	0.2	0.1	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2
IL1RL2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1
PDGFB	-0.1	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.6	0.6	<0.1	0.4	<0.1	0.6	0.7	<0.1
IL27	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2
IL17D	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
LOX1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.4	0.5	0.1	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2
GAL9	-0.1	0.1	0.4	<0.1	0.1	0.4	0.4	0.2	0.4	0.3	0.5	0.4	0.1
GIF	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
SCF	0.3	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1
IL18	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1
PLGR	0.2	0.1	-0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2
RAGE	0.3	<0.1	-0.2	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.1
SOD2	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.4	0.1
CTRC	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2
FGF23	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1
SPON2	0.3	0.2	-0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.3	-0.2	0.4
GH	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1
FS	<0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.2
GLO1	-0.2	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.4	0.3	-0.1	0.3	<0.1	0.7	0.6	-0.1
CD84	-0.1	-0.1	0.7	<0.1	-0.1	0.5	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.8	0.7	-0.1
SERPINA12	-0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
REN	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1
DECR1	-0.2	-0.1	0.7	-0.1	<0.1	0.4	0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.7	0.6	-0.2
MERTK	0.1	0.1	-0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.2	-0.2	0.2
KIM1	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3
THBS2	-0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.4
TM	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2
VSIG2	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.3
AMBP	<0.1	0.2	-0.2	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	-0.1	-0.1	0.3
PRELP	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.4
HO1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1
XCL1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2
IL16	-0.2	-0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.4	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.7	0.6	-0.1
SORT1	-0.1	0.1	0.6	<0.1	0.1	0.6	0.6	0.1	0.4	0.2	0.6	0.7	0.1
CEACAM8	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.4	0.4	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.1
PTX3	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1
PSGL1	-0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
CCL17	<0.1	<0.1	0.6	<0.1	0.1	0.5	0.5	<0.1	0.4	0.1	0.5	0.6	<0.1
MMP7	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.2
IGGFC	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ITGB1BP2	-0.1	-0.1	0.8	-0.1	-0.1	0.4	0.4	-0.1	0.3	<0.1	0.8	0.7	-0.1
DCN	0.1	0.1	-0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.4
DKK1	-0.1	-0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.6	0.6	<0.1	0.4	<0.1	0.7	0.7	<0.1
LPL	0.3	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.1
PRSS8	-0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2
AGRP	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
HBEGF	-0.1	-0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.5	0.6	<0.1	0.4	<0.1	0.6	0.7	<0.1

GDF2	0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2
FABP2	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1
THPO	0.2	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.3	0.4	-0.1	0.3	-0.1	0.4	0.5	<0.1
MARCO	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.4	0.1	0.2	0.2
GT	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
MMP12	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.3
ACE2	-0.3	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2
PDL2	0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2
CTSL1	0.1	0.2	-0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.3
HOSCAR	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.3
TNFRSF13B	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3
TGM2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
LEP	-0.3	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
CA5A	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1
HSP27	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1
CD4	<0.1	0.1	0.5	0.1	0.1	0.5	0.3	0.2	0.3	0.2	0.5	0.4	0.1
NEMO	-0.2	-0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.4	0.3	-0.1	0.3	<0.1	0.7	0.6	-0.2
VEGFD	0.3	0.1	-0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.2
PARP1	-0.2	-0.1	0.6	-0.1	<0.1	0.4	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.7	0.5	-0.1
HAOX1	-0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
TNFRSF14	0.1	0.2	0.8	0.2	0.2	0.5	0.5	0.1	0.4	0.1	0.6	0.5	<0.1
LDL_RC	-0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
ITGB2	<0.1	0.2	0.5	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1
IL17RA	<0.1	0.1	0.5	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.3	<0.1
TNFR2	0.3	0.3	0.2	0.4	0.4	0.3	0.3	0.3	0.3	0.4	0.2	0.1	0.2
MMP9	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.4	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1
EPHB4	0.4	0.2	<0.1	0.5	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2
IL2RA	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1
ALCAM	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3
SELP	-0.1	0.1	0.9	<0.1	0.1	0.5	0.4	<0.1	0.4	<0.1	0.7	0.7	-0.1
CSTB	<0.1	0.1	0.7	0.1	0.2	0.5	0.4	0.1	0.4	0.2	0.6	0.5	0.1
CD163	-0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	<0.1	0.2
GRN	0.2	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.3
NTPROBNP	0.3	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1
PLC	0.3	0.3	<0.1	0.5	0.5	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2
LTBR	0.3	0.3	0.2	0.4	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2
NOTCH3	0.3	0.2	-0.1	0.3	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.3
TIMP4	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.3
CNTN1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2
CDH5	0.2	0.3	<0.1	0.4	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2
TLT2	0.2	0.1	0.5	0.3	0.1	0.3	0.4	0.2	0.3	0.1	0.5	0.4	<0.1
FABP4	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2
TFPI	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1
PAI	-0.2	0.1	0.6	<0.1	0.2	0.6	0.6	0.1	0.5	0.1	0.5	0.6	<0.1
CCL24	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
TR	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2
TNFRSF10C	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
GDF15	0.2	0.4	0.1	0.3	0.4	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.3
SELE	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2
DLK1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
MPO	-0.1	0.2	0.6	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.4	0.4	0.1
CXCL16	0.2	0.2	<0.1	0.4	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.2
IL6RA	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1
RETN	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1
IGFBP1	0.6	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1
CHIT1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.4	0.1	0.1	0.1
TRAP	0.1	0.3	0.2	0.3	0.4	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2
GP6	-0.1	<0.1	0.9	<0.1	<0.1	0.5	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.7	0.7	-0.1
PSPD	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1
EPCAM	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
APN	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2
AXL	0.2	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.3	<0.1	-0.1	0.2
IL1RT1	0.3	0.2	-0.1	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.3
MMP2	0.3	0.2	-0.1	0.3	0.3	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2
FAS	0.1	0.2	0.3	0.4	0.4	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1
MB	0.1	0.1	0.1	0.4	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1
TNFSF13B	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2
PCSK9	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2
UPAR	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2
OPN	0.3	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2

PGLYRP1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
CPA1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2
JAMA	-0.1	0.1	1	<0.1	<0.1	0.4	0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.7	0.6	-0.1
GAL4	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2
IL1RT2	<0.1	0.2	<0.1	0.3	0.4	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1
SHPS1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2
CCL15	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1
CASP3	-0.1	<0.1	0.9	<0.1	<0.1	0.4	0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.7	0.7	-0.1
CPB1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
CHI3L1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.3
ST2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1
TPA	-0.1	0.5	0.3	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1
SCGB3A2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1
EGFR	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.3	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1
IGFBP7	0.3	0.3	<0.1	0.5	0.5	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3
CD93	0.4	0.2	<0.1	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
IL18BP	0.3	0.2	<0.1	0.4	0.4	0.2	0.2	0.3	0.2	0.5	<0.1	-0.1	0.3
COL1A1	0.3	0.1	<0.1	0.5	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
PON3	0.5	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1
CTSZ	0.1	0.2	0.1	0.3	0.4	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2
MMP3	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.3	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1
RARRES2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.5	0.3	0.4	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2
ICAM2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
KLK6	0.4	0.1	-0.1	0.4	0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1
PDGFA	<0.1	<0.1	0.7	<0.1	0.1	0.6	0.6	<0.1	0.4	<0.1	0.6	0.7	<0.1
TNFR1	0.2	0.3	0.1	0.4	0.4	0.3	0.4	0.3	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2
IGFBP2	1	0.1	-0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
VWF	0.1	1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.2
PECAM1	-0.1	0.1	1	<0.1	0.1	0.4	0.3	<0.1	0.3	<0.1	0.7	0.6	-0.1
MEPE	0.2	0.1	<0.1	1	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
CCL16	0.1	0.2	0.1	0.3	1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	-0.1	<0.1	0.1
IL8	-0.1	0.1	0.4	<0.1	0.1	1	0.5	0.2	0.5	0.3	0.5	0.5	0.2
VEGFA	-0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.5	1	0.3	0.5	0.2	0.4	0.5	0.3
CD8A	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.3
MCP3	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.5	0.5	0.2	1	0.3	0.3	0.3	0.2
CDCP1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	1	0.2	0.1	0.3
CD244	-0.1	-0.1	0.7	<0.1	-0.1	0.5	0.4	0.2	0.3	0.2	1	0.6	<0.1
IL7	-0.1	<0.1	0.6	-0.1	<0.1	0.5	0.5	<0.1	0.3	0.1	0.6	1	0.1
OPG	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.1	1
LAP_TGFB1	-0.1	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.6	0.7	0.1	0.5	0.1	0.8	0.7	0.2
UPA	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.4	0.2	0.4	0.1	<0.1	0.5
IL6	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	0.3
MCP1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.4	0.3	0.4	0.2	0.1	0.2	0.3
CXCL11	-0.1	-0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.5	0.5	0.2	0.4	0.2	0.7	0.7	0.1
AXIN1	-0.2	-0.1	0.8	-0.1	-0.1	0.4	0.3	-0.1	0.3	<0.1	0.8	0.7	-0.2
TRAIL	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2
CXCL9	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.4	0.1	0.1	0.3
CST5	0.1	0.1	-0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.3
OSM	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.4	0.5	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2
CXCL1	-0.2	-0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.5	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.7	0.7	<0.1
CCL4	-0.1	0.1	0.4	<0.1	0.2	0.5	0.5	0.2	0.5	0.3	0.6	0.5	0.2
CD6	-0.1	<0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.4	0.3	0.2	0.2	0.1	0.7	0.4	0.1
TGFA	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.5	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.4
MCP4	-0.1	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.6	0.5	<0.1	0.4	0.1	0.7	0.7	0.1
CCL11	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.4	0.4	0.2	0.5	0.1	0.3	0.3	0.3
TNFSF14	-0.2	<0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.6	0.5	0.1	0.4	0.1	0.8	0.6	<0.1
MMP1	<0.1	-0.1	0.4	0.1	0.1	0.5	0.5	<0.1	0.3	<0.1	0.4	0.6	<0.1
LIFR	0.1	0.2	-0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	-0.2	-0.1	0.5
FGF21	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2
CCL19	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3
IL15RA	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.3
IL10RB	0.1	0.1	-0.2	0.3	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	-0.1	-0.1	0.4
IL18R1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3
PDL1	<0.1	<0.1	0.6	0.1	<0.1	0.5	0.5	0.2	0.4	0.2	0.7	0.6	0.1
CXCL5	-0.1	-0.1	0.6	-0.1	-0.1	0.5	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.7	0.7	<0.1
TRANCE	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1
HGF	-0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.6	0.7	0.3	0.5	0.4	0.4	0.5	0.4
IL12B	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3
MMP10	0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3
IL10	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.3

TNF	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.4	0.4	0.4	0.4	0.2	0.2	0.3
CCL23	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3
CD5	-0.1	-0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.4	0.4	0.2	0.3	0.1	0.7	0.4	<0.1
CCL3	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.5	0.5	0.4	0.5	0.4	0.5	0.4	0.2
FLT3L	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.4
CXCL6	-0.2	-0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.5	0.5	0.1	0.3	0.1	0.7	0.7	<0.1
CXCL10	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.4	0.4	0.2	0.4	0.4	0.3	0.3	0.2
4EBP1	-0.2	-0.1	0.8	<0.1	<0.1	0.5	0.4	<0.1	0.3	0.1	0.8	0.7	<0.1
SIRT2	-0.2	-0.1	0.8	-0.1	-0.1	0.5	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.8	0.7	-0.1
CCL28	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3
DNER	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3
ENRAGE	<0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.4	0.4	0.1	0.3	0.2	0.4	0.4	<0.1
CD40	-0.1	-0.1	0.7	<0.1	-0.1	0.5	0.4	<0.1	0.3	0.1	0.9	0.7	-0.1
IFNG	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2
FGF19	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
MCP2	<0.1	<0.1	0.5	0.1	0.2	0.5	0.5	0.1	0.4	0.2	0.5	0.5	0.1
CASP8	-0.2	-0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.5	0.4	<0.1	0.3	0.1	0.8	0.6	<0.1
CCL25	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.3
CX3CL1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.4
TNFRSF9	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	0.1	0.3
NT3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3
TWEAK	0.2	<0.1	0.3	0.1	-0.1	0.3	0.4	0.1	0.2	0.1	0.3	0.4	0.2
CCL20	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3
ST1A1	-0.2	-0.1	0.7	-0.1	-0.1	0.4	0.3	<0.1	0.2	<0.1	0.8	0.6	-0.1
STAMBP	-0.2	-0.1	0.8	-0.1	-0.1	0.5	0.4	<0.1	0.3	<0.1	0.8	0.7	-0.1
ADA	-0.2	<0.1	0.6	<0.1	<0.1	0.5	0.4	0.1	0.3	0.1	0.7	0.6	0.1
TNFB	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3
CSF1	0.1	0.2	-0.2	0.1	0.2	0.2	0.4	0.4	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.5
Age	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2
Body mass index	-0.4	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
Waist circumference	-0.4	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1
Educational attainment	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2
Alcohol consumption	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Systolic blood pressure	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
Diastolic blood pressure	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
Hemoglobin A1c	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2
Duration of knee pain	-0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
High-density lipoprotein	0.3	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1
Low-density lipoprotein	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
Triglycerides	-0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
Albumin	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
Fibrinogen	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1
C-reactive protein	-0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2
Serum amyloid A	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1
Leucocyte count	0.4	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1
Serum adiponectin	-0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
Uric acid	-0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1
Creatinine	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
Rényi4, baseline	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
TP, baseline	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
SDWS, baseline	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
SDSA, baseline	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CE, baseline	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1
Rényi4, follow-up	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
TP, follow-up	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
SDWS, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
SDSA, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CE, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	IGFBP2	VWF	PECAM	MEPE	CCL16	IL8	VEGFA	CD8A	MCP3	CDCP1	CD244	IL7	OPG
BMP6	0.012	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
ANGPT1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1

ADM	0.01	<0.001	0.192	0.162	<0.001	1	<0.001	0.06	0.011	0.037	0.238	0.386	<0.001
CD40L	0.058	0.952	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
PGF	1	0.186	0.321	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.003	0.048	0.001	1	1	<0.001
ADAMTS13	1	1	0.18	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0.033
BOC	0.002	1	0.011	0.005	1	1	1	1	1	1	0.163	0.093	0.166
IL4RA	<0.001	0.363	0.008	0.801	1	1	1	0.085	1	0.086	0.756	1	0.001
SRC	0.38	1	<0.001	1	1	1	0.364	1	0.067	1	0.011	0.003	1
IL1RA	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.087	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.197
TNFRSF10A	1	0.003	0.015	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.005	<0.001
STK4	0.022	0.576	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.257
IDUA	0.003	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.087	<0.001	<0.001	0.358
TNFRSF11A	0.2	0.735	1	0.009	0.008	0.317	<0.001	0.004	<0.001	0.001	1	1	<0.001
PAR1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
TRAILR2	0.645	<0.001	1	0.101	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	0.419	<0.001
PRSS27	1	1	0.042	0.189	1	<0.001	<0.001	1	0.079	1	<0.001	<0.001	0.378
TIE2	1	0.025	0.43	0.436	1	1	1	0.093	1	0.003	1	0.576	<0.001
TF	0.007	1	0.586	0.01	1	1	1	1	1	0.011	1	1	0.003
IL1RL2	1	1	1	1	1	1	0.019	1	0.002	0.327	1	1	0.546
PDGFB	1	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
IL27	0.11	0.002	1	1	1	1	0.089	<0.001	1	0.148	1	1	0.006
IL17D	<0.001	0.346	1	0.021	1	1	0.004	1	0.172	0.793	1	1	<0.001
LOX1	1	0.066	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.124	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.046
GAL9	1	1	<0.001	1	0.355	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
GIF	1	1	1	1	0.874	1	1	1	1	1	1	1	1
SCF	<0.001	1	0.102	<0.001	1	0.245	1	1	1	1	0.094	1	1
IL18	1	0.082	0.079	1	0.647	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.012	0.127
PLGR	0.042	0.523	0.014	1	0.657	1	0.011	1	1	0.177	0.089	0.194	0.003
RAGE	<0.001	1	0.004	0.004	1	0.164	1	1	1	1	0.014	0.143	0.142
SOD2	1	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
CTRC	1	0.864	1	1	1	0.965	0.029	1	1	1	1	0.388	0.044
FGF23	0.997	0.041	0.083	0.561	0.108	1	0.774	1	1	1	0.608	0.219	0.326
SPON2	<0.001	0.005	<0.001	0.065	0.001	1	0.004	0.035	0.174	<0.001	<0.001	0.007	<0.001
GH	0.007	1	0.725	0.096	0.067	0.033	0.797	1	0.854	0.876	0.393	1	1
FS	1	0.002	0.181	1	0.782	1	0.017	1	0.057	0.673	0.305	1	<0.001
GLO1	0.006	1	<0.001	0.991	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.09
CD84	1	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
SERPINA12	0.007	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0.163
REN	0.534	0.002	1	0.847	<0.001	0.242	1	1	1	<0.001	1	1	0.16
DECR1	0.007	0.356	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.017
MERTK	0.141	0.102	0.001	0.589	1	1	1	1	1	0.225	0.001	0.037	<0.001
KIM1	1	0.056	1	1	1	0.66	0.004	1	1	0.008	1	1	<0.001
THBS2	1	<0.001	0.502	1	0.001	0.096	0.011	<0.001	0.409	<0.001	1	1	<0.001
TM	0.176	0.008	1	<0.001	0.044	0.001	<0.001	0.002	0.006	<0.001	0.002	0.887	<0.001
VSIG2	1	0.02	0.831	0.029	0.446	1	0.171	0.027	1	0.81	1	1	<0.001
AMBP	1	0.022	0.055	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.036	0.029	0.436	1	<0.001
PRELP	0.839	0.03	1	0.001	0.134	1	<0.001	0.005	0.235	<0.001	1	1	<0.001
HO1	1	0.092	0.03	0.006	0.032	<0.001	0.02	0.543	0.01	<0.001	<0.001	0.052	0.424
XCCL1	0.592	0.763	0.346	0.962	0.15	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	<0.001	0.008	<0.001
IL16	0.005	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
SORT1	0.743	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	0.64
CEACAM8	1	0.001	<0.001	1	0.465	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.107
PTX3	0.071	0.001	1	0.338	1	0.487	0.155	0.077	1	1	1	1	0.118
PSGL1	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.96	0.278	1	<0.001	0.002	1
CCL17	1	1	<0.001	1	0.586	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
MMP7	0.471	0.141	1	1	1	0.04	0.163	0.013	0.167	0.004	1	1	<0.001
IGGFC	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
ITGB1BP2	0.124	0.555	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.296
DCN	0.657	0.219	0.024	<0.001	0.092	1	0.001	0.167	0.588	<0.001	1	1	<0.001
DDK1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
LPL	<0.001	1	0.335	1	0.153	0.035	1	1	1	1	0.069	1	1
PRSS8	<0.001	0.109	1	0.032	<0.001	0.072	0.001	0.572	0.002	<0.001	1	1	0.001
AGRP	0.428	0.067	1	0.248	0.068	0.013	0.016	0.411	0.255	0.27	1	1	0.31
HBEGF	1	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
GDF2	0.001	1	0.076	1	1	1	1	1	1	1	0.099	1	0.011
FABP2	0.058	0.822	0.96	1	0.05	1	1	0.494	1	0.013	1	1	0.667
THPO	0.027	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
MARCO	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.113	0.066	<0.001
GT	1	1	1	0.157	1	1	1	1	1	1	1	1	1
MMP12	0.019	0.016	1	1	0.034	<0.001	<0.001	0.022	<0.001	0.003	1	1	<0.001
ACE2	<0.001	0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.286	0.54	0.098	<0.001	1	1	<0.001

PDL2	0.083	1	1	0.009	1	0.968	0.52	0.141	1	<0.001	1	1	0.001
CTSL1	0.094	0.032	0.033	1	0.243	0.017	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	1	1	<0.001
HOSCAR	0.689	0.498	1	1	0.443	0.57	<0.001	0.003	0.046	<0.001	1	1	<0.001
TNFRSF13B	0.017	0.002	1	0.446	<0.001	0.097	<0.001	<0.001	0.011	0.008	1	1	<0.001
TGM2	1	1	1	1	0.087	0.902	0.063	1	0.166	1	0.435	1	1
LEP	<0.001	1	1	0.23	1	1	<0.001	1	0.244	1	1	1	0.001
CA5A	<0.001	1	1	1	0.006	0.095	0.044	1	0.275	0.003	1	1	1
HSP27	1	1	1	1	1	0.022	1	1	1	1	0.004	0.186	1
CD4	1	1	<0.001	1	0.883	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	1	1
NEMO	<0.001	0.24	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.012
VEGFD	<0.001	1	0.002	1	1	1	1	1	0.272	1	0.004	0.371	0.051
PARP1	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.004	1	<0.001	<0.001	0.75
HAOX1	<0.001	1	1	1	0.665	0.326	1	1	1	0.003	1	1	1
TNFRSF14	0.399	0.011	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.077	<0.001	0.133	<0.001	<0.001	1
LDL_RC	0.036	0.06	0.329	0.168	<0.001	1	0.003	1	0.771	0.403	1	1	0.016
ITGB2	1	<0.001	<0.001	1	0.194	<0.001	<0.001	0.005	0.002	0.099	<0.001	0.001	0.231
IL17RA	1	0.285	<0.001	0.38	1	<0.001	<0.001	1	0.059	1	<0.001	<0.001	1
TNFR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.782	<0.001
MMP9	1	0.006	0.361	0.695	0.001	<0.001	<0.001	0.599	<0.001	0.016	0.566	0.057	0.161
EPHB4	<0.001	0.006	1	<0.001	<0.001	1	0.282	0.008	1	0.001	1	0.169	<0.001
IL2RA	<0.001	0.036	0.038	<0.001	<0.001	0.006	0.001	0.02	<0.001	<0.001	1	1	0.169
ALCAM	<0.001	0.004	1	<0.001	<0.001	1	0.305	0.47	0.651	<0.001	1	1	<0.001
SELP	1	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
CSTB	1	1	<0.001	0.09	0.006	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
CD163	1	<0.001	0.484	0.001	<0.001	0.001	0.003	0.001	<0.001	<0.001	0.04	1	0.001
GRN	<0.001	<0.001	0.09	<0.001	<0.001	0.054	0.049	0.003	0.048	0.008	1	1	<0.001
NTPROBNP	<0.001	0.957	1	1	1	0.909	1	1	1	1	0.197	1	0.087
PLC	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.853	0.186	0.005	1	1	0.01
LTBR	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.207	<0.001	<0.001	0.01	0.014	0.665	1	0.006
NOTCH3	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	0.237	1	<0.001	1	1	<0.001
TIMP4	<0.001	0.124	1	0.001	<0.001	1	0.036	1	1	1	1	1	<0.001
CNTN1	<0.001	0.039	1	<0.001	0.058	1	1	1	1	0.25	0.456	1	<0.001
CDH5	0.049	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	0.075	1	<0.001	1	0.396	<0.001
TLT2	0.012	1	<0.001	<0.001	0.404	<0.001	<0.001	0.057	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
FABP4	1	0.04	1	0.887	0.001	1	<0.001	1	0.054	0.182	1	1	<0.001
TFPI	<0.001	0.025	<0.001	<0.001	<0.001	0.705	0.663	1	0.733	1	1	0.046	1
PAI	0.017	0.739	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.148	<0.001	<0.001	1
CCL24	1	0.441	0.659	0.217	0.44	0.653	1	1	0.788	1	1	0.647	1
TR	1	0.037	1	1	1	1	0.006	0.089	0.002	0.473	0.89	0.159	0.006
TNFRSF10C	0.364	1	1	1	0.666	1	0.006	1	1	1	1	1	0.185
GDF15	0.002	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.032	<0.001	<0.001	1	1	<0.001
SELE	0.382	1	1	1	<0.001	0.028	0.065	0.411	0.902	<0.001	1	1	0.035
DLK1	1	0.925	1	<0.001	1	1	0.016	0.45	0.33	0.175	1	1	0.072
MPO	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.007	<0.001	0.487	<0.001	<0.001	1
CXCL16	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.011	1	0.041	0.938	0.361	1	<0.001
IL6RA	0.206	0.091	1	0.009	<0.001	1	1	1	1	1	0.563	1	1
RETN	0.01	<0.001	<0.001	0.005	0.01	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.627	<0.001	0.004	1
IGFBP1	<0.001	1	1	0.06	1	1	1	1	1	1	0.187	1	1
CHIT1	0.053	0.145	1	1	1	<0.001	0.026	1	0.003	<0.001	0.791	0.552	1
TRAP	1	<0.001	0.029	<0.001	<0.001	0.063	1	1	1	<0.001	1	1	0.029
GP6	1	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.56
PSPD	0.094	0.315	1	0.384	0.181	1	1	1	0.11	0.066	1	1	0.161
EPCAM	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0.707	1	1
APN	1	0.009	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	0.06	1	1	0.009
AXL	<0.001	0.006	1	<0.001	<0.001	1	0.814	<0.001	1	<0.001	1	1	0.001
IL1RT1	<0.001	0.003	1	<0.001	<0.001	1	1	0.144	1	0.294	0.174	0.15	<0.001
MMP2	<0.001	0.025	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1	0.254	0.109	<0.001
FAS	0.312	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.107	<0.001	<0.001	0.002	0.041	0.057	1	0.076
MB	0.202	0.21	1	<0.001	<0.001	1	0.176	1	1	0.011	1	1	1
TNFSF13B	<0.001	<0.001	0.786	0.074	0.007	0.248	0.049	0.035	0.006	<0.001	1	1	0.022
PCSK9	1	0.005	0.007	0.004	<0.001	0.016	0.011	1	0.253	0.701	1	1	0.001
UPAR	0.068	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.001
OPN	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.264	0.312	0.058	<0.001	1	1	0.009
PGLYRP1	<0.001	<0.001	0.023	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.012	<0.001	0.213	0.159	1	0.424
CPA1	1	0.209	1	0.006	<0.001	0.145	0.619	1	1	1	1	1	0.014
JAMA	1	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.427
GAL4	1	0.006	0.409	0.003	<0.001	0.012	0.544	0.648	0.105	<0.001	1	1	<0.001
IL1RT2	1	0.002	1	<0.001	<0.001	0.955	1	1	1	0.002	1	1	0.169
SHPS1	0.011	0.014	0.005	<0.001	<0.001	1	0.081	0.024	0.074	<0.001	0.468	1	0.006
CCL15	<0.001	0.007	1	<0.001	<0.001	1	0.015	0.24	0.153	1	1	1	0.226

CASP3	0.436	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.085
CPB1	1	0.084	1	<0.001	<0.001	0.087	0.047	0.737	1	1	1	1	0.01
CHI3L1	1	0.007	1	0.259	<0.001	<0.001	0.001	0.01	<0.001	<0.001	1	1	<0.001
ST2	1	0.003	1	<0.001	<0.001	0.026	1	1	1	<0.001	1	1	0.782
TPA	0.827	<0.001	<0.001	0.127	<0.001	0.948	1	1	1	0.865	0.049	1	1
SCGB3A2	<0.001	1	1	0.012	0.617	1	1	1	1	1	1	0.96	1
EGFR	0.068	0.019	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1	0.086	1	0.15
IGFBP7	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.121	0.002	0.147	<0.001	1	0.289	<0.001
CD93	<0.001	0.002	1	<0.001	<0.001	1	0.616	0.195	1	0.178	1	0.128	0.08
IL18BP	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.066	0.004	<0.001	0.004	<0.001	1	1	<0.001
COL1A1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1	1	1	1
PON3	<0.001	1	1	0.001	1	0.012	0.01	1	0.022	0.036	<0.001	0.699	1
CTSZ	1	0.001	0.101	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.15	0.001	<0.001	1	1	0.001
MMP3	1	0.019	1	<0.001	<0.001	1	1	0.689	1	0.009	1	0.265	1
RARRES2	0.173	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.714	0.003	<0.001	0.029
ICAM2	0.046	1	1	<0.001	0.08	1	1	1	1	1	1	1	0.155
KLK6	<0.001	0.203	1	<0.001	0.001	0.77	1	0.551	1	1	0.548	0.01	1
PDGFA	1	1	<0.001	1	0.773	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
TNFR1	0.001	<0.001	0.141	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.239	1	<0.001
IGFBP2	<0.001	1	1	0.005	0.507	1	1	1	1	1	0.109	1	1
VWF	0.187	<0.001	0.177	0.892	<0.001	0.641	0.641	1	0.058	0.026	1	1	<0.001
PECAM1	0.259	0.007	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
MEPE	<0.001	0.043	0.667	<0.001	<0.001	1	1	0.485	1	1	1	1	1
CCL16	0.022	<0.001	0.272	<0.001	<0.001	0.247	0.034	1	<0.001	<0.001	1	1	0.604
IL8	0.204	0.029	<0.001	0.97	0.01	<0.001	<0.001	0.048	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
VEGFA	0.178	0.029	<0.001	0.22	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD8A	0.16	0.2	0.555	0.021	0.09	0.002	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.046	1	<0.001
MCP3	0.915	0.002	<0.001	0.839	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CDCP1	0.982	0.001	0.876	0.061	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.068	0.512	<0.001
CD244	0.004	0.137	<0.001	0.348	0.253	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	1
IL7	0.097	0.619	<0.001	0.07	0.367	<0.001	<0.001	0.42	<0.001	0.023	<0.001	<0.001	1
OPG	0.333	<0.001	0.085	0.468	0.027	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.847	0.262	<0.001
LAP_TGFB1	0.014	0.339	<0.001	0.799	0.804	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	0.002
UPA	0.009	0.002	0.852	0.105	0.129	0.009	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.045	0.784	<0.001
IL6	0.711	<0.001	0.885	0.716	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.102	0.024	<0.001
MCP1	0.079	<0.001	0.428	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.044	<0.001	<0.001
CXCL11	0.043	0.294	<0.001	0.378	0.81	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.21
AXIN1	<0.001	0.027	<0.001	0.135	0.196	<0.001	<0.001	0.283	<0.001	0.968	<0.001	<0.001	0.001
TRAIL	0.001	0.033	0.136	0.035	0.006	0.185	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.481	0.11	<0.001
CXCL9	0.006	0.004	0.577	0.607	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	0.008	<0.001
CST5	0.004	0.021	0.001	0.007	0.077	0.939	0.004	0.388	0.094	<0.001	0.026	0.063	<0.001
OSM	0.03	0.009	0.001	0.905	0.026	<0.001	<0.001	0.019	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.001
CXCL1	<0.001	0.046	<0.001	0.206	0.056	<0.001	<0.001	0.573	<0.001	0.352	<0.001	<0.001	0.871
CCL4	0.055	0.151	<0.001	0.678	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD6	0.018	0.321	<0.001	0.837	0.515	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.166
TGFA	0.137	<0.001	0.457	0.002	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001
MCP4	0.281	0.345	<0.001	0.935	0.501	<0.001	<0.001	0.459	<0.001	0.132	<0.001	<0.001	0.154
CCL11	0.036	0.006	<0.001	0.488	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001
TNFSF14	<0.001	0.451	<0.001	0.539	0.827	<0.001	<0.001	0.028	<0.001	0.027	<0.001	<0.001	0.837
MMP1	0.713	0.071	<0.001	0.203	0.187	<0.001	<0.001	0.963	<0.001	0.336	<0.001	<0.001	0.97
LIFR	0.025	<0.001	<0.001	0.013	0.132	0.095	<0.001	<0.001	0.362	<0.001	0.001	0.134	<0.001
FGF21	0.007	<0.001	0.75	0.696	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	0.002	0.018	0.745	0.409	<0.001
CCL19	0.764	0.003	0.048	0.024	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	0.02	<0.001
IL15RA	<0.001	0.055	0.831	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.492	<0.001
IL10RB	0.223	0.003	<0.001	<0.001	0.002	0.06	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.282	0.091	<0.001
IL18R1	0.005	<0.001	0.192	0.834	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001
PDL1	0.429	0.957	<0.001	0.046	0.518	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.053
CXCL5	0.024	0.007	<0.001	0.091	0.044	<0.001	<0.001	0.865	<0.001	0.526	<0.001	<0.001	0.637
TRANCE	0.088	0.544	0.907	<0.001	<0.001	0.088	<0.001	0.078	0.002	0.081	0.044	0.283	0.176
HGF	<0.001	<0.001	<0.001	0.374	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL12B	0.229	0.011	0.497	0.016	0.135	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	0.119	<0.001
MMP10	<0.001	0.005	0.097	0.03	0.801	<0.001	<0.001	<0.001	0.012	0.003	0.659	0.733	<0.001
IL10	0.004	<0.001	0.08	0.008	0.015	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.407	0.741	<0.001
TNF	0.299	0.001	0.101	0.081	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL23	0.013	0.052	0.445	0.015	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.197	<0.001	<0.001
CD5	0.235	0.132	<0.001	0.857	0.504	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	0.886
CCL3	0.656	0.095	<0.001	0.041	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
FLT3L	0.527	0.111	0.166	0.329	0.217	0.001	<0.001	0.001	0.006	<0.001	0.523	0.613	<0.001
CXCL6	0.001	0.056	<0.001	0.636	0.496	<0.001	<0.001	0.028	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	0.739
CXCL10	0.315	0.011	<0.001	0.158	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

4EBP1	<0.001	0.066	<0.001	0.413	0.962	<0.001	<0.001	0.852	<0.001	0.089	<0.001	<0.001	0.401
SIRT2	<0.001	0.01	<0.001	0.257	0.182	<0.001	<0.001	0.657	<0.001	0.652	<0.001	<0.001	0.054
CCL28	0.015	0.154	0.002	0.078	0.394	<0.001	<0.001	0.013	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
DNER	0.177	0.024	0.11	0.008	0.991	0.273	0.099	0.151	0.97	0.027	0.13	0.529	<0.001
ENRAGE	0.454	0.188	<0.001	0.6	0.061	<0.001	<0.001	0.047	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.356
CD40	0.012	0.038	<0.001	0.516	0.284	<0.001	<0.001	0.51	<0.001	0.06	<0.001	<0.001	0.257
IFNG	0.884	0.008	0.595	0.27	0.064	0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	0.252	<0.001
FGF19	<0.001	0.004	0.476	0.462	0.12	0.002	0.1	0.156	0.019	0.044	0.465	0.834	<0.001
MCP2	0.605	0.57	<0.001	0.221	0.001	<0.001	<0.001	0.07	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.079
CASP8	<0.001	0.169	<0.001	0.989	0.89	<0.001	<0.001	0.463	<0.001	0.107	<0.001	<0.001	0.924
CCL25	<0.001	0.013	0.489	0.3	0.026	0.022	0.009	0.002	0.192	<0.001	0.216	0.751	<0.001
CX3CL1	<0.001	0.039	0.046	<0.001	0.249	0.021	<0.001	<0.001	0.025	<0.001	0.661	0.525	<0.001
TNFRSF9	<0.001	0.011	0.566	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.156	<0.001
NT3	0.149	0.073	0.072	<0.001	0.096	0.013	<0.001	0.052	0.001	0.039	0.103	0.075	<0.001
TWEAK	<0.001	0.992	<0.001	0.008	0.223	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.103	<0.001	<0.001	<0.001
CCL20	0.018	0.003	0.005	0.807	0.377	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ST1A1	<0.001	0.009	<0.001	0.101	0.051	<0.001	<0.001	0.503	<0.001	0.589	<0.001	<0.001	0.003
STAMBP	<0.001	0.017	<0.001	0.18	0.2	<0.001	<0.001	0.362	<0.001	0.726	<0.001	<0.001	0.021
ADA	0.002	0.357	<0.001	0.508	0.655	<0.001	<0.001	0.081	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.252
TNFB	0.291	0.26	0.222	0.517	0.087	0.046	0.001	<0.001	0.023	0.002	0.319	0.773	<0.001
CSF1	0.033	<0.001	0.001	0.004	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.802	0.283	<0.001
Age	0.122	0.183	0.042	0.736	0.138	0.005	<0.001	0.348	<0.001	<0.001	0.006	0.003	<0.001
Body mass ind	<0.001	0.206	0.327	0.171	<0.001	0.002	<0.001	0.418	<0.001	0.003	0.025	0.131	0.008
Waist circumf	<0.001	0.091	0.106	0.332	<0.001	0.001	<0.001	0.052	<0.001	<0.001	0.002	0.185	0.425
Educational att	0.881	0.376	0.319	0.049	0.173	0.083	0.018	0.918	0.099	0.542	0.868	0.34	<0.001
Alcohol consur	0.086	0.119	0.695	0.007	0.031	0.42	0.453	0.317	0.365	0.105	0.631	0.926	0.45
Systolic blood p	0.001	0.01	0.405	0.632	0.002	0.002	0.002	0.096	0.118	0.005	0.019	0.085	0.015
Diastolic blood p	<0.001	0.181	0.346	0.982	0.001	0.05	0.127	0.193	0.465	0.668	0.072	0.187	0.851
Hemoglobin A1c	0.005	0.006	0.716	0.041	0.727	0.13	0.022	0.679	0.023	<0.001	0.099	0.129	0.001
Duration of kno	0.052	0.006	0.258	0.278	0.86	<0.001	0.001	0.544	0.577	0.027	0.154	0.24	0.001
High-density lip	<0.001	0.672	0.052	0.51	0.14	0.151	0.005	0.002	0.009	0.062	<0.001	0.397	0.762
Low-density lip	0.021	0.937	0.262	0.121	0.501	0.989	0.731	0.547	0.983	0.56	0.618	0.235	0.315
Triglycerides	<0.001	0.001	0.043	0.371	0.002	0.005	<0.001	0.077	0.006	0.017	0.047	0.201	0.005
Albumin	0.001	0.642	0.035	0.528	0.417	0.271	0.236	0.476	0.879	0.12	0.145	0.622	0.068
Fibrinogen	0.76	<0.001	0.163	0.314	0.018	0.004	<0.001	0.036	<0.001	<0.001	0.271	0.007	0.003
C-reactive prot	0.002	<0.001	0.1	0.009	0.001	<0.001	<0.001	0.013	<0.001	0.002	0.279	0.001	<0.001
Serum amyloid A	0.095	0.066	0.557	0.197	0.012	0.016	0.004	0.124	0.001	0.017	0.639	0.523	0.088
Leucocyte count	<0.001	0.839	0.014	0.197	0.038	0.236	0.728	0.626	0.272	0.045	0.003	0.718	0.079
Serum adipone	0.071	0.002	0.03	0.099	0.092	0.512	<0.001	0.325	0.007	0.875	0.293	0.05	0.339
Uric acid	<0.001	0.057	0.285	0.211	<0.001	<0.001	0.012	0.038	0.002	<0.001	0.065	0.346	0.511
Creatinine	0.943	0.093	0.467	<0.001	<0.001	0.206	0.044	0.171	0.183	0.072	0.064	0.691	0.287
Rényi4, baseline	0.723	0.02	0.491	0.255	0.597	0.746	0.102	0.097	0.917	0.003	0.817	0.546	0.007
TP, baseline	0.819	0.141	0.619	0.169	0.373	0.978	0.104	0.172	0.553	0.007	0.691	0.378	0.03
SDWS, baseline	0.455	0.288	0.327	0.585	0.269	0.619	0.327	0.093	0.064	0.019	0.886	0.691	0.093
SDSA, baseline	0.748	0.112	0.317	0.339	0.466	0.291	0.376	0.478	0.812	0.006	0.862	0.653	0.061
CE, baseline	0.725	0.019	0.855	0.224	0.367	0.177	0.133	0.212	0.484	0.002	0.775	0.467	0.024
Rényi4, follow-up	0.234	0.603	0.996	0.754	0.13	0.889	0.351	0.684	0.211	0.014	0.881	0.663	0.021
TP, follow-up	0.276	0.97	0.741	0.633	0.393	0.929	0.173	0.517	0.222	0.006	0.885	0.201	0.022
SDWS, follow-up	0.329	0.91	0.598	0.846	0.749	0.303	0.833	0.182	0.559	0.091	0.655	0.808	0.192
SDSA, follow-up	0.32	0.966	0.549	0.934	0.273	0.994	0.781	0.802	0.297	0.005	0.886	0.701	0.008
CE, follow-up	0.91	0.464	0.798	0.954	0.138	0.824	0.944	0.86	0.158	0.003	0.706	0.842	0.004

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	LAP_TG	UPA	IL6	MCP1	CXCL11	AXIN1	TRAIL	CXCL9	CST5	OSM	CXCL1	CCL4	CD6	TGFA
BMP6	0.7	0.1	0.1	0.2	0.6	0.7	<0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.6	0.5	0.4	0.2
ANGPT1	0.8	-0.1	<0.1	0.3	0.5	0.5	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.6	0.5	0.3	0.3
ADM	<0.1	0.2	0.4	0.3	-0.1	-0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.3
CD40L	0.8	-0.1	<0.1	0.1	0.7	0.9	-0.1	<0.1	-0.2	0.3	0.8	0.5	0.5	0.1
PGF	0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1	-0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.3
ADAMTS13	<0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
BOC	-0.1	0.3	<0.1	0.1	-0.2	-0.3	0.2	<0.1	0.3	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.1
IL4RA	<0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.3
SRC	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1
IL1RA	0.6	<0.1	0.3	0.1	0.5	0.5	<0.1	0.2	-0.1	0.4	0.5	0.5	0.5	0.4
TNFRSF10A	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.4
STK4	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.8	-0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.7	0.3	0.4	<0.1
IDUA	0.5	0.1	0.1	0.1	0.4	0.4	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.4	0.4	0.3	0.2
TNFRSF11A	0.2	0.2	0.3	0.3	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.4
PAR1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	0.7	0.9	-0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.8	0.5	0.5	<0.1
TRAILR2	0.2	0.2	0.4	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.4
PRSS27	0.4	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2
TIE2	-0.1	0.3	0.2	0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.2
TF	<0.1	0.3	0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.2	0.1	0.3	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1
IL1RL2	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
PDGFB	0.8	-0.1	<0.1	0.3	0.7	0.7	<0.1	0.1	-0.1	0.4	0.7	0.5	0.4	0.2
IL27	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.2
IL17D	0.1	0.3	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
LOX1	0.4	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.7	0.2	0.3	0.2	0.5
GAL9	0.5	0.1	0.3	0.1	0.5	0.4	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.4	0.5	0.4	0.3
GIF	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
SCF	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.2	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1
IL18	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3
PLGR	-0.1	0.2	0.2	0.2	-0.2	-0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.3
RAGE	-0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.2	-0.3	0.2	<0.1	0.2	-0.2	-0.2	-0.1	-0.1	0.1
SOD2	0.5	0.1	0.1	0.1	0.4	0.5	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.4	0.3	0.3	0.2
CTRC	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
FGF23	-0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1
SPON2	-0.1	0.2	0.3	0.3	-0.3	-0.4	0.3	0.2	0.3	0.1	-0.3	<0.1	-0.2	0.3
GH	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1
FS	<0.1	<0.1	0.3	0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.2
GLO1	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	0.9	-0.1	<0.1	-0.3	0.2	0.8	0.4	0.5	<0.1
CD84	0.8	<0.1	<0.1	0.1	0.7	0.8	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.8	0.5	0.5	0.2
SERPINA12	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
REN	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1
DECR1	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	0.9	-0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.8	0.4	0.5	<0.1
MERTK	-0.2	0.1	0.1	0.1	-0.2	-0.3	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	0.1
KIM1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
THBS2	0.1	0.4	0.3	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.3
TM	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3
VSIG2	<0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2
AMBP	<0.1	0.1	0.3	0.2	-0.1	-0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	-0.1	0.1	-0.1	0.3
PRELP	0.1	0.4	0.3	0.3	<0.1	-0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3
HO1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2
XCL1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3
IL16	0.6	-0.1	<0.1	-0.1	0.7	0.7	<0.1	0.1	-0.2	0.2	0.7	0.4	0.7	0.1
SORT1	0.8	0.1	0.2	0.3	0.6	0.6	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.6	0.6	0.4	0.3
CEACAM8	0.4	0.1	0.4	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.6	0.2	0.4	0.2	0.5
PTX3	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	-0.1	<0.1	-0.1	0.3
PSGL1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.3	0.2	0.4	0.1
CCL17	0.7	<0.1	<0.1	0.2	0.6	0.6	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.6	0.5	0.4	0.2
MMP7	<0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
IGGFC	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
ITGB1BP2	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	0.7	0.9	-0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.8	0.4	0.5	<0.1
DCN	<0.1	0.3	0.2	0.3	-0.1	-0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	-0.2	0.1	-0.1	0.3
DKK1	0.9	<0.1	<0.1	0.2	0.7	0.7	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.7	0.5	0.4	0.2
LPL	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1
PRSS8	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2
AGRP	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2
HBEGF	0.8	<0.1	<0.1	0.2	0.7	0.7	<0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.7	0.5	0.5	0.3

GDF2	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.2	-0.2	0.2	<0.1	0.2	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
FABP2	<0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
THPO	0.6	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.4	0.3	0.2	0.1
MARCO	0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3
GT	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
MMP12	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
ACE2	0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2
PDL2	<0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2
CTSL1	<0.1	0.3	0.4	0.3	<0.1	-0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.3
HOSCAR	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.3
TNFRSF13B	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3
TGM2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2
LEP	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
CA5A	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
HSP27	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CD4	0.5	0.1	0.2	0.1	0.5	0.4	0.1	0.3	-0.1	0.2	0.5	0.4	0.6	0.3
NEMO	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	0.7	1	-0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.8	0.4	0.5	<0.1
VEGFD	-0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.2	-0.3	0.1	-0.1	0.2	-0.1	-0.2	-0.2	<0.1	<0.1
PARP1	0.6	-0.1	<0.1	-0.1	0.6	0.7	-0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.7	0.4	0.6	<0.1
HAOX1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
TNFRSF14	0.6	<0.1	0.2	0.2	0.5	0.5	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.6	0.5	0.4	0.3
LDL_RC	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1
ITGB2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1
IL17RA	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.1
TNFR2	0.2	0.2	0.4	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.4	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.3
MMP9	0.3	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.9	0.1	0.2	0.1	0.5
EPHB4	<0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.2	0.1	-0.1	0.3
IL2RA	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2
ALCAM	<0.1	0.3	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2
SELP	0.8	-0.1	<0.1	0.1	0.7	0.8	-0.1	<0.1	-0.2	0.3	0.7	0.5	0.5	0.1
CSTB	0.6	<0.1	0.1	0.1	0.6	0.6	<0.1	0.2	-0.1	0.2	0.7	0.5	0.6	0.2
CD163	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2
GRN	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
NTPROBNP	-0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1
PLC	<0.1	0.2	0.2	0.3	-0.1	-0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2
LTBR	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2
NOTCH3	<0.1	0.3	0.1	0.2	-0.1	-0.3	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.1	-0.1	0.2
TIMP4	<0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2
CNTN1	-0.1	0.3	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1
CDH5	<0.1	0.4	0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2
TLT2	0.5	0.1	0.1	0.1	0.4	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.3	0.2
FABP4	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
TFPI	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
PAI	0.8	<0.1	0.1	0.3	0.5	0.5	<0.1	0.1	-0.1	0.4	0.6	0.6	0.4	0.3
CCL24	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
TR	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2
TNFRSF10C	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
GDF15	<0.1	0.1	0.4	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	0.3
SELE	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2
DLK1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
MPO	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.4	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.4	0.3	0.3	0.1
CXCL16	<0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2
IL6RA	-0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1
RETN	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3
IGFBP1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
CHIT1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
TRAP	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1
GP6	0.7	-0.1	<0.1	0.1	0.7	0.9	-0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.8	0.4	0.5	0.1
PSPD	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
EPCAM	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
APN	<0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
AXL	<0.1	0.3	0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2
IL1RT1	-0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	-0.3	0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.2
MMP2	-0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.2	-0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.1
FAS	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2
MB	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
TNFSF13B	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
PCSK9	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
UPAR	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3
OPN	<0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2

PGLYRP1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.4	<0.1	0.2	0.1	0.4
CPA1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
JAMA	0.6	-0.1	<0.1	<0.1	0.6	0.8	-0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.7	0.4	0.5	<0.1
GAL4	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
IL1RT2	<0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
SHPS1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
CCL15	<0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2
CASP3	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	0.9	-0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.8	0.4	0.5	<0.1
CPB1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2
CHI3L1	0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.3
ST2	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
TPA	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1
SCGB3A2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
EGFR	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
IGFBP7	<0.1	0.3	0.2	0.3	-0.1	-0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2
CD93	<0.1	0.3	0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
IL18BP	<0.1	0.3	0.3	0.3	<0.1	-0.2	0.2	0.4	0.2	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.3
COL1A1	<0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
PON3	-0.2	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	0.1	-0.1	0.1	-0.3	-0.2	-0.2	-0.2	-0.2
CTSZ	0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2
MMP3	-0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2
RARRES2	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3
ICAM2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
KLK6	-0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.1
PDGFA	0.8	-0.1	<0.1	0.3	0.6	0.6	<0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.6	0.5	0.4	0.2
TNFR1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.4
IGFBP2	-0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.1
VWF	<0.1	0.2	0.3	0.2	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2
PECAM1	0.6	<0.1	<0.1	<0.1	0.6	0.8	-0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.7	0.4	0.5	<0.1
MEPE	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2
CCL16	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1
IL8	0.6	0.1	0.3	0.4	0.5	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.5	0.5	0.4	0.4
VEGFA	0.7	0.2	0.3	0.4	0.5	0.3	0.2	0.2	0.1	0.5	0.4	0.5	0.3	0.5
CD8A	0.1	0.4	0.2	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3
MCP3	0.5	0.2	0.3	0.4	0.4	0.3	0.2	0.3	0.1	0.3	0.3	0.5	0.2	0.3
CDCP1	0.1	0.4	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.4	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.3
CD244	0.8	0.1	0.1	0.1	0.7	0.8	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.7	0.6	0.7	0.2
IL7	0.7	<0.1	0.1	0.2	0.7	0.7	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.7	0.5	0.4	0.2
OPG	0.2	0.5	0.3	0.3	0.1	-0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.4
LAP_TGFB1	1	0.1	0.1	0.3	0.7	0.7	<0.1	0.1	-0.1	0.4	0.7	0.6	0.6	0.3
UPA	0.1	1	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.4	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2
IL6	0.1	0.2	1	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.4	<0.1	0.3	0.1	0.4
MCP1	0.3	0.2	0.3	1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.4
CXCL11	0.7	0.1	0.1	0.1	1	0.7	<0.1	0.3	-0.1	0.3	0.7	0.5	0.6	0.2
AXIN1	0.7	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	1	-0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.8	0.4	0.6	<0.1
TRAIL	<0.1	0.4	0.3	0.3	<0.1	-0.1	1	0.3	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2
CXCL9	0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.3	1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3
CST5	-0.1	0.3	0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.2	0.2	1	<0.1	-0.2	0.1	-0.1	0.2
OSM	0.4	<0.1	0.4	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1	1	0.2	0.3	0.2	0.6
CXCL1	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	0.7	0.8	-0.1	<0.1	-0.2	0.2	1	0.4	0.6	0.1
CCL4	0.6	0.2	0.3	0.3	0.5	0.4	0.2	0.3	0.1	0.3	0.4	1	0.5	0.4
CD6	0.6	0.1	0.1	0.1	0.6	0.6	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.6	0.5	1	0.2
TGFA	0.3	0.2	0.4	0.4	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.6	0.1	0.4	0.2	1
MCP4	0.8	<0.1	<0.1	0.3	0.7	0.7	<0.1	0.1	-0.1	0.3	0.7	0.5	0.5	0.2
CCL11	0.4	0.2	0.2	0.4	0.4	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.4	0.2	0.3
TNFSF14	0.8	<0.1	0.2	0.1	0.7	0.8	<0.1	0.1	-0.2	0.4	0.8	0.6	0.7	0.2
MMP1	0.7	-0.1	0.1	0.2	0.5	0.5	<0.1	0.1	-0.1	0.3	0.5	0.4	0.3	0.2
LIFR	-0.1	0.5	0.3	0.3	-0.1	-0.4	0.3	0.3	0.3	0.1	-0.2	0.1	-0.1	0.4
FGF21	0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
CCL19	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3
IL15RA	0.1	0.4	0.3	0.3	0.1	-0.1	0.3	0.4	0.3	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.4
IL10RB	<0.1	0.3	0.3	0.3	-0.1	-0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.4
IL18R1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.3
PDL1	0.7	0.1	0.2	0.2	0.7	0.6	<0.1	0.3	<0.1	0.3	0.6	0.6	0.5	0.3
CXCL5	0.7	<0.1	<0.1	0.1	0.7	0.7	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.8	0.4	0.5	0.1
TRANCE	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.5	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2
HGF	0.6	0.3	0.4	0.4	0.5	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.6	0.4	0.6	0.4	0.6
IL12B	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.4	0.3	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.3
MMP10	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.3
IL10	<0.1	0.2	0.4	0.3	0.1	-0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	-0.1	0.2	<0.1	0.4

TNF	0.2	0.3	0.4	0.3	0.3	<0.1	0.4	0.6	0.2	0.3	0.1	0.4	0.2	0.4
CCL23	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.4
CD5	0.6	0.1	0.1	0.1	0.6	0.6	<0.1	0.2	-0.1	0.2	0.6	0.5	0.8	0.2
CCL3	0.5	0.3	0.3	0.4	0.5	0.3	0.3	0.4	0.1	0.3	0.4	0.7	0.5	0.4
FLT3L	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2
CXCL6	0.7	0.1	<0.1	0.2	0.7	0.7	<0.1	0.1	-0.1	0.3	0.8	0.5	0.5	0.2
CXCL10	0.3	0.2	0.3	0.3	0.5	0.2	0.2	0.7	0.1	0.2	0.2	0.4	0.3	0.3
4EBP1	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	0.7	0.9	-0.1	<0.1	-0.2	0.3	0.9	0.5	0.6	0.1
SIRT2	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	0.7	1	-0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.9	0.5	0.6	0.1
CCL28	0.3	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2
DNER	<0.1	0.3	<0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.2	-0.1	0.3	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
ENRAGE	0.4	<0.1	0.3	0.1	0.4	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.5	0.4	0.4	0.3	0.3
CD40	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	0.7	0.9	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.8	0.5	0.6	0.1
IFNG	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.5	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2
FGF19	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2
MCP2	0.6	0.1	0.1	0.3	0.5	0.5	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.5	0.5	0.4	0.2
CASP8	0.7	<0.1	<0.1	0.1	0.7	0.8	<0.1	0.1	-0.1	0.3	0.8	0.5	0.6	0.2
CCL25	<0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3
CX3CL1	<0.1	0.4	0.1	0.3	<0.1	-0.2	0.3	0.3	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3
TNFRSF9	0.2	0.4	0.3	0.4	0.2	<0.1	0.4	0.5	0.2	0.2	<0.1	0.4	0.2	0.4
NT3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
TWEAK	0.4	0.4	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.4	0.3	0.2
CCL20	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.3
ST1A1	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	0.7	0.9	-0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.8	0.4	0.5	<0.1
STAMBP	0.8	<0.1	<0.1	<0.1	0.7	1	-0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.9	0.5	0.6	<0.1
ADA	0.7	0.1	0.1	<0.1	0.6	0.7	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.7	0.5	0.6	0.2
TNFB	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2
CSF1	0.1	0.4	0.5	0.3	0.1	-0.2	0.3	0.4	0.3	0.3	-0.1	0.2	<0.1	0.5
Age	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2
Body mass index	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1
Waist circumference	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1
Educational attainment	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Alcohol consumption	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
Systolic blood pressure	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.2
Diastolic blood pressure	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1
Hemoglobin A1c	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
Duration of known diabetes	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
High-density lipoprotein	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.1
Low-density lipoprotein	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1
Triglycerides	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2
Albumin	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1
Fibrinogen	0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2
C-reactive protein	0.2	<0.1	0.5	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.4	0.1	0.2	<0.1	0.3
Serum amyloid A	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
Leucocyte count	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
Serum adiponectin	0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.5	0.1	0.1	0.1	0.3
Uric acid	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2
Creatinine	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2
Rényi4, baseline	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
TP, baseline	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDWS, baseline	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDSA, baseline	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
CE, baseline	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
Rényi4, follow-up	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
TP, follow-up	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDWS, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
SDSA, follow-up	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
CE, follow-up	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	LAP_TG	UPA	IL6	MCP1	CXCL11	AXIN1	TRAIL	CXCL9	CST5	OSM	CXCL1	CCL4	CD6	TGFA
BMP6	<0.001	0.702	0.924	0.021	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009
ANGPT1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

ADM	1	0.007	<0.001	<0.001	0.415	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.012	1	1	<0.001
CD40L	<0.001	1	1	0.909	<0.001	<0.001	0.73	1	0.064	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.486
PGF	1	0.002	<0.001	<0.001	1	0.015	0.001	0.003	<0.001	1	0.159	0.057	1	<0.001
ADAMTS13	1	0.001	1	1	1	0.25	0.19	1	1	1	1	1	1	0.364
BOC	1	<0.001	1	0.166	0.008	<0.001	0.003	1	<0.001	1	<0.001	1	1	0.524
IL4RA	1	<0.001	<0.001	0.009	0.162	<0.001	0.12	0.39	<0.001	1	0.014	1	1	<0.001
SRC	0.002	1	1	1	0.001	<0.001	1	1	1	0.265	<0.001	1	0.363	1
IL1RA	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.001	0.709	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF10A	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.193	1	<0.001	1	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001
STK4	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.065	0.244	<0.001	<0.001	<0.001	1
IDUA	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.035
TNFRSF11A	0.016	0.008	<0.001	<0.001	1	0.368	0.003	<0.001	<0.001	0.056	1	<0.001	1	<0.001
PAR1	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.047	0.029	<0.001	<0.001	<0.001	1
TRAILR2	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	0.133	1	0.064	<0.001	0.043	0.001	1	<0.001	0.001	<0.001
PRSS27	<0.001	1	1	0.022	<0.001	0.038	1	1	0.56	0.356	0.02	<0.001	0.633	<0.001
TIE2	1	<0.001	0.048	0.271	0.28	<0.001	0.124	1	<0.001	1	0.037	1	1	0.005
TF	1	<0.001	1	0.014	0.366	0.006	0.003	1	<0.001	1	0.103	1	1	0.073
IL1RL2	1	0.002	1	1	1	1	<0.001	1	0.123	1	1	0.134	1	1
PDGFB	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.874	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL27	1	<0.001	0.001	0.009	1	0.001	0.002	<0.001	<0.001	1	0.008	1	0.896	0.002
IL17D	0.247	<0.001	1	0.001	1	1	0.732	0.903	<0.001	0.808	1	1	1	0.269
LOX1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1	0.114	1	<0.001	0.001	<0.001	0.002	<0.001
GAL9	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.145	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GIF	1	1	1	1	1	1	0.852	1	0.816	1	1	1	1	1
SCF	1	1	0.121	1	0.073	0.003	0.07	1	<0.001	0.244	0.099	1	0.004	1
IL18	<0.001	0.007	0.002	0.004	<0.001	0.032	0.055	<0.001	1	0.001	0.167	<0.001	0.019	<0.001
PLGR	1	0.035	0.027	0.011	0.052	0.001	0.004	0.017	<0.001	1	0.037	1	1	<0.001
RAGE	0.289	0.002	1	0.725	<0.001	<0.001	0.027	1	<0.001	0.049	<0.001	0.601	1	1
SOD2	<0.001	0.298	0.317	0.195	<0.001	<0.001	1	1	1	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
CTRC	0.041	0.04	1	0.263	1	1	0.223	1	0.019	1	1	1	1	1
FGF23	1	0.023	<0.001	0.59	0.502	0.014	0.001	0.061	0.029	1	0.181	1	1	0.17
SPON2	0.123	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.003	<0.001
GH	0.622	1	1	0.035	1	0.188	1	1	1	0.08	1	0.01	0.144	1
FS	1	1	<0.001	0.146	1	0.01	1	1	1	0.004	0.268	1	1	0.001
GLO1	<0.001	0.946	1	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
CD84	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.312	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.07
SERPINA12	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
REN	1	1	0.003	0.367	1	1	1	0.028	0.233	0.059	1	1	1	0.275
DECR1	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	0.989	1	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	1
MERTK	0.064	0.279	1	1	0.001	<0.001	0.087	0.931	<0.001	1	<0.001	1	0.052	0.368
KIM1	1	1	<0.001	0.378	1	1	0.291	1	0.218	1	1	1	1	0.006
THBS2	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.019	0.01	0.125	0.088	0.167	0.342	0.062	1	<0.001
TM	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	1	1	<0.001	0.052	<0.001	1	1	<0.001	0.043	<0.001
VSIG2	1	0.019	0.115	0.003	0.127	0.002	0.009	0.767	0.001	1	0.28	1	1	0.001
AMBP	1	1	<0.001	<0.001	0.749	0.003	0.001	0.223	<0.001	1	0.11	1	1	<0.001
PRELP	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.044	0.001	0.015	0.001	1	1	1	1	<0.001
HO1	0.004	1	0.006	0.333	0.07	0.634	1	0.465	1	0.117	0.4	<0.001	0.111	0.009
XCCL1	<0.001	0.008	0.003	<0.001	<0.001	1	0.136	<0.001	1	0.004	1	<0.001	0.032	<0.001
IL16	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.023	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.981
SORT1	<0.001	1	0.027	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.841	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CEACAM8	<0.001	0.795	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.871	0.011	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
PTX3	1	1	0.169	0.286	1	0.074	1	1	0.358	<0.001	1	1	0.317	<0.001
PSGL1	<0.001	1	1	0.287	0.035	<0.001	1	1	1	0.19	<0.001	0.001	<0.001	0.148
CCL17	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.023
MMP7	1	0.018	<0.001	0.304	1	0.447	<0.001	0.015	0.033	1	1	1	1	0.054
IGGFC	1	1	1	1	1	1	0.957	1	0.398	1	1	1	1	1
ITGB1BP2	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	0.862	1	0.003	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	1
DCN	1	<0.001	0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.081	<0.001	1	0.011	1	1	<0.001
DDK1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.786	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LPL	1	0.207	0.272	1	0.134	0.017	0.235	1	0.034	0.006	0.712	0.007	0.734	1
PRSS8	0.362	0.682	<0.001	<0.001	1	1	1	0.315	0.324	0.044	1	0.005	1	0.003
AGRP	0.395	0.091	1	<0.001	1	1	0.318	0.152	0.142	1	1	0.015	0.599	0.001
HBEGF	<0.001	1	1	0.002	<0.001	<0.001	1	1	0.703	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
GDF2	1	<0.001	1	1	0.025	<0.001	0.047	1	<0.001	0.012	0.255	0.325	0.51	1
FABP2	1	0.242	1	0.054	1	0.096	0.004	0.102	0.001	1	0.481	1	1	1
THPO	<0.001	0.641	1	0.083	<0.001	<0.001	0.187	1	1	0.013	<0.001	<0.001	0.003	0.89
MARCO	0.017	<0.001	<0.001	<0.001	0.138	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.218	1	<0.001	0.104	<0.001
GT	1	0.371	1	1	1	1	0.013	0.159	0.026	1	1	1	1	1
MMP12	1	0.099	<0.001	<0.001	1	1	0.008	<0.001	1	0.074	1	1	1	<0.001
ACE2	0.473	1	<0.001	<0.001	1	1	0.926	0.636	1	0.002	1	0.002	0.929	0.002

PDL2	1	<0.001	0.03	0.001	1	0.009	0.023	0.001	<0.001	1	1	0.361	1	0.001
CTSL1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.443	0.001	1	<0.001
HOSCAR	1	<0.001	<0.001	0.692	1	0.329	<0.001	<0.001	0.022	0.037	1	0.033	1	<0.001
TNFRSF13B	0.619	0.007	<0.001	<0.001	1	1	0.001	<0.001	0.006	0.854	1	0.031	1	<0.001
TGM2	0.034	1	1	0.644	1	1	1	1	1	<0.001	1	0.096	1	0.003
LEP	1	0.383	0.008	1	1	1	0.065	1	1	1	1	1	1	0.737
CA5A	1	1	<0.001	1	1	1	0.409	0.022	1	0.329	1	<0.001	1	0.083
HSP27	0.03	1	1	1	0.111	1	1	1	1	1	0.623	0.227	1	1
CD4	<0.001	1	<0.001	0.092	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
NEMO	<0.001	0.919	1	1	<0.001	<0.001	0.384	1	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	1
VEGFD	1	0.005	1	0.843	0.045	<0.001	0.144	1	0.009	1	0.019	0.06	1	1
PARP1	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	0.213	1	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	1
HAOX1	1	1	0.032	1	1	1	1	1	1	1	1	0.009	0.449	1
TNFRSF14	<0.001	1	0.067	0.008	<0.001	<0.001	1	0.007	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LDL_RC	1	0.261	0.55	0.068	1	1	1	1	1	1	1	0.003	0.007	0.822
ITGB2	<0.001	0.006	1	0.33	<0.001	0.021	1	<0.001	1	1	0.001	<0.001	<0.001	0.653
IL17RA	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
TNFR2	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.002	1	0.01	<0.001	0.131	0.001	1	<0.001	0.038	<0.001
MMP9	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.256	1	1	1	1	<0.001	1	<0.001	1	<0.001
EPHB4	1	0.001	0.107	0.001	0.483	<0.001	1	0.028	<0.001	1	0.026	1	1	<0.001
IL2RA	0.847	0.237	<0.001	0.001	0.935	1	0.111	<0.001	0.648	0.054	1	0.005	0.668	<0.001
ALCAM	1	<0.001	1	0.681	0.383	0.001	0.058	0.098	<0.001	1	0.478	1	1	0.044
SELP	<0.001	1	1	0.435	<0.001	<0.001	1	1	0.044	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.457
CSTB	<0.001	1	0.141	1	<0.001	<0.001	1	0.022	0.746	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD163	1	<0.001	<0.001	0.002	0.584	1	0.004	<0.001	0.61	0.147	1	<0.001	0.407	<0.001
GRN	1	<0.001	0.017	0.011	1	0.601	0.023	0.003	0.044	1	1	0.219	1	0.012
NTPROBNP	1	0.377	1	1	1	0.069	1	0.311	0.127	0.721	1	1	0.694	1
PLC	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.012	0.019	0.005	<0.001	1	0.45	0.182	1	<0.001
LTBR	0.347	0.038	<0.001	0.014	1	1	0.263	0.1	0.238	1	1	0.069	1	0.001
NOTCH3	1	<0.001	0.276	<0.001	0.704	<0.001	0.289	0.332	<0.001	1	0.012	1	1	0.001
TIMP4	1	0.01	<0.001	0.003	1	0.284	0.116	0.234	0.078	1	1	1	1	0.018
CNTN1	1	<0.001	1	0.967	0.12	<0.001	0.079	1	0.001	1	0.249	1	1	0.435
CDH5	1	<0.001	1	0.009	0.618	<0.001	0.029	1	<0.001	1	0.072	1	1	0.01
TLT2	<0.001	0.246	1	0.485	<0.001	<0.001	1	0.017	1	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	0.013
FABP4	1	0.086	<0.001	0.384	1	1	0.118	0.245	1	1	1	1	1	0.007
TFPI	0.327	0.901	0.718	0.352	0.879	1	0.28	1	1	1	0.264	1	1	1
PAI	<0.001	1	0.16	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.658	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL24	1	1	1	0.016	1	1	1	1	1	0.312	1	1	1	1
TR	0.424	0.025	0.003	1	0.236	1	1	0.084	0.343	0.562	1	0.03	1	0.001
TNFRSF10C	1	0.006	0.189	1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	1	1	1	1
GDF15	1	0.478	<0.001	<0.001	1	0.167	1	0.003	0.535	0.001	1	0.386	1	<0.001
SELE	0.269	0.003	<0.001	0.209	1	1	1	0.335	1	0.002	1	0.001	0.897	<0.001
DLK1	1	0.01	1	0.059	1	1	0.636	1	0.008	1	1	0.405	1	0.074
MPO	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.123	0.172	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.12
CXCL16	1	0.682	0.171	0.001	0.697	0.052	0.9	1	0.013	0.679	1	1	1	0.025
IL6RA	1	1	0.018	1	1	0.041	0.002	1	0.061	1	0.527	1	0.191	1
RETN	<0.001	1	<0.001	0.402	0.004	0.073	0.77	0.031	1	<0.001	0.025	<0.001	0.01	<0.001
IGFBP1	1	1	1	1	1	0.081	1	0.82	0.316	0.367	0.705	0.295	1	1
CHIT1	0.573	1	0.139	0.847	0.219	1	1	0.071	1	1	0.4	0.097	1	1
TRAP	1	0.314	<0.001	0.007	1	1	0.935	1	0.814	1	1	0.012	1	1
GP6	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	0.949	1	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
PSPD	1	0.288	1	0.323	1	1	1	1	0.324	1	1	0.609	1	1
EPCAM	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0.884	1
APN	1	0.007	1	0.443	1	0.02	1	1	0.044	1	1	0.982	1	1
AXL	1	<0.001	0.386	0.006	1	0.001	0.071	0.001	0.002	1	0.13	0.018	1	<0.001
IL1RT1	1	<0.001	0.713	0.019	0.077	<0.001	1	0.393	<0.001	1	0.002	1	0.446	0.006
MMP2	1	<0.001	1	0.068	0.027	<0.001	1	1	0.002	1	0.002	1	1	1
FAS	0.042	0.107	0.007	0.001	1	1	0.027	0.107	0.688	1	1	<0.001	0.097	0.034
MB	1	1	1	0.002	1	1	0.84	0.076	1	1	1	0.13	1	0.044
TNFSF13B	1	<0.001	<0.001	1	1	1	0.008	<0.001	0.391	1	1	1	1	0.256
PCSK9	0.04	0.469	0.075	0.115	1	1	1	1	0.659	1	1	1	1	1
UPAR	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.271	0.537	<0.001	1	<0.001	0.009	<0.001	0.007	<0.001
OPN	1	0.014	<0.001	0.001	1	0.419	0.004	0.272	0.126	0.748	1	1	1	<0.001
PGLYRP1	0.026	0.057	<0.001	<0.001	0.473	1	0.256	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	1	<0.001
CPA1	1	0.051	0.199	0.012	1	1	1	0.859	0.007	1	1	1	1	0.498
JAMA	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	0.907	1	0.012	0.026	<0.001	<0.001	<0.001	1
GAL4	1	0.01	0.028	0.07	1	1	1	0.001	0.063	1	1	0.489	1	<0.001
IL1RT2	1	0.003	0.714	0.042	1	0.637	1	1	0.178	1	1	0.394	1	0.506
SHPS1	0.556	0.003	0.008	0.098	1	1	0.073	<0.001	0.285	1	1	0.461	0.793	0.024
CCL15	1	1	0.042	0.002	1	0.093	1	1	0.096	1	0.722	1	1	0.03

CASP3	<0.001	0.878	1	1	<0.001	<0.001	0.702	1	0.005	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	1
CPB1	1	0.022	0.09	0.001	1	1	1	0.157	0.001	1	1	1	1	0.034
CHI3L1	0.652	0.002	<0.001	<0.001	1	1	1	0.023	1	0.001	1	0.021	1	<0.001
ST2	1	1	0.04	0.566	1	1	1	1	1	0.281	1	0.39	1	0.078
TPA	1	0.246	0.011	0.238	0.741	0.059	1	1	1	1	1	0.053	0.192	1
SCGB3A2	1	1	1	1	0.057	1	1	1	1	1	1	1	1	1
EGFR	1	0.87	1	1	0.054	0.001	1	1	0.099	1	0.268	1	1	1
IGFBP7	1	<0.001	0.011	<0.001	1	0.014	0.059	0.015	0.104	1	0.145	0.043	1	<0.001
CD93	1	<0.001	1	0.002	0.079	0.003	0.027	1	0.006	1	0.243	1	1	0.39
IL18BP	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.005	0.001	<0.001	<0.001	1	0.573	0.005	1	<0.001
COL1A1	1	0.02	1	0.009	0.826	0.293	<0.001	1	0.11	1	0.265	1	1	0.558
PON3	0.005	1	0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	0.697	<0.001	0.038	0.002	0.001	0.012
CTSZ	0.377	1	<0.001	0.004	1	1	0.057	0.107	1	0.197	1	0.006	1	0.014
MMP3	1	1	0.002	0.029	1	0.37	1	1	1	0.095	0.929	1	1	0.038
RARRES2	<0.001	1	<0.001	0.034	0.001	0.067	0.052	0.025	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001
ICAM2	1	<0.001	1	0.817	1	0.752	1	1	0.006	1	1	1	1	0.001
KLK6	0.143	0.786	1	1	0.016	0.01	1	1	0.003	0.13	0.008	0.329	0.749	0.143
PDGFA	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.44	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFR1	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.013	<0.001	0.054	0.001	1	<0.001	1	<0.001
IGFBP2	0.344	0.231	1	1	0.898	0.001	0.031	0.167	0.109	0.654	0.008	1	0.416	1
VWF	1	0.065	<0.001	0.007	1	0.591	0.705	0.099	0.47	0.236	0.948	1	1	0.003
PECAM1	<0.001	1	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.022	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	1
MEPE	1	1	1	0.32	1	1	0.74	1	0.176	1	1	1	1	0.059
CCL16	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.153	0.135	1	0.57	1	0.053	1	0.085
IL8	<0.001	0.218	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
VEGFA	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.102	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD8A	0.369	<0.001	<0.001	<0.001	0.039	1	0.004	<0.001	1	0.446	1	0.001	0.022	<0.001
MCP3	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.047	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CDCP1	0.532	<0.001	<0.001	0.004	0.005	1	<0.001	<0.001	0.001	0.019	1	<0.001	0.153	<0.001
CD244	<0.001	0.934	1	0.902	<0.001	<0.001	1	0.246	0.573	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.024
IL7	<0.001	1	0.53	0.014	<0.001	<0.001	1	0.195	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
OPG	0.058	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.038	<0.001	<0.001	<0.001	0.033	1	0.001	1	<0.001
LAP_TGFB1	<0.001	0.932	0.558	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.649	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
UPA	0.045	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.002	0.284	<0.001
IL6	0.025	<0.001	<0.001	<0.001	0.082	1	<0.001	<0.001	0.373	<0.001	1	<0.001	1	<0.001
MCP1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.134	1	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	1	<0.001	0.107	<0.001
CXCL11	<0.001	0.092	0.003	0.005	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
AXIN1	<0.001	0.161	0.387	0.876	<0.001	<0.001	0.935	1	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	1
TRAIL	0.433	<0.001	<0.001	<0.001	0.475	0.046	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.061	1	0.004
CXCL9	0.03	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.691	<0.001	<0.001	0.017	0.352	1	<0.001	0.002	<0.001
CST5	0.211	<0.001	0.016	<0.001	0.14	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.065	1	0.866	<0.001
OSM	<0.001	0.84	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.244	0.015	0.619	<0.001	0.001	<0.001	0.01	<0.001
CXCL1	<0.001	0.717	0.985	0.704	<0.001	<0.001	0.145	0.509	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.718
CCL4	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.222	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD6	<0.001	0.012	0.069	0.004	<0.001	<0.001	0.073	<0.001	0.042	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005
TGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.893	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.033	<0.001	<0.001	<0.001
MCP4	<0.001	0.993	0.63	<0.001	<0.001	<0.001	0.684	0.031	0.118	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL11	<0.001	0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.375	0.003	0.241	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001
TNFSF14	<0.001	0.951	0.002	0.004	<0.001	<0.001	0.817	0.091	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MMP1	<0.001	0.226	0.248	<0.001	<0.001	<0.001	0.917	0.166	0.246	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LIFR	0.181	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.053	<0.001	0.029	0.181	<0.001
FGF21	0.1	0.004	<0.001	<0.001	0.673	0.708	0.085	0.021	0.299	0.129	0.268	0.036	0.079	<0.001
CCL19	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.276	0.002	<0.001	0.01	<0.001	0.051	<0.001	0.037	<0.001
IL15RA	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	0.025	0.161	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	0.297	<0.001	0.003	<0.001
IL10RB	0.367	<0.001	<0.001	<0.001	0.119	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.009	<0.001	0.793	<0.001
IL18R1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.279	<0.001	<0.001	0.043	<0.001	0.047	<0.001	<0.001	<0.001
PDL1	<0.001	0.02	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.52	<0.001	0.537	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CXCL5	<0.001	0.547	0.755	0.131	<0.001	<0.001	0.845	0.164	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.038
TRANCE	0.034	0.004	0.001	<0.001	0.072	0.923	<0.001	<0.001	<0.001	0.337	0.974	<0.001	<0.001	<0.001
HGF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.316	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL12B	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.071	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.594	<0.001	0.101	<0.001
MMP10	0.041	<0.001	<0.001	<0.001	0.404	0.116	<0.001	<0.001	0.022	<0.001	0.697	0.01	0.175	<0.001
IL10	0.716	<0.001	<0.001	<0.001	0.248	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	0.637	<0.001
TNF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.559	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.095	<0.001	<0.001	<0.001
CCL23	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.788	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	0.088	<0.001
CD5	<0.001	0.188	0.128	0.19	<0.001	<0.001	0.506	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.092	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
FLT3L	0.035	<0.001	0.027	<0.001	0.131	0.231	0.007	<0.001	<0.001	0.556	0.47	0.002	<0.001	<0.001
CXCL6	<0.001	0.227	0.597	0.002	<0.001	<0.001	0.768	0.099	0.031	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CXCL10	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.109	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

4EBP1	<0.001	0.588	0.513	0.325	<0.001	<0.001	0.152	0.397	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003
SIRT2	<0.001	0.477	0.554	0.941	<0.001	<0.001	0.077	0.803	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.147
CCL28	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.002	0.295	0.001	<0.001	0.005	0.002	<0.001	<0.001	<0.001
DNER	0.99	<0.001	0.433	<0.001	0.034	0.001	<0.001	0.168	<0.001	0.928	0.076	0.343	0.778	0.025
ENRAGE	<0.001	0.942	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	0.007	0.001	0.933	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD40	<0.001	0.87	0.733	0.36	<0.001	<0.001	0.465	0.167	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.045
IFNG	0.251	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.446	<0.001	<0.001	0.229	0.425	0.906	<0.001	0.005	0.001
FGF19	0.336	<0.001	0.047	0.002	0.875	0.046	0.159	0.027	0.01	0.037	0.261	0.15	0.459	<0.001
MCP2	<0.001	0.252	0.051	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.002	0.897	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CASP8	<0.001	0.919	0.418	0.242	<0.001	<0.001	0.367	0.138	0.011	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL25	0.948	<0.001	<0.001	0.001	0.845	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.835	0.336	0.239	0.166	<0.001
CX3CL1	0.343	<0.001	0.002	<0.001	0.605	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.514	0.06	0.003	0.301	<0.001
TNFRSF9	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.51	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.514	<0.001	<0.001	<0.001
NT3	<0.001	<0.001	0.156	<0.001	0.262	0.143	<0.001	0.542	0.028	0.041	0.088	0.054	0.006	0.001
TWEAK	<0.001	<0.001	0.815	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL20	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	0.435	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ST1A1	<0.001	0.035	0.197	0.416	<0.001	<0.001	0.015	0.979	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.447
STAMBP	<0.001	0.32	0.422	0.836	<0.001	<0.001	0.072	0.958	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.402
ADA	<0.001	0.099	0.152	0.442	<0.001	<0.001	0.407	0.015	0.039	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFB	0.196	<0.001	0.045	0.006	0.123	0.018	<0.001	<0.001	0.011	0.999	0.731	<0.001	0.001	<0.001
CSF1	0.022	<0.001	<0.001	<0.001	0.154	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.266	<0.001	0.918	<0.001
Age	0.008	0.039	<0.001	0.006	<0.001	0.094	0.362	<0.001	0.001	0.089	0.015	<0.001	0.16	0.001
Body mass index	0.004	0.857	<0.001	0.036	0.08	0.06	0.034	0.071	0.021	<0.001	0.057	<0.001	0.033	0.053
Waist circumference	0.029	0.485	<0.001	<0.001	0.041	0.023	0.118	0.063	0.028	0.001	0.196	<0.001	0.01	0.109
Educational attainment	0.177	0.13	0.098	0.34	0.377	0.781	0.073	0.535	0.071	0.089	0.159	0.572	0.948	0.165
Alcohol consumption	0.722	0.226	0.067	0.016	0.802	0.577	<0.001	0.998	0.763	0.613	0.776	0.268	0.243	0.751
Systolic blood pressure	0.033	0.441	0.008	0.041	0.013	0.143	0.788	0.166	0.291	<0.001	0.357	<0.001	0.354	0.001
Diastolic blood pressure	0.07	0.063	0.211	0.091	0.109	0.12	0.464	0.284	0.015	0.02	0.57	0.001	0.574	0.436
Hemoglobin A1c	0.156	0.68	0.001	0.599	0.105	0.874	0.22	0.024	0.263	0.06	0.448	0.021	0.389	0.005
Duration of known diabetes	0.026	0.106	0.022	0.007	0.089	0.877	0.757	0.875	0.296	0.021	0.413	0.049	0.145	0.023
High-density lipoprotein	0.029	0.323	0.001	0.186	0.001	0.002	0.549	0.324	0.002	0.006	0.074	<0.001	<0.001	0.259
Low-density lipoprotein	0.748	0.797	0.566	0.282	0.644	0.11	0.019	0.208	0.296	0.669	0.021	0.548	0.049	0.079
Triglycerides	0.004	0.485	<0.001	<0.001	0.212	0.055	0.401	0.123	0.974	<0.001	0.031	<0.001	<0.001	<0.001
Albumin	0.266	0.104	0.02	0.792	0.154	0.022	0.72	0.955	0.14	0.023	0.154	0.131	0.01	0.09
Fibrinogen	0.181	0.041	<0.001	0.037	0.008	0.416	<0.001	<0.001	0.121	<0.001	0.275	0.032	0.728	0.001
C-reactive protein	0.001	0.683	<0.001	0.03	0.002	0.338	0.071	<0.001	0.513	<0.001	0.037	0.001	0.511	<0.001
Serum amyloid A	0.458	0.408	<0.001	0.825	0.451	0.193	0.083	0.001	0.183	<0.001	0.709	0.601	0.777	<0.001
Leucocyte count	0.121	0.054	0.028	0.487	0.044	0.002	0.09	0.189	<0.001	0.004	0.08	0.038	0.062	0.956
Serum adiponectin	0.003	0.01	<0.001	0.726	0.279	0.027	0.416	0.611	0.002	<0.001	0.096	0.105	0.247	<0.001
Uric acid	0.058	0.511	<0.001	0.001	0.079	0.041	0.155	0.045	0.844	<0.001	0.136	<0.001	0.086	<0.001
Creatinine	0.369	0.361	0.005	0.02	0.177	0.458	0.942	0.037	0.288	0.084	0.66	0.002	0.878	<0.001
Rényi4, baseline	0.673	0.089	0.013	0.42	0.621	0.401	0.063	0.141	0.237	0.245	0.738	0.35	0.407	0.265
TP, baseline	0.892	0.193	0.025	0.411	0.759	0.785	0.023	0.481	0.524	0.143	0.75	0.621	0.478	0.66
SDWS, baseline	0.146	0.386	0.047	0.835	0.934	0.316	0.029	0.374	0.878	0.039	0.714	0.959	0.468	0.694
SDSA, baseline	0.954	0.05	0.135	0.334	0.5	0.213	0.005	0.053	0.246	0.167	0.808	0.283	0.742	0.351
CE, baseline	0.762	0.038	0.031	0.257	0.242	0.508	0.024	0.016	0.384	0.185	0.705	0.248	0.626	0.09
Rényi4, follow-up	0.611	0.12	0.577	0.396	0.312	0.931	0.083	0.054	0.213	0.168	0.188	0.087	0.487	0.69
TP, follow-up	0.216	0.035	0.609	0.712	0.336	0.912	0.058	0.194	0.204	0.443	0.111	0.086	0.62	0.724
SDWS, follow-up	0.691	0.886	0.656	0.626	0.859	0.707	0.215	0.504	0.927	0.127	0.493	0.756	0.658	0.162
SDSA, follow-up	0.815	0.046	0.682	0.488	0.87	0.533	0.12	0.254	0.067	0.106	0.866	0.099	0.625	0.689
CE, follow-up	0.961	0.053	0.338	0.395	0.995	0.684	0.042	0.029	0.081	0.066	0.93	0.116	0.5	0.775

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	MCP4	CCL11	TNFSF1	MMP1	LIFR	FGF21	CCL19	IL15RA	IL10RB	IL18R1	PDL1	CXCL5	TRAC1
BMP6	0.6	0.3	0.7	0.5	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.6	0.6	<0.1
ANGPT1	0.8	0.4	0.6	0.7	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.5	0.6	0.1
ADM	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.4	0.1	0.3	0.4	0.1	-0.1	-0.2	0.3
CD40L	0.8	0.3	0.8	0.6	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.6	0.8	<0.1
PGF	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.4	0.5	0.1	0.1	-0.1	0.2
ADAMTS13	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1
BOC	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	-0.1	-0.2	0.2
IL4RA	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.4	0.1	<0.1	0.3	0.4	0.1	-0.1	-0.2	0.2
SRC	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1
IL1RA	0.5	0.2	0.7	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.4	0.5	0.5	<0.1
TNFRSF10A	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1
STK4	0.5	0.2	0.6	0.4	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.4	0.6	<0.1
IDUA	0.4	0.2	0.4	0.3	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.4	0.4	-0.1
TNFRSF11A	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.4	0.4	0.2	0.1	<0.1	0.2
PAR1	0.7	0.2	0.7	0.5	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.6	0.7	<0.1
TRAILR2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1
PRSS27	0.4	0.2	0.2	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1
TIE2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.5	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	-0.1	0.1
TF	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.4	0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	<0.1	-0.1	0.2
IL1RL2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.1
PDGFB	0.8	0.4	0.7	0.7	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.6	0.7	0.1
IL27	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.2	0.1
IL17D	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.2
LOX1	0.3	0.3	0.4	0.4	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1
GAL9	0.4	0.2	0.6	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	0.5	0.4	0.1
GIF	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
SCF	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1
IL18	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1
PLGR	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.3	<0.1	-0.1	-0.1	0.1
RAGE	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.2
SOD2	0.4	0.2	0.5	0.4	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.1
CTRC	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
FGF23	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	-0.1	-0.1	0.2
SPON2	-0.2	<0.1	-0.2	-0.1	0.4	0.3	0.1	0.3	0.5	0.1	-0.2	-0.2	0.2
GH	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
FS	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	-0.1	-0.1	<0.1
GLO1	0.7	0.2	0.7	0.5	-0.4	<0.1	<0.1	-0.1	-0.3	0.1	0.6	0.7	<0.1
CD84	0.8	0.3	0.8	0.6	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.6	0.7	0.1
SERPINA12	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1
REN	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1
DECR1	0.6	0.2	0.7	0.5	-0.4	<0.1	<0.1	-0.1	-0.3	0.1	0.6	0.7	<0.1
MERTK	-0.2	-0.1	-0.2	-0.1	0.4	0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.2	-0.2	0.1
KIM1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
THBS2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	<0.1	-0.1	0.1
TM	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.4	0.5	0.2	0.2	0.1	0.3
VSIG2	-0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.4	0.1	-0.1	-0.1	0.1
AMBP	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.5	0.2	<0.1	-0.1	0.3
PRELP	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.4	0.3	0.2	0.2	0.4	0.1	<0.1	<0.1	0.2
HO1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
XCL1	0.2	0.4	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2
IL16	0.6	0.2	0.8	0.4	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.6	0.7	<0.1
SORT1	0.7	0.4	0.7	0.6	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.6	0.6	0.1
CEACAM8	0.3	0.2	0.4	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1
PTX3	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	<0.1
PSGL1	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1
CCL17	0.7	0.4	0.6	0.5	-0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.5	0.6	0.1
MMP7	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1
IGGFC	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
ITGB1BP2	0.7	0.2	0.8	0.5	-0.3	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.6	0.7	<0.1
DCN	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.5	0.2	0.1	0.3	0.4	0.1	<0.1	-0.1	0.2
DKK1	0.8	0.4	0.7	0.7	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.6	0.7	0.1
LPL	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1
PRSS8	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1
AGRP	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2
HBEGF	0.8	0.4	0.7	0.6	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.6	0.7	0.1

GDF2	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.1
FABP2	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
THPO	0.5	0.2	0.4	0.5	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.5	0.1
MARCO	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.4	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.3
GT	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
MMP12	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
ACE2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	<0.1
PDL2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.5	0.1	0.1	0.4	0.4	0.1	0.1	-0.1	0.2
CTSL1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.4	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	-0.1	0.1
HOSCAR	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.4	0.2	0.1	-0.1	0.1
TNFRSF13B	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.3
TGM2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1
LEP	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.2
CA5A	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	<0.1
HSP27	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2	0.1
CD4	0.4	0.2	0.6	0.3	-0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.5	0.5	0.2
NEMO	0.6	0.2	0.7	0.5	-0.4	<0.1	<0.1	-0.1	-0.3	<0.1	0.6	0.7	<0.1
VEGFD	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1
PARP1	0.6	0.1	0.8	0.3	-0.3	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.6	0.7	<0.1
HAOX1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1
TNFRSF14	0.6	0.3	0.6	0.4	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.6	0.5	0.1
LDL_RC	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2
ITGB2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.1
IL17RA	0.3	0.2	0.3	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.4	0.3	<0.1
TNFR2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.5	0.4	0.3	0.3	0.1	0.2
MMP9	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1
EPHB4	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.4	0.5	0.1	0.1	-0.1	0.2
IL2RA	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.3
ALCAM	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	-0.1	-0.1	0.1
SELP	0.7	0.3	0.7	0.5	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.6	0.7	<0.1
CSTB	0.6	0.2	0.7	0.4	-0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.6	0.6	0.1
CD163	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2
GRN	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1
NTPROBNP	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1
PLC	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.3	0.4	0.2	<0.1	-0.1	0.3
LTBR	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.4	0.2	0.2	0.1	0.2
NOTCH3	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	-0.1	-0.1	0.2
TIMP4	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.1
CNTN1	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.2	<0.1	0.2
CDH5	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.4	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.1
TLT2	0.4	0.2	0.4	0.3	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.5	0.4	0.2
FABP4	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.2
TFPI	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
PAI	0.7	0.4	0.6	0.6	-0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.5	0.6	0.2
CCL24	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
TR	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
TNFRSF10C	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
GDF15	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	-0.1	<0.1
SELE	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1
DLK1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.1
MPO	0.4	0.2	0.5	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.4	0.4	0.1
CXCL16	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.1
IL6RA	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1
RETN	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1
IGFBP1	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1
CHIT1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
TRAP	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2
GP6	0.7	0.3	0.8	0.5	-0.3	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.6	0.8	<0.1
PSPD	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1
EPCAM	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1
APN	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1
AXL	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.4	0.1	0.1	0.4	0.4	0.2	<0.1	-0.2	0.2
IL1RT1	-0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.4	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	-0.2	0.1
MMP2	-0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.1
FAS	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2
MB	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1
TNFSF13B	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1
PCSK9	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1
UPAR	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1
OPN	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	-0.1	0.2

PGLYRP1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1
CPA1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
JAMA	0.6	0.2	0.7	0.4	-0.3	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.6	0.7	<0.1
GAL4	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1
IL1RT2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1
SHPS1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1
CCL15	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.1
CASP3	0.7	0.2	0.7	0.5	-0.3	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.6	0.7	<0.1
CPB1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
CHI3L1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	-0.1	-0.1
ST2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	-0.1	<0.1
TPA	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1
SCGB3A2	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
EGFR	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.1
IGFBP7	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	<0.1	-0.1	0.2
CD93	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	<0.1	-0.1	0.2
IL18BP	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.5	0.4	0.3	0.2	-0.1	0.2
COL1A1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	0.2
PON3	-0.1	<0.1	-0.3	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1
CTSZ	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1
MMP3	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	-0.2	<0.1
RARRES2	0.3	0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2
ICAM2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.4	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1
KLK6	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	-0.2	0.1
PDGFA	0.8	0.4	0.6	0.7	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.5	0.7	0.1
TNFR1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.4	0.4	0.3	0.2	<0.1	0.2
IGFBP2	-0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1
VWF	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1
PECAM1	0.6	0.3	0.7	0.4	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.6	0.6	<0.1
MEPE	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	-0.1	0.2
CCL16	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.2
IL8	0.6	0.4	0.6	0.5	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	0.5	0.5	0.1
VEGFA	0.5	0.4	0.5	0.5	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.5	0.4	0.2
CD8A	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.1
MCP3	0.4	0.5	0.4	0.3	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.4	0.3	0.2
CDCP1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.1
CD244	0.7	0.3	0.8	0.4	-0.2	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.2	0.7	0.7	0.1
IL7	0.7	0.3	0.6	0.6	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.6	0.7	0.1
OPG	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.5	0.2	0.3	0.3	0.4	0.3	0.1	<0.1	-0.1
LAP_TGFB1	0.8	0.4	0.8	0.7	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.7	0.7	0.1
UPA	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.5	0.1	0.2	0.4	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.1
IL6	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.2
MCP1	0.3	0.4	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2
CXCL11	0.7	0.4	0.7	0.5	-0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.7	0.7	0.1
AXIN1	0.7	0.2	0.8	0.5	-0.4	<0.1	0.1	-0.1	-0.3	0.1	0.6	0.7	<0.1
TRAIL	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.5
CXCL9	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.4	0.3	0.2	0.3	0.1	0.2
CST5	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	<0.1	-0.1	0.2
OSM	0.3	0.3	0.4	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	<0.1
CXCL1	0.7	0.2	0.8	0.5	-0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.6	0.8	<0.1
CCL4	0.5	0.4	0.6	0.4	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.6	0.4	0.2
CD6	0.5	0.2	0.7	0.3	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.5	0.5	0.2
TGFA	0.2	0.3	0.2	0.2	0.4	0.2	0.3	0.4	0.4	0.3	0.3	0.1	0.2
MCP4	1	0.5	0.7	0.6	-0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.6	0.7	0.1
CCL11	0.5	1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.3	0.3	<0.1
TNFSF14	0.7	0.3	1	0.5	-0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.7	0.7	0.1
MMP1	0.6	0.3	0.5	1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.5	<0.1
LIFR	-0.1	0.1	-0.2	-0.1	1	0.2	0.2	0.4	0.5	0.3	-0.1	-0.2	0.2
FGF21	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	1	0.2	0.1	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.1
CCL19	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2
IL15RA	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.2	1	0.4	0.3	0.3	<0.1	0.3
IL10RB	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.5	0.3	0.2	0.4	1	0.3	0.1	-0.1	0.2
IL18R1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	1	0.3	0.1	0.2
PDL1	0.6	0.3	0.7	0.5	-0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	1	0.5	0.1
CXCL5	0.7	0.3	0.7	0.5	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.5	1	0.1
TRANCE	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	1
HGF	0.5	0.5	0.6	0.4	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.4	0.5	0.4	0.1
IL12B	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.3	0.3	0.4	0.2	0.2	<0.1	0.3
MMP10	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1
IL10	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	-0.1	0.2

TNF	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.4	0.5	0.4	0.3	0.3	0.1	0.3
CCL23	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2
CD5	0.5	0.2	0.7	0.3	-0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.6	0.6	0.2
CCL3	0.4	0.3	0.5	0.3	0.1	0.2	0.3	0.4	0.3	0.4	0.6	0.4	0.3
FLT3L	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	0.1	0.1	0.1
CXCL6	0.8	0.3	0.7	0.5	-0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.7	0.8	0.1
CXCL10	0.4	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.4	0.3	0.2
4EBP1	0.7	0.3	0.8	0.5	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.7	0.8	<0.1
SIRT2	0.7	0.2	0.8	0.5	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.7	0.8	<0.1
CCL28	0.3	0.4	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1
DNER	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.4	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1	0.1
ENRAGE	0.4	0.2	0.5	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.4	0.3	0.1
CD40	0.7	0.2	0.8	0.5	-0.3	-0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.7	0.7	<0.1
IFNG	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.2
FGF19	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MCP2	0.6	0.4	0.5	0.4	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.5	0.5	0.1
CASP8	0.7	0.2	0.8	0.4	-0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.7	0.7	<0.1
CCL25	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.4	0.2	0.1	0.3	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.1
CX3CL1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.5	0.1	0.2	0.5	0.5	0.1	0.2	-0.1	0.2
TNFRSF9	0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.6	0.5	0.3	0.3	0.1	0.4
NT3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
TWEAK	0.4	0.3	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.3
CCL20	0.3	0.4	0.3	0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1
ST1A1	0.7	0.2	0.8	0.4	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.6	0.7	<0.1
STAMBP	0.7	0.2	0.8	0.5	-0.3	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.7	0.8	<0.1
ADA	0.6	0.2	0.7	0.4	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.6	0.7	0.1
TNFB	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.1	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2
CSF1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.5	0.1	0.2	0.4	0.5	0.4	0.1	<0.1	0.2
Age	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1
Body mass ind	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1
Waist circumfe	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1
Educational att	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
Alcohol consur	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1
Systolic blood	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1
Diastolic blood	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
Hemoglobin A	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
Duration of kn	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1
High-density li	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	<0.1	<0.1
Low-density lip	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
Triglycerides	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.4	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2
Albumin	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
Fibrinogen	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
C-reactive prot	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1
Serum amyloid	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1
Leucocyte cour	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.1
Serum adipone	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
Uric acid	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1
Creatinine	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1
Rényi4, baselin	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TP, baseline	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDWS, baselin	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDSA,baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CE, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Rényi4, follow-	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
TP, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDWS, follow-	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDSA, follow-u	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CE, follow-up	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	MCP4	CCL11	TNFSF1	MMP1	LIFR	FGF21	CCL19	IL15RA	IL10RB	IL18R1	PDL1	CXCL5	TRAC1
BMP6	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.243	1	1	0.096	<0.001	<0.001	1
ANGPT1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.242	1	1	1	1	1	<0.001	<0.001	1

ADM	0.864	1	1	1	<0.001	<0.001	0.109	<0.001	<0.001	0.734	1	0.017	<0.001
CD40L	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	0.008	1	<0.001	<0.001	1
PGF	1	1	1	1	<0.001	0.098	0.045	<0.001	<0.001	0.184	0.647	0.581	<0.001
ADAMTS13	1	1	1	0.714	<0.001	1	1	0.594	0.259	0.23	1	1	1
BOC	1	1	0.074	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.738	0.054	<0.001
IL4RA	1	1	0.136	1	<0.001	0.076	1	<0.001	<0.001	0.2	1	0.011	0.04
SRC	<0.001	0.443	<0.001	0.008	1	1	1	1	1	1	1	<0.001	1
IL1RA	<0.001	0.017	<0.001	<0.001	1	0.182	0.012	0.271	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
TNFRSF10A	<0.001	0.02	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
STK4	<0.001	0.056	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	0.009	1	<0.001	<0.001	1
IDUA	<0.001	0.029	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1	0.97	<0.001	<0.001	1
TNFRSF11A	0.679	0.018	1	0.006	<0.001	0.001	0.009	<0.001	<0.001	0.015	1	1	0.01
PAR1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	0.053	1	<0.001	<0.001	1
TRAILR2	0.035	0.028	<0.001	0.294	0.051	0.003	0.106	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.949	1
PRSS27	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	0.916	0.012	1	<0.001	<0.001	1
TIE2	0.174	1	0.46	1	<0.001	0.158	1	0.005	<0.001	0.432	1	0.099	1
TF	1	1	1	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.36	0.031
IL1RL2	1	1	1	1	0.002	0.078	1	0.046	0.051	<0.001	1	1	0.307
PDGFB	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.021	1	0.755	1	1	0.527	<0.001	<0.001	1
IL27	1	1	0.406	1	<0.001	1	0.012	0.001	<0.001	1	1	0.013	1
IL17D	0.434	0.003	1	0.392	<0.001	1	1	0.002	<0.001	1	1	1	0.054
LOX1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.617	1	0.563	0.048	0.605	<0.001	<0.001	<0.001	1
GAL9	<0.001	0.04	<0.001	<0.001	1	0.881	<0.001	<0.001	0.413	<0.001	<0.001	<0.001	0.127
GIF	1	1	1	1	0.069	0.054	1	1	0.14	1	1	1	0.278
SCF	1	1	0.044	1	0.277	0.041	1	1	0.206	1	0.251	0.578	0.227
IL18	<0.001	0.001	<0.001	0.021	0.067	0.496	0.005	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	1	0.354
PLGR	1	1	0.228	1	0.003	0.002	1	0.064	<0.001	1	0.685	1	0.332
RAGE	0.07	0.702	0.002	1	0.001	1	1	0.429	<0.001	1	0.002	0.293	0.007
SOD2	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	1	0.265	0.148	1	1	0.863	<0.001	<0.001	0.369
CTRC	0.295	0.007	1	0.213	0.009	1	1	1	1	1	1	1	1
FGF23	0.667	1	0.63	1	0.006	0.004	1	0.082	<0.001	1	1	0.241	0.005
SPON2	0.003	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.081	<0.001	<0.001	0.094	0.029	<0.001	<0.001
GH	0.111	0.039	1	0.555	1	0.39	1	0.774	1	1	0.293	1	1
FS	1	1	1	1	0.019	0.054	1	1	<0.001	0.168	1	0.452	1
GLO1	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
CD84	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.843	1	1	0.844	<0.001	<0.001	0.667
SERPINA12	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
REN	1	1	1	1	0.487	0.041	0.028	0.537	0.197	0.108	0.045	1	1
DECR1	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
MERTK	0.001	0.907	0.001	1	<0.001	0.747	1	0.162	<0.001	1	0.061	0.001	1
KIM1	1	1	1	1	<0.001	0.001	1	0.745	<0.001	0.517	1	1	1
THBS2	1	1	1	1	<0.001	<0.001	0.035	0.004	<0.001	<0.001	1	1	1
TM	0.011	0.676	0.017	0.068	<0.001	0.202	0.338	<0.001	<0.001	0.041	<0.001	1	<0.001
VSIG2	1	0.005	0.833	1	<0.001	<0.001	1	0.003	<0.001	1	1	1	0.422
AMBP	1	1	1	1	<0.001	<0.001	0.168	0.009	<0.001	0.019	1	0.879	<0.001
PRELP	1	0.045	1	1	<0.001	<0.001	0.049	0.001	<0.001	0.115	1	1	0.047
HO1	0.103	1	0.001	0.776	0.158	0.117	1	0.005	0.554	0.081	<0.001	1	1
XC1L1	<0.001	<0.001	<0.001	0.592	0.016	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.139	0.061
IL16	<0.001	0.034	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	0.028	0.054	<0.001	<0.001	1
SORT1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.056	0.088	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
CEACAM8	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.409	0.021	0.013	0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.002	1
PTX3	1	1	1	1	0.001	1	1	1	0.03	1	1	0.207	1
PSGL1	0.001	1	<0.001	0.153	1	<0.001	1	1	1	0.003	<0.001	0.001	1
CCL17	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	1	0.347	1	1	1	<0.001	<0.001	1
MMP7	1	0.323	1	1	0.001	<0.001	0.007	1	<0.001	1	1	1	1
IGGFC	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0.491	1	1	0.725
ITGB1BP2	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
DCN	1	1	1	1	<0.001	0.059	1	<0.001	<0.001	0.121	1	1	0.004
DDK1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.019	1	1	1	1	0.427	<0.001	<0.001	1
LPL	1	1	0.022	1	0.029	0.078	1	1	1	1	<0.001	1	1
PRSS8	1	0.038	1	0.096	0.007	<0.001	0.438	0.009	<0.001	0.111	0.776	1	0.533
AGRP	0.427	0.483	1	0.899	<0.001	<0.001	0.145	<0.001	<0.001	1	1	1	0.004
HBEGF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.146	1	1	1	1	0.242	<0.001	<0.001	1
GDF2	1	1	0.028	1	<0.001	1	1	1	0.396	1	0.002	1	1
FABP2	1	1	1	1	0.019	1	1	0.007	0.001	1	1	0.318	1
THPO	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1	1	<0.001	<0.001	1
MARCO	0.349	0.02	0.833	1	<0.001	0.218	0.004	<0.001	<0.001	<0.001	0.133	1	<0.001
GT	1	1	1	1	0.302	0.315	1	0.283	0.011	1	1	1	0.306
MMP12	1	<0.001	1	1	0.43	0.057	0.003	0.003	0.004	0.095	0.987	1	0.102
ACE2	1	0.088	0.8	1	<0.001	<0.001	0.05	0.022	0.002	<0.001	0.915	1	1

PDL2	1	1	1	1	<0.001	1	0.115	<0.001	<0.001	0.76	1	1	0.014
CTSL1	1	1	1	1	<0.001	0.047	0.136	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.139
HOSCAR	1	1	1	1	<0.001	0.122	0.994	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.623
TNFRSF13B	1	0.001	1	1	0.001	0.062	0.018	<0.001	<0.001	0.058	0.023	1	<0.001
TGM2	1	1	0.46	0.339	1	0.416	1	1	0.015	0.152	0.252	1	1
LEP	1	0.313	1	1	0.005	0.008	1	1	0.017	<0.001	0.925	1	0.037
CA5A	1	1	1	1	1	<0.001	0.989	0.005	0.062	<0.001	0.246	1	1
HSP27	0.172	1	0.241	1	1	1	1	1	1	1	0.046	0.068	1
CD4	<0.001	0.013	<0.001	<0.001	1	0.004	0.096	0.006	1	0.001	<0.001	<0.001	0.011
NEMO	<0.001	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.843	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
VEGFD	0.308	1	0.023	1	<0.001	1	1	1	0.121	1	0.169	0.186	0.58
PARP1	<0.001	0.148	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	0.79	<0.001	<0.001	1
HAOX1	1	1	0.566	1	0.245	<0.001	1	0.175	1	<0.001	0.73	1	1
TNFRSF14	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.006	<0.001	1	0.016	<0.001	<0.001	0.129
LDL_RC	1	1	1	1	<0.001	<0.001	0.131	1	0.001	<0.001	1	1	0.001
ITGB2	<0.001	0.049	<0.001	0.223	1	1	1	0.018	1	0.019	<0.001	<0.001	0.703
IL17RA	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1	1	<0.001	<0.001	1
TNFR2	0.064	0.137	0.05	0.012	0.003	0.147	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.808	<0.001
MMP9	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.429	1	0.036	0.727	0.086	<0.001	0.011	1	1
EPHB4	1	1	0.074	1	<0.001	1	0.213	<0.001	<0.001	0.084	1	0.079	0.003
IL2RA	1	0.058	1	0.964	0.69	0.899	<0.001	<0.001	<0.001	0.134	0.002	1	<0.001
ALCAM	1	1	0.543	1	<0.001	1	0.476	0.001	<0.001	0.005	1	1	0.098
SELP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.886	1	0.031	1	<0.001	<0.001	1
CSTB	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.056	1	0.473	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1
CD163	1	0.13	1	1	<0.001	0.189	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.138	1	0.055
GRN	1	1	1	1	<0.001	0.462	0.082	0.002	0.002	<0.001	1	1	0.152
NTPROBNP	1	1	0.01	1	0.046	1	1	0.629	1	1	0.69	1	0.705
PLC	1	1	1	1	<0.001	0.004	0.105	<0.001	<0.001	0.009	1	1	<0.001
LTBR	1	1	1	0.566	0.101	0.176	0.131	<0.001	<0.001	0.025	0.019	1	0.03
NOTCH3	1	0.335	0.052	1	<0.001	1	0.412	<0.001	<0.001	0.067	1	0.467	0.03
TIMP4	1	1	1	1	<0.001	<0.001	0.681	0.091	0.012	1	1	1	0.333
CNTN1	1	1	0.038	1	<0.001	1	1	1	0.006	0.477	0.021	1	0.039
CDH5	1	1	0.095	1	<0.001	1	0.489	<0.001	<0.001	0.004	1	0.438	0.6
TLT2	<0.001	0.053	<0.001	<0.001	1	1	0.473	<0.001	0.104	0.013	<0.001	<0.001	0.001
FABP4	1	1	1	1	<0.001	<0.001	0.175	1	<0.001	0.008	0.571	1	0.017
TFPI	0.066	0.268	1	1	1	0.016	0.112	1	1	1	1	0.234	0.206
PAI	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.293	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.029
CCL24	0.209	<0.001	1	0.901	1	1	1	1	1	1	1	1	1
TR	0.512	0.015	0.761	0.238	0.005	1	0.589	1	0.191	0.003	1	1	1
TNFRSF10C	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0.784
GDF15	1	0.002	1	1	0.03	<0.001	0.006	<0.001	<0.001	0.012	0.315	1	1
SELE	1	1	1	1	<0.001	0.002	0.007	0.002	<0.001	<0.001	0.34	1	1
DLK1	1	1	1	1	0.127	0.086	1	0.031	<0.001	0.534	1	1	0.33
MPO	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.685	1	1	0.008	<0.001	<0.001	1
CXCL16	1	1	1	1	<0.001	0.004	1	1	<0.001	0.257	1	1	0.862
IL6RA	1	1	1	1	0.052	1	0.929	0.838	0.785	1	1	0.222	0.777
RETN	0.01	0.504	0.001	0.02	1	1	0.821	0.071	0.44	0.001	<0.001	0.066	0.201
IGFBP1	1	1	0.002	1	1	1	1	0.412	1	0.004	0.703	1	1
CHIT1	0.221	1	0.39	0.178	1	1	0.342	1	0.755	1	0.038	0.998	1
TRAP	1	1	1	1	0.08	0.001	0.037	0.356	0.065	0.01	0.299	1	0.022
GP6	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	0.002	1	<0.001	<0.001	1
PSPD	1	0.266	1	1	0.733	1	0.153	0.443	0.004	1	1	1	1
EPCAM	0.794	1	1	1	0.021	1	1	1	1	1	0.334	1	1
APN	1	1	1	1	<0.001	0.832	1	1	0.889	0.029	1	1	1
AXL	1	1	0.435	1	<0.001	1	0.721	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.034	0.022
IL1RT1	0.127	1	<0.001	1	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.048	1
MMP2	1	1	0.011	1	<0.001	1	1	0.25	<0.001	0.579	0.562	0.248	0.18
FAS	0.378	0.468	0.12	0.349	1	0.334	0.592	<0.001	<0.001	0.01	0.002	1	0.056
MB	1	1	1	0.703	1	1	1	<0.001	0.001	0.523	0.208	1	0.196
TNFSF13B	1	1	1	1	0.011	1	0.03	0.015	0.051	0.001	1	1	0.285
PCSK9	1	1	1	1	0.023	<0.001	0.814	1	0.455	0.026	1	1	1
UPAR	<0.001	<0.001	<0.001	0.018	0.589	0.191	0.011	0.001	0.031	<0.001	<0.001	0.005	1
OPN	1	0.834	1	1	<0.001	1	0.054	<0.001	<0.001	0.408	1	1	0.056
PGLYRP1	0.369	0.173	0.121	0.246	0.228	1	0.101	0.003	0.006	<0.001	0.029	1	0.502
CPA1	1	1	1	1	<0.001	<0.001	0.223	0.222	0.149	1	1	1	1
JAMA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
GAL4	1	0.913	1	1	<0.001	<0.001	0.052	0.004	0.004	0.014	1	1	1
IL1RT2	1	1	1	1	<0.001	0.001	1	1	0.001	0.009	1	0.438	1
SHPS1	1	1	1	1	0.013	1	0.13	<0.001	0.001	0.002	0.023	1	0.101
CCL15	1	1	1	1	0.557	0.012	1	0.015	<0.001	0.036	1	1	0.53

[illegible]

4EBP1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.365	0.049	0.804	0.004	0.009	<0.001	<0.001	0.37
SIRT2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.991	0.163	0.487	<0.001	0.166	<0.001	<0.001	0.658
CCL28	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.993	<0.001	<0.001	0.019	0.007	<0.001	<0.001	0.464
DNER	0.546	0.003	0.143	0.952	<0.001	0.175	0.49	0.112	<0.001	0.161	0.234	0.307	0.03
ENRAGE	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.935	0.974	0.019	0.001	0.751	<0.001	<0.001	<0.001	0.027
CD40	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.243	0.056	0.483	0.002	0.031	<0.001	<0.001	0.345
IFNG	0.595	0.091	0.101	0.468	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.743	<0.001
FGF19	0.661	0.018	0.623	0.871	<0.001	<0.001	0.315	<0.001	<0.001	0.515	0.382	0.402	0.681
MCP2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.499	0.366	<0.001	0.018	0.185	<0.001	<0.001	<0.001	0.009
CASP8	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.563	0.18	0.092	0.115	0.003	<0.001	<0.001	0.344
CCL25	0.834	0.006	0.097	0.55	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	0.854	0.57	0.047
CX3CL1	0.919	0.009	0.086	0.487	<0.001	0.045	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	0.001	0.03	<0.001
TNFRSF9	0.019	<0.001	0.039	0.212	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.136	<0.001
NT3	0.046	<0.001	0.009	0.09	<0.001	0.219	<0.001	0.102	<0.001	0.002	0.011	0.054	0.03
TWEAK	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007	0.103	<0.001	0.002	0.145	<0.001	<0.001	<0.001
CCL20	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	0.024	0.016	<0.001	0.005	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.809
ST1A1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.428	0.158	0.446	<0.001	0.92	<0.001	<0.001	0.56
STAMBP	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.578	0.269	0.369	<0.001	0.133	<0.001	<0.001	0.838
ADA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	0.94	0.059	0.018	0.34	0.004	<0.001	<0.001	0.169
TNFB	0.418	0.255	0.75	0.465	<0.001	0.088	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.268	0.429	<0.001
CSF1	0.835	0.027	0.766	0.407	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	0.533	<0.001
Age	<0.001	<0.001	0.033	0.119	0.199	0.534	0.003	0.001	0.003	0.039	0.002	<0.001	0.934
Body mass index	0.133	0.499	<0.001	0.345	0.184	<0.001	0.005	0.404	0.027	<0.001	0.208	0.111	0.095
Waist circumference	0.049	0.176	<0.001	0.38	0.571	<0.001	0.004	0.028	0.048	<0.001	0.001	0.708	0.166
Educational attainment	0.257	0.629	0.21	0.852	0.523	0.704	0.657	0.812	0.221	0.133	0.413	0.022	0.519
Alcohol consumption	0.959	0.816	0.734	0.11	0.035	0.062	0.139	0.982	0.04	0.074	0.232	0.27	0.745
Systolic blood pressure	0.169	0.021	0.022	0.078	0.881	0.033	0.074	0.382	0.143	<0.001	0.002	0.454	0.89
Diastolic blood pressure	0.259	0.334	0.02	0.198	0.383	0.01	0.346	0.932	0.756	0.154	0.013	0.899	0.805
Hemoglobin A1c	0.095	0.044	0.044	0.917	0.028	0.221	0.059	0.267	0.024	0.03	0.431	0.251	0.882
Duration of known diabetes	0.315	0.101	0.082	0.446	0.001	0.804	0.53	0.158	0.341	<0.001	0.004	0.48	0.159
High-density lipoprotein	0.149	0.065	<0.001	0.684	0.104	0.077	0.026	0.224	0.223	0.001	<0.001	0.427	0.382
Low-density lipoprotein	0.603	0.162	0.217	0.127	0.036	0.002	0.812	0.005	0.405	0.438	0.341	0.039	0.634
Triglycerides	0.103	0.546	0.006	0.878	0.003	<0.001	<0.001	0.113	<0.001	<0.001	0.04	0.102	0.001
Albumin	0.315	0.983	0.061	0.681	0.492	0.752	0.413	0.234	0.147	0.342	0.067	0.887	0.883
Fibrinogen	0.086	0.007	0.015	0.31	0.69	0.33	<0.001	0.529	0.106	<0.001	0.016	0.186	0.138
C-reactive protein	0.052	0.259	0.001	0.043	0.99	0.001	<0.001	0.155	0.003	<0.001	0.003	0.083	0.868
Serum amyloid A	0.944	0.877	0.206	0.737	0.03	0.016	0.018	0.048	0.004	0.001	0.404	0.882	0.569
Leucocyte count	0.323	0.938	0.004	0.192	0.011	0.028	0.194	0.976	0.849	0.139	0.001	0.635	0.033
Serum adiponectin	0.122	0.088	<0.001	0.033	0.095	0.006	0.164	0.227	0.777	0.001	0.309	0.108	0.896
Uric acid	0.077	0.124	0.023	0.084	0.667	<0.001	0.008	0.001	<0.001	0.015	<0.001	0.76	0.278
Creatinine	0.112	0.522	0.442	0.007	0.437	0.026	0.253	<0.001	0.005	0.903	<0.001	0.587	0.864
Rényi4, baseline	0.207	0.432	0.817	0.063	0.429	0.224	0.519	0.83	0.06	0.345	0.534	0.606	0.546
TP, baseline	0.348	0.311	0.857	0.028	0.944	0.191	0.986	0.926	0.18	0.894	0.66	0.914	0.973
SDWS, baseline	0.122	0.076	0.282	0.038	0.732	0.54	0.609	0.483	0.283	0.831	0.433	0.594	0.431
SDSA, baseline	0.607	0.367	0.805	0.374	0.455	0.297	0.485	0.967	0.126	0.327	0.473	0.867	0.948
CE, baseline	0.611	0.902	0.655	0.419	0.448	0.354	0.31	0.799	0.219	0.144	0.159	0.803	0.451
Rényi4, follow-up	0.561	0.593	0.843	0.558	0.127	0.022	0.415	0.128	0.118	0.818	0.216	0.712	0.873
TP, follow-up	0.775	0.61	0.909	0.721	0.036	0.045	0.45	0.073	0.148	0.882	0.245	0.694	0.929
SDWS, follow-up	0.227	0.17	0.453	0.328	0.429	0.204	0.035	0.621	0.659	0.652	0.742	0.72	0.736
SDSA, follow-up	0.248	0.727	0.456	0.364	0.036	0.063	0.311	0.022	0.073	0.895	0.316	0.366	0.999
CE, follow-up	0.325	0.909	0.309	0.402	0.035	0.034	0.762	0.019	0.125	0.673	0.312	0.567	0.673

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

3	HGF	IL12B	MMP10	IL10	TNF	CCL23	CD5	CCL3	FLT3L	CXCL6	CXCL10	EBP1	SIRT2	CCL28
BMP6	0.5	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.5	0.4	<0.1	0.6	0.2	0.7	0.7	0.3
ANGPT1	0.5	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.3	<0.1	0.6	0.2	0.6	0.6	0.2
ADM	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.3	-0.1	0.2	0.3	-0.2	0.2	-0.2	-0.2	<0.1
CD40L	0.4	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.6	0.4	<0.1	0.8	0.2	0.9	0.9	0.2
PGF	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1
ADAMTS13	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1
BOC	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3	-0.2	<0.1	-0.2	-0.2	0.1
IL4RA	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.2	-0.2	0.1
SRC	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.4	0.4	<0.1
IL1RA	0.6	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.5	0.5	0.2	0.5	0.4	0.6	0.5	0.2
TNFRSF10A	0.4	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.4	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2
STK4	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.4	0.2	-0.1	0.6	0.1	0.7	0.8	0.1
IDUA	0.3	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	0.3	0.1	0.4	0.1	0.4	0.4	0.2
TNFRSF11A	0.3	0.4	0.2	0.2	0.4	0.3	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1
PAR1	0.3	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.6	0.4	<0.1	0.7	0.2	0.9	0.9	0.1
TRAILR2	0.4	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	0.4	0.3	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1
PRSS27	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2
TIE2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.2	-0.2	<0.1
TF	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1
IL1RL2	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PDGFB	0.5	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.5	0.4	<0.1	0.7	0.3	0.7	0.7	0.2
IL27	0.1	0.3	0.1	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.2	-0.2	0.1
IL17D	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
LOX1	0.5	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2
GAL9	0.5	0.3	0.1	0.1	0.4	0.2	0.5	0.5	0.1	0.5	0.4	0.5	0.4	0.2
GIF	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SCF	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1
IL18	0.3	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2
PLGR	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.2	-0.2	-0.1
RAGE	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	-0.2	-0.1	-0.3	-0.2	<0.1
SOD2	0.3	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.4	0.2	0.5	0.5	0.1
CTRC	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
FGF23	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.2	0.1	-0.2	-0.2	-0.1
SPON2	0.1	0.3	0.3	0.3	0.3	0.2	-0.2	0.1	0.3	-0.3	0.1	-0.4	-0.4	<0.1
GH	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	<0.1
FS	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.2	-0.2	<0.1
GLO1	0.3	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.6	0.3	-0.1	0.7	0.2	0.9	0.9	0.1
CD84	0.4	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.6	0.4	<0.1	0.7	0.2	0.8	0.8	0.2
SERPINA12	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
REN	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
DECR1	0.3	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.6	0.3	-0.1	0.7	0.2	0.9	0.9	0.1
MERTK	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.3	<0.1	0.2	-0.2	<0.1	-0.3	-0.3	<0.1
KIM1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
THBS2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.3	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1
TM	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
VSIG2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	-0.2	<0.1	-0.2	-0.2	0.1
AMBP	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	<0.1
PRELP	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2
HO1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1
XCL1	0.4	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	0.2	0.4	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3
IL16	0.4	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.7	0.3	0.1	0.7	0.3	0.8	0.8	0.1
SORT1	0.6	0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.4	0.5	0.1	0.6	0.3	0.7	0.6	0.2
CEACAM8	0.5	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2
PTX3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1
PSGL1	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	0.3	0.3	0.1
CCL17	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.5	0.4	<0.1	0.6	0.3	0.6	0.6	0.2
MMP7	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2
IGGFC	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ITGB1BP2	0.3	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.6	0.3	-0.1	0.7	0.2	0.9	1	0.2
DCN	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.3	-0.1	0.2	-0.2	-0.2	0.2
DKK1	0.5	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.5	0.4	<0.1	0.7	0.3	0.7	0.7	0.2
LPL	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.2	0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1
PRSS8	0.3	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1
AGRP	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1
HBEGF	0.5	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.5	0.4	<0.1	0.7	0.3	0.7	0.7	0.2

GDF2	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.2	-0.2	0.2	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	<0.1
FABP2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
THPO	0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.4	0.1	0.4	0.4	0.1
MARCO	0.3	0.3	0.2	0.3	0.4	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2
GT	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1
MMP12	0.2	0.2	0.3	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
ACE2	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1
PDL2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2
CTSL1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.1
HOSCAR	0.2	0.3	0.2	0.2	0.4	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1
TNFRSF13B	0.2	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2
TGM2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
LEP	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CA5A	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1
HSP27	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CD4	0.4	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.6	0.5	0.1	0.5	0.3	0.5	0.5	0.2
NEMO	0.3	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.6	0.3	-0.1	0.7	0.2	0.9	0.9	0.1
VEGFD	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	-0.2	-0.1	-0.2	-0.2	0.1
PARP1	0.3	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.7	0.3	<0.1	0.7	0.2	0.8	0.8	0.1
HAOX1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
TNFRSF14	0.4	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.5	0.5	0.1	0.6	0.3	0.6	0.6	0.2
LDL_RC	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1
ITGB2	0.3	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1
IL17RA	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.4	0.3	0.2
TNFR2	0.3	0.4	0.3	0.3	0.5	0.3	0.3	0.5	0.2	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.1
MMP9	0.5	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1
EPHB4	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1	-0.2	-0.2	0.1
IL2RA	0.2	0.2	0.3	0.2	0.4	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1
ALCAM	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.2	-0.2	0.1
SELP	0.4	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.5	0.3	<0.1	0.7	0.3	0.8	0.8	0.2
CSTB	0.5	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.7	0.5	0.1	0.6	0.3	0.7	0.7	0.2
CD163	0.3	0.3	0.2	0.2	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1
GRN	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1
NTPROBNP	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.1
PLC	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	-0.1	0.2	-0.1	-0.2	<0.1
LTBR	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1
NOTCH3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.2	-0.2	0.2
TIMP4	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1
CNTN1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	-0.1	<0.1	-0.2	-0.2	0.1
CDH5	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.2	-0.2	0.1
TLT2	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.4	<0.1	0.5	0.3	0.4	0.4	0.1
FABP4	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
TFPI	0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
PAI	0.6	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.5	0.1	0.6	0.3	0.6	0.6	0.2
CCL24	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
TR	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1
TNFRSF10C	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
GDF15	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2
SELE	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2
DLK1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
MPO	0.4	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.4	0.3	<0.1	0.4	0.2	0.4	0.4	0.1
CXCL16	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
IL6RA	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1
RETN	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2
IGFBP1	-0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	0.1
CHIT1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
TRAP	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
GP6	0.4	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.6	0.3	-0.1	0.8	0.2	0.9	0.9	0.1
PSPD	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
EPCAM	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
APN	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1
AXL	0.1	0.4	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.2	<0.1
IL1RT1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	-0.2	-0.3	0.2
MMP2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	-0.1	<0.1	-0.2	-0.2	0.2
FAS	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1
MB	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1
TNFSF13B	0.2	0.3	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1
PCSK9	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
UPAR	0.4	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2
OPN	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1

PGLYRP1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
CPA1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
JAMA	0.3	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.5	0.3	-0.1	0.6	0.2	0.8	0.8	0.1
GAL4	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1
IL1RT2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
SHPS1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1
CCL15	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1
CASP3	0.3	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.5	0.3	-0.1	0.7	0.2	0.9	0.9	0.1
CPB1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
CH13L1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2
ST2	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
TPA	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
SCGB3A2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
EGFR	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.2	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.2	<0.1
IGFBP7	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.1
CD93	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1
IL18BP	0.2	0.4	0.3	0.3	0.4	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.3	-0.1	-0.2	0.1
COL1A1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1
PON3	-0.3	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	-0.2	-0.2	<0.1	-0.2	-0.2	-0.3	-0.2	<0.1
CTSZ	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
MMP3	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	<0.1
RARRES2	0.4	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	<0.1
ICAM2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2
KLK6	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.2	<0.1
PDGFA	0.5	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.4	-0.1	0.7	0.2	0.7	0.7	0.2
TNFR1	0.4	0.3	0.2	0.2	0.4	0.3	0.2	0.4	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1
IGFBP2	-0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	-0.2	-0.2	0.1
VWF	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1
PECAM1	0.3	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.5	0.3	-0.1	0.6	0.2	0.8	0.8	0.2
MEPE	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
CCL16	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1
IL8	0.6	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.4	0.5	0.2	0.5	0.4	0.5	0.5	0.3
VEGFA	0.7	0.3	0.2	0.3	0.4	0.3	0.4	0.5	0.2	0.5	0.4	0.4	0.4	0.2
CD8A	0.3	0.3	0.2	0.3	0.4	0.2	0.2	0.4	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1
MCP3	0.5	0.2	0.1	0.2	0.4	0.2	0.3	0.5	0.1	0.3	0.4	0.3	0.3	0.1
CDCP1	0.4	0.3	0.1	0.2	0.4	0.2	0.1	0.4	0.2	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.2
CD244	0.4	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.7	0.5	<0.1	0.7	0.3	0.8	0.8	0.3
IL7	0.5	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.4	<0.1	0.7	0.3	0.7	0.7	0.3
OPG	0.4	0.3	0.3	0.3	0.3	0.3	<0.1	0.2	0.4	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3
LAP_TGFB1	0.6	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.6	0.5	0.1	0.7	0.3	0.8	0.8	0.3
UPA	0.3	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2
IL6	0.4	0.2	0.3	0.4	0.4	0.3	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1
MCP1	0.4	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.4	0.2	0.2	0.3	<0.1	<0.1	0.2
CXCL11	0.5	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.6	0.5	0.1	0.7	0.5	0.7	0.7	0.3
AXIN1	0.3	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.6	0.3	-0.1	0.7	0.2	0.9	1	0.2
TRAIL	0.2	0.2	0.2	0.2	0.4	0.2	<0.1	0.3	0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1
CXCL9	0.2	0.4	0.2	0.4	0.6	0.3	0.2	0.4	0.2	0.1	0.7	<0.1	<0.1	0.2
CST5	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.2	-0.1	0.1	-0.2	-0.2	0.2
OSM	0.6	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.1
CXCL1	0.4	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.6	0.4	<0.1	0.8	0.2	0.9	0.9	0.2
CCL4	0.6	0.3	0.1	0.2	0.4	0.2	0.5	0.7	0.2	0.5	0.4	0.5	0.5	0.2
CD6	0.4	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.8	0.5	0.2	0.5	0.3	0.6	0.6	0.2
TGFA	0.6	0.3	0.3	0.4	0.4	0.4	0.2	0.4	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2
MCP4	0.5	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.5	0.4	0.1	0.8	0.4	0.7	0.7	0.3
CCL11	0.5	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2	0.3	0.2	0.4
TNFSF14	0.6	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.7	0.5	0.1	0.7	0.3	0.8	0.8	0.2
MMP1	0.4	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.5	0.2	0.5	0.5	0.2
LIFR	0.2	0.3	0.2	0.4	0.3	0.2	-0.2	0.1	0.3	-0.1	0.2	-0.3	-0.3	0.2
FGF21	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL19	0.3	0.3	0.2	0.3	0.4	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.3
IL15RA	0.3	0.3	0.3	0.3	0.5	0.2	0.2	0.4	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2
IL10RB	0.3	0.4	0.3	0.3	0.4	0.3	<0.1	0.3	0.4	-0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.1
IL18R1	0.4	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.4	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1
PDL1	0.5	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.6	0.6	0.1	0.7	0.4	0.7	0.7	0.3
CXCL5	0.4	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.6	0.4	0.1	0.8	0.3	0.8	0.8	0.2
TRANCE	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1
HGF	1	0.3	0.2	0.2	0.5	0.3	0.4	0.6	0.2	0.5	0.4	0.5	0.4	0.3
IL12B	0.3	1	0.2	0.3	0.5	0.3	0.1	0.3	0.3	0.1	0.4	<0.1	<0.1	0.1
MMP10	0.2	0.2	1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2
IL10	0.2	0.3	0.3	1	0.4	0.2	<0.1	0.3	0.1	-0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.2

TNF	0.5	0.5	0.3	0.4	1	0.3	0.2	0.5	0.2	0.2	0.5	0.1	0.1	0.2
CCL23	0.3	0.3	0.1	0.2	0.3	1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.4	0.1	0.1	<0.1
CD5	0.4	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	1	0.5	0.1	0.6	0.3	0.7	0.6	0.2
CCL3	0.6	0.3	0.1	0.3	0.5	0.3	0.5	1	0.2	0.4	0.5	0.4	0.4	0.2
FLT3L	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2
CXCL6	0.5	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.6	0.4	<0.1	1	0.3	0.8	0.8	0.2
CXCL10	0.4	0.4	0.1	0.3	0.5	0.4	0.3	0.5	0.2	0.3	1	0.3	0.2	0.2
4EBP1	0.5	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.7	0.4	<0.1	0.8	0.3	1	0.9	0.2
SIRT2	0.4	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.6	0.4	<0.1	0.8	0.2	0.9	1	0.2
CCL28	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	1
DNER	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.3	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.2
ENRAGE	0.4	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	<0.1	0.4	0.2	0.4	0.4	0.1
CD40	0.4	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.7	0.4	<0.1	0.8	0.3	0.9	0.9	0.2
IFNG	0.2	0.4	0.2	0.2	0.4	0.2	0.1	0.4	0.2	0.1	0.5	<0.1	<0.1	0.1
FGF19	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
MCP2	0.4	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.4	0.4	0.1	0.5	0.4	0.5	0.5	0.2
CASP8	0.5	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.7	0.4	0.1	0.8	0.3	0.9	0.8	0.2
CCL25	0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1
CX3CL1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.3
TNFRSF9	0.4	0.5	0.3	0.4	0.6	0.2	0.3	0.5	0.3	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2
NT3	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
TWEAK	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3	0.2	0.3	0.2	0.3	0.3	0.2
CCL20	0.5	0.2	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2
ST1A1	0.3	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.6	0.3	<0.1	0.7	0.2	0.9	0.9	0.1
STAMBP	0.4	-0.1	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.6	0.4	<0.1	0.8	0.2	1	1	0.2
ADA	0.4	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.7	0.5	0.1	0.7	0.3	0.8	0.7	0.2
TNFB	0.2	0.4	0.1	0.3	0.4	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.1
CSF1	0.4	0.4	0.4	0.4	0.4	0.4	<0.1	0.3	0.3	<0.1	0.3	-0.1	-0.1	0.2
Age	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2
Body mass index	0.4	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1
Waist circumference	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1
Educational attainment	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
Alcohol consumption	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Systolic blood pressure	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
Diastolic blood pressure	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
Hemoglobin A1c	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
Duration of known diabetes	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
High-density lipoprotein	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.3	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1
Low-density lipoprotein	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1
Triglycerides	0.3	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1
Albumin	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
Fibrinogen	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1
C-reactive protein	0.4	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
Serum amyloid A	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1
Leucocyte count	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1
Serum adiponectin	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
Uric acid	0.3	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1
Creatinine	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
Rényi4, baseline	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1
TP, baseline	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
SDWS, baseline	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
SDSA, baseline	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1
CE, baseline	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Rényi4, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
TP, follow-up	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
SDWS, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDSA, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CE, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

3	HGF	IL12B	MMP10	IL10	TNF	CCL23	CD5	CCL3	FLT3L	CXCL6	CXCL10	4EBP1	SIRT2	CCL28
BMP6	<0.001	1	1	1	0.08	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ANGPT1	<0.001	1	1	1	0.373	0.009	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008

ADM	0.005	<0.001	0.029	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.042	<0.001	0.005	0.017	0.063	0.005	1
CD40L	<0.001	1	1	0.198	1	0.924	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004
PGF	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.004	1	0.173	1
ADAMTS13	0.365	0.736	1	1	1	1	1	1	0.014	1	1	0.381	0.396	0.331
BOC	1	0.034	0.043	1	1	1	0.622	1	<0.001	0.021	1	<0.001	<0.001	0.957
IL4RA	1	<0.001	<0.001	0.001	0.002	0.002	1	1	0.199	0.007	1	0.005	0.001	0.145
SRC	1	1	1	1	1	0.796	0.688	1	1	<0.001	0.799	<0.001	<0.001	1
IL1RA	<0.001	<0.001	1	0.584	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.01	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.047
TNFRSF10A	<0.001	0.014	0.024	0.063	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	0.001	0.004	0.036	0.007
STK4	0.001	0.739	1	0.78	1	1	<0.001	0.014	1	<0.001	0.561	<0.001	<0.001	1
IDUA	<0.001	1	1	1	0.809	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.136	<0.001	<0.001	0.029
TNFRSF11A	<0.001	<0.001	0.065	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	1
PAR1	<0.001	1	1	0.18	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.086
TRAILR2	<0.001	0.002	0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.886	<0.001	0.572	1	0.25
PRSS27	<0.001	0.062	0.176	1	0.585	0.172	0.008	<0.001	0.033	0.002	0.622	0.002	0.003	0.003
TIE2	1	0.012	0.937	0.146	0.157	0.079	0.12	1	0.034	0.62	1	0.012	0.002	1
TF	1	0.898	1	1	0.152	0.043	0.535	1	0.103	1	1	0.145	0.079	1
IL1RL2	0.152	0.001	1	1	0.031	1	1	0.682	0.969	1	1	1	1	1
PDGFB	<0.001	1	1	1	0.09	0.009	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004
IL27	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.002	0.077	0.346	1	1	0.081	0.001	0.003	1
IL17D	0.264	<0.001	0.878	1	0.064	0.227	1	1	0.038	1	1	1	1	0.009
LOX1	<0.001	0.061	0.19	0.394	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.026
GAL9	<0.001	<0.001	1	0.551	<0.001	0.016	<0.001	<0.001	0.144	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.013
GIF	1	1	1	1	1	1	1	1	0.055	1	1	1	1	1
SCF	0.297	1	1	1	1	0.296	0.002	0.183	1	1	1	0.002	0.094	1
IL18	<0.001	<0.001	0.166	0.03	<0.001	0.039	0.001	<0.001	0.272	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	0.015
PLGR	0.839	0.262	0.002	0.786	0.042	0.166	1	1	<0.001	0.221	1	0.031	0.007	0.951
RAGE	0.393	0.1	0.08	1	1	0.128	1	0.42	0.043	0.001	0.2	<0.001	<0.001	1
SOD2	<0.001	1	1	1	0.121	0.096	<0.001	0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.097
CTRC	0.334	0.682	1	1	1	0.295	1	1	1	1	1	1	1	1
FGF23	1	0.008	1	0.001	<0.001	0.033	1	1	0.404	0.06	1	0.032	0.053	1
SPON2	0.092	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	1	<0.001	<0.001	0.301	<0.001	<0.001	1
GH	0.004	1	1	1	1	1	0.44	0.04	1	0.172	1	0.014	0.589	1
FS	0.04	0.044	0.029	<0.001	0.005	0.058	0.111	1	0.023	0.086	1	0.064	0.023	1
GLO1	<0.001	0.396	1	0.121	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.643
CD84	<0.001	1	1	1	0.041	0.583	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.041
SERPINA12	1	0.093	1	1	1	1	1	1	0.039	1	1	1	1	1
REN	0.001	1	1	0.914	0.007	0.163	1	0.081	0.167	1	0.134	1	1	1
DECR1	<0.001	0.445	1	0.035	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.026	<0.001	<0.001	0.171
MERTK	1	0.097	0.925	1	0.277	0.008	<0.001	1	0.004	<0.001	1	<0.001	<0.001	1
KIM1	<0.001	1	0.537	0.866	0.284	0.339	1	1	<0.001	1	1	1	1	1
THBS2	<0.001	<0.001	0.157	0.013	<0.001	1	1	0.019	<0.001	1	0.004	1	0.166	0.678
TM	<0.001	<0.001	0.011	0.023	<0.001	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	0.174	0.001	1	1	1
VSIG2	0.215	0.069	0.037	0.011	0.002	0.792	1	1	0.001	0.045	1	0.009	0.008	1
AMBP	0.001	0.002	0.014	0.003	<0.001	<0.001	1	0.413	<0.001	0.791	0.537	0.234	0.023	1
PRELP	<0.001	<0.001	0.016	0.004	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	0.024	1	0.72	0.016
HO1	<0.001	1	1	0.825	0.04	0.171	0.082	<0.001	1	0.005	0.001	0.006	0.229	1
XCCL1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	0.001	<0.001	0.108	0.007	<0.001	0.483	0.703	<0.001
IL16	<0.001	1	1	0.546	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.296
SORT1	<0.001	0.163	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.453	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CEACAM8	<0.001	0.048	0.007	0.006	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.012
PTX3	0.042	0.021	0.099	0.552	0.653	<0.001	0.836	1	1	1	1	1	1	1
PSGL1	<0.001	1	1	1	1	1	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	0.95	<0.001	<0.001	0.542
CCL17	<0.001	1	1	1	0.016	0.003	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.007
MMP7	0.004	0.058	0.004	0.005	<0.001	0.899	1	0.163	0.06	1	1	0.596	0.592	0.006
IGGFC	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
ITGB1BP2	<0.001	1	1	0.058	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.009	<0.001	<0.001	0.027
DCN	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.013	0.219	0.787	<0.001	0.41	0.057	0.018	0.002	0.01
DDK1	<0.001	1	1	1	0.066	0.013	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
LPL	0.007	1	1	1	1	1	0.029	0.011	1	0.703	0.064	0.001	0.138	1
PRSS8	<0.001	0.776	0.004	0.235	<0.001	0.749	1	0.001	<0.001	1	0.024	1	1	1
AGRP	0.207	0.002	1	0.147	0.02	<0.001	1	<0.001	0.038	0.777	0.038	1	1	1
HBEGF	<0.001	1	1	1	0.158	0.012	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002
GDF2	0.612	0.589	1	1	1	1	0.002	0.013	0.001	0.467	1	<0.001	0.009	1
FABP2	1	0.81	1	0.553	0.024	1	1	1	0.011	0.549	1	0.477	0.334	1
THPO	<0.001	1	1	1	1	0.001	0.002	0.015	1	<0.001	0.222	<0.001	<0.001	0.476
MARCO	<0.001	<0.001	0.027	<0.001	<0.001	0.014	1	<0.001	0.407	1	<0.001	1	1	0.045
GT	1	1	1	0.891	0.134	0.047	1	1	1	1	1	1	1	1
MMP12	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.008	1	0.013	0.042	1	0.087	1	1	1
ACE2	<0.001	1	1	0.005	0.008	1	1	<0.001	0.273	1	0.002	1	1	1

PDL2	0.929	<0.001	0.007	0.029	<0.001	0.003	1	0.101	0.048	1	0.167	0.217	0.116	0.048
CTSL1	<0.001	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.014	1	<0.001	0.363	0.024	0.233
HOSCAR	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.002	1	<0.001	0.025	1	0.004	1	1	1
TNFRSF13B	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.188	<0.001	0.001	1	<0.001	1	1	0.003
TGM2	<0.001	1	1	1	1	1	0.528	1	1	1	1	0.001	0.517	1
LEP	<0.001	<0.001	1	1	0.001	1	1	1	<0.001	1	0.379	1	1	1
CA5A	<0.001	0.529	1	1	0.013	1	1	<0.001	1	1	<0.001	1	1	1
HSP27	0.765	0.333	1	1	1	1	0.508	0.554	1	0.234	1	1	1	0.097
CD4	<0.001	0.028	0.71	0.152	<0.001	0.007	<0.001	<0.001	0.838	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.036
NEMO	<0.001	0.261	0.647	0.017	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.052	<0.001	<0.001	0.381
VEGFD	1	1	0.002	1	1	0.81	1	0.152	<0.001	0.009	0.312	<0.001	<0.001	0.304
PARP1	<0.001	1	1	0.095	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.377
HAOX1	0.056	1	1	0.541	1	1	1	<0.001	1	1	0.085	1	1	1
TNFRSF14	<0.001	0.003	1	1	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.035
LDL_RC	<0.001	0.065	1	1	0.043	0.001	1	0.004	0.001	1	0.012	1	1	1
ITGB2	<0.001	0.004	1	1	0.006	1	<0.001	<0.001	0.751	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	1
IL17RA	0.001	1	1	1	0.06	0.682	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.194	<0.001	<0.001	0.009
TNFR2	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.013	0.243	<0.001	0.499	1	0.211
MMP9	<0.001	0.443	0.02	0.03	<0.001	0.01	1	0.001	1	0.052	0.029	0.154	1	0.691
EPHB4	1	<0.001	<0.001	0.001	0.001	0.007	1	0.067	0.01	0.323	0.531	0.032	0.002	0.6
IL2RA	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.15	0.001	<0.001	0.157	1	<0.001	1	1	1
ALCAM	1	<0.001	1	0.999	0.001	0.68	1	0.862	0.001	1	0.737	0.007	0.029	0.441
SELP	<0.001	1	1	1	0.704	0.968	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.005
CSTB	<0.001	0.573	1	1	<0.001	0.25	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.018
CD163	<0.001	<0.001	0.043	<0.001	<0.001	1	0.955	<0.001	0.987	1	<0.001	1	1	0.591
GRN	0.013	<0.001	0.067	0.001	<0.001	0.038	1	0.001	0.008	1	0.062	1	1	0.352
NTPROBNP	1	<0.001	1	1	0.453	1	0.788	1	1	0.596	1	0.051	0.314	1
PLC	0.004	<0.001	0.158	0.049	<0.001	0.005	1	0.012	0.001	1	0.007	0.662	0.042	1
LTBR	0.003	<0.001	0.024	0.419	0.001	0.001	0.286	0.001	0.008	1	0.036	1	1	1
NOTCH3	0.309	<0.001	0.009	0.066	0.087	1	1	1	0.001	0.541	0.413	0.001	<0.001	0.001
TIMP4	0.682	1	1	0.005	0.019	0.967	0.887	1	0.366	1	1	1	0.782	1
CNTN1	1	0.002	1	1	1	1	0.353	1	<0.001	0.534	1	0.001	0.005	0.182
CDH5	0.211	0.001	1	0.968	0.005	1	1	1	0.002	0.843	1	0.008	0.001	1
TLT2	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.018	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1
FABP4	<0.001	<0.001	1	1	0.002	0.035	1	0.172	<0.001	1	0.365	1	1	1
TFPI	1	1	0.716	1	1	0.029	1	1	1	0.316	1	1	1	0.406
PAI	<0.001	0.933	1	1	0.001	0.276	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.054
CCL24	0.096	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	0.46
TR	0.003	0.014	1	1	0.238	0.814	1	0.073	1	0.068	0.204	1	1	1
TNFRSF10C	0.065	1	1	1	1	0.976	1	1	1	1	1	1	1	1
GDF15	<0.001	0.359	<0.001	0.003	<0.001	0.107	1	0.001	0.04	1	0.062	1	0.423	0.007
SELE	<0.001	0.289	0.069	0.124	<0.001	1	1	0.001	1	1	0.011	1	1	0.021
DLK1	0.017	0.002	1	1	1	0.11	1	0.42	0.008	1	1	1	1	1
MPO	<0.001	0.365	1	1	0.014	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.139
CXCL16	0.04	1	1	1	0.95	0.101	0.737	1	0.224	0.654	1	0.98	0.457	1
IL6RA	1	1	1	1	1	0.684	0.328	1	1	1	0.424	1	0.094	1
RETN	<0.001	0.003	0.031	0.14	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	1	0.002	0.263	0.005	0.029	0.04
IGFBP1	<0.001	1	0.107	0.613	1	1	1	1	1	0.164	1	0.007	0.221	0.524
CHIT1	0.673	1	0.014	1	0.153	0.244	0.328	0.028	1	0.133	0.093	1	1	1
TRAP	<0.001	1	1	0.26	0.147	1	1	0.002	0.514	1	0.142	1	1	0.043
GP6	<0.001	1	1	0.143	1	0.974	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.126
PSPD	1	0.204	1	1	0.035	1	1	1	0.008	1	1	1	1	1
EPCAM	1	1	1	1	1	1	0.139	0.38	1	1	1	1	1	1
APN	1	1	1	1	1	1	0.064	1	0.172	1	1	0.507	0.061	1
AXL	0.265	<0.001	0.215	<0.001	<0.001	0.487	1	<0.001	0.953	1	0.06	0.102	0.006	1
IL1RT1	1	0.089	0.014	0.12	0.25	0.988	0.37	1	0.149	0.058	1	<0.001	<0.001	0.008
MMP2	1	0.095	0.043	1	1	1	0.66	1	<0.001	0.102	1	0.002	0.001	0.006
FAS	<0.001	1	1	1	<0.001	0.079	0.009	<0.001	0.036	1	0.002	0.5	1	1
MB	0.98	0.027	1	0.508	0.133	0.118	1	<0.001	1	1	0.009	1	1	1
TNFSF13B	0.005	<0.001	0.001	0.315	<0.001	1	1	0.073	0.003	1	<0.001	1	1	1
PCSK9	0.006	1	0.949	1	0.063	1	1	1	0.066	1	0.928	1	1	1
UPAR	<0.001	0.006	0.005	0.235	<0.001	0.167	<0.001	<0.001	1	0.005	<0.001	0.001	0.136	0.042
OPN	0.01	0.028	<0.001	0.005	<0.001	0.725	1	0.032	1	1	0.958	1	0.854	0.321
PGLYRP1	<0.001	0.014	0.022	<0.001	<0.001	0.002	0.111	<0.001	1	0.523	0.103	1	1	1
CPA1	0.668	1	0.419	0.225	1	0.328	1	0.827	1	1	1	1	1	0.167
JAMA	<0.001	1	0.953	0.439	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	0.277
GAL4	<0.001	1	1	1	<0.001	1	1	0.036	0.001	1	0.021	1	1	0.161
IL1RT2	0.043	1	1	1	1	1	1	0.452	1	1	1	1	0.736	1
SHPS1	0.043	0.041	0.468	0.641	0.001	0.261	0.415	<0.001	0.512	1	0.014	1	1	1
CCL15	0.19	1	1	0.561	0.541	1	1	0.172	0.014	1	1	1	0.094	1

CASP3	<0.001	1	0.958	0.136	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.218
CPB1	0.183	0.31	0.156	0.122	0.815	0.114	1	0.129	1	1	1	1	1	0.093
CHI3L1	<0.001	1	0.009	<0.001	<0.001	0.168	1	0.001	0.008	1	0.064	1	1	0.041
ST2	0.051	1	0.051	0.622	0.605	1	1	0.439	1	1	1	1	1	1
TPA	0.035	1	1	1	1	1	1	0.02	1	1	1	0.046	1	1
SCGB3A2	0.143	0.101	0.102	1	0.857	1	1	0.702	1	1	1	1	1	1
EGFR	1	1	1	1	1	0.86	0.017	1	0.31	1	1	0.011	0.025	1
IGFBP7	<0.001	0.004	0.031	0.015	<0.001	1	1	0.009	0.088	1	0.005	0.979	0.041	0.256
CD93	1	0.005	0.002	1	0.331	1	1	1	<0.001	0.843	1	0.095	0.013	1
IL18BP	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.003	1	<0.001	0.206	1	<0.001	0.968	0.059	0.175
COL1A1	1	0.366	0.778	1	1	1	1	1	1	1	1	0.276	0.488	1
PON3	<0.001	0.215	1	1	0.023	1	<0.001	<0.001	1	0.045	<0.001	<0.001	0.003	1
CTS2	<0.001	0.13	0.296	0.001	0.001	1	0.197	<0.001	0.005	1	0.221	1	1	1
MMP3	1	1	<0.001	0.008	1	0.111	1	0.323	1	1	1	1	0.067	1
RARRES2	<0.001	0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.383	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	1
ICAM2	1	0.066	1	0.932	0.018	0.848	1	1	1	1	1	1	1	0.013
KLK6	1	1	0.601	1	1	0.972	1	1	1	0.196	1	0.001	0.006	1
PDGFA	<0.001	1	1	1	0.047	0.016	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002
TNFR1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.017	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	1	0.412
IGFBP2	0.017	1	0.001	0.12	1	0.318	1	1	1	0.021	1	0.002	0.007	0.367
VWF	0.015	0.279	0.123	0.011	0.041	1	1	1	1	1	0.264	1	0.242	1
PECAM1	<0.001	1	1	1	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.05
MEPE	1	0.375	0.645	0.198	1	0.348	1	0.858	1	1	1	1	1	1
CCL16	<0.001	1	1	0.359	0.004	0.134	1	<0.001	1	1	0.002	1	1	1
IL8	<0.001	0.002	0.002	0.073	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
VEGFA	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CD8A	<0.001	<0.001	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	0.024	<0.001	0.037	0.617	0.001	1	1	0.323
MCP3	<0.001	<0.001	0.301	0.004	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.155	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.086
CDCP1	<0.001	<0.001	0.083	<0.001	<0.001	0.006	0.19	<0.001	0.005	0.417	<0.001	1	1	0.005
CD244	<0.001	0.198	1	1	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<

4EBP1	<0.001	0.996	0.502	0.049	0.031	0.065	<0.001	<0.001	0.757	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.026
SIRT2	<0.001	0.667	0.232	0.003	0.114	0.206	<0.001	<0.001	0.704	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.028
CCL28	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	<0.001	0.49	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.001	<0.001
DNER	0.054	0.283	0.001	0.012	0.777	0.017	0.024	0.459	<0.001	0.273	0.543	0.036	0.011	0.001
ENRAGE	<0.001	0.003	0.076	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.58	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.006
CD40	<0.001	0.466	0.959	0.014	0.01	0.139	<0.001	<0.001	0.621	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IFNG	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.003	<0.001	<0.001	0.281	<0.001	0.677	0.808	0.007
FGF19	0.03	0.101	0.049	0.001	0.015	0.028	0.544	0.002	<0.001	0.689	0.223	0.333	0.087	0.121
MCP2	<0.001	0.016	0.338	0.226	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.144	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CASP8	<0.001	0.187	0.731	0.194	0.012	0.01	<0.001	<0.001	0.021	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
CCL25	0.011	0.001	0.001	<0.001	<0.001	0.001	0.96	0.009	<0.001	0.305	0.007	0.082	0.024	0.004
CX3CL1	0.013	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.254	<0.001	<0.001	0.578	<0.001	0.01	0.005	<0.001
TNFRSF9	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.014	<0.001	0.524	0.887	0.001
NT3	<0.001	0.012	<0.001	0.01	0.004	0.04	0.074	0.027	<0.001	0.078	0.349	0.019	0.026	<0.001
TWEAK	<0.001	<0.001	0.204	0.161	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CCL20	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.02	<0.001	<0.001	0.005	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
ST1A1	<0.001	0.179	0.077	<0.001	0.854	0.872	<0.001	<0.001	0.537	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.004
STAMBP	<0.001	0.311	0.167	0.001	0.279	0.563	<0.001	<0.001	0.417	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.001
ADA	<0.001	0.053	0.391	0.173	0.001	0.145	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFB	0.002	<0.001	0.008	<0.001	<0.001	0.012	0.02	<0.001	<0.001	0.564	<0.001	0.198	0.149	0.022
CSF1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.775	<0.001	<0.001	0.487	<0.001	0.076	0.012	0.001
Age	<0.001	<0.001	0.845	0.036	<0.001	0.017	0.115	<0.001	0.075	0.012	<0.001	0.033	0.077	0.002
Body mass ind	<0.001	0.005	0.552	0.118	<0.001	0.774	0.046	<0.001	0.028	0.036	<0.001	0.01	0.12	0.021
Waist circumf	<0.001	0.451	0.804	0.127	<0.001	0.494	0.003	<0.001	0.303	0.017	<0.001	0.003	0.18	0.043
Educational att	0.012	0.126	0.728	0.295	0.64	0.356	0.955	0.602	0.624	0.372	0.86	0.41	0.27	0.677
Alcohol consur	0.952	0.073	0.376	0.324	0.364	0.079	0.405	0.644	0.218	0.624	0.433	0.408	0.607	0.444
Systolic blood j	<0.001	0.251	0.423	0.131	0.016	0.387	0.172	0.001	0.151	0.038	0.011	0.004	0.169	0.119
Diastolic blood	0.001	0.451	0.593	0.982	0.725	0.884	0.268	0.006	0.534	0.089	0.06	0.015	0.246	0.823
Hemoglobin A	<0.001	0.028	0.897	0.31	0.064	0.394	0.073	0.003	0.001	0.278	0.015	0.2	0.478	0.059
Duration of kn	<0.001	0.073	0.371	0.931	0.103	0.67	0.15	0.06	0.002	0.118	0.569	0.119	0.65	0.362
High-density li	<0.001	0.36	0.397	0.85	0.006	0.424	<0.001	<0.001	0.935	0.041	0.002	<0.001	0.024	0.75
Low-density lip	0.906	0.136	0.152	0.168	0.371	0.004	0.422	0.697	0.256	0.165	0.831	0.141	0.092	0.156
Triglycerides	<0.001	0.027	0.976	0.083	<0.001	0.001	0.002	<0.001	<0.001	0.012	0.001	0.001	0.051	0.95
Albumin	0.901	0.087	0.087	0.189	0.615	0.416	0.373	0.51	0.374	0.085	0.129	0.102	0.052	0.869
Fibrinogen	<0.001	0.004	0.001	0.021	<0.001	<0.001	0.189	<0.001	0.695	0.216	0.002	0.257	0.363	0.401
C-reactive prot	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.141	<0.001	0.48	0.188	<0.001	0.045	0.185	0.834
Serum amyloid	<0.001	0.002	0.772	0.004	<0.001	<0.001	0.819	0.15	0.372	0.691	<0.001	0.655	0.5	0.559
Leucocyte cour	0.002	0.071	0.611	0.334	0.959	0.024	0.011	0.06	0.369	0.027	0.151	<0.001	0.01	0.334
Serum adipone	<0.001	0.38	0.001	0.023	0.143	0.043	0.035	0.085	0.047	0.277	0.768	0.006	0.027	0.293
Uric acid	<0.001	0.458	0.316	0.003	<0.001	<0.001	0.003	<0.001	0.147	0.005	0.002	<0.001	0.192	0.165
Creatinine	0.047	0.763	0.068	0.4	0.299	<0.001	0.022	<0.001	0.855	0.094	0.059	0.068	0.737	0.601
Rényi4, baselin	0.368	0.006	0.159	0.002	0.032	0.744	0.839	0.198	0.221	0.224	0.459	0.212	0.446	0.294
TP, baseline	0.361	0.021	0.122	0.032	0.147	0.532	0.793	0.365	0.349	0.397	0.909	0.421	0.731	0.257
SDWS, baselin	0.913	0.024	0.677	0.031	0.124	0.489	0.999	0.825	0.877	0.157	0.861	0.16	0.366	0.618
SDSA,baseline	0.626	0.097	0.385	0.004	0.085	0.855	0.543	0.062	0.154	0.382	0.231	0.125	0.255	0.46
CE, baseline	0.223	0.136	0.249	0.011	0.032	0.848	0.445	0.05	0.092	0.822	0.116	0.338	0.501	0.27
Rényi4, follow-	0.83	0.489	0.504	0.186	0.397	0.365	0.403	0.084	0.245	0.569	0.138	0.78	0.969	0.163
TP, follow-up	0.491	0.139	0.373	0.167	0.329	0.233	0.451	0.147	0.159	0.855	0.368	0.657	0.88	0.215
SDWS, follow-	0.469	0.341	0.61	0.731	0.853	0.86	0.509	0.892	0.427	0.111	0.881	0.869	0.567	0.957
SDSA, follow-u	0.657	0.946	0.993	0.597	0.585	0.313	0.893	0.243	0.999	0.311	0.754	0.822	0.47	0.287
CE, follow-up	0.975	0.546	0.518	0.186	0.155	0.501	0.919	0.228	0.824	0.369	0.539	0.82	0.46	0.12

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	DNER	ENRAG	CD40	IFNG	FGF19	MCP2	CASP8	CCL25	CX3CL1	TNFRSFNT3	TWEAK	CCL20	
BMP6	<0.1	0.3	0.7	<0.1	<0.1	0.5	0.6	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2
ANGPT1	<0.1	0.3	0.6	-0.1	<0.1	0.6	0.5	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.4	0.2
ADM	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.1
CD40L	-0.1	0.4	0.8	<0.1	<0.1	0.5	0.8	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2
PGF	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.1	0.1	0.1
ADAMTS13	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2
BOC	0.3	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	-0.1
IL4RA	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.4	0.3	0.1	0.1	<0.1
SRC	0.1	<0.1	0.3	-0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
IL1RA	-0.1	0.5	0.5	0.2	<0.1	0.4	0.7	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3
TNFRSF10A	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.2
STK4	<0.1	0.2	0.7	-0.1	-0.1	0.4	0.6	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1
IDUA	<0.1	0.3	0.4	<0.1	<0.1	0.3	0.5	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2
TNFRSF11A	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.4	0.2	0.1	0.1
PAR1	-0.1	0.3	0.8	<0.1	<0.1	0.5	0.8	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2
TRAILR2	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.5	0.1	<0.1	0.3
PRSS27	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1
TIE2	0.3	<0.1	-0.2	0.1	0.2	-0.1	-0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1
TF	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1
IL1RL2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1
PDGFB	-0.1	0.4	0.7	-0.1	<0.1	0.6	0.7	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.4	0.2
IL27	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1
IL17D	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2
LOX1	<0.1	0.4	0.2	0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3
GAL9	-0.2	0.4	0.5	0.3	<0.1	0.4	0.6	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2
GIF	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
SCF	0.2	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1
IL18	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2
PLGR	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.1
RAGE	0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1
SOD2	0.1	0.2	0.5	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.2
CTRC	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1
FGF23	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1
SPON2	0.1	-0.1	-0.3	0.2	0.2	-0.1	-0.3	0.3	0.4	0.4	0.1	<0.1	0.1
GH	<0.1	-0.2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
FS	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2
GLO1	-0.1	0.4	0.8	<0.1	-0.1	0.5	0.8	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.2
CD84	-0.1	0.4	0.8	<0.1	<0.1	0.5	0.8	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.4	0.2
SERPINA12	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
REN	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
DECR1	-0.1	0.3	0.8	-0.1	-0.1	0.5	0.8	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.2
MERTK	0.2	-0.1	-0.3	0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1	<0.1
KIM1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
THBS2	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2
TM	0.2	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.4	0.4	0.2	0.2	0.1
VSIG2	0.1	-0.2	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.3	0.3	0.3	0.1	<0.1	0.1
AMBP	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.1
PRELP	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1	0.2
HO1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1
XCL1	<0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.4	0.1	0.1	0.3
IL16	-0.1	0.4	0.7	<0.1	-0.1	0.4	0.9	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2
SORT1	<0.1	0.4	0.7	<0.1	0.1	0.5	0.6	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.3
CEACAM8	<0.1	0.5	0.3	0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3
PTX3	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1
PSGL1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
CCL17	<0.1	0.3	0.6	<0.1	<0.1	0.5	0.6	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1
MMP7	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2
IGGFC	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
ITGB1BP2	-0.1	0.4	0.9	-0.1	-0.1	0.5	0.8	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.3	0.2
DCN	0.3	<0.1	-0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.4	0.2	0.2	0.1	0.1
DKK1	<0.1	0.4	0.7	<0.1	<0.1	0.6	0.7	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.4	0.2
LPL	0.1	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	<0.1
PRSS8	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2
AGRP	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1
HBEGF	-0.1	0.4	0.7	<0.1	<0.1	0.6	0.7	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.4	0.2

GDF2	0.3	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1
FABP2	0.2	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1
THPO	0.1	0.3	0.4	<0.1	0.1	0.4	0.4	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1
MARCO	0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2
GT	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
MMP12	<0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	<0.1	0.3
ACE2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2
PDL2	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.4	0.3	0.1	0.1	0.1
CTSL1	0.2	0.2	-0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2
HOSCAR	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2
TNFRSF13B	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	0.5	0.2	0.1	0.1
TGM2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
LEP	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
CA5A	-0.1	0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1
HSP27	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CD4	-0.1	0.4	0.5	0.2	0.1	0.3	0.6	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2
NEMO	-0.2	0.3	0.9	-0.1	-0.1	0.4	0.8	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.2
VEGFD	0.3	-0.1	-0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1
PARP1	-0.1	0.4	0.7	<0.1	-0.1	0.4	0.9	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.1
HAOX1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1
TNFRSF14	-0.1	0.3	0.6	0.2	<0.1	0.5	0.6	0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2
LDL_RC	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
ITGB2	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
IL17RA	<0.1	0.3	0.4	0.1	<0.1	0.3	0.4	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1
TNFR2	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2	0.2	0.4	0.5	0.1	0.1	0.2
MMP9	<0.1	0.4	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1	0.1	0.3
EPHB4	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.5	0.4	0.1	0.1	<0.1
IL2RA	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.5	<0.1	<0.1	0.1
ALCAM	0.2	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1
SELP	-0.1	0.4	0.8	<0.1	<0.1	0.5	0.7	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2
CSTB	-0.1	0.4	0.7	0.1	<0.1	0.5	0.7	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.2
CD163	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1	0.2
GRN	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1
NTPROBNP	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1
PLC	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.3	0.4	0.1	0.1	0.1
LTBR	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.4	0.4	0.1	0.1	0.1
NOTCH3	0.2	<0.1	-0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1
TIMP4	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
CNTN1	0.4	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1
CDH5	0.2	-0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	0.2	0.1
TLT2	<0.1	0.2	0.5	0.1	<0.1	0.3	0.4	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.4	0.1
FABP4	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1
TFPI	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1
PAI	<0.1	0.3	0.5	0.1	<0.1	0.6	0.6	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.3	0.2
CCL24	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
TR	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
TNFRSF10C	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
GDF15	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	-0.1	0.2
SELE	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	-0.1	-0.1	0.2
DLK1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1
MPO	<0.1	0.4	0.4	0.1	-0.1	0.3	0.5	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.3
CXCL16	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1
IL6RA	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
RETN	-0.2	0.3	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2
IGFBP1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	-0.1
CHIT1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1
TRAP	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1
GP6	-0.1	0.4	0.8	<0.1	-0.1	0.6	0.8	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2
PSPD	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
EPCAM	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
APN	0.4	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
AXL	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.4	0.4	<0.1	0.1	0.1
IL1RT1	0.2	<0.1	-0.2	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	0.1	<0.1
MMP2	0.3	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1
FAS	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1
MB	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	<0.1
TNFSF13B	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2
PCSK9	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1
UPAR	<0.1	0.3	0.2	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.3
OPN	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	0.1	0.1

PGLYRP1	-0.1	0.3	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2
CPA1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1
JAMA	-0.1	0.3	0.8	<0.1	-0.1	0.5	0.7	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1
GAL4	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2
IL1RT2	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
SHPS1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1
CCL15	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.1
CASP3	-0.1	0.4	0.8	<0.1	-0.1	0.5	0.8	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.3	0.1
CPB1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1
CH13L1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	-0.1	0.2
ST2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
TPA	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
SCGB3A2	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	<0.1	<0.1
EGFR	0.3	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1
IGFBP7	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.3	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1
CD93	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.4	0.4	0.1	0.2	<0.1
IL18BP	0.1	<0.1	-0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.4	0.5	<0.1	0.1	0.2
COL1A1	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	0.4	0.1	0.2	0.1
PON3	0.2	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.2
CTSZ	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1
MMP3	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
RARRES2	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2
ICAM2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.1
KLK6	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1
PDGFA	<0.1	0.4	0.6	<0.1	<0.1	0.6	0.6	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.4	0.2
TNFR1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.4	0.5	0.1	0.1	0.2
IGFBP2	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	-0.1
VWF	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
PECAM1	-0.1	0.3	0.7	<0.1	<0.1	0.5	0.7	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1
MEPE	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1
CCL16	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1
IL8	0.1	0.4	0.5	0.2	0.2	0.5	0.5	0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.3
VEGFA	0.1	0.4	0.4	0.2	0.1	0.5	0.4	0.1	0.2	0.3	0.2	0.4	0.3
CD8A	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.1	0.1	0.2
MCP3	<0.1	0.3	0.3	0.2	0.1	0.4	0.3	0.1	0.1	0.3	0.2	0.2	0.3
CDCP1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2
CD244	-0.1	0.4	0.9	0.1	<0.1	0.5	0.8	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.2
IL7	<0.1	0.4	0.7	0.1	<0.1	0.5	0.6	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	0.2
OPG	0.3	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.4	0.3	0.3	0.2	0.3
LAP_TGFB1	<0.1	0.4	0.8	0.1	<0.1	0.6	0.7	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.3
UPA	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	0.4	0.4	0.2	0.4	0.2
IL6	<0.1	0.3	<0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	<0.1	0.3
MCP1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.3	0.4	0.2	0.3	0.2
CXCL11	-0.1	0.4	0.7	0.2	<0.1	0.5	0.7	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.3	0.3
AXIN1	-0.2	0.3	0.9	<0.1	-0.1	0.5	0.8	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.2	0.2
TRAIL	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.3	0.3	0.4	0.2	0.2	0.1
CXCL9	-0.1	0.2	0.1	0.5	0.1	0.2	0.1	0.3	0.3	0.5	<0.1	0.1	0.2
CST5	0.3	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2	<0.1
OSM	<0.1	0.5	0.2	<0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.3
CXCL1	-0.1	0.4	0.8	<0.1	-0.1	0.5	0.8	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2
CCL4	<0.1	0.4	0.5	0.2	0.1	0.5	0.5	0.1	0.1	0.4	0.1	0.4	0.2
CD6	<0.1	0.3	0.6	0.1	<0.1	0.4	0.6	0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2
TGFA	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.4	0.2	0.2	0.3
MCP4	<0.1	0.4	0.7	<0.1	<0.1	0.6	0.7	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	0.3
CCL11	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.4	0.2	0.1	0.1	0.3	0.2	0.3	0.4
TNFSF14	-0.1	0.5	0.8	0.1	<0.1	0.5	0.8	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3	0.3
MMP1	<0.1	0.3	0.5	<0.1	<0.1	0.4	0.4	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1
LIFR	0.4	<0.1	-0.3	0.2	0.2	<0.1	-0.2	0.4	0.5	0.3	0.2	0.2	0.1
FGF21	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1
CCL19	<0.1	0.1	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2	0.1	0.3
IL15RA	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.3	0.5	0.6	0.1	0.2	0.1
IL10RB	0.2	<0.1	-0.2	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.3	0.5	0.5	0.2	0.2	0.2
IL18R1	0.1	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.1	0.3
PDL1	-0.1	0.4	0.7	0.2	<0.1	0.5	0.7	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.3	0.2
CXCL5	-0.1	0.3	0.7	<0.1	<0.1	0.5	0.7	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3	0.2
TRANCE	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.1	0.3	<0.1
HGF	0.1	0.4	0.4	0.2	0.1	0.4	0.5	0.1	0.1	0.4	0.2	0.3	0.5
IL12B	0.1	0.1	<0.1	0.4	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	0.5	0.1	0.2	0.2
MMP10	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.2
IL10	0.1	0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.4	0.1	0.1	0.2

TNF	<0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	0.3	0.1	0.2	0.3	0.6	0.1	0.2	0.3
CCL23	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1
CD5	-0.1	0.3	0.7	0.1	<0.1	0.4	0.7	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.3	0.2
CCL3	<0.1	0.3	0.4	0.4	0.1	0.4	0.4	0.1	0.2	0.5	0.1	0.3	0.3
FLT3L	0.3	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.3	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1
CXCL6	-0.1	0.4	0.8	0.1	<0.1	0.5	0.8	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2
CXCL10	<0.1	0.2	0.3	0.5	0.1	0.4	0.3	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.2
4EBP1	-0.1	0.4	0.9	<0.1	<0.1	0.5	0.9	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2
SIRT2	-0.1	0.4	0.9	<0.1	-0.1	0.5	0.8	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2
CCL28	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.2	0.2
DNER	1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3	0.1
ENRAGE	<0.1	1	0.4	0.1	0.1	0.3	0.5	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.3
CD40	-0.1	0.4	1	0.1	-0.1	0.5	0.8	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.3	0.2
IFNG	<0.1	0.1	0.1	1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1
FGF19	0.1	0.1	-0.1	<0.1	1	0.1	-0.1	0.3	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1
MCP2	<0.1	0.3	0.5	0.1	0.1	1	0.5	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.4	0.2
CASP8	-0.1	0.5	0.8	0.1	-0.1	0.5	1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.1
CCL25	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.1	1	0.3	0.2	0.1	0.2	0.2
CX3CL1	0.2	<0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.3	1	0.4	0.2	0.3	<0.1
TNFRSF9	0.1	0.2	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.4	1	0.1	0.2	0.2
NT3	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	1	0.2	0.2
TWEAK	0.3	0.2	0.3	0.1	0.1	0.4	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	1	0.2
CCL20	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1	0.2	0.2	0.2	1
ST1A1	-0.1	0.4	0.8	-0.1	-0.1	0.5	0.8	-0.2	-0.2	<0.1	<0.1	0.2	0.1
STAMBP	-0.1	0.4	0.9	<0.1	-0.1	0.5	0.8	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.3	0.2
ADA	<0.1	0.4	0.7	0.1	<0.1	0.4	0.8	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.2
TNFB	0.1	<0.1	-0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.4	0.1	0.2	0.1
CSF1	0.2	0.2	-0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.4	0.4	0.1	0.2	0.2
Age	-0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	-0.1	0.1	0.2
Body mass index	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2
Waist circumference	-0.1	0.2	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.2
Educational attainment	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
Alcohol consumption	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
Systolic blood pressure	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
Diastolic blood pressure	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
Hemoglobin A1c	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Duration of known diabetes	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
High-density lipoprotein	0.1	-0.1	-0.2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2
Low-density lipoprotein	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
Triglycerides	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.2
Albumin	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1
Fibrinogen	<0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
C-reactive protein	-0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.2
Serum amyloid A	<0.1	0.2	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
Leucocyte count	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.3	<0.1
Serum adiponectin	-0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	<0.1	<0.1	-0.1	0.2
Uric acid	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.2
Creatinine	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
Rényi4, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1
TP, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
SDWS, baseline	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
SDSA, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CE, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1
Rényi4, follow-up	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1
TP, follow-up	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDWS, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
SDSA, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CE, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	DNER	ENRAGE	CD40	IFNG	FGF19	MCP2	CASP8	CCL25	CX3CL1	TNFRSF9	NT3	TWEAK	CCL20
BMP6	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	<0.001	<0.001
ANGPT1	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	<0.001	0.017

ADM	1	1	0.074	0.001	0.006	1	0.239	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.341
CD40L	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.511	0.288	1	1	<0.001	0.001
PGF	1	1	0.681	0.004	0.466	1	1	0.021	<0.001	<0.001	0.362	1	0.288
ADAMTS13	<0.001	1	0.683	1	1	1	0.605	1	0.294	1	1	0.755	0.002
BOC	<0.001	1	0.002	1	0.178	0.833	0.012	0.037	<0.001	0.002	1	0.018	1
IL4RA	0.221	1	0.004	0.328	0.035	1	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1
SRC	1	1	<0.001	1	1	0.001	<0.001	1	1	1	1	0.134	1
IL1RA	0.482	<0.001	<0.001	0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	0.014	1	1	<0.001
TNFRSF10A	1	0.001	0.011	0.008	0.007	<0.001	0.001	0.001	0.003	<0.001	1	1	<0.001
STK4	1	<0.001	<0.001	0.718	0.851	<0.001	<0.001	1	0.06	1	1	0.003	0.515
IDUA	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.938	1	1	0.032	0.008
TNFRSF11A	1	1	1	0.272	0.148	0.418	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.06	0.726	0.102
PAR1	0.124	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	0.177	<0.001	0.015
TRAILR2	1	0.001	0.148	0.004	0.044	0.293	0.041	0.011	<0.001	<0.001	0.193	1	<0.001
PRSS27	0.275	1	0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.083	0.18	0.254	<0.001	1
TIE2	<0.001	1	0.006	0.971	0.004	1	0.059	<0.001	<0.001	0.014	1	1	1
TF	<0.001	1	0.228	1	0.38	1	0.917	<0.001	<0.001	0.031	1	0.027	1
IL1RL2	1	1	1	1	1	1	1	1	0.583	0.017	0.175	0.02	0.444
PDGFB	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	<0.001	<0.001
IL27	1	1	0.037	0.042	1	1	0.013	1	<0.001	<0.001	1	1	0.371
IL17D	0.494	1	1	1	1	1	1	0.116	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.026
LOX1	1	<0.001	<0.001	1	0.161	<0.001	<0.001	1	1	0.021	1	0.009	<0.001
GAL9	0.03	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	0.143	<0.001
GIF	1	1	1	1	1	1	1	1	0.64	0.466	1	1	1
SCF	0.002	1	0.186	1	1	1	0.023	1	0.001	1	1	0.001	1
IL18	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.008	<0.001	0.818	0.013	<0.001	1	0.907	0.003
PLGR	0.872	1	0.133	1	1	1	0.044	0.001	0.099	<0.001	1	1	0.246
RAGE	0.074	0.072	<0.001	1	1	0.701	0.001	0.016	<0.001	0.005	0.086	0.009	1
SOD2	0.367	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.833	0.401	<0.001	0.008
CTRC	0.017	1	1	1	0.976	1	1	1	1	1	1	0.021	1
FGF23	1	0.353	0.059	1	1	0.358	0.088	0.515	0.259	0.001	0.011	1	0.1
SPON2	0.301	1	<0.001	0.001	0.054	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.924
GH	1	0.047	1	1	1	0.285	0.084	1	1	1	1	1	0.873
FS	1	1	0.088	1	0.001	1	0.337	1	1	1	0.339	0.413	0.008
GLO1	0.172	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.489	<0.001	1	1	0.012	0.006
CD84	0.865	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	<0.001	0.016
SERPINA12	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
REN	1	0.165	1	0.13	1	0.337	1	1	1	0.52	1	1	0.726
DECR1	0.213	<0.001	<0.001	1	0.788	<0.001	<0.001	0.542	0.004	1	1	<0.001	0.016
MERTK	<0.001	0.998	<0.001	0.31	0.204	1	<0.001	0.002	<0.001	1	0.324	1	1
KIM1	0.026	0.449	1	1	1	1	1	0.066	0.223	0.994	1	1	1
THBS2	0.003	1	0.741	0.004	0.833	1	1	0.217	0.049	0.001	0.399	1	<0.001
TM	0.006	0.381	0.53	0.157	0.004	0.152	0.036	<0.001	<0.001	<0.001	0.066	0.002	0.775
VSIG2	1	0.033	0.058	1	1	1	0.046	<0.001	<0.001	<0.001	0.682	1	0.484
AMBP	1	1	0.171	1	0.124	1	0.471	0.097	<0.001	<0.001	0.006	1	0.225
PRELP	0.002	1	1	0.542	0.093	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.671	0.015
HO1	1	0.001	0.057	0.125	1	0.018	<0.001	1	0.778	0.658	1	1	1
XCCL1	1	0.066	0.053	<0.001	0.292	0.004	0.206	1	0.002	<0.001	1	0.227	<0.001
IL16	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.264	1	1	<0.001	0.007
SORT1	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.26	0.549	<0.001	<0.001
CEACAM8	1	<0.001	<0.001	0.946	0.386	<0.001	<0.001	0.835	1	<0.001	1	0.069	<0.001
PTX3	1	1	1	1	1	1	1	1	0.032	0.706	0.847	1	1
PSGL1	1	0.28	<0.001	1	0.54	0.066	<0.001	1	0.661	1	0.429	1	0.034
CCL17	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.119	0.886	<0.001	0.198
MMP7	0.837	1	1	0.882	0.328	1	0.16	0.002	0.008	0.001	0.957	1	0.004
IGGFC	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
ITGB1BP2	0.143	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.314	0.016	1	1	<0.001	0.032
DCN	<0.001	1	0.027	0.097	0.096	1	0.391	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.173	0.212
DKK1	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	<0.001	0.001
LPL	0.204	0.024	0.163	1	1	1	0.002	0.266	0.063	1	0.005	<0.001	1
PRSS8	0.089	1	1	0.139	0.167	1	1	0.107	0.007	<0.001	0.403	0.771	<0.001
AGRP	0.66	1	1	0.713	0.001	1	1	0.022	0.002	0.001	0.683	1	0.67
HBEGF	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	<0.001	0.011
GDF2	<0.001	0.118	0.004	1	0.257	0.756	0.002	0.001	0.006	1	1	0.041	1
FABP2	0.032	1	0.281	0.968	1	1	1	<0.001	0.01	<0.001	1	1	0.1
THPO	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	0.21	<0.001	1
MARCO	1	0.239	1	<0.001	0.067	0.005	1	0.017	0.014	<0.001	0.148	0.089	<0.001
GT	1	1	1	1	1	1	1	0.002	0.001	1	1	1	0.632
MMP12	1	0.05	1	0.004	1	1	1	0.004	1	<0.001	0.568	1	<0.001
ACE2	0.04	0.803	1	0.289	0.309	1	1	1	1	0.221	1	0.062	<0.001

PDL2	0.013	1	1	0.012	0.085	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.244	1
CTSL1	0.002	0.017	1	0.006	0.715	1	1	0.021	<0.001	<0.001	1	1	0.066
HOSCAR	1	1	1	<0.001	0.301	1	1	0.011	<0.001	<0.001	0.312	1	0.029
TNFRSF13B	1	0.325	1	<0.001	0.16	1	1	0.02	<0.001	<0.001	0.019	0.909	0.112
TGM2	1	0.004	1	1	0.68	0.288	0.005	1	1	1	0.573	1	1
LEP	1	1	1	0.1	1	1	1	1	1	0.724	1	1	0.199
CA5A	1	0.869	1	<0.001	0.934	1	1	1	1	0.21	1	<0.001	1
HSP27	0.788	0.486	0.521	1	1	1	0.631	1	1	1	1	1	1
CD4	0.664	<0.001	<0.001	0.022	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	0.122	<0.001
NEMO	0.062	<0.001	<0.001	1	0.524	<0.001	<0.001	0.072	<0.001	1	1	0.001	0.012
VEGFD	<0.001	1	0.001	1	0.519	0.319	0.028	<0.001	<0.001	1	0.38	0.056	1
PARP1	0.247	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.754	0.004	1	1	0.019	0.181
HAOX1	1	1	1	0.059	0.057	1	0.803	1	1	1	1	0.024	0.811
TNFRSF14	0.68	<0.001	<0.001	0.052	1	<0.001	<0.001	1	0.098	<0.001	1	<0.001	0.019
LDL_RC	0.006	1	1	1	1	1	1	0.464	1	0.195	0.639	1	0.058
ITGB2	1	0.031	<0.001	0.003	1	<0.001	<0.001	0.324	1	0.001	1	0.08	0.636
IL17RA	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.68	1	1	1	0.001	1
TNFR2	1	0.02	0.094	<0.001	0.623	<0.001	0.024	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.132	0.003
MMP9	1	<0.001	0.704	1	1	<0.001	0.115	1	1	0.015	1	0.543	<0.001
EPHB4	1	1	0.129	0.117	0.08	1	0.427	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.461	1
IL2RA	1	1	1	<0.001	1	0.047	1	0.305	0.002	<0.001	1	1	0.109
ALCAM	0.001	1	0.214	0.265	0.336	1	0.194	<0.001	<0.001	<0.001	0.131	0.008	1
SELP	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.593	1	0.97	<0.001	0.004
CSTB	0.163	<0.001	<0.001	0.275	1	<0.001	<0.001	1	1	0.004	1	0.001	<0.001
CD163	1	1	1	<0.001	1	0.12	1	0.053	0.247	<0.001	1	1	<0.001
GRN	0.316	1	1	0.004	0.143	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.417	0.536	0.617
NTPROBNP	1	0.761	0.647	1	1	1	0.046	1	0.01	0.139	0.405	1	1
PLC	1	1	1	0.041	0.447	1	1	0.001	<0.001	<0.001	0.836	1	1
LTBR	1	0.173	1	0.214	1	0.328	1	0.019	<0.001	<0.001	0.342	0.184	1
NOTCH3	0.001	1	0.008	1	0.058	1	0.054	0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	0.825
TIMP4	0.47	1	0.514	1	0.549	1	1	<0.001	0.004	0.128	0.169	1	1
CNTN1	<0.001	0.35	0.003	1	0.427	1	0.122	<0.001	0.002	0.035	0.018	<0.001	1
CDH5	0.001	1	0.071	0.512	0.023	1	0.192	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.011	1
TLT2	1	<0.001	<0.001	0.289	1	<0.001	<0.001	1	0.468	<0.001	1	<0.001	0.087
FABP4	1	1	1	0.72	1	1	1	0.055	0.348	<0.001	1	1	1
TFPI	0.319	0.16	1	1	0.017	0.176	1	0.009	1	1	0.8	0.006	0.108
PAI	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.033	1	<0.001	<0.001
CCL24	1	0.878	1	0.376	1	1	1	1	1	0.108	1	0.622	1
TR	0.509	0.028	1	0.363	1	1	1	1	1	0.111	1	0.247	0.517
TNFRSF10C	1	0.824	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
GDF15	1	0.111	1	0.195	0.196	1	1	0.001	<0.001	<0.001	0.757	0.533	0.001
SELE	1	0.14	1	0.239	1	1	1	0.014	0.616	0.011	1	1	0.001
DLK1	0.038	1	1	1	1	1	1	1	<0.001	<0.001	1	0.111	0.508
MPO	1	<0.001	<0.001	0.524	0.608	<0.001	<0.001	1	1	0.227	0.397	0.052	<0.001
CXCL16	0.16	1	0.336	1	0.351	0.263	1	0.001	0.004	0.785	0.552	1	1
IL6RA	0.891	1	0.323	0.822	0.673	1	0.341	1	1	1	1	1	1
RETN	0.059	<0.001	<0.001	0.655	1	0.006	<0.001	1	0.453	<0.001	1	0.045	0.004
IGFBP1	1	1	0.625	1	0.019	1	0.019	0.007	0.001	0.319	1	0.031	1
CHIT1	1	1	0.25	0.105	1	0.005	0.912	1	0.052	0.047	1	0.31	1
TRAP	0.015	0.166	1	1	0.853	1	1	0.018	1	0.049	1	1	0.892
GP6	0.395	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.918	0.108	1	1	<0.001	0.039
PSPD	0.217	1	1	0.938	1	1	1	0.629	0.696	0.006	1	0.989	1
EPCAM	0.022	1	0.499	1	1	1	1	0.099	1	1	1	1	1
APN	<0.001	1	0.128	1	1	1	0.888	0.058	0.151	1	0.367	1	1
AXL	0.041	1	0.455	0.003	0.086	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.19	1
IL1RT1	<0.001	1	0.001	0.661	0.168	1	0.007	<0.001	<0.001	<0.001	0.982	0.569	1
MMP2	<0.001	0.881	0.005	1	0.512	1	0.046	0.019	<0.001	0.133	0.065	0.051	1
FAS	1	1	1	1	1	0.001	0.183	0.008	0.013	<0.001	1	0.337	0.328
MB	1	1	1	1	1	1	1	1	0.06	<0.001	1	1	1
TNFSF13B	0.979	1	1	0.001	1	1	1	0.241	0.014	<0.001	0.143	1	0.046
PCSK9	0.143	1	1	1	0.873	0.065	1	0.317	1	0.646	<0.001	0.686	0.092
UPAR	1	<0.001	0.001	0.004	1	<0.001	<0.001	0.102	0.111	<0.001	0.463	1	<0.001
OPN	0.051	1	1	0.343	0.619	0.997	1	0.583	<0.001	<0.001	1	1	0.144
PGLYRP1	0.333	<0.001	0.844	0.553	1	0.002	0.52	1	0.215	<0.001	1	0.198	0.016
CPA1	0.514	1	1	1	0.018	1	1	<0.001	0.025	0.937	1	1	1
JAMA	0.556	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.103	1	1	<0.001	0.378
GAL4	0.573	1	1	0.464	0.757	1	1	<0.001	0.253	0.001	1	1	<0.001
IL1RT2	0.009	1	1	1	1	1	1	0.029	1	1	1	1	1
SHPS1	1	1	1	0.098	1	0.115	1	0.211	<0.001	<0.001	1	1	0.466
CCL15	1	1	1	0.353	1	1	1	0.001	0.069	<0.001	1	1	0.417

CASP3	0.225	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.014	1	1	<0.001	0.073
CPB1	0.542	1	1	0.182	0.084	1	1	<0.001	0.001	0.071	1	1	0.838
CHI3L1	1	0.425	1	1	<0.001	0.305	1	0.002	0.002	<0.001	1	1	0.028
ST2	1	0.172	1	0.821	1	1	1	0.038	1	1	1	1	1
TPA	1	1	0.42	0.322	1	0.986	0.395	1	1	1	0.603	1	0.014
SCGB3A2	1	1	1	0.834	0.349	1	0.771	0.012	1	1	<0.001	1	1
EGFR	<0.001	1	0.012	1	1	1	0.26	0.037	1	1	0.192	0.046	1
IGFBP7	0.003	1	0.692	0.06	0.284	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.525	0.292
CD93	0.79	1	1	1	0.271	1	1	0.001	<0.001	<0.001	0.483	0.007	1
IL18BP	1	1	1	<0.001	0.487	0.596	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.843	0.058
COL1A1	<0.001	1	1	1	1	1	0.891	1	0.008	<0.001	0.583	0.01	1
PON3	<0.001	0.052	0.006	0.238	0.073	0.254	<0.001	0.139	0.807	1	0.093	0.009	0.032
CTSZ	1	0.996	1	0.088	1	0.075	0.222	0.176	0.029	<0.001	1	1	0.087
MMP3	0.033	0.782	0.661	1	0.242	1	1	0.288	0.633	1	1	1	1
RARRES2	1	<0.001	<0.001	0.974	1	<0.001	<0.001	0.437	1	0.001	0.048	0.068	0.009
ICAM2	0.841	1	1	1	1	1	1	<0.001	<0.001	0.047	1	0.182	1
KLK6	0.027	0.899	0.117	1	1	1	0.047	0.67	<0.001	0.002	1	0.112	1
PDGFA	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	<0.001	0.001
TNFR1	1	0.038	1	0.007	0.15	0.003	0.871	<0.001	<0.001	<0.001	0.666	0.744	0.017
IGFBP2	1	1	0.294	1	0.01	1	0.015	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.41
VWF	0.538	1	0.804	0.208	0.117	1	1	0.314	0.825	0.265	1	1	0.078
PECAM1	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.946	1	1	<0.001	0.142
MEPE	0.194	1	1	1	1	1	1	1	0.001	0.002	0.007	0.214	1
CCL16	1	1	1	1	1	0.018	1	0.568	1	0.032	1	1	1
IL8	1	<0.001	<0.001	0.043	0.07	<0.001	<0.001	0.495	0.483	<0.001	0.317	<0.001	<0.001
VEGFA	1	<0.001	<0.001	0.027	1	<0.001	<0.001	0.233	0.006	<0.001	0.001	<0.001	<0.001
CD8A	1	0.961	1	<0.001	1	1	1	0.053	<0.001	<0.001	1	0.135	0.004
MCP3	1	<0.001	<0.001	0.015	0.432	<0.001	<0.001	1	0.564	<0.001	0.025	<0.001	<0.001
CDCP1	0.587	0.067	1	<0.001	0.916	0.006	1	0.001	<0.001	<0.001	0.82	1	<0.001
CD244	1	<0.001	<0.001	0.173	1	<0.001	<0.001	1	1	0.024	1	<0.001	0.001
IL7	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	<0.001	<0.001
OPG	<0.001	1	1	<0.001	0.006	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	<0.001
LAP_TGFB1	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.022	0.012	<0.001	<0.001
UPA	<0.001	1	1	0.002	0.004	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.004	<0.001	0.005
IL6	1	<0.001	1	<0.001	0.964	1	1	0.013	0.072	<0.001	1	1	<0.001
MCP1	0.01	0.286	1	0.119	0.07	<0.001	1	0.019	<0.001	<0.001	0.012	<0.001	<0.001
CXCL11	0.734	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	1	0.064	1	<0.001	<0.001
AXIN1	0.038	<0.001	<0.001	1	0.935	<0.001	<0.001	0.083	0.008	1	1	<0.001	0.003
TRAIL	0.001	0.18	1	<0.001	1	0.073	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.006	<0.001	0.17
CXCL9	1	0.034	1	<0.001	0.592	0.068	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.141	<0.001
CST5	<0.001	1	0.086	1	0.245	1	0.27	<0.001	<0.001	<0.001	0.607	0.002	1
OSM	1	<0.001	<0.001	1	0.786	<0.001	<0.001	1	1	0.03	0.851	0.094	<0.001
CXCL1	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	<0.001	0.001
CCL4	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	1	0.096	<0.001	1	<0.001	<0.001
CD6	1	<0.001	<0.001	0.137	1	<0.001	<0.001	1	1	0.002	0.157	<0.001	<0.001
TGFA	0.563	<0.001	0.918	0.018	0.001	<0.001	0.003	<0.001	<0.001	<0.001	0.033	0.002	<0.001
MCP4	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.434	0.942	<0.001	<0.001
CCL11	0.095	0.004	<0.001	1	0.411	<0.001	<0.001	0.16	0.219	<0.001	0.006	<0.001	<0.001
TNFSF14	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.813	0.22	<0.001	<0.001
MMP1	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1	1	<0.001	0.204
LIFR	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	0.002	0.544
FGF21	1	1	1	0.078	<0.001	1	1	0.001	0.923	0.084	1	0.176	0.384
CCL19	1	0.432	1	<0.001	1	0.012	1	0.202	0.006	<0.001	0.012	1	<0.001
IL15RA	1	0.028	1	<0.001	0.002	0.415	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.132
IL10RB	<0.001	1	0.07	<0.001	0.002	1	1	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.064	0.046
IL18R1	1	<0.001	0.68	<0.001	1	0.003	0.073	0.009	0.467	<0.001	0.072	1	<0.001
PDL1	1	<0.001	<0.001	0.002	1	<0.001	<0.001	1	0.035	<0.001	0.271	<0.001	0.002
CXCL5	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.659	1	1	<0.001	0.003
TRANCE	0.661	0.604	1	0.002	1	0.218	1	0.962	<0.001	<0.001	0.654	<0.001	1
HGF	1	<0.001	<0.001	0.009	0.647	<0.001	<0.001	0.278	0.306	<0.001	0.003	<0.001	<0.001
IL12B	1	0.096	1	<0.001	1	0.383	1	0.046	<0.001	<0.001	0.29	0.004	0.013
MMP10	0.043	1	1	0.018	0.994	1	1	0.025	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.002
IL10	0.296	0.321	0.332	<0.001	0.038	1	1	<0.001	0.001	<0.001	0.249	1	0.044
TNF	1	<0.001	0.256	<0.001	0.351	<0.001	0.294	<0.001	<0.001	<0.001	0.1	0.002	<0.001
CCL23	0.392	0.002	1	0.028	0.62	<0.001	0.25	0.032	<0.001	<0.001	0.841	<0.001	0.469
CD5	0.536	<0.001	<0.001	0.092	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	<0.001	0.007
CCL3	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.072	<0.001	<0.001	0.235	<0.001	<0.001	0.603	<0.001	<0.001
FLT3L	<0.001	1	1	0.008	<0.001	1	0.477	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.031	0.134
CXCL6	1	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.329	1	<0.001	<0.001
CXCL10	1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.185	0.001	<0.001	1	0.004	<0.001

4EBP1	0.77	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	0.258	1	0.433	<0.001	0.002
SIRT2	0.268	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.534	0.126	1	0.576	<0.001	0.005
CCL28	0.03	0.155	0.002	0.175	1	0.002	0.019	0.106	<0.001	0.031	0.001	<0.001	<0.001
DNER	<0.001	1	0.166	1	0.139	1	1	<0.001	0.013	1	0.005	<0.001	0.925
ENRAGE	0.706	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	1	1	0.002	1	<0.001	<0.001
CD40	0.006	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.769	1	1	1	<0.001	0.001
IFNG	0.988	0.275	0.298	<0.001	1	0.214	1	0.89	<0.001	<0.001	1	1	0.102
FGF19	0.005	0.115	0.16	0.391	<0.001	1	1	<0.001	<0.001	0.025	1	0.693	1
MCP2	0.482	<0.001	<0.001	0.008	0.226	<0.001	<0.001	1	0.858	0.427	0.153	<0.001	0.034
CASP8	0.11	<0.001	<0.001	0.234	0.301	<0.001	<0.001	1	1	1	1	<0.001	0.094
CCL25	<0.001	0.509	0.036	0.043	<0.001	0.422	0.143	<0.001	<0.001	<0.001	0.651	0.029	0.009
CX3CL1	<0.001	0.911	0.197	<0.001	<0.001	0.041	0.319	<0.001	<0.001	<0.001	0.016	<0.001	1
TNFRSF9	0.133	<0.001	0.114	<0.001	0.001	0.018	0.105	<0.001	<0.001	<0.001	0.432	<0.001	<0.001
NT3	<0.001	0.243	0.09	0.453	0.057	0.006	0.101	0.03	<0.001	0.019	<0.001	<0.001	0.019
TWEAK	<0.001	<0.001	<0.001	0.284	0.032	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.036
CCL20	0.045	<0.001	<0.001	0.004	0.107	0.001	0.003	<0.001	0.748	<0.001	0.001	0.001	<0.001
ST1A1	0.005	<0.001	<0.001	0.313	0.138	<0.001	<0.001	0.001	0.001	0.579	0.699	<0.001	0.006
STAMBP	0.011	<0.001	<0.001	0.566	0.061	<0.001	<0.001	0.011	0.001	0.77	0.049	<0.001	<0.001
ADA	0.499	<0.001	<0.001	0.132	0.783	<0.001	<0.001	0.713	0.99	0.021	0.472	<0.001	<0.001
TNFB	0.062	0.466	0.174	<0.001	0.8	0.375	0.907	<0.001	<0.001	<0.001	0.086	<0.001	0.015
CSF1	0.002	0.001	0.16	<0.001	0.175	0.239	0.933	<0.001	<0.001	<0.001	0.015	<0.001	<0.001
Age	0.028	<0.001	0.007	0.03	0.229	0.008	0.005	0.014	0.002	<0.001	0.061	0.024	0.001
Body mass index	0.032	0.003	0.036	0.029	0.084	0.007	0.007	0.629	0.171	0.16	0.567	0.006	<0.001
Waist circumference	0.048	0.001	0.048	0.019	0.305	0.005	0.002	0.756	0.384	0.017	0.021	0.002	<0.001
Educational attainment	0.694	0.046	0.419	0.795	0.881	0.297	0.734	0.037	0.547	0.703	0.464	0.267	0.042
Alcohol consumption	0.123	0.478	0.334	0.717	0.033	0.392	0.268	0.951	0.445	0.332	0.761	0.177	0.194
Systolic blood pressure	0.948	0.029	0.176	0.958	0.943	0.012	0.003	0.656	0.814	0.642	0.606	0.252	0.375
Diastolic blood pressure	0.618	0.221	0.382	0.309	0.129	0.075	0.007	0.29	0.551	0.194	0.591	0.15	0.72
Hemoglobin A1c	0.576	0.005	0.211	0.001	0.503	0.074	0.022	0.302	0.818	0.178	0.697	0.737	0.373
Duration of known diabetes	0.696	0.007	0.697	0.03	0.052	0.002	0.005	0.099	0.006	0.903	0.537	0.476	0.666
High-density lipoprotein	0.032	0.011	0.002	0.037	0.524	0.113	0.002	0.429	0.106	0.006	0.379	0.235	0.001
Low-density lipoprotein	0.5	0.327	0.44	0.74	0.536	0.256	0.192	0.48	0.005	0.052	0.303	0.724	0.09
Triglycerides	0.44	0.02	0.198	0.088	0.024	0.037	0.001	0.247	0.881	0.023	0.194	0.246	<0.001
Albumin	0.125	0.992	0.058	0.325	0.754	0.52	0.11	0.802	0.422	0.024	0.094	0.51	0.148
Fibrinogen	0.493	<0.001	0.129	0.004	0.977	0.007	0.28	0.527	0.932	0.004	0.199	0.098	<0.001
C-reactive protein	0.006	<0.001	0.107	0.014	0.83	0.029	0.028	0.527	0.88	0.003	0.677	0.002	<0.001
Serum amyloid A	0.853	<0.001	0.55	<0.001	0.423	0.457	0.776	0.292	0.678	0.064	0.84	0.021	0.131
Leucocyte count	0.001	0.047	0.021	0.375	0.202	0.165	<0.001	0.002	<0.001	0.496	0.296	<0.001	0.547
Serum adiponectin	0.001	<0.001	0.073	0.862	0.4	0.045	0.012	0.695	<0.001	0.727	0.43	0.006	<0.001
Uric acid	0.286	0.008	0.044	0.028	0.034	0.01	0.003	0.87	0.66	0.001	0.437	0.012	0.002
Creatinine	0.051	0.18	0.093	0.498	0.03	0.34	0.052	0.548	0.004	0.008	0.453	0.121	0.826
Rényi4, baseline	0.383	0.754	0.974	0.01	0.909	0.585	0.451	0.092	0.246	0.086	0.261	0.462	0.083
TP, baseline	0.422	0.992	0.692	0.053	0.539	0.781	0.645	0.278	0.461	0.145	0.737	0.297	0.269
SDWS, baseline	0.282	0.919	0.707	0.01	0.422	0.518	0.279	0.339	0.989	0.24	0.686	0.403	0.202
SDSA, baseline	0.901	0.62	0.675	0.08	0.377	0.617	0.725	0.037	0.223	0.034	0.492	0.98	0.519
CE, baseline	0.439	0.903	0.901	0.053	0.487	0.466	0.892	0.038	0.376	0.01	0.309	0.546	0.164
Rényi4, follow-up	0.239	0.943	0.537	0.177	0.759	0.169	0.919	0.013	0.1	0.222	0.575	0.3	0.412
TP, follow-up	0.531	0.304	0.38	0.645	0.36	0.132	0.607	0.001	0.054	0.224	0.261	0.684	0.876
SDWS, follow-up	0.47	0.919	0.856	0.837	0.874	0.438	0.709	0.012	0.833	0.838	0.581	0.051	0.507
SDSA, follow-up	0.733	0.745	0.963	0.298	0.44	0.365	0.448	0.012	0.126	0.167	0.583	0.46	0.704
CE, follow-up	0.716	0.796	0.955	0.137	0.384	0.258	0.346	0.002	0.125	0.016	0.877	0.495	0.959

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	ST1A1	STAMB	ADA	TNFB	CSF1	Age	Body mass index	Waist circumference
BMP6	0.6	0.7	0.6	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
ANGPT1	0.5	0.6	0.4	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
ADM	-0.2	-0.2	-0.1	0.2	0.4	0.2	0.3	0.2
CD40L	0.8	0.9	0.7	-0.1	-0.1	0.2	0.1	<0.1
PGF	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.4	0.1	0.1	0.2
ADAMTS13	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1
BOC	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1
IL4RA	-0.2	-0.2	-0.1	0.2	0.4	0.1	-0.1	<0.1
SRC	0.4	0.4	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL1RA	0.5	0.5	0.6	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3
TNFRSF10A	0.1	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.1
STK4	0.8	0.8	0.5	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1
IDUA	0.4	0.4	0.5	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2
TNFRSF11A	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.4	0.2	0.2	0.1
PAR1	0.8	0.9	0.7	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
TRAILR2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.4	0.2	0.2	0.2
PRSS27	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1
TIE2	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1
TF	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1
IL1RL2	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1
PDGFB	0.6	0.7	0.5	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
IL27	-0.2	-0.2	-0.1	0.2	0.4	0.1	-0.1	<0.1
IL17D	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2	-0.1	-0.1
LOX1	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
GAL9	0.4	0.5	0.6	0.1	0.2	0.2	0.3	0.3
GIF	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
SCF	-0.2	-0.2	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	-0.2
IL18	0.2	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2
PLGR	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	<0.1
RAGE	-0.3	-0.2	-0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.2	-0.3
SOD2	0.5	0.5	0.4	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
CTRC	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1
FGF23	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1
SPON2	-0.4	-0.4	-0.3	0.2	0.5	0.1	0.1	<0.1
GH	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.2	-0.4
FS	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.2	0.1
GLO1	0.8	0.9	0.7	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1
CD84	0.8	0.8	0.6	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
SERPINA12	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.1
REN	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.3
DECR1	0.9	0.9	0.7	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1
MERTK	-0.3	-0.3	-0.2	0.1	0.3	<0.1	<0.1	-0.1
KIM1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.1
THBS2	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.4	<0.1	0.2	0.1
TM	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.4	0.1	0.1	0.1
VSIG2	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1
AMBP	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.4	0.1	0.2	0.2
PRELP	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.4	0.2	0.1	<0.1
HO1	0.2	0.1	0.3	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.3
XCL1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.1
IL16	0.7	0.8	0.8	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.2
SORT1	0.6	0.6	0.6	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
CEACAM8	0.2	0.2	0.3	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.2
PTX3	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.3	<0.1	<0.1	<0.1
PSGL1	0.3	0.3	0.3	<0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.2
CCL17	0.6	0.6	0.5	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
MMP7	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1
IGGFC	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
ITGB1BP2	0.9	0.9	0.7	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1
DCN	-0.2	-0.2	-0.1	0.2	0.4	0.2	0.1	0.1
DKK1	0.7	0.7	0.6	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
LPL	-0.1	-0.1	-0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.1	-0.4
PRSS8	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2	0.4
AGRP	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
HBEGF	0.7	0.7	0.6	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1

GDF2	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.3
FABP2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1
THPO	0.4	0.4	0.3	-0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1
MARCO	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.2	0.1
GT	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
MMP12	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1
ACE2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.4
PDL2	-0.2	-0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	<0.1	<0.1
CTSL1	-0.2	-0.2	<0.1	0.1	0.5	0.2	0.1	0.1
HOSCAR	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.4	0.1	0.1	0.1
TNFRSF13B	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.1
TGM2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2
LEP	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.3	<0.1	0.5	0.1
CA5A	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.4
HSP27	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
CD4	0.5	0.5	0.6	0.1	0.1	0.2	0.2	0.2
NEMO	0.9	0.9	0.7	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1
VEGFD	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.2	-0.2
PARP1	0.8	0.8	0.8	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.2
HAOX1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.3
TNFRSF14	0.5	0.6	0.6	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
LDL_RC	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2
ITGB2	0.2	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
IL17RA	0.3	0.4	0.3	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
TNFR2	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.5	0.2	0.2	0.2
MMP9	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.2	0.1
EPHB4	-0.2	-0.2	<0.1	0.1	0.4	0.1	<0.1	<0.1
IL2RA	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	0.2
ALCAM	-0.2	-0.2	<0.1	0.2	0.3	0.1	-0.1	-0.2
SELP	0.8	0.8	0.6	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
CSTB	0.6	0.7	0.7	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.2
CD163	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.3
GRN	-0.1	-0.1	0.1	0.3	0.3	<0.1	0.1	<0.1
NTPROBNP	-0.1	-0.1	-0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	-0.2
PLC	-0.2	-0.2	<0.1	0.1	0.4	0.2	0.2	0.2
LTBR	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	0.2	0.1	0.1
NOTCH3	-0.2	-0.2	-0.1	0.2	0.3	0.2	<0.1	<0.1
TIMP4	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	<0.1
CNTN1	-0.2	-0.2	-0.1	0.2	0.2	<0.1	-0.1	-0.2
CDH5	-0.2	-0.2	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1
TLT2	0.4	0.5	0.4	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
FABP4	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.4	0.1
TFPI	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
PAI	0.5	0.6	0.5	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3
CCL24	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
TR	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1
TNFRSF10C	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1
GDF15	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.4	0.3	0.1	0.2
SELE	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.3	0.3
DLK1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1
MPO	0.4	0.4	0.4	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2
CXCL16	-0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	<0.1	0.1	<0.1
IL6RA	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
RETN	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1
IGFBP1	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.4	-0.5
CHIT1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1	<0.1
TRAP	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
GP6	0.8	0.9	0.7	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
PSPD	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
EPCAM	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
APN	-0.2	-0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1
AXL	-0.2	-0.2	<0.1	0.2	0.4	0.1	<0.1	0.1
IL1RT1	-0.3	-0.3	-0.1	0.1	0.3	0.1	-0.1	-0.1
MMP2	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1
FAS	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.3	0.1	0.2	0.2
MB	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1	0.3
TNFSF13B	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.3	0.1	0.1	-0.1
PCSK9	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1
UPAR	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.2	0.2	0.1
OPN	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1

PGLYRP1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.1	0.1
CPA1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1
JAMA	0.8	0.8	0.6	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1
GAL4	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
IL1RT2	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.2
SHPS1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.3	0.2	0.1	0.1
CCL15	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1
CASP3	0.9	0.9	0.7	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1
CPB1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1
CHI3L1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2
ST2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3
TPA	0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.3
SCGB3A2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.3
EGFR	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1
IGFBP7	-0.2	-0.2	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.2
CD93	-0.2	-0.2	<0.1	0.1	0.3	0.1	<0.1	<0.1
IL18BP	-0.2	-0.2	<0.1	0.2	0.4	0.2	<0.1	0.1
COL1A1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PON3	-0.2	-0.2	-0.2	-0.1	-0.1	-0.2	-0.4	-0.4
CTSZ	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.3
MMP3	-0.1	-0.1	<0.1	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.3
RARRES2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.3	0.1	0.3	0.1
ICAM2	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1	<0.1
KLK6	-0.2	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	-0.1
PDGFA	0.6	0.7	0.5	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
TNFR1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.5	0.3	0.2	0.2
IGFBP2	-0.2	-0.2	-0.2	0.1	0.1	0.1	-0.4	-0.4
VWF	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
PECAM1	0.7	0.8	0.6	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.1
MEPE	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
CCL16	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1	0.2	0.3
IL8	0.4	0.5	0.5	0.1	0.2	0.1	0.2	0.2
VEGFA	0.3	0.4	0.4	0.2	0.4	0.2	0.3	0.2
CD8A	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.4	<0.1	<0.1	0.1
MCP3	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2	0.3	0.2	0.2
CDCP1	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1	0.2
CD244	0.8	0.8	0.7	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
IL7	0.6	0.7	0.6	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
OPG	-0.1	-0.1	0.1	0.3	0.5	0.2	0.1	<0.1
LAP_TGFB1	0.7	0.8	0.7	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
UPA	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.1	<0.1	<0.1
IL6	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.5	0.2	0.3	0.3
MCP1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.2
CXCL11	0.7	0.7	0.6	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
AXIN1	0.9	1	0.7	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1
TRAIL	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.3	<0.1	0.1	0.1
CXCL9	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.3	0.1	0.1
CST5	-0.2	-0.2	-0.1	0.1	0.3	0.2	-0.1	-0.1
OSM	0.2	0.2	0.2	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.2
CXCL1	0.8	0.9	0.7	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
CCL4	0.4	0.5	0.5	0.2	0.2	0.2	0.2	0.2
CD6	0.5	0.6	0.6	0.2	<0.1	0.1	0.1	0.1
TGFA	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.5	0.2	0.1	0.1
MCP4	0.7	0.7	0.6	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
CCL11	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1	0.2	<0.1	0.1
TNFSF14	0.8	0.8	0.7	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2
MMP1	0.4	0.5	0.4	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
LIFR	-0.3	-0.3	-0.1	0.4	0.5	0.1	0.1	<0.1
FGF21	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2	0.2
CCL19	0.1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	0.1
IL15RA	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.4	0.2	<0.1	0.1
IL10RB	-0.2	-0.2	<0.1	0.3	0.5	0.1	0.1	0.1
IL18R1	<0.1	0.1	0.1	0.2	0.4	0.1	0.3	0.3
PDL1	0.6	0.7	0.6	0.1	0.1	0.2	0.1	0.2
CXCL5	0.7	0.8	0.7	<0.1	<0.1	0.2	0.1	<0.1
TRANCE	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1
HGF	0.3	0.4	0.4	0.2	0.4	0.2	0.4	0.3
IL12B	-0.1	-0.1	0.1	0.4	0.4	0.2	0.1	<0.1
MMP10	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.4	<0.1	<0.1	<0.1
IL10	-0.2	-0.2	-0.1	0.3	0.4	0.1	0.1	0.1

TNF	<0.1	0.1	0.2	0.4	0.4	0.2	0.2	0.2
CCL23	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.4	0.1	<0.1	<0.1
CD5	0.6	0.6	0.7	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CCL3	0.3	0.4	0.5	0.2	0.3	0.2	0.2	0.3
FLT3L	<0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1
CXCL6	0.7	0.8	0.7	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CXCL10	0.2	0.2	0.3	0.2	0.3	0.2	0.2	0.2
4EBP1	0.9	1	0.8	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
SIRT2	0.9	1	0.7	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
CCL28	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	-0.1	-0.1
DNER	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1
ENRAGE	0.4	0.4	0.4	<0.1	0.2	0.2	0.1	0.2
CD40	0.8	0.9	0.7	-0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
IFNG	-0.1	<0.1	0.1	0.3	0.3	0.1	0.1	0.1
FGF19	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1
MCP2	0.5	0.5	0.4	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
CASP8	0.8	0.8	0.8	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
CCL25	-0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1
CX3CL1	-0.2	-0.2	<0.1	0.2	0.4	0.2	-0.1	<0.1
TNFRSF9	<0.1	<0.1	0.1	0.4	0.4	0.2	0.1	0.1
NT3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1
TWEAK	0.2	0.3	0.3	0.2	0.2	0.1	-0.1	-0.1
CCL20	0.1	0.2	0.2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.2
ST1A1	1	0.9	0.7	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1
STAMBP	0.9	1	0.7	-0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1
ADA	0.7	0.7	1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.2
TNFB	-0.1	-0.1	0.1	1	0.3	0.1	0.1	<0.1
CSF1	-0.2	-0.2	<0.1	0.3	1	0.2	0.2	<0.1
Age	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	1	0.1	0.1
Body mass index	0.1	0.1	0.1	0.1	0.2	0.1	1	0.7
Waist circumference	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	0.7	1
Educational attainment	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1	-0.2	0.1
Alcohol consumption	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.2
Systolic blood pressure	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.3
Diastolic blood pressure	0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.3
Hemoglobin A1c	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
Duration of known diabetes	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.2
High-density lipoprotein	-0.2	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	-0.4
Low-density lipoprotein	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1
Triglycerides	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.2	0.3
Albumin	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	0.1
Fibrinogen	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.2	0.2	0.2
C-reactive protein	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.4	0.2	0.3	0.2
Serum amyloid A	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.1	0.2	0.1
Leucocyte count	-0.2	-0.1	-0.2	0.1	0.2	<0.1	-0.2	-0.4
Serum adiponectin	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.2	0.1
Uric acid	0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	0.5
Creatinine	<0.1	<0.1	0.1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.3
Rényi4, baseline	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
TP, baseline	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDWS, baseline	0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDSA, baseline	0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1
CE, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1
Rényi4, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
TP, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
SDWS, follow-up	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDSA, follow-up	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CE, follow-up	0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	ST1A1	STAMB	ADA	TNFB	CSF1	Age	Body mass index	Waist circumference
BMP6	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.089	0.338	0.012
ANGPT1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.911	1	1

ADM	<0.001	0.002	0.217	<0.001	<0.001	0.041	<0.001	0.01
CD40L	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.025	1	1
PGF	0.074	0.092	1	0.186	<0.001	0.085	1	<0.001
ADAMTS13	0.093	0.303	1	1	0.003	1	0.735	1
BOC	<0.001	<0.001	0.443	0.113	<0.001	1	1	1
IL4RA	<0.001	<0.001	0.287	0.028	<0.001	1	1	1
SRC	<0.001	<0.001	0.032	1	1	1	1	1
IL1RA	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.062	<0.001	<0.001
TNFRSF10A	0.164	0.068	<0.001	0.057	<0.001	0.018	0.016	0.308
STK4	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.061	1	1	1
IDUA	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	0.003	0.005
TNFRSF11A	1	1	1	0.049	<0.001	0.002	0.027	1
PAR1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.406	0.725	1	1
TRAILR2	1	1	0.006	1	<0.001	<0.001	0.053	0.001
PRSS27	0.019	0.001	0.001	1	0.106	1	1	1
TIE2	<0.001	0.001	0.563	0.954	<0.001	1	1	1
TF	0.016	0.056	1	1	0.001	1	1	1
IL1RL2	1	1	1	0.09	0.28	0.052	0.037	1
PDGFB	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.511	0.736	1
IL27	0.01	0.001	0.121	0.007	<0.001	1	1	1
IL17D	1	1	1	0.066	0.007	0.038	0.967	0.09
LOX1	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.227	0.201	1
GAL9	<0.001	<0.001	<0.001	0.768	0.001	0.002	<0.001	<0.001
GIF	1	1	1	1	0.739	1	1	1
SCF	0.015	0.029	0.004	1	0.405	1	0.01	0.001
IL18	0.051	0.004	<0.001	0.149	<0.001	0.645	0.427	<0.001
PLGR	0.004	0.006	1	0.144	<0.001	0.232	1	1
RAGE	<0.001	<0.001	0.089	0.004	<0.001	1	0.007	<0.001
SOD2	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1
CTRC	1	1	1	1	0.417	1	1	1
FGF23	0.001	0.014	0.092	0.301	<0.001	1	1	1
SPON2	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.726	0.514	1
GH	0.25	0.343	0.085	1	1	1	0.001	<0.001
FS	0.001	0.008	0.639	1	<0.001	1	0.024	1
GLO1	<0.001	<0.001	<0.001	0.441	0.002	1	1	0.51
CD84	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.413	1	1
SERPINA12	1	1	1	0.152	0.05	1	1	1
REN	1	1	1	1	1	1	0.359	<0.001
DECR1	<0.001	<0.001	<0.001	0.382	0.002	1	1	1
MERTK	<0.001	<0.001	<0.001	0.459	<0.001	1	1	1
KIM1	1	1	1	1	<0.001	0.373	0.053	0.081
THBS2	0.091	0.074	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.186
TM	1	1	0.018	1	<0.001	0.379	1	0.227
VSIG2	0.003	0.002	0.504	0.818	<0.001	1	1	1
AMBP	0.009	0.01	1	1	<0.001	0.259	<0.001	0.05
PRELP	0.117	0.361	1	0.01	<0.001	0.011	0.657	1
HO1	0.034	0.219	<0.001	1	0.184	0.025	1	<0.001
XCCL1	0.597	1	0.027	0.002	<0.001	1	1	1
IL16	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.436	0.217	0.02
SORT1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.925	0.011	0.082	0.244
CEACAM8	<0.001	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.856	0.15	0.058
PTX3	0.11	0.512	1	1	<0.001	1	1	1
PSGL1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.742	0.014	0.001
CCL17	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.443	0.858	0.104
MMP7	0.102	0.365	1	0.563	<0.001	0.203	1	1
IGGFC	1	1	1	1	1	1	1	1
ITGB1BP2	<0.001	<0.001	<0.001	0.931	0.039	1	1	1
DCN	<0.001	0.002	1	0.015	<0.001	0.022	0.073	0.376
DKK1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.113	1	1
LPL	0.093	0.084	0.02	0.011	0.465	1	0.51	<0.001
PRSS8	1	1	1	1	0.017	1	<0.001	<0.001
AGRP	1	1	1	1	0.764	1	1	1
HBEGF	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.623	0.598	1
GDF2	0.001	0.005	0.08	0.329	0.081	1	0.072	<0.001
FABP2	0.349	0.308	1	0.608	0.068	1	1	1
THPO	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	1	0.33
MARCO	1	1	0.856	0.004	<0.001	1	0.037	0.138
GT	1	1	1	1	1	1	1	1
MMP12	1	1	1	0.336	<0.001	0.038	0.671	1
ACE2	1	1	1	1	0.884	1	<0.001	<0.001

PDL2	0.048	0.05	1	0.041	<0.001	1	1	1
CTSL1	0.017	0.008	1	0.087	<0.001	0.044	1	0.076
HOSCAR	1	1	1	0.001	<0.001	1	1	1
TNFRSF13B	1	1	1	0.039	<0.001	0.217	0.82	1
TGM2	0.596	0.333	0.278	1	1	1	0.085	0.021
LEP	1	1	1	<0.001	<0.001	1	<0.001	0.996
CA5A	1	1	1	1	0.354	1	<0.001	<0.001
HSP27	1	1	0.421	1	1	0.841	1	1
CD4	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.066	0.063	<0.001
NEMO	<0.001	<0.001	<0.001	0.274	<0.001	1	1	0.728
VEGFD	<0.001	<0.001	0.129	0.375	<0.001	0.618	0.025	<0.001
PARP1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.043	1	0.702	0.022
HAOX1	1	1	0.368	1	1	1	0.132	<0.001
TNFRSF14	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.09	0.002	0.784	0.194
LDL_RC	1	1	0.925	0.092	1	1	<0.001	0.043
ITGB2	0.003	0.001	<0.001	0.059	0.556	1	0.087	1
IL17RA	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.755	1	1
TNFR2	1	1	0.001	0.013	<0.001	<0.001	0.031	0.003
MMP9	1	1	0.465	1	<0.001	1	0.042	0.691
EPHB4	<0.001	<0.001	1	1	<0.001	1	1	1
IL2RA	1	1	0.167	0.061	<0.001	1	0.593	0.064
ALCAM	0.001	0.006	1	0.001	<0.001	1	1	0.007
SELP	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.468	0.216	1	1
CSTB	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.002	0.003	0.007
CD163	1	1	0.386	0.001	<0.001	0.351	<0.001	<0.001
GRN	0.321	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1
NTPROBNP	0.14	0.166	0.081	0.001	0.007	0.145	1	<0.001
PLC	0.003	0.036	1	0.842	<0.001	0.008	0.004	0.009
LTBR	1	1	0.808	1	<0.001	0.032	1	1
NOTCH3	<0.001	<0.001	1	0.004	<0.001	0.05	1	1
TIMP4	0.115	0.427	1	0.766	<0.001	1	0.012	1
CNTN1	0.001	0.002	1	0.034	<0.001	1	1	0.026
CDH5	<0.001	0.001	1	0.13	<0.001	1	1	1
TLT2	<0.001	<0.001	<0.001	0.149	0.03	0.185	1	1
FABP4	1	1	1	0.001	<0.001	0.603	<0.001	0.285
TFPI	1	1	1	1	1	1	1	1
PAI	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.509	<0.001	<0.001
CCL24	1	1	1	1	1	1	1	1
TR	1	1	1	0.715	0.001	0.774	0.054	1
TNFRSF10C	1	1	1	1	0.067	0.035	1	1
GDF15	0.117	0.415	1	1	<0.001	<0.001	0.982	0.008
SELE	1	1	0.35	1	0.026	1	<0.001	<0.001
DLK1	1	1	1	0.541	<0.001	0.083	0.826	1
MPO	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.249	0.03	0.068
CXCL16	0.012	0.328	1	1	<0.001	1	0.854	1
IL6RA	0.016	0.113	1	1	1	1	1	1
RETN	0.372	0.029	0.001	1	<0.001	0.008	0.044	0.989
IGFBP1	0.06	0.108	0.722	1	1	1	<0.001	<0.001
CHIT1	1	1	1	1	0.015	0.01	1	1
TRAP	1	1	0.405	1	0.695	1	0.233	<0.001
GP6	<0.001	<0.001	<0.001	0.811	0.086	0.125	1	1
PSPD	1	1	1	0.182	1	0.92	1	1
EPCAM	1	1	1	1	1	1	1	0.458
APN	0.006	0.051	1	1	0.036	1	1	1
AXL	0.006	0.003	1	<0.001	<0.001	0.95	1	1
IL1RT1	<0.001	<0.001	0.406	1	<0.001	1	1	1
MMP2	<0.001	0.001	1	0.159	<0.001	1	1	1
FAS	1	1	0.021	1	<0.001	0.098	0.041	0.001
MB	1	1	1	1	0.029	0.438	0.935	<0.001
TNFSF13B	1	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1
PCSK9	1	1	1	1	0.201	1	0.766	1
UPAR	0.332	0.06	<0.001	1	<0.001	0.029	0.042	1
OPN	0.109	0.51	1	1	<0.001	0.798	1	1
PGLYRP1	1	1	0.162	1	<0.001	0.444	1	1
CPA1	1	1	1	1	0.055	1	1	0.589
JAMA	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.005	0.808	1	1
GAL4	1	1	0.33	1	0.37	0.174	0.351	0.2
IL1RT2	0.292	0.748	1	1	1	1	1	0.006
SHPS1	1	1	0.833	1	<0.001	0.009	1	0.468
CCL15	0.024	0.133	1	1	<0.001	1	1	1

CASP3	<0.001	<0.001	<0.001	0.596	0.01	0.541	1	1
CPB1	1	1	1	1	0.003	1	1	0.597
CHI3L1	1	1	0.578	1	0.051	0.057	0.265	<0.001
ST2	1	1	1	1	1	1	0.129	<0.001
TPA	1	0.253	1	1	1	1	0.038	<0.001
SCGB3A2	0.497	1	0.942	1	1	1	0.001	<0.001
EGFR	0.004	0.009	1	1	0.03	0.779	1	0.289
IGFBP7	0.004	0.039	1	0.848	<0.001	1	1	0.003
CD93	0.003	0.024	1	0.612	<0.001	0.969	1	1
IL18BP	0.009	0.026	1	<0.001	<0.001	0.003	1	0.342
COL1A1	0.299	0.434	1	0.917	0.202	1	1	1
PON3	0.001	0.002	<0.001	1	1	0.01	<0.001	<0.001
CTSZ	1	1	0.193	1	<0.001	1	<0.001	<0.001
MMP3	0.505	0.247	1	0.017	0.46	1	1	<0.001
RARRES2	0.084	0.003	<0.001	1	<0.001	0.177	<0.001	0.172
ICAM2	1	1	1	1	0.005	1	1	1
KLK6	0.006	0.006	1	1	0.162	1	<0.001	0.266
PDGFA	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.153	1	1
TNFR1	1	1	0.095	0.175	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IGFBP2	0.006	0.009	0.063	1	0.706	1	<0.001	<0.001
VWF	0.232	0.4	1	1	0.002	1	1	1
PECAM1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.031	0.878	1	1
MEPE	1	1	1	1	0.099	1	1	1
CCL16	1	1	1	1	0.017	1	0.014	<0.001
IL8	<0.001	<0.001	<0.001	0.939	0.003	0.126	0.054	0.024
VEGFA	<0.001	<0.001	<0.001	0.03	<0.001	0.007	<0.001	0.016
CD8A	1	1	1	<0.001	<0.001	1	1	1
MCP3	<0.001	<0.001	<0.001	0.526	<0.001	<0.001	0.002	0.004
CDCP1	1	1	0.151	0.05	<0.001	<0.001	0.089	0.002
CD244	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.152	0.55	0.052
IL7	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.091	1	1
OPG	0.084	0.489	1	<0.001	<0.001	<0.001	0.203	1
LAP_TGFB1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.497	0.208	0.114	0.633
UPA	0.749	1	1	<0.001	<0.001	0.823	1	1
IL6	1	1	1	0.932	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
MCP1	1	1	1	0.16	<0.001	0.156	0.756	0.017
CXCL11	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.017	1	0.864
AXIN1	<0.001	<0.001	<0.001	0.424	0.001	1	1	0.519
TRAIL	0.362	1	1	0.001	<0.001	1	0.72	1
CXCL9	1	1	0.363	<0.001	<0.001	<0.001	1	1
CST5	0.002	0.004	0.815	0.275	<0.001	0.038	0.474	0.624
OSM	0.004	<0.001	<0.001	1	<0.001	1	0.003	0.043
CXCL1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.348	1	1
CCL4	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.001	0.007	0.005	<0.001
CD6	<0.001	<0.001	<0.001	0.037	1	1	0.704	0.241
TGFA	1	1	0.003	0.004	<0.001	0.03	1	1
MCP4	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.006	1	1
CCL11	0.001	<0.001	0.002	1	0.593	0.003	1	1
TNFSF14	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.703	0.009	0.014
MMP1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	1	1	1
LIFR	<0.001	<0.001	0.215	<0.001	<0.001	1	1	1
FGF21	1	1	1	1	0.177	1	0.001	0.001
CCL19	1	1	1	0.004	0.001	0.077	0.137	0.117
IL15RA	1	1	0.414	<0.001	<0.001	0.023	1	0.611
IL10RB	<0.001	<0.001	1	<0.001	<0.001	0.098	0.605	0.975
IL18R1	1	1	0.107	0.002	<0.001	0.825	<0.001	<0.001
PDL1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.126	0.059	1	0.031
CXCL5	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.012	1	1
TRANCE	1	1	1	0.001	0.006	1	1	1
HGF	<0.001	<0.001	<0.001	0.049	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
IL12B	1	1	1	<0.001	<0.001	0.012	0.138	1
MMP10	1	1	1	0.216	<0.001	1	1	1
IL10	0.01	0.03	1	<0.001	<0.001	0.768	1	1
TNF	1	1	0.026	<0.001	<0.001	0.001	0.001	0.001
CCL23	1	1	1	0.304	<0.001	0.391	1	1
CD5	<0.001	<0.001	<0.001	0.461	1	1	0.951	0.076
CCL3	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.008	<0.001
FLT3L	1	1	0.086	<0.001	<0.001	1	0.622	1
CXCL6	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.287	0.773	0.395
CXCL10	0.004	0.002	<0.001	0.004	<0.001	<0.001	0.005	0.004

4EBP1	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.709	0.259	0.075
SIRT2	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.285	1	1	1
CCL28	0.109	0.022	0.003	0.509	0.043	0.057	0.479	0.897
DNER	0.144	0.272	1	1	0.067	0.609	0.691	0.979
ENRAGE	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.023	0.005	0.09	0.019
CD40	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.18	0.759	0.971
IFNG	1	1	1	<0.001	<0.001	0.651	0.634	0.432
FGF19	1	1	1	1	1	1	1	1
MCP2	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.209	0.189	0.13
CASP8	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.146	0.173	0.066
CCL25	0.041	0.283	1	0.016	<0.001	0.328	1	1
CX3CL1	0.018	0.041	1	<0.001	<0.001	0.049	1	1
TNFRSF9	1	1	0.473	<0.001	<0.001	0.005	1	0.392
NT3	1	1	1	1	0.364	1	1	0.489
TWEAK	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.002	0.544	0.168	0.073
CCL20	0.163	0.011	0.014	0.348	0.003	0.04	0.007	0.004
ST1A1	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.004	1	1	1
STAMBP	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.031	0.663	1	1
ADA	<0.001	<0.001	<0.001	1	1	0.814	0.158	0.033
TNFB	0.072	0.053	0.137	<0.001	<0.001	1	1	1
CSF1	<0.001	0.001	0.725	<0.001	<0.001	0.008	0.066	1
Age	0.113	0.031	0.039	0.282	<0.001	<0.001	0.187	0.123
Body mass ind	0.202	0.072	0.006	0.104	0.002	0.007	<0.001	<0.001
Waist circumfe	0.124	0.069	0.001	0.858	0.422	0.004	<0.001	<0.001
Educational att	0.505	0.374	0.497	0.279	0.002	0.066	0.001	0.133
Alcohol consur	0.628	0.7	0.08	0.126	0.048	0.781	0.904	0.001
Systolic blood p	0.187	0.112	0.008	0.267	0.407	<0.001	<0.001	<0.001
Diastolic blood	0.14	0.145	0.033	0.064	0.062	0.889	0.001	<0.001
Hemoglobin A	0.274	0.684	0.222	0.41	0.238	0.01	0.041	0.053
Duration of kn	0.563	0.748	0.003	0.608	0.059	0.517	0.008	<0.001
High-density li	0.002	0.009	<0.001	0.675	0.843	0.673	<0.001	<0.001
Low-density lip	0.628	0.14	0.595	0.02	0.057	0.399	0.27	0.776
Triglycerides	0.013	0.062	0.001	0.059	0.472	0.129	<0.001	<0.001
Albumin	0.113	0.039	0.323	0.029	<0.001	0.593	0.231	0.082
Fibrinogen	0.803	0.426	0.534	0.687	<0.001	<0.001	<0.001	0.002
C-reactive prot	0.493	0.327	0.146	0.938	<0.001	0.001	<0.001	<0.001
Serum amyloid	0.193	0.287	0.986	0.939	<0.001	0.003	<0.001	0.119
Leucocyte coun	0.001	0.004	0.001	0.005	0.001	0.876	<0.001	<0.001
Serum adipone	0.159	0.046	0.113	0.019	0.01	0.448	0.002	0.058
Uric acid	0.302	0.125	0.001	0.044	0.971	0.432	<0.001	<0.001
Creatinine	0.607	0.567	0.004	<0.001	0.669	0.053	0.665	<0.001
Rényi4, baselin	0.127	0.525	0.3	0.045	0.006	0.019	0.752	0.972
TP, baseline	0.246	0.887	0.401	0.141	0.012	0.139	0.813	0.958
SDWS, baselin	0.097	0.456	0.23	0.051	0.139	0.015	0.761	0.66
SDSA,baseline	0.08	0.276	0.318	0.109	0.145	0.168	0.13	0.491
CE, baseline	0.355	0.65	0.559	0.062	0.062	0.014	0.214	0.637
Rényi4, follow-	0.604	0.948	0.765	0.004	0.483	0.007	0.429	0.053
TP, follow-up	0.758	0.833	0.525	0.008	0.268	0.018	0.147	0.087
SDWS, follow-	0.284	0.698	0.957	0.04	0.729	0.082	0.63	0.373
SDSA, follow-u	0.284	0.519	0.831	0.004	0.87	0.602	0.577	0.238
CE, follow-up	0.163	0.643	0.97	0.001	0.98	0.018	0.938	0.095

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	Educational attainment	Alcohol consumption	Systolic blood pressure	Diastolic blood pres	Hemoglobin A1c
BMP6	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
ANGPT1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ADM	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
CD40L	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
PGF	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
ADAMTS13	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	<0.1
BOC	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
IL4RA	<0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1
SRC	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
IL1RA	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2
TNFRSF10A	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
STK4	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IDUA	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
TNFRSF11A	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
PAR1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TRAILR2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
PRSS27	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TIE2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TF	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL1RL2	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	0.1
PDGFB	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL27	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
IL17D	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
LOX1	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
GAL9	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.2
GIF	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1
SCF	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1
IL18	0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
PLGR	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
RAGE	-0.1	<0.1	-0.2	-0.2	-0.1
SOD2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CTRC	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
FGF23	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SPON2	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
GH	-0.1	-0.1	-0.2	-0.3	<0.1
FS	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
GLO1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
CD84	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
SERPINA12	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
REN	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1
DECR1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
MERTK	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
KIM1	-0.1	0.1	0.2	0.1	0.2
THBS2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
TM	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
VSIG2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
AMBP	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
PRELP	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
HO1	<0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1
XCL1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
IL16	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
SORT1	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
CEACAM8	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
PTX3	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PSGL1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
CCL17	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
MMP7	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
IGGFC	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ITGB1BP2	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
DCN	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
DKK1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
LPL	-0.2	-0.2	-0.2	-0.2	-0.1
PRSS8	0.1	0.3	0.1	0.2	0.1
AGRP	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
HBEGF	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1

GDF2	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	<0.1
FABP2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1
THPO	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
MARCO	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.2
GT	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MMP12	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1
ACE2	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1
PDL2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
CTSL1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
HOSCAR	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TNFRSF13B	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
TGM2	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
LEP	-0.3	-0.2	-0.1	-0.1	0.1
CA5A	<0.1	<0.1	0.2	0.2	0.1
HSP27	<0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1
CD4	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
NEMO	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
VEGFD	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	<0.1
PARP1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
HAOX1	0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
TNFRSF14	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
LDL_RC	<0.1	<0.1	0.1	0.2	0.1
ITGB2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
IL17RA	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
TNFR2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
MMP9	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
EPHB4	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL2RA	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
ALCAM	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
SELP	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
CSTB	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
CD163	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
GRN	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1
NTPROBNP	-0.1	-0.2	<0.1	-0.1	<0.1
PLC	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
LTBR	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
NOTCH3	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
TIMP4	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CNTN1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1
CDH5	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TLT2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
FABP4	-0.2	-0.2	<0.1	<0.1	0.2
TFPI	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
PAI	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
CCL24	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
TR	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
TNFRSF10C	-0.2	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
GDF15	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
SELE	<0.1	0.2	0.1	0.1	0.1
DLK1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	0.1
MPO	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
CXCL16	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
IL6RA	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
RETN	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
IGFBP1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.1
CHIT1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TRAP	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1
GP6	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
PSPD	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
EPCAM	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
APN	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
AXL	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
IL1RT1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
MMP2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
FAS	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
MB	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
TNFSF13B	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1
PCSK9	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
UPAR	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
OPN	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1

PGLYRP1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
CPA1	<0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1
JAMA	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
GAL4	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
IL1RT2	<0.1	0.2	<0.1	0.1	0.1
SHPS1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
CCL15	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CASP3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CPB1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CHI3L1	0.1	0.3	0.1	0.1	0.1
ST2	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1
TPA	0.1	0.2	0.1	0.2	0.1
SCGB3A2	-0.1	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1
EGFR	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
IGFBP7	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
CD93	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
IL18BP	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
COL1A1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
PON3	<0.1	<0.1	-0.3	-0.2	-0.2
CTSZ	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
MMP3	0.2	0.3	0.1	0.1	<0.1
RARRES2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
ICAM2	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1
KLK6	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
PDGFA	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
TNFR1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
IGFBP2	<0.1	-0.1	-0.2	-0.2	-0.1
VWF	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
PECAM1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MEPE	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CCL16	0.1	0.1	0.2	0.2	<0.1
IL8	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
VEGFA	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
CD8A	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
MCP3	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
CDCP1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
CD244	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
IL7	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
OPG	-0.2	<0.1	0.1	<0.1	0.2
LAP_TGFB1	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
UPA	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
IL6	-0.1	0.1	0.1	0.1	0.2
MCP1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
CXCL11	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
AXIN1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
TRAIL	-0.1	-0.2	<0.1	<0.1	0.1
CXCL9	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	0.1
CST5	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1
OSM	-0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
CXCL1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL4	<0.1	0.1	0.2	0.2	0.1
CD6	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TGFA	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1
MCP4	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CCL11	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
TNFSF14	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
MMP1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
LIFR	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
FGF21	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
CCL19	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
IL15RA	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
IL10RB	-0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
IL18R1	-0.1	-0.1	0.2	0.1	0.1
PDL1	<0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1
CXCL5	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
TRANCE	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
HGF	-0.1	<0.1	0.2	0.2	0.2
IL12B	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	0.1
MMP10	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL10	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1

TNF	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
CCL23	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CD5	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CCL3	<0.1	<0.1	0.2	0.1	0.1
FLT3L	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.2
CXCL6	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CXCL10	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
4EBP1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
SIRT2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
CCL28	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
DNER	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ENRAGE	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CD40	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
IFNG	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.2
FGF19	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
MCP2	-0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CASP8	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
CCL25	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
CX3CL1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TNFRSF9	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
NT3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TWEAK	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
CCL20	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ST1A1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
STAMBP	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
ADA	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
TNFB	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
CSF1	-0.2	-0.1	<0.1	-0.1	0.1
Age	-0.1	<0.1	0.2	<0.1	0.1
Body mass index	-0.2	<0.1	0.2	0.2	0.1
Waist circumference	0.1	0.2	0.3	0.3	0.1
Educational attainment	1	0.2	<0.1	0.1	<0.1
Alcohol consumption	0.2	1	0.1	0.1	-0.1
Systolic blood pressure	<0.1	0.1	1	0.8	0.1
Diastolic blood pressure	0.1	0.1	0.8	1	0.1
Hemoglobin A1c	<0.1	-0.1	0.1	0.1	1
Duration of known diabetes	<0.1	0.1	0.2	0.1	0.3
High-density lipoprotein	-0.2	<0.1	-0.1	-0.2	-0.1
Low-density lipoprotein	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
Triglycerides	0.1	0.1	0.2	0.3	0.2
Albumin	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
Fibrinogen	-0.1	-0.2	0.1	<0.1	0.2
C-reactive protein	-0.2	<0.1	0.2	0.1	0.2
Serum amyloid A	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
Leucocyte count	-0.1	-0.2	-0.2	-0.2	-0.1
Serum adiponectin	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
Uric acid	0.2	0.3	0.3	0.2	<0.1
Creatinine	0.2	0.2	0.2	0.2	0.1
Rényi4, baseline	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
TP, baseline	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
SDWS, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
SDSA, baseline	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1
CE, baseline	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	<0.1
Rényi4, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
TP, follow-up	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
SDWS, follow-up	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
SDSA, follow-up	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CE, follow-up	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	Educational attainment	Alcohol consumption	Systolic blood pressure	Diastolic blood pressure	Hemoglobin A1c
BMP6	1	1	0.043	0.39	1
ANGPT1	1	1	1	1	1

ADM	0.763	1	1	1	1
CD40L	1	1	1	1	1
PGF	1	0.356	1	1	1
ADAMTS13	0.533	1	0.8	0.057	1
BOC	1	1	1	0.925	1
IL4RA	1	0.049	1	1	1
SRC	1	1	1	1	1
IL1RA	1	1	0.001	0.068	0.001
TNFRSF10A	0.285	1	1	1	0.209
STK4	1	1	1	1	1
IDUA	1	1	0.266	1	1
TNFRSF11A	1	1	1	1	1
PAR1	1	1	1	1	1
TRAILR2	1	1	1	1	1
PRSS27	1	1	1	1	1
TIE2	1	0.733	1	1	1
TF	1	1	1	1	1
IL1RL2	1	0.001	0.161	0.682	1
PDGFB	1	1	1	1	1
IL27	1	1	1	0.87	1
IL17D	0.445	1	1	0.962	1
LOX1	1	1	1	1	0.417
GAL9	1	1	0.026	0.457	0.055
GIF	1	1	1	1	1
SCF	1	0.009	0.079	0.454	1
IL18	1	1	0.025	0.947	0.262
PLGR	1	1	0.699	0.109	1
RAGE	1	1	<0.001	<0.001	1
SOD2	1	1	1	0.462	1
CTRC	1	1	1	1	1
FGF23	1	0.89	1	1	1
SPON2	1	1	1	1	1
GH	0.441	0.126	<0.001	<0.001	1
FS	1	1	1	1	1
GLO1	1	1	1	1	1
CD84	1	1	1	1	1
SERPINA12	0.332	0.502	1	1	1
REN	0.477	0.469	1	0.764	1
DECR1	1	1	1	1	1
MERTK	1	1	1	1	1
KIM1	1	1	0.021	0.505	0.003
THBS2	1	1	1	1	0.13
TM	1	0.777	1	1	1
VSIG2	1	1	1	1	1
AMBP	1	1	1	1	0.431
PRELP	1	1	1	1	1
HO1	1	<0.001	0.001	0.054	1
XCL1	1	1	1	1	1
IL16	1	1	0.33	0.702	1
SORT1	1	1	0.083	0.225	1
CEACAM8	1	1	0.607	1	0.667
PTX3	1	1	1	1	1
PSGL1	1	1	0.488	0.168	0.459
CCL17	1	1	1	1	1
MMP7	1	1	1	1	1
IGGFC	1	1	1	1	1
ITGB1BP2	1	1	1	1	1
DCN	1	1	1	1	1
DKK1	1	1	1	1	1
LPL	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	1
PRSS8	1	<0.001	0.532	0.015	1
AGRP	1	0.436	1	1	1
HBEGF	1	1	1	1	1
GDF2	1	1	<0.001	<0.001	1
FABP2	1	1	1	1	1
THPO	0.135	1	1	1	1
MARCO	1	1	1	1	0.057
GT	1	1	1	1	1
MMP12	1	0.383	1	1	1
ACE2	1	<0.001	<0.001	0.004	0.147

PDL2	1	1	1	1	0.512
CTSL1	1	1	0.823	1	1
HOSCAR	1	1	1	1	1
TNFRSF13B	1	1	1	1	1
TGM2	1	0.271	0.107	0.513	1
LEP	<0.001	0.001	1	1	0.077
CA5A	1	1	<0.001	<0.001	0.507
HSP27	1	1	0.642	1	1
CD4	1	0.482	0.174	1	0.904
NEMO	1	1	1	1	1
VEGFD	1	1	0.164	0.028	1
PARP1	1	1	0.525	0.644	1
HAOX1	0.255	0.402	0.007	0.004	0.925
TNFRSF14	1	1	0.51	1	1
LDL_RC	1	1	0.87	0.042	0.998
ITGB2	1	1	1	1	0.31
IL17RA	1	1	1	1	1
TNFR2	1	1	0.513	1	1
MMP9	1	1	0.561	1	1
EPHB4	1	1	1	1	1
IL2RA	1	1	0.92	1	1
ALCAM	0.35	0.559	1	0.228	1
SELP	1	1	1	1	1
CSTB	1	1	0.232	1	1
CD163	1	1	0.016	1	0.34
GRN	1	1	1	1	1
NTPROBNP	0.298	0.015	1	1	1
PLC	1	1	1	1	1
LTBR	1	1	1	1	1
NOTCH3	1	1	1	1	1
TIMP4	0.421	1	1	1	1
CNTN1	1	0.142	1	0.492	1
CDH5	1	1	1	1	1
TLT2	1	1	1	1	1
FABP4	0.001	0.002	1	1	0.04
TFPI	1	1	1	1	1
PAI	1	1	0.062	0.115	1
CCL24	1	1	1	1	1
TR	1	0.499	1	1	0.433
TNFRSF10C	0.047	0.435	1	1	1
GDF15	1	1	0.134	1	0.375
SELE	1	0.068	1	0.458	1
DLK1	1	1	1	1	0.724
MPO	1	1	0.772	1	1
CXCL16	1	1	1	1	1
IL6RA	1	1	1	1	1
RETN	1	1	1	1	1
IGFBP1	1	0.325	0.001	<0.001	0.095
CHIT1	1	1	1	1	1
TRAP	1	0.005	0.078	0.802	1
GP6	1	1	1	1	1
PSPD	1	1	1	1	1
EPCAM	1	1	1	1	1
APN	1	1	1	1	1
AXL	1	1	1	1	1
IL1RT1	1	1	1	1	1
MMP2	1	1	1	1	1
FAS	1	1	1	1	1
MB	0.858	1	0.58	1	1
TNFSF13B	0.476	1	1	0.568	1
PCSK9	0.677	1	1	1	1
UPAR	1	1	0.984	1	1
OPN	1	1	1	1	1
PGLYRP1	1	1	1	1	1
CPA1	1	0.012	1	1	1
JAMA	1	1	1	1	1
GAL4	1	1	1	1	0.167
IL1RT2	1	<0.001	1	1	1
SHPS1	1	1	1	1	1
CCL15	1	1	1	1	1

CASP3	1	1	1	1	1
CPB1	1	0.203	1	1	1
CHI3L1	1	<0.001	0.109	0.14	0.206
ST2	1	0.004	0.007	0.125	1
TPA	0.647	0.064	0.245	0.03	1
SCGB3A2	1	1	0.019	0.077	1
EGFR	1	1	1	1	1
IGFBP7	1	0.718	1	1	1
CD93	1	1	1	1	1
IL18BP	1	1	1	1	1
COL1A1	1	1	0.901	1	1
PON3	1	1	<0.001	0.003	0.011
CTS2	1	1	0.251	1	1
MMP3	<0.001	<0.001	0.144	0.108	1
RARRES2	0.158	1	1	1	1
ICAM2	1	1	1	1	1
KLK6	0.289	1	0.301	0.335	1
PDGFA	1	1	1	1	1
TNFR1	1	1	0.653	1	1
IGFBP2	1	1	0.018	0.001	0.125
VWF	1	1	0.243	1	0.157
PECAM1	1	1	1	1	1
MEPE	1	0.183	1	1	0.848
CCL16	1	0.667	0.051	0.04	1
IL8	1	1	0.063	1	1
VEGFA	0.424	1	0.064	1	0.495
CD8A	1	1	1	1	1
MCP3	1	1	1	1	0.522
CDCP1	1	1	0.13	1	0.003
CD244	1	1	0.446	1	1
IL7	1	1	1	1	1
OPG	<0.001	1	0.357	1	0.021
LAP_TGFB1	1	1	0.717	1	1
UPA	1	1	1	1	1
IL6	1	1	0.211	1	0.039
MCP1	1	0.379	0.856	1	1
CXCL11	1	1	0.322	1	1
AXIN1	1	1	1	1	1
TRAIL	1	0.002	1	1	1
CXCL9	1	1	1	1	0.537
CST5	1	1	1	0.352	1
OSM	1	1	0.003	0.463	1
CXCL1	1	1	1	1	1
CCL4	1	1	0.002	0.032	0.487
CD6	1	1	1	1	1
TGFA	1	1	0.036	1	0.124
MCP4	1	1	1	1	1
CCL11	1	1	0.485	1	0.904
TNFSF14	1	1	0.496	0.462	0.908
MMP1	1	1	1	1	1
LIFR	1	0.752	1	1	0.62
FGF21	1	1	0.71	0.252	1
CCL19	1	1	1	1	1
IL15RA	1	1	1	1	1
IL10RB	1	0.844	1	1	0.542
IL18R1	1	1	0.014	1	0.646
PDL1	1	1	0.055	0.312	1
CXCL5	0.493	1	1	1	1
TRANCE	1	1	1	1	1
HGF	0.301	1	<0.001	0.04	0.004
IL12B	1	1	1	1	0.623
MMP10	1	1	1	1	1
IL10	1	1	1	1	1
TNF	1	1	0.386	1	1
CCL23	1	1	1	1	1
CD5	1	1	1	1	1
CCL3	1	1	0.027	0.162	0.075
FLT3L	1	1	1	1	0.031
CXCL6	1	1	0.796	1	1
CXCL10	1	1	0.267	1	0.367

4EBP1	1	1	0.11	0.366	1
SIRT2	1	1	1	1	1
CCL28	1	1	1	1	1
DNER	1	1	1	1	1
ENRAGE	0.935	1	0.636	1	0.132
CD40	1	1	1	1	1
IFNG	1	1	1	1	0.018
FGF19	1	0.704	1	1	1
MCP2	1	1	0.284	1	1
CASP8	1	1	0.083	0.181	0.509
CCL25	0.778	1	1	1	1
CX3CL1	1	1	1	1	1
TNFRSF9	1	1	1	1	1
NT3	1	1	1	1	1
TWEAK	1	1	1	1	1
CCL20	0.873	1	1	1	1
ST1A1	1	1	1	1	1
STAMBP	1	1	1	1	1
ADA	1	1	0.207	0.717	1
TNFB	1	1	1	1	1
CSF1	0.06	0.983	1	1	1
Age	1	1	0.002	1	0.251
Body mass index	0.019	1	0.003	0.023	0.857
Waist circumference	1	0.031	<0.001	<0.001	1
Educational attainment	<0.001	0.001	1	1	1
Alcohol consumption	<0.001	<0.001	1	0.21	1
Systolic blood pressure	0.597	0.069	<0.001	<0.001	0.491
Diastolic blood pressure	0.058	0.008	<0.001	<0.001	1
Hemoglobin A1c	0.577	0.217	0.022	0.151	<0.001
Duration of known diabetes	0.703	0.297	0.002	0.024	<0.001
High-density lipoprotein	0.001	0.778	0.004	0.001	0.019
Low-density lipoprotein	0.584	0.943	0.479	0.885	0.244
Triglycerides	0.019	0.022	<0.001	<0.001	<0.001
Albumin	0.001	0.844	0.73	0.183	0.227
Fibrinogen	0.022	<0.001	0.244	0.758	<0.001
C-reactive protein	0.002	0.535	0.002	0.196	0.002
Serum amyloid A	0.034	0.469	0.034	0.747	0.024
Leucocyte count	0.01	0.001	<0.001	<0.001	0.004
Serum adiponectin	0.476	0.355	0.028	0.031	0.008
Uric acid	0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.357
Creatinine	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.282
Rényi4, baseline	0.306	0.32	0.098	0.333	0.218
TP, baseline	0.869	0.777	0.167	0.373	0.189
SDWS, baseline	0.331	0.748	0.414	0.982	0.257
SDSA, baseline	0.796	0.24	0.146	0.23	0.821
CE, baseline	0.584	0.283	0.06	0.208	0.332
Rényi4, follow-up	0.335	0.519	0.929	0.659	0.067
TP, follow-up	0.105	0.7	0.994	0.767	0.067
SDWS, follow-up	0.098	0.914	0.46	0.906	0.004
SDSA, follow-up	0.881	0.03	0.384	0.398	0.496
CE, follow-up	0.765	0.047	0.406	0.151	0.273

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	Duration of known T2D	High-density lipoprotein cholesterol	Low-density lipoprotein cholesterol	Triglycerides	Albumin
BMP6	0.1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1
ANGPT1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ADM	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
CD40L	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
PGF	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1
ADAMTS13	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
BOC	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
IL4RA	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1
SRC	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1
IL1RA	0.2	-0.2	0.1	0.3	<0.1
TNFRSF10A	0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.2
STK4	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1
IDUA	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1
TNFRSF11A	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
PAR1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
TRAILR2	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
PRSS27	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
TIE2	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
TF	0.1	0.2	-0.1	-0.1	<0.1
IL1RL2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
PDGFB	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
IL27	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1
IL17D	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
LOX1	0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1
GAL9	0.1	-0.2	0.1	0.2	<0.1
GIF	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
SCF	-0.1	0.3	<0.1	-0.3	<0.1
IL18	0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1
PLGR	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
RAGE	-0.1	0.2	<0.1	-0.1	-0.2
SOD2	0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1
CTRC	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
FGF23	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SPON2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.2
GH	-0.2	0.3	<0.1	-0.3	-0.1
FS	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1
GLO1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1
CD84	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
SERPINA12	-0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1
REN	0.2	-0.1	<0.1	0.2	0.1
DECR1	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1
MERTK	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1
KIM1	0.1	<0.1	0.2	0.2	<0.1
THBS2	0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1
TM	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
VSIG2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1
AMBP	0.1	-0.1	0.1	0.3	-0.2
PRELP	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1
HO1	0.1	0.1	-0.1	0.1	<0.1
XCL1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1
IL16	0.1	-0.2	0.1	0.2	0.1
SORT1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
CEACAM8	0.1	-0.2	<0.1	0.2	-0.1
PTX3	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	-0.1
PSGL1	0.1	-0.2	0.2	0.3	0.1
CCL17	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
MMP7	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
IGGFC	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
ITGB1BP2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
DCN	0.1	0.1	-0.1	<0.1	-0.1
DKK1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
LPL	-0.1	0.4	-0.1	-0.3	-0.2
PRSS8	0.1	-0.2	<0.1	0.4	<0.1
AGRP	0.1	-0.1	0.1	0.3	0.1
HBEGF	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1

GDF2	-0.1	0.4	0.1	-0.1	<0.1
FABP2	-0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
THPO	<0.1	0.2	0.1	-0.1	-0.1
MARCO	0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1
GT	-0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
MMP12	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
ACE2	0.1	-0.2	<0.1	0.3	0.1
PDL2	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
CTSL1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
HOSCAR	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.2
TNFRSF13B	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
TGM2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1
LEP	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.2
CA5A	0.1	-0.2	<0.1	0.3	<0.1
HSP27	-0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
CD4	0.1	-0.2	<0.1	0.2	<0.1
NEMO	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1
VEGFD	<0.1	0.2	<0.1	-0.1	-0.2
PARP1	0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1
HAOX1	0.1	-0.2	<0.1	0.3	0.1
TNFRSF14	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1
LDL_RC	<0.1	-0.2	0.3	0.6	<0.1
ITGB2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL17RA	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TNFR2	0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1
MMP9	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
EPHB4	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
IL2RA	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1
ALCAM	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1
SELP	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
CSTB	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1
CD163	0.1	-0.2	<0.1	0.2	<0.1
GRN	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
NTPROBNP	-0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1
PLC	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
LTBR	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
NOTCH3	0.1	0.2	-0.1	-0.1	-0.1
TIMP4	<0.1	0.2	<0.1	<0.1	-0.2
CNTN1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1
CDH5	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1
TLT2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1
FABP4	<0.1	0.1	0.1	0.2	-0.2
TFPI	-0.1	<0.1	0.4	0.1	<0.1
PAI	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1
CCL24	<0.1	-0.1	0.1	<0.1	<0.1
TR	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TNFRSF10C	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
GDF15	0.2	-0.1	<0.1	0.1	<0.1
SELE	0.1	-0.1	<0.1	0.2	0.1
DLK1	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1
MPO	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1
CXCL16	0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1
IL6RA	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
RETN	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1
IGFBP1	-0.2	0.3	-0.1	-0.3	-0.1
CHIT1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
TRAP	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
GP6	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
PSPD	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
EPCAM	<0.1	0.2	-0.1	<0.1	<0.1
APN	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
AXL	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
IL1RT1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1
MMP2	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
FAS	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1
MB	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
TNFSF13B	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
PCSK9	0.1	0.1	0.2	0.1	-0.1
UPAR	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
OPN	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1

PGLYRP1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1
CPA1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
JAMA	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
GAL4	0.1	<0.1	-0.1	0.2	<0.1
IL1RT2	0.1	<0.1	<0.1	0.2	0.1
SHPS1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
CCL15	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
CASP3	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
CPB1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
CHI3L1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	-0.1
ST2	0.2	-0.1	<0.1	0.2	<0.1
TPA	0.1	-0.1	0.1	0.2	0.1
SCGB3A2	-0.1	0.3	<0.1	-0.2	-0.1
EGFR	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1
IGFBP7	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
CD93	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
IL18BP	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1
COL1A1	-0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1
PON3	-0.1	0.4	<0.1	-0.3	-0.1
CTSZ	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
MMP3	0.1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1
RARRES2	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1
ICAM2	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1
KLK6	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
PDGFA	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
TNFR1	0.2	-0.1	-0.1	0.1	-0.1
IGFBP2	-0.1	0.3	-0.1	-0.3	-0.2
VWF	0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
PECAM1	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
MEPE	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
CCL16	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1
IL8	0.2	-0.1	<0.1	0.1	0.1
VEGFA	0.2	-0.1	<0.1	0.2	-0.1
CD8A	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	<0.1
MCP3	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1
CDCP1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1
CD244	0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1
IL7	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
OPG	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
LAP_TGFB1	0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1
UPA	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
IL6	0.1	-0.2	<0.1	0.2	-0.1
MCP1	0.1	-0.1	-0.1	0.2	<0.1
CXCL11	0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1
AXIN1	<0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1
TRAIL	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
CXCL9	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
CST5	0.1	0.2	-0.1	<0.1	-0.1
OSM	0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1
CXCL1	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
CCL4	0.1	-0.2	<0.1	0.2	0.1
CD6	0.1	-0.2	0.1	0.2	0.1
TGFA	0.1	-0.1	-0.1	0.2	-0.1
MCP4	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	0.1
CCL11	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
TNFSF14	0.1	-0.2	0.1	0.1	0.1
MMP1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
LIFR	0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1
FGF21	<0.1	-0.1	0.2	0.4	<0.1
CCL19	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1
IL15RA	0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1
IL10RB	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1
IL18R1	0.2	-0.2	<0.1	0.2	<0.1
PDL1	0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1
CXCL5	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
TRANCE	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
HGF	0.2	-0.2	<0.1	0.3	<0.1
IL12B	0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1
MMP10	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
IL10	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1

TNF	0.1	-0.1	<0.1	0.2	<0.1
CCL23	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1
CD5	0.1	-0.2	<0.1	0.2	<0.1
CCL3	0.1	-0.3	<0.1	0.3	<0.1
FLT3L	0.2	<0.1	0.1	0.2	<0.1
CXCL6	0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
CXCL10	<0.1	-0.2	<0.1	0.2	0.1
4EBP1	0.1	-0.2	0.1	0.2	0.1
SIRT2	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
CCL28	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
DNER	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
ENRAGE	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1
CD40	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1
IFNG	0.1	-0.1	<0.1	0.1	<0.1
FGF19	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
MCP2	0.2	-0.1	0.1	0.1	<0.1
CASP8	0.1	-0.2	0.1	0.2	0.1
CCL25	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
CX3CL1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1
TNFRSF9	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	-0.1
NT3	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1
TWEAK	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
CCL20	<0.1	-0.2	0.1	0.2	-0.1
ST1A1	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.1
STAMBP	<0.1	-0.1	0.1	0.1	0.1
ADA	0.1	-0.2	<0.1	0.2	<0.1
TNFB	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	-0.1
CSF1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.2
Age	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
Body mass index	0.1	-0.2	0.1	0.2	-0.1
Waist circumference	0.2	-0.4	<0.1	0.3	0.1
Educational attainment	<0.1	-0.2	<0.1	0.1	0.2
Alcohol consumption	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
Systolic blood pressure	0.2	-0.1	<0.1	0.2	<0.1
Diastolic blood pressure	0.1	-0.2	<0.1	0.3	0.1
Hemoglobin A1c	0.3	-0.1	0.1	0.2	-0.1
Duration of known T2D	1	-0.1	-0.1	0.2	<0.1
High-density lipoprotein cholesterol	-0.1	1	-0.1	-0.5	-0.1
Low-density lipoprotein cholesterol	0.2	-0.1	1	0.3	<0.1
Triglycerides	0.2	-0.5	0.3	1	0.1
Albumin	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	1
Fibrinogen	0.1	-0.1	0.1	0.1	<0.1
C-reactive protein	0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1
Serum amyloid A	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Leucocyte count	-0.2	0.5	<0.1	-0.3	-0.2
Serum adiponectin	0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1
Uric acid	0.1	-0.3	0.1	0.3	0.2
Creatinine	0.1	-0.3	<0.1	0.1	0.1
Rényi4, baseline	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TP, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
SDWS, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDSA, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CE, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Rényi4, follow-up	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
TP, follow-up	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
SDWS, follow-up	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
SDSA, follow-up	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
CE, follow-up	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	-0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	Duration of known T2D	High-density lipoprotein cholesterol	Low-density lipoprotein cholesterol	Triglycerides	Albumin
BMP6	0.08	0.05	1	0.589	1
ANGPT1	1	1	1	1	1

ADM	1	1	1	0.707	0.088
CD40L	1	1	1	1	1
PGF	1	0.461	1	1	1
ADAMTS13	1	1	1	1	1
BOC	1	0.929	1	1	1
IL4RA	1	1	1	1	1
SRC	1	1	1	0.421	1
IL1RA	0.001	<0.001	1	<0.001	1
TNFRSF10A	0.108	1	1	0.003	0.007
STK4	1	1	1	1	1
IDUA	1	1	1	1	1
TNFRSF11A	1	1	1	1	0.403
PAR1	1	1	1	1	1
TRAILR2	1	0.124	1	0.349	1
PRSS27	1	1	1	1	1
TIE2	1	1	1	1	1
TF	1	<0.001	1	1	1
IL1RL2	1	1	1	1	1
PDGFB	1	1	1	1	1
IL27	1	1	0.742	1	1
IL17D	1	0.447	1	1	1
LOX1	0.327	1	1	0.034	1
GAL9	0.145	<0.001	1	0.002	1
GIF	0.584	1	1	1	1
SCF	1	<0.001	1	<0.001	1
IL18	1	0.037	1	0.214	1
PLGR	1	1	1	1	1
RAGE	0.328	0.001	1	0.289	0.012
SOD2	1	1	1	0.006	1
CTRC	1	1	1	1	1
FGF23	0.217	1	1	1	1
SPON2	1	0.672	1	1	<0.001
GH	0.049	<0.001	1	<0.001	1
FS	1	1	1	1	1
GLO1	1	0.06	1	0.149	1
CD84	1	1	1	1	1
SERPINA12	1	1	1	1	1
REN	<0.001	0.127	1	0.014	1
DECR1	1	0.002	1	1	1
MERTK	1	0.071	1	1	1
KIM1	0.08	1	0.005	0.001	1
THBS2	0.267	1	1	0.01	1
TM	1	1	1	1	1
VSIG2	1	1	1	1	1
AMBP	0.117	0.985	1	<0.001	0.028
PRELP	1	1	1	0.854	1
HO1	1	1	1	1	1
XCL1	1	0.195	0.813	1	1
IL16	0.541	0.004	0.486	0.013	1
SORT1	0.341	1	1	0.078	1
CEACAM8	1	0.021	1	<0.001	1
PTX3	1	0.227	0.653	0.033	1
PSGL1	0.136	0.068	0.061	<0.001	0.885
CCL17	1	1	1	1	1
MMP7	1	1	1	1	1
IGGFC	1	1	1	1	1
ITGB1BP2	1	1	1	1	1
DCN	1	1	1	1	1
DKK1	1	1	1	1	1
LPL	0.326	<0.001	1	<0.001	0.003
PRSS8	1	<0.001	1	<0.001	1
AGRP	1	1	1	<0.001	1
HBEGF	1	1	1	1	1
GDF2	1	<0.001	1	0.09	1
FABP2	1	0.075	1	1	0.737
THPO	1	0.003	0.426	1	1
MARCO	1	1	1	0.014	1
GT	0.15	1	1	1	1
MMP12	1	1	1	1	1
ACE2	0.092	0.005	1	<0.001	1

PDL2	0.026	1	1	1	1
CTSL1	1	1	1	1	0.58
HOSCAR	1	1	1	1	0.037
TNFRSF13B	1	1	1	1	1
TGM2	1	0.736	1	0.794	1
LEP	1	0.317	1	0.542	<0.001
CA5A	1	<0.001	1	<0.001	1
HSP27	1	1	1	0.687	1
CD4	0.667	0.002	1	0.001	1
NEMO	1	0.037	1	0.679	1
VEGFD	1	0.001	1	1	0.043
PARP1	1	0.004	1	0.078	0.741
HAOX1	0.081	0.004	1	<0.001	1
TNFRSF14	0.463	0.317	1	1	1
LDL_RC	1	0.001	<0.001	<0.001	1
ITGB2	0.02	1	1	1	1
IL17RA	0.383	1	1	1	1
TNFR2	0.083	0.872	1	0.521	1
MMP9	1	1	1	1	0.324
EPHB4	1	1	0.472	1	1
IL2RA	1	0.606	1	0.71	1
ALCAM	1	0.001	1	1	1
SELP	1	1	1	0.348	0.608
CSTB	0.839	0.075	1	0.096	1
CD163	1	0.056	1	<0.001	1
GRN	1	1	1	1	1
NTPROBNP	1	0.02	0.929	1	0.072
PLC	1	1	1	0.126	1
LTBR	1	1	1	1	1
NOTCH3	1	0.003	1	1	1
TIMP4	1	<0.001	1	1	0.002
CNTN1	1	0.014	1	1	1
CDH5	0.735	1	1	1	1
TLT2	1	1	1	1	1
FABP4	1	0.543	1	0.006	0.047
TFPI	1	1	<0.001	1	1
PAI	1	0.272	1	0.003	1
CCL24	1	1	1	1	1
TR	0.285	1	1	1	1
TNFRSF10C	1	1	1	1	1
GDF15	0.029	1	1	1	1
SELE	0.1	0.445	1	<0.001	1
DLK1	1	1	1	0.126	1
MPO	0.638	0.212	1	1	1
CXCL16	1	0.778	1	1	0.215
IL6RA	1	1	1	1	1
RETN	1	1	1	1	0.186
IGFBP1	<0.001	<0.001	1	<0.001	1
CHIT1	1	1	1	1	1
TRAP	1	1	1	0.005	1
GP6	1	1	1	0.903	1
PSPD	1	1	1	1	1
EPCAM	1	<0.001	0.448	1	1
APN	1	0.38	1	1	1
AXL	0.815	1	1	1	1
IL1RT1	0.404	0.018	0.748	1	1
MMP2	1	0.126	1	1	0.895
FAS	1	0.736	1	0.316	1
MB	1	1	1	1	1
TNFSF13B	1	1	1	1	1
PCSK9	1	0.156	<0.001	0.147	0.912
UPAR	0.323	1	1	1	1
OPN	1	1	1	1	0.396
PGLYRP1	1	1	1	1	0.591
CPA1	1	1	1	1	1
JAMA	1	1	1	1	0.88
GAL4	0.376	1	1	<0.001	1
IL1RT2	0.304	1	1	0.002	0.569
SHPS1	1	1	1	1	1
CCL15	1	1	1	1	0.689

CASP3	1	1	1	1
CPB1	1	1	1	0.577
CHI3L1	0.072	1	1	<0.001
ST2	0.001	1	1	0.072
TPA	1	0.74	1	0.001
SCGB3A2	1	<0.001	1	0.014
EGFR	1	<0.001	0.737	1
IGFBP7	1	1	1	0.75
CD93	1	1	1	1
IL18BP	0.213	1	1	0.463
COL1A1	0.802	0.878	1	0.388
PON3	0.156	<0.001	1	<0.001
CTSZ	0.02	1	1	0.871
MMP3	1	0.022	1	1
RARRES2	1	1	1	0.12
ICAM2	0.73	0.202	1	1
KLK6	1	1	1	1
PDGFA	1	1	1	1
TNFR1	0.053	1	1	0.144
IGFBP2	1	<0.001	0.482	<0.001
VWF	0.161	1	1	0.024
PECAM1	1	1	1	0.898
MEPE	1	1	1	1
CCL16	1	1	1	0.047
IL8	0.013	1	1	0.134
VEGFA	0.034	0.134	1	0.001
CD8A	1	0.051	1	1
MCP3	1	0.224	1	0.157
CDCP1	0.606	1	1	0.392
CD244	1	0.017	1	0.954
IL7	1	1	1	1
OPG	0.023	1	1	0.138
LAP_TGFB1	0.581	0.628	1	0.12
UPA	1	1	1	1
IL6	0.5	0.022	1	0.004
MCP1	0.176	1	1	0.004
CXCL11	1	0.036	1	1
AXIN1	1	0.055	1	1
TRAIL	1	1	0.436	1
CXCL9	1	1	1	1
CST5	1	0.07	1	1
OSM	0.485	0.158	1	0.013
CXCL1	1	1	0.487	0.669
CCL4	1	0.002	1	<0.001
CD6	1	0.008	0.988	<0.001
TGFA	0.526	1	1	0.015
MCP4	1	1	1	1
CCL11	1	1	1	1
TNFSF14	1	0.002	1	0.158
MMP1	1	1	1	1
LIFR	0.03	1	0.763	0.086
FGF21	1	1	0.061	<0.001
CCL19	1	0.585	1	0.017
IL15RA	1	1	0.134	1
IL10RB	1	1	1	0.001
IL18R1	0.004	0.02	1	<0.001
PDL1	0.103	0.002	1	0.843
CXCL5	1	1	0.818	1
TRANCE	1	1	1	0.021
HGF	0.015	<0.001	1	<0.001
IL12B	1	1	1	0.601
MMP10	1	1	1	1
IL10	1	1	1	1
TNF	1	0.17	1	0.011
CCL23	1	1	0.114	0.022
CD5	1	<0.001	1	0.058
CCL3	1	<0.001	1	<0.001
FLT3L	0.049	1	1	0.001
CXCL6	1	0.862	1	0.291
CXCL10	1	0.066	1	0.022

4EBP1	1	0.006	1	0.018	1
SIRT2	1	0.547	1	1	1
CCL28	1	1	1	1	1
DNER	1	0.696	1	1	1
ENRAGE	0.19	0.265	1	0.466	1
CD40	1	0.07	1	1	1
IFNG	0.653	0.786	1	1	1
FGF19	1	1	1	0.543	1
MCP2	0.064	1	1	0.784	1
CASP8	0.14	0.066	1	0.034	1
CCL25	1	1	1	1	1
CX3CL1	0.161	1	0.13	1	1
TNFRSF9	1	0.159	1	0.528	0.535
NT3	1	1	1	1	1
TWEAK	1	1	1	1	1
CCL20	1	0.021	1	0.005	1
ST1A1	1	0.057	1	0.316	1
STAMBP	1	0.239	1	1	0.824
ADA	0.091	0.009	1	0.019	1
TNFB	1	1	0.459	1	0.635
CSF1	1	1	1	1	0.007
Age	1	1	1	1	1
Body mass index	0.206	<0.001	1	<0.001	1
Waist circumference	0.015	<0.001	1	<0.001	1
Educational attainment	1	0.022	1	0.43	0.025
Alcohol consumption	1	1	1	0.497	1
Systolic blood pressure	0.063	0.102	1	0.003	1
Diastolic blood pressure	0.547	0.035	1	<0.001	1
Hemoglobin A1c	<0.001	0.441	1	0.005	1
Duration of known diabetes	<0.001	0.161	1	0.008	1
High-density lipoprotein	0.006	<0.001	0.788	<0.001	1
Low-density lipoprotein	0.096	0.037	<0.001	<0.001	1
Triglycerides	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	0.883
Albumin	0.478	0.086	0.327	0.043	<0.001
Fibrinogen	0.074	0.013	0.014	0.128	0.579
C-reactive protein	0.005	0.018	0.342	<0.001	0.058
Serum amyloid A	0.054	0.004	0.979	0.487	0.034
Leucocyte count	<0.001	<0.001	0.57	<0.001	<0.001
Serum adiponectin	0.086	0.006	0.392	<0.001	0.125
Uric acid	0.224	<0.001	0.05	<0.001	0.001
Creatinine	0.281	<0.001	0.854	0.003	0.172
Rényi4, baseline	0.941	0.313	0.908	0.495	0.588
TP, baseline	0.942	0.646	0.946	0.319	0.311
SDWS, baseline	0.762	0.624	0.708	0.889	0.481
SDSA, baseline	0.694	0.618	0.661	0.981	0.237
CE, baseline	0.644	0.39	0.911	0.518	0.47
Rényi4, follow-up	0.805	0.064	0.694	0.005	0.323
TP, follow-up	0.837	0.185	0.73	0.034	0.541
SDWS, follow-up	0.656	0.262	0.519	0.13	0.647
SDSA, follow-up	0.776	0.144	0.82	0.114	0.337
CE, follow-up	0.589	0.086	0.422	0.107	0.266

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	Fibrinogen	C-reactive protein	Serum amyloid A	Leucocyte count	Serum adip	Uric acid
BMP6	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1
ANGPT1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
ADM	0.1	0.2	0.2	0.2	0.1	0.1
CD40L	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1
PGF	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1	0.2
ADAMTS13	-0.1	<0.1	<0.1	0.2	<0.1	-0.1
BOC	-0.2	-0.1	<0.1	0.1	-0.2	-0.1
IL4RA	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
SRC	0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	0.1
IL1RA	0.2	0.4	0.2	-0.2	0.3	0.2
TNFRSF10A	0.1	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1
STK4	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1
IDUA	-0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1
TNFRSF11A	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	<0.1
PAR1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
TRAILR2	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2
PRSS27	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
TIE2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
TF	<0.1	-0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1
IL1RL2	0.2	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1
PDGFB	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
IL27	<0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1
IL17D	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1
LOX1	0.2	0.3	0.2	-0.1	0.5	0.1
GAL9	0.2	0.3	0.2	-0.2	0.1	0.2
GIF	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SCF	0.1	-0.1	<0.1	0.3	-0.2	-0.2
IL18	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.3
PLGR	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
RAGE	<0.1	-0.1	<0.1	0.3	-0.2	-0.2
SOD2	0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1	0.1
CTRC	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1
FGF23	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1
SPON2	0.1	0.2	0.2	0.2	<0.1	<0.1
GH	0.1	-0.1	0.1	0.4	-0.1	-0.3
FS	0.1	0.4	0.2	<0.1	0.2	0.1
GLO1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1
CD84	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
SERPINA12	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1
REN	<0.1	0.1	<0.1	-0.3	0.1	0.3
DECR1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1
MERTK	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1
KIM1	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.2
THBS2	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	<0.1
TM	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
VSIG2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
AMBP	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1
PRELP	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
HO1	<0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.2
XCL1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
IL16	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.2
SORT1	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1
CEACAM8	0.1	0.3	0.2	-0.1	0.4	0.2
PTX3	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1
PSGL1	-0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.2
CCL17	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1
MMP7	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
IGGFC	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
ITGB1BP2	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1
DCN	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
DKK1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
LPL	-0.1	-0.1	<0.1	0.5	-0.2	-0.4
PRSS8	<0.1	0.1	0.1	-0.3	0.1	0.4
AGRP	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
HBEGF	<0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1

GDF2	-0.1	-0.1	<0.1	0.4	-0.2	-0.3
FABP2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	0.1
THPO	0.1	0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1
MARCO	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2
GT	0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1
MMP12	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1
ACE2	<0.1	0.1	0.1	-0.3	0.1	0.4
PDL2	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1
CTSL1	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2
HOSCAR	0.1	0.2	0.2	<0.1	0.1	0.1
TNFRSF13B	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1
TGM2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2
LEP	0.2	0.3	0.3	0.2	0.1	-0.2
CA5A	0.1	0.2	0.1	-0.3	0.1	0.3
HSP27	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
CD4	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.2
NEMO	<0.1	0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1
VEGFD	-0.1	<0.1	<0.1	0.3	-0.1	-0.2
PARP1	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.2
HAOX1	<0.1	0.1	0.1	-0.3	<0.1	0.2
TNFRSF14	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1
LDL_RC	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
ITGB2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL17RA	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
TNFR2	0.2	0.3	0.2	-0.1	0.1	0.2
MMP9	0.2	0.3	0.2	-0.1	0.5	0.1
EPHB4	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
IL2RA	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.2
ALCAM	0.1	0.1	0.1	0.3	-0.1	-0.2
SELP	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2	0.1
CSTB	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1
CD163	0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.2
GRN	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1
NTPROBNP	<0.1	<0.1	0.1	0.3	<0.1	-0.2
PLC	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.2
LTBR	0.1	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1
NOTCH3	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1
TIMP4	0.1	0.1	0.2	0.3	<0.1	-0.1
CNTN1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.2
CDH5	0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
TLT2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
FABP4	0.2	0.3	0.3	0.2	<0.1	<0.1
TFPI	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
PAI	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.2
CCL24	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	0.1
TR	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
TNFRSF10C	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.3	-0.1
GDF15	0.2	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.2
SELE	<0.1	0.2	0.1	-0.2	0.2	0.3
DLK1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
MPO	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1
CXCL16	0.1	0.2	0.2	0.1	0.1	-0.1
IL6RA	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
RETN	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.1
IGFBP1	-0.1	-0.1	-0.1	0.4	-0.1	-0.2
CHIT1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TRAP	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.2
GP6	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
PSPD	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
EPCAM	<0.1	-0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1
APN	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1
AXL	<0.1	0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1
IL1RT1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	-0.1
MMP2	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.1
FAS	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1
MB	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.3
TNFSF13B	0.2	0.2	0.1	0.2	0.1	-0.1
PCSK9	0.1	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1
UPAR	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.1
OPN	0.2	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1

PGLYRP1	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.4	0.1
CPA1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
JAMA	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
GAL4	0.1	0.1	0.2	-0.1	<0.1	0.1
IL1RT2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1
SHPS1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
CCL15	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
CASP3	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
CPB1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
CHI3L1	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.3
ST2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.3
TPA	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.2
SCGB3A2	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	-0.1
EGFR	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.1	-0.2
IGFBP7	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	0.1
CD93	<0.1	0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
IL18BP	0.1	0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1
COL1A1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	<0.1	-0.1
PON3	-0.1	-0.3	-0.1	0.4	-0.2	-0.3
CTSZ	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2
MMP3	<0.1	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.3
RARRES2	0.3	0.3	0.2	<0.1	0.2	0.1
ICAM2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
KLK6	<0.1	-0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
PDGFA	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
TNFR1	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2
IGFBP2	<0.1	-0.2	-0.1	0.4	-0.1	-0.2
VWF	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.1
PECAM1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1
MEPE	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1
CCL16	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.3
IL8	0.1	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.2
VEGFA	0.2	0.3	0.1	<0.1	0.2	0.1
CD8A	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
MCP3	0.3	0.3	0.2	-0.1	0.1	0.2
CDCP1	0.2	0.2	0.1	-0.1	<0.1	0.2
CD244	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1
IL7	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
OPG	0.1	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1
LAP_TGFB1	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1
UPA	0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	<0.1
IL6	0.4	0.5	0.3	-0.1	0.3	0.3
MCP1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2
CXCL11	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.1
AXIN1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1
TRAIL	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1
CXCL9	0.2	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.1
CST5	0.1	<0.1	0.1	0.2	-0.2	<0.1
OSM	0.2	0.4	0.2	-0.1	0.5	0.2
CXCL1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1
CCL4	0.1	0.2	<0.1	-0.1	0.1	0.2
CD6	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1
TGFA	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.3	0.2
MCP4	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
CCL11	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
TNFSF14	0.1	0.2	0.1	-0.1	0.2	0.1
MMP1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1
LIFR	<0.1	<0.1	0.1	0.1	-0.1	<0.1
FGF21	<0.1	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.3
CCL19	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.1
IL15RA	<0.1	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.2
IL10RB	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
IL18R1	0.2	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.1
PDL1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.2
CXCL5	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
TRANCE	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
HGF	0.3	0.4	0.2	-0.2	0.3	0.3
IL12B	0.1	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1
MMP10	0.2	0.2	<0.1	<0.1	0.2	<0.1
IL10	0.1	0.2	0.1	<0.1	0.1	0.1

TNF	0.2	0.3	0.2	<0.1	0.1	0.2
CCL23	0.2	0.3	0.2	0.1	0.1	0.2
CD5	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1
CCL3	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1	0.3
FLT3L	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	0.1
CXCL6	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1
CXCL10	0.2	0.2	0.2	-0.1	<0.1	0.2
4EBP1	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.2
SIRT2	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1
CCL28	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1
DNER	<0.1	-0.1	<0.1	0.2	-0.2	-0.1
ENRAGE	0.2	0.3	0.2	-0.1	0.2	0.1
CD40	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1
IFNG	0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1	0.1
FGF19	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
MCP2	0.1	0.1	<0.1	-0.1	0.1	0.1
CASP8	0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.1
CCL25	<0.1	<0.1	0.1	0.2	<0.1	<0.1
CX3CL1	<0.1	<0.1	<0.1	0.2	-0.2	<0.1
TNFRSF9	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.2
NT3	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
TWEAK	0.1	-0.2	-0.1	0.3	-0.1	-0.1
CCL20	0.2	0.2	0.1	<0.1	0.2	0.2
ST1A1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.2	0.1	0.1
STAMBP	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	0.1	0.1
ADA	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.2
TNFB	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1
CSF1	0.3	0.4	0.3	0.2	0.1	<0.1
Age	0.2	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Body mass index	0.2	0.3	0.2	-0.2	0.2	0.3
Waist circumference	0.2	0.2	0.1	-0.4	0.1	0.5
Educational attainment	-0.1	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	0.2
Alcohol consumption	-0.2	<0.1	<0.1	-0.2	<0.1	0.3
Systolic blood pressure	0.1	0.2	0.1	-0.2	0.1	0.3
Diastolic blood pressure	<0.1	0.1	<0.1	-0.2	0.1	0.2
Hemoglobin A1c	0.2	0.2	0.1	-0.1	0.1	<0.1
Duration of known diabetes	0.1	0.1	0.1	-0.2	0.1	0.1
High-density lipoprotein	-0.1	-0.1	0.1	0.5	-0.1	-0.3
Low-density lipoprotein	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
Triglycerides	0.1	0.2	<0.1	-0.3	0.2	0.3
Albumin	<0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1	0.2
Fibrinogen	1	0.5	0.3	-0.1	0.2	0.1
C-reactive protein	0.5	1	0.5	-0.1	0.4	0.2
Serum amyloid A	0.3	0.5	1	<0.1	0.2	0.1
Leucocyte count	-0.1	-0.1	<0.1	1	-0.2	-0.4
Serum adiponectin	0.2	0.4	0.2	-0.2	1	0.2
Uric acid	0.1	0.2	0.1	-0.4	0.2	1
Creatinine	<0.1	<0.1	-0.1	-0.3	0.1	0.5
Rényi4, baseline	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
TP, baseline	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SDWS, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDSA, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
CE, baseline	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Rényi4, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TP, follow-up	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SDWS, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
SDSA, follow-up	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1
CE, follow-up	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	Fibrinogen	C-reactive protein	Serum amyloid A	Leucocyte count	Serum adiponectin	Uric acid
BMP6	1	0.32	1	0.021	1	0.994
ANGPT1	1	0.453	1	1	0.299	1

ADM	0.701	<0.001	0.001	0.029	1	0.072
CD40L	1	0.372	1	1	0.404	1
PGF	1	1	1	0.698	1	0.001
ADAMTS13	1	1	1	0.04	1	0.546
BOC	0.032	0.222	1	0.203	0.037	0.566
IL4RA	1	1	0.502	1	1	1
SRC	1	1	1	1	1	1
IL1RA	0.03	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TNFRSF10A	1	<0.001	0.022	1	0.006	0.422
STK4	1	1	1	0.666	1	1
IDUA	1	0.981	1	0.296	1	1
TNFRSF11A	1	0.022	0.062	0.899	1	1
PAR1	1	1	1	1	0.607	1
TRAILR2	0.22	<0.001	0.266	1	0.003	<0.001
PRSS27	1	1	1	1	1	1
TIE2	1	1	1	1	1	1
TF	1	1	1	<0.001	0.176	1
IL1RL2	0.006	1	1	0.834	1	0.192
PDGFB	1	0.023	1	1	0.062	1
IL27	1	0.64	0.114	0.005	1	1
IL17D	1	1	1	0.001	0.912	0.203
LOX1	0.01	<0.001	0.012	1	<0.001	0.592
GAL9	0.04	<0.001	0.047	0.031	0.259	<0.001
GIF	1	1	1	1	1	1
SCF	1	0.078	1	<0.001	0.001	0.001
IL18	1	0.055	1	0.307	1	<0.001
PLGR	1	1	1	1	1	1
RAGE	1	1	1	<0.001	0.038	<0.001
SOD2	1	0.343	1	1	1	1
CTRC	1	1	0.36	0.194	1	1
FGF23	1	1	1	0.889	1	1
SPON2	1	0.029	0.001	0.009	1	1
GH	1	1	1	<0.001	1	<0.001
FS	0.121	<0.001	0.025	1	0.001	1
GLO1	1	0.444	1	0.026	0.134	0.124
CD84	1	1	1	1	0.543	1
SERPINA12	1	1	1	1	1	0.704
REN	1	1	1	<0.001	1	<0.001
DECR1	1	1	1	0.08	0.386	0.274
MERTK	1	1	1	0.086	1	1
KIM1	1	0.032	0.018	1	0.823	0.009
THBS2	1	0.004	0.006	1	1	1
TM	1	0.551	1	1	1	0.058
VSIG2	1	1	1	1	1	1
AMBP	0.167	0.004	0.115	1	1	0.338
PRELP	1	0.39	0.427	1	1	1
HO1	1	0.288	0.018	0.519	1	<0.001
XCL1	1	0.167	0.103	1	1	1
IL16	1	0.541	1	0.001	0.12	0.031
SORT1	0.67	0.004	1	1	0.956	1
CEACAM8	0.148	<0.001	0.011	0.657	<0.001	<0.001
PTX3	1	0.02	1	0.87	0.608	1
PSGL1	1	1	1	0.046	0.864	0.004
CCL17	1	1	1	0.964	1	0.483
MMP7	0.272	0.847	0.196	0.194	1	1
IGGFC	1	1	1	1	1	0.666
ITGB1BP2	1	1	1	1	0.858	1
DCN	1	1	1	1	0.555	1
DKK1	1	0.26	1	1	0.393	1
LPL	1	0.132	1	<0.001	0.001	<0.001
PRSS8	1	0.127	1	<0.001	0.393	<0.001
AGRP	0.544	1	1	1	1	0.001
HBEGF	1	0.151	1	1	0.115	1
GDF2	1	0.149	1	<0.001	0.002	<0.001
FABP2	1	1	1	1	1	1
THPO	0.448	0.145	0.225	0.008	1	0.256
MARCO	0.001	<0.001	0.34	1	1	0.033
GT	1	1	0.517	0.117	1	1
MMP12	0.001	<0.001	0.074	1	0.541	0.404
ACE2	1	0.105	0.376	<0.001	0.489	<0.001

PDL2	1	1	0.85	1	0.444	1
CTSL1	0.002	<0.001	0.005	1	1	0.041
HOSCAR	1	0.001	0.025	1	0.281	1
TNFRSF13B	0.015	0.007	0.552	1	1	0.317
TGM2	1	1	1	0.097	1	0.016
LEP	0.009	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.007
CA5A	0.563	0.023	0.155	<0.001	0.237	<0.001
HSP27	1	1	1	1	1	1
CD4	1	0.031	1	0.14	0.106	<0.001
NEMO	1	1	1	0.041	0.264	0.551
VEGFD	1	1	1	<0.001	1	0.015
PARP1	1	1	1	<0.001	0.334	0.015
HAOX1	1	0.657	0.621	<0.001	1	<0.001
TNFRSF14	0.054	0.001	1	1	0.443	0.541
LDL_RC	1	0.335	1	1	1	0.828
ITGB2	1	1	1	1	1	1
IL17RA	1	1	1	1	1	1
TNFR2	0.008	<0.001	0.055	1	0.461	0.017
MMP9	0.021	<0.001	0.013	1	<0.001	0.207
EPHB4	1	0.565	1	1	1	1
IL2RA	0.04	<0.001	1	1	0.315	<0.001
ALCAM	1	0.793	0.359	<0.001	1	<0.001
SELP	0.652	0.225	1	0.54	0.014	1
CSTB	0.018	0.004	1	0.25	0.061	0.087
CD163	0.089	0.02	1	0.244	1	0.007
GRN	0.489	0.014	0.488	0.736	1	1
NTPROBNP	1	1	1	<0.001	1	<0.001
PLC	0.737	0.064	1	1	1	0.027
LTBR	0.125	0.012	1	1	1	1
NOTCH3	1	1	1	<0.001	1	0.631
TIMP4	1	0.623	0.024	<0.001	1	1
CNTN1	1	1	1	0.001	0.568	<0.001
CDH5	1	1	1	1	1	1
TLT2	0.757	0.087	1	1	1	1
FABP4	0.002	<0.001	<0.001	<0.001	1	1
TFPI	0.204	1	1	0.715	1	1
PAI	1	<0.001	1	0.117	0.017	0.014
CCL24	1	1	0.872	1	1	1
TR	0.001	0.294	0.374	1	1	1
TNFRSF10C	0.095	0.164	1	1	<0.001	1
GDF15	<0.001	<0.001	0.014	1	<0.001	0.001
SELE	1	0.002	0.217	0.021	0.001	<0.001
DLK1	1	1	1	1	1	1
MPO	0.014	0.032	1	1	0.003	1
CXCL16	0.188	0.011	0.064	0.851	1	1
IL6RA	1	1	1	1	1	1
RETN	<0.001	<0.001	0.031	1	<0.001	1
IGFBP1	1	0.635	1	<0.001	0.375	<0.001
CHIT1	0.044	1	1	1	1	1
TRAP	1	0.49	1	1	1	<0.001
GP6	1	0.529	1	0.539	0.28	1
PSPD	1	1	1	1	1	1
EPCAM	1	1	1	0.003	1	1
APN	1	1	1	1	1	1
AXL	1	1	1	1	0.324	1
IL1RT1	1	1	1	0.107	1	0.702
MMP2	1	1	1	0.068	1	0.224
FAS	0.267	0.11	1	1	1	0.12
MB	1	1	1	0.687	1	<0.001
TNFSF13B	0.042	<0.001	0.077	0.008	0.617	0.794
PCSK9	1	0.076	0.068	1	1	1
UPAR	0.013	<0.001	0.023	1	<0.001	0.529
OPN	0.039	1	1	1	1	1
PGLYRP1	0.001	<0.001	0.011	1	<0.001	0.21
CPA1	1	1	1	1	1	0.165
JAMA	1	1	1	0.459	0.54	1
GAL4	1	0.298	0.015	0.678	1	0.568
IL1RT2	1	1	1	0.118	1	0.145
SHPS1	0.301	0.053	1	1	1	0.501
CCL15	1	1	0.225	1	1	1

CASP3	1	1	1	0.524	0.243	1
CPB1	1	1	1	1	1	0.114
CHI3L1	1	0.06	1	0.104	1	<0.001
ST2	1	1	1	<0.001	1	<0.001
TPA	1	1	1	0.067	1	0.001
SCGB3A2	1	1	1	0.002	1	0.318
EGFR	1	1	1	0.001	1	0.036
IGFBP7	1	1	1	1	1	0.083
CD93	1	1	1	1	1	1
IL18BP	0.143	0.029	0.898	1	1	0.16
COL1A1	1	0.848	1	1	1	0.671
PON3	0.99	<0.001	1	<0.001	<0.001	<0.001
CTSZ	1	<0.001	0.076	1	0.039	0.004
MMP3	1	1	1	<0.001	1	<0.001
RARRES2	<0.001	<0.001	0.001	1	0.028	1
ICAM2	1	1	1	1	1	1
KLK6	1	0.833	1	1	1	1
PDGFA	0.889	0.007	1	1	0.03	1
TNFR1	<0.001	<0.001	0.024	1	0.078	0.006
IGFBP2	1	0.048	1	<0.001	1	<0.001
VWF	0.004	<0.001	1	1	0.063	1
PECAM1	1	1	1	0.34	0.66	1
MEPE	1	0.239	1	1	1	1
CCL16	0.412	0.029	0.292	0.807	1	<0.001
IL8	0.12	<0.001	0.385	1	1	0.008
VEGFA	<0.001	<0.001	0.111	1	<0.001	0.3
CD8A	0.757	0.315	1	1	1	0.799
MCP3	<0.001	<0.001	0.028	1	0.193	0.049
CDCP1	0.014	0.069	0.395	0.918	1	<0.001
CD244	1	1	1	0.082	1	1
IL7	0.184	0.044	1	1	1	1
OPG	0.089	0.009	1	1	1	1
LAP_TGFB1	1	0.026	1	1	0.087	1
UPA	0.858	1	1	1	0.253	1
IL6	<0.001	<0.001	<0.001	0.618	<0.001	<0.001
MCP1	0.787	0.646	1	1	1	0.021
CXCL11	0.201	0.062	1	0.902	1	1
AXIN1	1	1	1	0.051	0.6	0.851
TRAIL	<0.001	1	1	1	1	1
CXCL9	0.017	0.003	0.025	1	1	0.919
CST5	1	1	1	0.001	0.064	1
OSM	0.008	<0.001	0.001	0.102	<0.001	<0.001
CXCL1	1	0.79	1	1	1	1
CCL4	0.694	0.02	1	0.803	1	0.001
CD6	1	1	1	1	1	1
TGFA	0.045	<0.001	0.006	1	<0.001	<0.001
MCP4	1	1	1	1	1	1
CCL11	0.177	1	1	1	1	1
TNFSF14	0.355	0.019	1	0.112	0.001	0.515
MMP1	1	0.893	1	1	0.704	1
LIFR	1	1	0.661	0.275	1	1
FGF21	1	0.018	0.378	0.61	0.148	<0.001
CCL19	0.01	0.002	0.42	1	1	0.214
IL15RA	1	1	0.986	1	1	0.036
IL10RB	1	0.079	0.11	1	1	0.005
IL18R1	<0.001	<0.001	0.031	1	0.018	0.363
PDL1	0.371	0.084	1	0.023	1	0.003
CXCL5	1	1	1	1	1	1
TRANCE	1	1	1	0.715	1	1
HGF	<0.001	<0.001	0.005	0.056	<0.001	<0.001
IL12B	0.104	0.001	0.071	1	1	1
MMP10	0.017	0.001	1	1	0.033	1
IL10	0.471	0.004	0.116	1	0.527	0.097
TNF	0.002	<0.001	0.001	1	1	0.004
CCL23	0.007	<0.001	0.009	0.533	0.9	0.004
CD5	1	1	1	0.272	0.744	0.093
CCL3	0.005	0.003	1	1	1	<0.001
FLT3L	1	1	1	1	0.957	1
CXCL6	1	1	1	0.59	1	0.139
CXCL10	0.049	<0.001	0.016	1	1	0.049

4EBP1	1	0.934	1	0.002	0.154	0.008
SIRT2	1	1	1	0.252	0.59	1
CCL28	1	1	1	1	1	1
DNER	1	0.152	1	0.019	0.042	1
ENRAGE	<0.001	<0.001	0.012	0.968	<0.001	0.211
CD40	1	1	1	0.482	1	0.904
IFNG	0.112	0.336	0.003	1	1	0.624
FGF19	1	1	1	1	1	0.724
MCP2	0.184	0.63	1	1	0.919	0.259
CASP8	1	0.608	1	0.014	0.304	0.074
CCL25	1	1	1	0.049	1	1
CX3CL1	1	1	1	0.012	0.001	1
TNFRSF9	0.109	0.097	1	1	1	0.025
NT3	1	1	1	1	1	1
TWEAK	1	0.054	0.47	<0.001	0.162	0.295
CCL20	0.001	<0.001	1	1	<0.001	0.051
ST1A1	1	1	1	0.018	1	1
STAMBP	1	1	1	0.104	0.945	1
ADA	1	1	1	0.017	1	0.044
TNFB	1	1	1	0.14	0.443	0.904
CSF1	<0.001	<0.001	<0.001	0.02	0.246	1
Age	<0.001	0.031	0.077	1	1	1
Body mass ind	<0.001	<0.001	0.001	0.004	0.055	<0.001
Waist circumfe	0.055	<0.001	1	<0.001	1	<0.001
Educational att	0.505	0.066	0.734	0.258	1	0.019
Alcohol consur	0.01	1	1	0.046	1	<0.001
Systolic blood	1	0.047	0.737	0.002	0.624	<0.001
Diastolic blood	1	1	1	<0.001	0.679	<0.001
Hemoglobin A.	0.013	0.069	0.534	0.105	0.209	1
Duration of kn	1	0.126	1	0.003	1	1
High-density li	0.324	0.42	0.114	<0.001	0.148	<0.001
Low-density lip	0.33	1	1	1	1	1
Triglycerides	1	0.004	1	<0.001	0.008	<0.001
Albumin	1	1	0.729	0.007	1	0.027
Fibrinogen	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.001	0.67
C-reactive prot	<0.001	<0.001	<0.001	0.718	<0.001	0.001
Serum amyloid	<0.001	<0.001	<0.001	1	0.002	1
Leucocyte cour	0.188	0.033	0.392	<0.001	0.046	<0.001
Serum adipone	<0.001	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	0.012
Uric acid	0.031	<0.001	0.169	<0.001	<0.001	<0.001
Creatinine	0.723	0.703	0.051	<0.001	0.115	<0.001
Rényi4, baselin	0.819	0.143	0.75	0.144	0.409	0.68
TP, baseline	0.726	0.108	0.923	0.192	0.462	0.593
SDWS, baselin	0.734	0.548	0.931	0.458	0.844	0.665
SDSA,baseline	0.98	0.601	0.974	0.073	0.864	0.562
CE, baseline	0.927	0.442	0.857	0.239	0.999	0.772
Rényi4, follow-	0.749	0.554	0.806	0.324	0.387	0.364
TP, follow-up	0.513	0.429	0.23	0.413	0.708	0.631
SDWS, follow-	0.516	0.448	0.651	0.243	0.947	0.969
SDSA, follow-u	0.135	0.783	0.781	0.179	0.828	0.044
CE, follow-up	0.327	0.894	0.941	0.17	0.635	0.063

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

	Creatinine	Rényi4, baseline	TP, baseline	SDWS, baseline	SDSA,baseline	CE, baseline	Rényi4, follow-up
BMP6	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ANGPT1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ADM	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CD40L	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PGF	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
ADAMTS13	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
BOC	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL4RA	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
SRC	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
IL1RA	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
TNFRSF10A	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
STK4	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
IDUA	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
TNFRSF11A	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
PAR1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TRAILR2	0.3	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
PRSS27	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
TIE2	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
TF	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
IL1RL2	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PDGFB	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL27	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
IL17D	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
LOX1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
GAL9	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
GIF	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SCF	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
IL18	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
PLGR	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
RAGE	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
SOD2	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CTRC	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
FGF23	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
SPON2	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
GH	-0.3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
FS	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
GLO1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
CD84	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SERPINA12	-0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
REN	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
DECR1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MERTK	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1
KIM1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
THBS2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
TM	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
VSIG2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
AMBP	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
PRELP	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
HO1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
XCL1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL16	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SORT1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CEACAM8	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
PTX3	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
PSGL1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL17	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
MMP7	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
IGGFC	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
ITGB1BP2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
DCN	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
DKK1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
LPL	-0.4	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PRSS8	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
AGRP	0.2	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
HBEGF	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1

GDF2	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
FABP2	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
THPO	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MARCO	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
GT	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
MMP12	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
ACE2	0.2	<0.1	<0.1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1
PDL2	0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
CTSL1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
HOSCAR	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
TNFRSF13B	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
TGM2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
LEP	-0.3	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CA5A	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
HSP27	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CD4	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
NEMO	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
VEGFD	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
PARP1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
HAOX1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
TNFRSF14	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
LDL_RC	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ITGB2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL17RA	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TNFR2	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
MMP9	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
EPHB4	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
IL2RA	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ALCAM	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SELP	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
CSTB	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CD163	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
GRN	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
NTPROBNP	-0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
PLC	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
LTBR	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
NOTCH3	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TIMP4	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CNTN1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
CDH5	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
TLT2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
FABP4	-0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
TFPI	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PAI	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL24	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
TR	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
TNFRSF10C	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
GDF15	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SELE	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
DLK1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MPO	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CXCL16	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
IL6RA	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
RETN	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
IGFBP1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CHIT1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	0.1
TRAP	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
GP6	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
PSPD	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
EPCAM	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
APN	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
AXL	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL1RT1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MMP2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
FAS	0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MB	0.4	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
TNFSF13B	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
PCSK9	-0.2	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	0.1
UPAR	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
OPN	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1

PGLYRP1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CPA1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
JAMA	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
GAL4	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL1RT2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
SHPS1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CCL15	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CASP3	<0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
CPB1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CHI3L1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
ST2	0.3	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1
TPA	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SCGB3A2	<0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
EGFR	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
IGFBP7	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CD93	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL18BP	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
COL1A1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
PON3	-0.2	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1
CTSZ	0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
MMP3	0.4	0.1	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
RARRES2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ICAM2	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
KLK6	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
PDGFA	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
TNFR1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IGFBP2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
VWF	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
PECAM1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MEPE	0.2	0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
CCL16	0.2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
IL8	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
VEGFA	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
CD8A	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
MCP3	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CDCP1	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2	-0.1
CD244	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL7	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
OPG	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
LAP_TGFB1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
UPA	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
IL6	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
MCP1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
CXCL11	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
AXIN1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
TRAIL	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CXCL9	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CST5	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
OSM	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
CXCL1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CCL4	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CD6	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TGFA	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
MCP4	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL11	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TNFSF14	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MMP1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
LIFR	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
FGF21	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
CCL19	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
IL15RA	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
IL10RB	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
IL18R1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
PDL1	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CXCL5	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TRANCE	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
HGF	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
IL12B	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
MMP10	0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
IL10	<0.1	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1

TNF	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
CCL23	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CD5	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL3	0.2	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
FLT3L	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CXCL6	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CXCL10	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
4EBP1	0.1	0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
SIRT2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
CCL28	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
DNER	-0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	0.1
ENRAGE	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CD40	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IFNG	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
FGF19	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MCP2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CASP8	0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL25	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CX3CL1	0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1	-0.1
TNFRSF9	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
NT3	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
TWEAK	-0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
CCL20	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
ST1A1	<0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	<0.1	<0.1
STAMBP	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
ADA	0.1	0.1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TNFB	-0.2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CSF1	<0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1
Age	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
Body mass ind	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
Waist circumfe	0.3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Educational att	0.2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Alcohol consur	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	0.1	0.1	<0.1
Systolic blood j	0.2	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
Diastolic blood	0.2	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
Hemoglobin A	0.1	-0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Duration of kn	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
High-density li	-0.3	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
Low-density lip	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Triglycerides	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Albumin	0.1	<0.1	0.1	<0.1	-0.1	<0.1	<0.1
Fibrinogen	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
C-reactive prot	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Serum amyloid	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Leucocyte cour	-0.3	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1	<0.1
Serum adipone	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Uric acid	0.5	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Creatinine	1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Rényi4, baselin	<0.1	1	0.9	0.8	0.8	0.8	0.4
TP, baseline	0.1	0.9	1	0.8	0.7	0.7	0.4
SDWS, baseline	<0.1	0.8	0.8	1	0.6	0.6	0.3
SDSA,baseline	<0.1	0.8	0.7	0.6	1	0.9	0.3
CE, baseline	<0.1	0.8	0.7	0.6	0.9	1	0.3
Rényi4, follow-	<0.1	0.4	0.4	0.3	0.3	0.3	1
TP, follow-up	<0.1	0.3	0.4	0.3	0.3	0.3	0.9
SDWS, follow-	<0.1	0.3	0.4	0.3	0.2	0.3	0.8
SDSA, follow-u	-0.1	0.2	0.2	0.2	0.3	0.3	0.8
CE, follow-up	-0.1	0.3	0.3	0.2	0.3	0.4	0.8

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

	Creatinine	Rényi4, baselin	TP, baseline	SDWS, baseline	SDSA,baseline	CE, baseline	Rényi4, follow-u
BMP6	1	1	1	1	1	1	1
ANGPT1	1	1	1	1	1	1	1

ADM	0.194	0.112	0.097	0.213	1	1	0.532
CD40L	1	1	1	1	1	1	1
PGF	<0.001	1	1	1	1	1	1
ADAMTS13	0.159	1	1	1	1	1	1
BOC	1	1	1	1	1	1	1
IL4RA	1	1	1	1	1	1	0.802
SRC	1	0.367	0.777	0.428	1	1	1
IL1RA	0.902	1	1	1	1	0.929	1
TNFRSF10A	1	1	1	1	1	1	1
STK4	1	1	1	1	1	1	1
IDUA	1	1	1	1	1	1	1
TNFRSF11A	1	1	1	1	1	1	1
PAR1	1	1	1	1	1	1	1
TRAILR2	<0.001	1	1	1	1	1	1
PRSS27	0.339	1	1	1	1	1	1
TIE2	1	0.952	0.413	1	1	0.688	1
TF	1	1	1	1	1	1	1
IL1RL2	0.344	1	1	1	1	1	1
PDGFB	1	1	1	1	1	1	1
IL27	1	1	1	1	1	1	1
IL17D	1	1	1	1	1	1	1
LOX1	1	1	1	1	1	1	1
GAL9	0.006	1	1	1	1	0.916	1
GIF	1	1	1	1	1	1	1
SCF	1	1	1	1	1	1	0.917
IL18	0.056	1	1	1	1	1	1
PLGR	0.909	1	1	1	1	1	1
RAGE	1	1	1	1	1	1	1
SOD2	1	1	1	1	1	1	1
CTRC	1	1	1	1	1	1	1
FGF23	0.942	1	1	1	1	0.51	1
SPON2	1	0.121	0.212	0.922	0.965	0.551	1
GH	<0.001	1	1	1	1	1	1
FS	1	0.261	0.48	1	1	1	1
GLO1	1	1	1	1	1	1	1
CD84	1	1	1	1	1	1	1
SERPINA12	0.097	1	1	1	0.508	0.736	1
REN	<0.001	1	1	1	1	1	0.494
DECR1	1	1	1	1	1	1	1
MERTK	1	1	1	1	1	1	1
KIM1	1	1	0.664	1	0.386	0.393	1
THBS2	0.37	1	0.739	1	1	1	1
TM	0.001	1	1	1	1	1	1
VSIG2	1	1	1	1	1	1	1
AMBP	0.003	1	0.878	1	1	1	0.871
PRELP	1	1	1	1	1	1	1
HO1	0.154	1	1	1	1	1	1
XCL1	1	1	1	1	1	1	1
IL16	0.43	1	1	1	1	1	1
SORT1	1	1	1	1	1	1	1
CEACAM8	0.006	1	1	1	1	1	1
PTX3	0.319	0.968	1	1	1	1	1
PSGL1	1	1	1	0.948	1	1	1
CCL17	0.702	1	1	0.809	1	1	1
MMP7	1	1	1	1	0.437	0.404	1
IGGFC	1	1	1	1	1	1	1
ITGB1BP2	1	1	1	1	1	1	1
DCN	1	1	1	1	1	1	1
DKK1	1	1	1	1	1	1	1
LPL	<0.001	1	1	1	1	1	1
PRSS8	0.001	1	1	1	1	1	0.712
AGRP	<0.001	1	1	1	1	1	0.27
HBEGF	1	1	1	1	1	1	1
GDF2	0.004	1	1	1	1	1	1
FABP2	1	1	1	1	1	1	1
THPO	1	1	1	1	1	1	1
MARCO	1	0.729	0.614	1	1	0.651	1
GT	1	0.877	1	1	1	0.752	1
MMP12	1	0.734	0.877	1	1	0.704	1
ACE2	0.007	1	1	1	1	1	0.15

PDL2	1	1	1	1	1	1	1
CTSL1	0.309	0.341	0.56	1	0.784	0.269	1
HOSCAR	1	0.515	0.342	1	1	1	0.214
TNFRSF13B	0.584	0.916	0.416	1	1	1	1
TGM2	1	1	1	1	1	1	1
LEP	<0.001	1	0.95	1	1	1	1
CA5A	<0.001	1	1	1	1	1	0.355
HSP27	1	1	1	1	1	1	1
CD4	0.015	1	1	1	1	0.463	1
NEMO	1	1	1	1	1	1	1
VEGFD	0.395	1	1	1	1	1	1
PARP1	0.211	1	1	1	1	1	1
HAOX1	0.063	1	1	1	1	1	1
TNFRSF14	0.003	1	1	1	1	1	1
LDL_RC	1	1	1	1	1	1	1
ITGB2	1	1	1	1	1	1	1
IL17RA	1	1	1	1	1	1	1
TNFR2	<0.001	1	1	1	1	1	1
MMP9	1	1	1	1	1	1	1
EPHB4	0.011	1	1	1	1	1	1
IL2RA	0.028	1	1	1	1	1	1
ALCAM	0.063	1	1	1	1	1	1
SELP	1	1	1	1	1	1	1
CSTB	0.015	1	1	1	1	1	1
CD163	1	1	1	1	1	1	1
GRN	1	1	1	1	1	1	1
NTPROBNP	0.004	1	1	1	0.421	1	1
PLC	<0.001	1	1	1	1	1	1
LTBR	0.01	1	1	1	1	1	1
NOTCH3	1	1	1	1	1	1	1
TIMP4	1	1	1	1	1	1	1
CNTN1	0.12	1	1	1	1	1	1
CDH5	1	1	1	1	1	1	1
TLT2	1	1	1	1	1	1	1
FABP4	0.051	1	1	1	1	1	1
TFPI	1	1	1	1	1	1	1
PAI	1	1	1	1	1	1	1
CCL24	1	1	1	1	1	1	1
TR	1	1	1	1	1	1	0.545
TNFRSF10C	1	1	1	1	1	1	1
GDF15	<0.001	1	1	1	1	1	1
SELE	1	1	1	1	1	1	1
DLK1	1	1	1	1	1	1	1
MPO	1	1	1	1	1	1	1
CXCL16	1	1	1	1	1	1	1
IL6RA	1	1	1	1	1	1	1
RETN	0.056	1	1	1	1	1	1
IGFBP1	1	1	1	1	1	1	1
CHIT1	1	1	1	1	0.766	0.715	1
TRAP	0.003	1	1	1	1	1	1
GP6	1	1	1	1	1	1	1
PSPD	1	1	1	1	1	1	1
EPCAM	0.518	1	1	1	1	1	1
APN	1	1	1	1	1	1	1
AXL	1	1	1	1	1	1	1
IL1RT1	1	1	1	1	1	1	1
MMP2	1	1	1	1	1	1	1
FAS	0.016	1	1	1	1	1	1
MB	<0.001	1	0.909	1	1	1	0.958
TNFSF13B	0.078	1	1	1	1	1	1
PCSK9	0.014	1	1	1	1	1	1
UPAR	0.519	1	1	1	1	1	1
OPN	1	1	1	1	1	1	1
PGLYRP1	0.004	1	1	1	1	1	1
CPA1	0.077	1	1	1	1	1	1
JAMA	1	1	1	1	1	1	1
GAL4	1	1	1	1	1	1	1
IL1RT2	0.186	1	1	1	1	1	1
SHPS1	0.01	1	1	1	1	1	1
CCL15	0.234	1	1	1	1	1	1

CASP3	1	1	1	1	1	1	1
CPB1	0.097	1	1	1	1	1	1
CHI3L1	0.009	1	1	1	1	1	1
ST2	<0.001	1	0.328	0.548	1	1	1
TPA	0.576	1	1	1	1	1	1
SCGB3A2	1	0.801	1	1	1	1	1
EGFR	0.476	1	1	1	1	1	1
IGFBP7	0.061	1	1	1	1	1	1
CD93	0.425	1	1	1	1	1	1
IL18BP	0.039	1	1	1	1	1	1
COL1A1	1	1	1	1	1	1	1
PON3	0.044	0.553	1	1	1	0.899	0.528
CTS2	0.044	1	1	1	0.753	1	1
MMP3	<0.001	1	0.846	0.394	1	1	1
RARRES2	1	1	1	1	1	1	1
ICAM2	1	1	1	1	1	1	1
KLK6	0.018	1	1	1	1	1	1
PDGFA	1	1	1	1	1	1	1
TNFR1	<0.001	1	1	1	1	1	1
IGFBP2	1	1	1	1	1	1	1
VWF	1	0.453	1	1	1	0.449	1
PECAM1	1	1	1	1	1	1	1
MEPE	<0.001	1	1	1	1	1	1
CCL16	0.002	1	1	1	1	1	1
IL8	1	1	1	1	1	1	1
VEGFA	0.915	1	1	1	1	1	1
CD8A	1	1	1	1	1	1	1
MCP3	1	1	1	1	1	1	1
CDCP1	1	0.074	0.173	0.439	0.16	0.067	0.327
CD244	1	1	1	1	1	1	1
IL7	1	1	1	1	1	1	1
OPG	1	0.184	0.657	1	1	0.534	0.474
LAP_TGFB1	1	1	1	1	1	1	1
UPA	1	1	1	1	1	0.806	1
IL6	0.142	0.316	0.555	0.953	1	0.663	1
MCP1	0.468	1	1	1	1	1	1
CXCL11	1	1	1	1	1	1	1
AXIN1	1	1	1	1	1	1	1
TRAIL	1	1	0.521	0.63	0.146	0.54	1
CXCL9	0.784	1	1	1	1	0.38	1
CST5	1	1	1	1	1	1	1
OSM	1	1	1	0.823	1	1	1
CXCL1	1	1	1	1	1	1	1
CCL4	0.069	1	1	1	1	1	1
CD6	1	1	1	1	1	1	1
TGFA	0.001	1	1	1	1	1	1
MCP4	1	1	1	1	1	1	1
CCL11	1	1	1	1	1	1	1
TNFSF14	1	1	1	1	1	1	1
MMP1	0.187	1	0.617	0.794	1	1	1
LIFR	1	1	1	1	1	1	1
FGF21	0.584	1	1	1	1	1	0.499
CCL19	1	1	1	1	1	1	1
IL15RA	0.015	1	1	1	1	1	1
IL10RB	0.135	1	1	1	1	1	1
IL18R1	1	1	1	1	1	1	1
PDL1	0.006	1	1	1	1	1	1
CXCL5	1	1	1	1	1	1	1
TRANCE	1	1	1	1	1	1	1
HGF	0.965	1	1	1	1	1	1
IL12B	1	0.152	0.471	0.541	1	1	1
MMP10	1	1	1	1	1	1	1
IL10	1	0.048	0.687	0.665	0.105	0.264	1
TNF	1	0.685	1	1	1	0.682	1
CCL23	0.013	1	1	1	1	1	1
CD5	0.49	1	1	1	1	1	1
CCL3	<0.001	1	1	1	1	1	1
FLT3L	1	1	1	1	1	1	1
CXCL6	1	1	1	1	1	1	1
CXCL10	1	1	1	1	1	1	1

4EBP1	1	1	1	1	1	1	1
SIRT2	1	1	1	1	1	1	1
CCL28	1	1	1	1	1	1	1
DNER	1	1	1	1	1	1	1
ENRAGE	1	1	1	1	1	1	1
CD40	1	1	1	1	1	1	1
IFNG	1	0.251	1	0.243	1	1	1
FGF19	0.659	1	1	1	1	1	1
MCP2	1	1	1	1	1	1	1
CASP8	1	1	1	1	1	1	1
CCL25	1	1	1	1	0.788	0.797	0.305
CX3CL1	0.119	1	1	1	1	1	1
TNFRSF9	0.206	1	1	1	0.736	0.245	1
NT3	1	1	1	1	1	1	1
TWEAK	1	1	1	1	1	1	1
CCL20	1	1	1	1	1	1	1
ST1A1	1	1	1	1	1	1	1
STAMBP	1	1	1	1	1	1	1
ADA	0.115	1	1	1	1	1	1
TNFB	0.009	0.918	1	1	1	1	0.113
CSF1	1	0.157	0.301	1	1	1	1
Age	1	0.437	1	0.36	1	0.345	0.187
Body mass index	1	1	1	1	1	1	1
Waist circumference	<0.001	1	1	1	1	1	1
Educational attainment	0.001	1	1	1	1	1	1
Alcohol consumption	0.002	1	1	1	1	1	1
Systolic blood pressure	0.001	1	1	1	1	1	1
Diastolic blood pressure	0.001	1	1	1	1	1	1
Hemoglobin A1c	1	1	1	1	1	1	1
Duration of known disease	1	1	1	1	1	1	1
High-density lipoprotein	<0.001	1	1	1	1	1	1
Low-density lipoprotein	1	1	1	1	1	1	1
Triglycerides	0.073	1	1	1	1	1	0.127
Albumin	1	1	1	1	1	1	1
Fibrinogen	1	1	1	1	1	1	1
C-reactive protein	1	1	1	1	1	1	1
Serum amyloid A	1	1	1	1	1	1	1
Leucocyte count	<0.001	1	1	1	1	1	1
Serum adiponectin	1	1	1	1	1	1	1
Uric acid	<0.001	1	1	1	1	1	1
Creatinine	<0.001	1	1	1	1	1	1
Rényi4, baseline	0.874	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TP, baseline	0.22	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SDWS, baseline	0.572	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SDSA, baseline	0.662	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CE, baseline	0.754	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
Rényi4, follow-up	0.423	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TP, follow-up	0.837	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SDWS, follow-up	0.652	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SDSA, follow-up	0.264	<0.001	<0.001	0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CE, follow-up	0.154	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

Spearman correlation coefficients, r

Values below and above the diagonal are similar

ip	TP, follow-up	SDWS, follow-up	SDSA, follow-up	CE, follow-up
BMP6	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ANGPT1	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
ADM	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
CD40L	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PGF	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
ADAMTS13	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
BOC	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
IL4RA	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
SRC	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL1RA	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TNFRSF10A	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
STK4	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IDUA	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
TNFRSF11A	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
PAR1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TRAILR2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PRSS27	0.1	0.1	0.1	0.1
TIE2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
TF	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL1RL2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PDGFB	<0.1	<0.1	0.1	0.1
IL27	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL17D	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
LOX1	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
GAL9	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
GIF	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SCF	<0.1	0.1	0.1	0.1
IL18	<0.1	0.1	-0.1	-0.1
PLGR	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
RAGE	<0.1	<0.1	-0.1	<0.1
SOD2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CTRC	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
FGF23	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
SPON2	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
GH	<0.1	<0.1	0.1	0.1
FS	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
GLO1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CD84	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SERPINA12	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
REN	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
DECR1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MERTK	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
KIM1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
THBS2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
TM	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
VSIG2	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
AMBP	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
PRELP	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
HO1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
XCL1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
IL16	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SORT1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CEACAM8	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PTX3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PSGL1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CCL17	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MMP7	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IGGFC	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
ITGB1BP2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
DCN	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
DKK1	<0.1	0.1	0.1	0.1
LPL	<0.1	<0.1	0.1	0.1
PRSS8	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
AGRP	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
HBEGF	<0.1	<0.1	0.1	0.1

GDF2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
FABP2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
THPO	<0.1	0.1	0.1	0.1
MARCO	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
GT	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MMP12	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
ACE2	-0.1	-0.1	-0.2	-0.2
PDL2	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CTSL1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
HOSCAR	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
TNFRSF13B	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
TGM2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
LEP	-0.1	-0.1	0.1	<0.1
CA5A	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
HSP27	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CD4	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
NEMO	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
VEGFD	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PARP1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
HAOX1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
TNFRSF14	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
LDL_RC	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ITGB2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL17RA	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TNFR2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MMP9	0.1	0.1	0.1	0.1
EPHB4	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL2RA	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ALCAM	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SELP	<0.1	0.1	0.1	0.1
CSTB	<0.1	<0.1	0.1	0.1
CD163	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
GRN	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
NTPROBNP	<0.1	-0.1	0.1	<0.1
PLC	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
LTBR	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
NOTCH3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TIMP4	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CNTN1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
CDH5	0.1	0.1	<0.1	<0.1
TLT2	0.1	0.1	0.1	0.1
FABP4	-0.1	-0.1	0.1	<0.1
TFPI	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
PAI	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL24	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TR	0.1	0.1	0.1	0.1
TNFRSF10C	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
GDF15	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SELE	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
DLK1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MPO	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CXCL16	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
IL6RA	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
RETN	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
IGFBP1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CHIT1	<0.1	<0.1	0.1	0.1
TRAP	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
GP6	<0.1	<0.1	0.1	0.1
PSPD	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
EPCAM	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
APN	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
AXL	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL1RT1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MMP2	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
FAS	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
MB	0.1	0.1	0.1	0.1
TNFSF13B	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
PCSK9	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
UPAR	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
OPN	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1

PGLYRP1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
CPA1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
JAMA	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
GAL4	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL1RT2	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
SHPS1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CCL15	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CASP3	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CPB1	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CHI3L1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ST2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TPA	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SCGB3A2	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
EGFR	0.1	0.1	<0.1	0.1
IGFBP7	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CD93	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL18BP	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
COL1A1	0.1	<0.1	0.1	<0.1
PON3	0.1	0.1	0.1	0.1
CTSZ	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MMP3	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
RARRES2	<0.1	<0.1	0.1	0.1
ICAM2	<0.1	0.1	0.1	<0.1
KLK6	0.1	0.1	<0.1	<0.1
PDGFA	<0.1	0.1	0.1	0.1
TNFR1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IGFBP2	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
VWF	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PECAM1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MEPE	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL16	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
IL8	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
VEGFA	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CD8A	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
MCP3	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CDCP1	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CD244	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL7	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
OPG	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
LAP_TGFB1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
UPA	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
IL6	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MCP1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CXCL11	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
AXIN1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TRAIL	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CXCL9	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CST5	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
OSM	<0.1	0.1	0.1	0.1
CXCL1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL4	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
CD6	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TGFA	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
MCP4	<0.1	0.1	0.1	<0.1
CCL11	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
TNFSF14	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
MMP1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
LIFR	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
FGF21	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
CCL19	<0.1	0.1	0.1	<0.1
IL15RA	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
IL10RB	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
IL18R1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
PDL1	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CXCL5	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TRANCE	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
HGF	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL12B	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MMP10	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IL10	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1

TNF	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CCL23	-0.1	<0.1	-0.1	<0.1
CD5	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL3	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
FLT3L	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CXCL6	<0.1	0.1	0.1	<0.1
CXCL10	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
4EBP1	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
SIRT2	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL28	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
DNER	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ENRAGE	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CD40	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
IFNG	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
FGF19	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
MCP2	-0.1	<0.1	<0.1	-0.1
CASP8	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
CCL25	-0.2	-0.1	-0.1	-0.2
CX3CL1	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
TNFRSF9	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
NT3	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TWEAK	<0.1	0.1	<0.1	<0.1
CCL20	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ST1A1	<0.1	0.1	0.1	0.1
STAMBP	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
ADA	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
TNFB	-0.1	-0.1	-0.1	-0.2
CSF1	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Age	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
Body mass index	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Waist circumference	-0.1	<0.1	-0.1	-0.1
Educational attainment	0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Alcohol consumption	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
Systolic blood pressure	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Diastolic blood pressure	<0.1	<0.1	<0.1	0.1
Hemoglobin A1c	-0.1	-0.1	<0.1	-0.1
Duration of known disease	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
High-density lipoprotein	0.1	0.1	0.1	0.1
Low-density lipoprotein	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Triglycerides	-0.1	-0.1	-0.1	-0.1
Albumin	<0.1	<0.1	<0.1	-0.1
Fibrinogen	<0.1	<0.1	0.1	<0.1
C-reactive protein	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Serum amyloid A	-0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Leucocyte count	<0.1	0.1	0.1	0.1
Serum adiponectin	<0.1	<0.1	<0.1	<0.1
Uric acid	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
Creatinine	<0.1	<0.1	-0.1	-0.1
Rényi4, baseline	0.3	0.3	0.2	0.3
TP, baseline	0.4	0.4	0.2	0.3
SDWS, baseline	0.3	0.3	0.2	0.2
SDSA, baseline	0.3	0.2	0.3	0.3
CE, baseline	0.3	0.3	0.3	0.4
Rényi4, follow-up	0.9	0.8	0.8	0.8
TP, follow-up	1	0.8	0.7	0.7
SDWS, follow-up	0.8	1	0.6	0.6
SDSA, follow-up	0.7	0.6	1	0.9
CE, follow-up	0.7	0.6	0.9	1

Spearman correlation P

P in the bottom left hand triangle (i.e. below the diagonal)

Benjamini-Yekutieli multiple testing adjusted P in the top right hand triangle (i.e. above the diagonal)

TP, follow-up	SDWS, follow-up	SDSA, follow-up	CE, follow-up
BMP6	1	1	1
ANGPT1	1	1	1

ADM	0.298	1	1	1
CD40L	1	1	1	1
PGF	1	1	1	1
ADAMTS13	1	1	1	1
BOC	1	1	1	1
IL4RA	0.431	1	0.21	0.273
SRC	1	1	1	1
IL1RA	1	1	1	1
TNFRSF10A	1	1	1	1
STK4	1	1	1	1
IDUA	1	1	1	1
TNFRSF11A	0.202	1	1	1
PAR1	1	1	1	1
TRAILR2	1	1	1	1
PRSS27	1	1	1	0.719
TIE2	0.537	1	0.283	0.587
TF	1	1	1	1
IL1RL2	1	1	1	1
PDGFB	1	1	1	1
IL27	1	1	1	1
IL17D	1	0.568	1	1
LOX1	1	1	1	1
GAL9	1	1	1	1
GIF	1	1	1	1
SCF	1	0.756	1	1
IL18	1	1	1	1
PLGR	1	1	1	1
RAGE	1	1	1	1
SOD2	1	1	1	1
CTRC	1	1	1	1
FGF23	1	1	1	1
SPON2	1	1	1	1
GH	1	1	1	0.744
FS	1	1	1	1
GLO1	1	1	1	1
CD84	1	1	1	1
SERPINA12	1	1	1	1
REN	1	1	0.462	0.192
DECR1	1	1	1	1
MERTK	1	1	1	1
KIM1	0.302	1	0.303	0.336
THBS2	0.338	1	0.706	0.501
TM	1	1	1	1
VSIG2	1	1	1	1
AMBP	0.802	1	1	1
PRELP	0.296	1	1	1
HO1	1	1	1	1
XCL1	1	1	1	1
IL16	1	1	1	1
SORT1	1	1	1	1
CEACAM8	1	1	1	1
PTX3	1	1	1	1
PSGL1	1	1	1	1
CCL17	1	1	1	1
MMP7	1	1	1	1
IGGFC	1	0.286	1	1
ITGB1BP2	1	1	1	1
DCN	0.59	1	1	0.558
DKK1	1	1	1	1
LPL	1	1	1	1
PRSS8	0.601	1	0.21	0.235
AGRP	0.756	1	0.167	0.371
HBEGF	1	1	1	1
GDF2	1	1	1	1
FABP2	1	1	1	1
THPO	1	1	1	1
MARCO	0.376	1	0.55	0.584
GT	1	1	1	1
MMP12	1	1	1	0.935
ACE2	0.504	1	0.01	0.009

PDL2	1	1	1	1
CTSL1	1	1	1	1
HOSCAR	0.214	1	1	0.503
TNFRSF13B	1	1	1	1
TGM2	1	1	1	1
LEP	0.465	1	1	1
CA5A	0.362	1	1	0.361
HSP27	1	1	1	1
CD4	1	1	1	1
NEMO	1	1	1	1
VEGFD	1	1	1	1
PARP1	1	1	1	1
HAOX1	1	1	0.28	1
TNFRSF14	1	1	1	1
LDL_RC	1	1	1	1
ITGB2	1	1	1	1
IL17RA	1	1	1	1
TNFR2	1	1	1	1
MMP9	1	0.803	0.861	0.841
EPHB4	1	1	1	1
IL2RA	1	1	1	1
ALCAM	1	1	1	1
SELP	1	1	1	1
CSTB	1	1	1	1
CD163	1	1	1	1
GRN	1	1	1	1
NTPROBNP	1	0.649	1	1
PLC	1	1	1	1
LTBR	1	1	1	1
NOTCH3	1	1	1	1
TIMP4	1	1	1	1
CNTN1	1	1	1	1
CDH5	1	1	1	1
TLT2	1	0.627	0.611	0.475
FABP4	0.899	1	1	1
TFPI	1	1	1	1
PAI	1	1	1	1
CCL24	1	1	1	1
TR	1	1	0.308	0.689
TNFRSF10C	1	1	1	1
GDF15	1	1	1	1
SELE	1	1	1	1
DLK1	1	1	1	1
MPO	1	1	1	1
CXCL16	1	1	1	1
IL6RA	1	1	1	1
RETN	1	1	1	1
IGFBP1	1	1	1	1
CHIT1	1	1	1	1
TRAP	1	1	1	1
GP6	1	1	1	1
PSPD	1	1	1	1
EPCAM	1	1	1	1
APN	1	1	1	1
AXL	1	1	1	1
IL1RT1	1	1	1	1
MMP2	1	1	1	1
FAS	1	1	1	1
MB	1	0.4	1	1
TNFSF13B	1	1	1	1
PCSK9	1	1	1	1
UPAR	1	1	1	1
OPN	1	1	1	1
PGLYRP1	1	1	1	1
CPA1	1	1	1	1
JAMA	1	1	1	1
GAL4	1	1	1	1
IL1RT2	1	1	0.353	0.572
SHPS1	1	1	1	1
CCL15	1	1	1	1

CASP3	1	1	1	1
CPB1	1	1	1	1
CHI3L1	1	1	1	1
ST2	1	1	1	1
TPA	1	1	1	1
SCGB3A2	1	1	1	1
EGFR	1	1	1	1
IGFBP7	1	1	1	1
CD93	1	1	1	1
IL18BP	1	1	1	1
COL1A1	1	1	1	1
PON3	1	1	1	0.868
CTSZ	1	1	1	1
MMP3	1	1	1	1
RARRES2	1	1	1	1
ICAM2	1	0.509	1	1
KLK6	1	1	1	1
PDGFA	1	1	1	1
TNFR1	1	1	1	1
IGFBP2	1	1	1	1
VWF	1	1	1	1
PECAM1	1	1	1	1
MEPE	1	1	1	1
CCL16	1	1	1	1
IL8	1	1	1	1
VEGFA	1	1	1	1
CD8A	1	1	1	1
MCP3	1	1	1	1
CDCP1	0.169	1	0.138	0.089
CD244	1	1	1	1
IL7	1	1	1	1
OPG	0.498	1	0.215	0.1
LAP_TGFB1	1	1	1	1
UPA	0.743	1	0.945	1
IL6	1	1	1	1
MCP1	1	1	1	1
CXCL11	1	1	1	1
AXIN1	1	1	1	1
TRAIL	1	1	1	0.877
CXCL9	1	1	1	0.635
CST5	1	1	1	1
OSM	1	1	1	1
CXCL1	1	1	1	1
CCL4	1	1	1	1
CD6	1	1	1	1
TGFA	1	1	1	1
MCP4	1	1	1	1
CCL11	1	1	1	1
TNFSF14	1	1	1	1
MMP1	1	1	1	1
LIFR	0.76	1	0.762	0.742
FGF21	0.933	1	1	0.732
CCL19	1	0.742	1	1
IL15RA	1	1	0.505	0.434
IL10RB	1	1	1	1
IL18R1	1	1	1	1
PDL1	1	1	1	1
CXCL5	1	1	1	1
TRANCE	1	1	1	1
HGF	1	1	1	1
IL12B	1	1	1	1
MMP10	1	1	1	1
IL10	1	1	1	1
TNF	1	1	1	1
CCL23	1	1	1	1
CD5	1	1	1	1
CCL3	1	1	1	1
FLT3L	1	1	1	1
CXCL6	1	1	1	1
CXCL10	1	1	1	1

4EBP1	1	1	1	1
SIRT2	1	1	1	1
CCL28	1	1	1	1
DNER	1	1	1	1
ENRAGE	1	1	1	1
CD40	1	1	1	1
IFNG	1	1	1	1
FGF19	1	1	1	1
MCP2	1	1	1	1
CASP8	1	1	1	1
CCL25	0.041	0.286	0.291	0.054
CX3CL1	1	1	1	1
TNFRSF9	1	1	1	0.387
NT3	1	1	1	1
TWEAK	1	1	1	1
CCL20	1	1	1	1
ST1A1	1	1	1	1
STAMBP	1	1	1	1
ADA	1	1	1	1
TNFB	0.201	0.837	0.116	0.034
CSF1	1	1	1	1
Age	0.416	1	1	0.429
Body mass index	1	1	1	1
Waist circumference	1	1	1	1
Educational attainment	1	1	1	1
Alcohol consumption	1	1	0.657	0.962
Systolic blood pressure	1	1	1	1
Diastolic blood pressure	1	1	1	1
Hemoglobin A1c	1	0.12	1	1
Duration of known diabetes	1	1	1	1
High-density lipoprotein	1	1	1	1
Low-density lipoprotein	1	1	1	1
Triglycerides	0.733	1	1	1
Albumin	1	1	1	1
Fibrinogen	1	1	1	1
C-reactive protein	1	1	1	1
Serum amyloid A	1	1	1	1
Leucocyte count	1	1	1	1
Serum adiponectin	1	1	1	1
Uric acid	1	1	0.913	1
Creatinine	1	1	1	1
Rényi4, baseline	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TP, baseline	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SDWS, baseline	<0.001	<0.001	0.035	<0.001
SDSA, baseline	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CE, baseline	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
Rényi4, follow-up	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
TP, follow-up	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SDWS, follow-up	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
SDSA, follow-up	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001
CE, follow-up	<0.001	<0.001	<0.001	<0.001

Table S13: Bivariable association of proteomics biomarkers and categorical covariates of S4-FF4 study sample

Kruskal–Wallis rank-sum test *P*

Proteomics biomarkers

Bone morphogenetic protein 6
 Angiopoietin-1
 Adrenomedullin
 CD40 ligand
 Placenta growth factor
 A disintegrin and metalloproteinase with thrombospondin motifs 13
 Brother of CDO
 Interleukin-4 receptor subunit alpha
 Proto-oncogene tyrosine-protein kinase Src
 Interleukin-1 receptor antagonist protein
 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10A
 Serine/threonine-protein kinase 4
 Alpha-L-iduronidase
 Tumor necrosis factor receptor superfamily member 11A
 Proteinase-activated receptor 1
 TNF-related apoptosis-inducing ligand receptor 2
 Serine protease 27
 Angiopoietin-1 receptor
 Tissue factor
 Interleukin-1 receptor-like 2
 Platelet-derived growth factor subunit B
 Interleukin-27
 Interleukin-17D
 Lectin-like oxidized LDL receptor 1
 Galectin-9
 Gastric intrinsic factor
 Stem cell factor
 Interleukin-18
 Polymeric immunoglobulin receptor
 Receptor for advanced glycosylation end products
 Superoxide dismutase [Mn], mitochondrial
 Chymotrypsin C
 Fibroblast growth factor-23
 Spondin-2
 Growth hormone
 Follistatin
 Lactoylglutathione lyase
 SLAM family member 5
 Serpin A12
 Renin
 2,4-dienoyl-CoA reductase, mitochondrial
 Tyrosine-protein kinase Mer

Abbreviations	Sex	Physical activity	Diuretics	Statins
BMP6	0.077	0.225	0.338	0.926
ANGPT1	0.189	0.563	0.124	0.357
ADM	0.002	0.319	0.101	0.332
CD40L	0.951	0.344	0.192	0.958
PGF	<0.001	0.275	0.349	0.232
ADAMTS13	<0.001	0.064	0.277	0.057
BOC	0.224	0.832	0.183	0.747
IL4RA	0.476	0.952	0.059	0.713
SRC	0.234	0.428	0.669	0.502
IL1RA	0.865	0.466	0.167	0.509
TNFRSF10A	0.161	0.424	0.195	0.483
STK4	0.772	0.430	0.215	0.384
IDUA	0.445	0.908	0.869	0.453
TNFRSF11A	0.007	0.576	0.161	0.535
PAR1	0.697	0.245	0.023	0.411
TRAILR2	0.078	0.557	0.341	0.907
PRSS27	0.893	0.787	0.848	0.739
TIE2	0.781	0.266	0.475	0.639
TF	0.480	0.140	0.304	0.552
IL1RL2	0.000	0.498	0.776	0.477
PDGFB	0.572	0.798	0.058	0.292
IL27	0.325	0.431	0.216	0.211
IL17D	<0.001	0.463	0.258	0.743
LOX1	0.367	0.440	0.435	0.965
GAL9	0.110	0.500	0.018	0.345
GIF	0.206	0.299	0.160	0.221
SCF	0.001	0.064	0.703	0.064
IL18	<0.001	0.148	0.229	0.497
PLGR	0.188	0.904	0.761	0.038
RAGE	0.000	0.038	0.181	0.679
SOD2	0.776	0.849	0.722	0.147
CTRC	0.111	0.405	0.219	0.221
FGF23	0.012	0.187	0.064	0.476
SPON2	<0.001	0.292	0.963	0.996
GH	<0.001	0.059	0.633	0.418
FS	0.044	0.779	0.457	0.129
GLO1	0.076	0.831	0.043	0.638
CD84	0.127	0.763	0.320	0.846
SERPINA12	0.000	0.091	0.464	0.783
REN	0.000	0.003	<0.001	0.057
DECR1	0.079	0.700	0.140	0.837
MERTK	0.152	0.585	0.915	0.705

Kidney Injury Molecule	KIM1	0.598	0.234	0.050	0.414
Thrombospondin-2	THBS2	0.007	0.423	0.226	0.941
Thrombomodulin	TM	0.056	0.536	0.717	0.836
V-set and immunoglobulin domain-containing protein 2	VSIG2	0.131	0.341	0.220	0.866
Protein AMBP	AMBP	0.845	0.673	0.798	0.077
Prolargin	PRELP	0.002	0.730	0.462	0.752
Heme oxygenase 1	HO1	0.000	0.920	0.268	0.374
Lymphotactin	XCL1	0.693	0.108	0.504	0.678
Pro-interleukin-16	IL16	0.025	0.925	0.229	0.441
Sortilin	SORT1	0.987	0.438	0.246	0.390
Carcinoembryonic antigenrelated cell adhesion molecule 8	CEACAM8	0.014	0.194	0.075	0.398
Pentraxin-related protein 3	PTX3	0.760	0.670	0.066	0.503
P-selectin glycoprotein ligand 1	PSGL1	0.128	0.558	0.676	0.237
C-C motif chemokine 17	CCL17	0.110	0.861	0.123	0.844
Matrix metalloproteinase-7	MMP7	0.008	0.125	0.219	0.581
Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b	IGGFC	0.572	0.645	0.087	0.330
Melusin	ITGB1BP2	0.748	0.307	0.078	0.964
Decorin	DCN	0.747	0.974	0.967	0.319
Dickkopf-related protein 1	DKK1	0.454	0.664	0.139	0.347
Lipoprotein lipase	LPL	0.000	0.411	0.844	0.823
Prostasin	PRSS8	0.000	0.185	0.989	0.071
Agouti-related protein	AGRP	0.034	0.266	0.699	0.186
Proheparin-binding EGF-like growth factor	HBEGF	0.276	0.622	0.063	0.408
Growth/differentiation factor 2	GDF2	0.000	0.545	0.909	0.394
Fatty acid-binding protein, intestinal	FABP2	0.307	0.711	0.689	0.303
Thrombopoietin	THPO	<0.001	0.018	0.691	0.228
Macrophage receptor MARCO	MARCO	1.000	0.283	0.633	0.213
Gastrotropin	GT	0.050	0.219	0.118	0.752
Matrix metalloproteinase-12	MMP12	0.878	0.003	0.820	0.818
Angiotensin-converting enzyme 2	ACE2	<0.001	0.660	0.502	0.613
Programmed cell death 1 ligand 2	PDL2	0.907	0.041	0.108	0.175
Cathepsin L1	CTSL1	0.275	0.201	0.126	0.023
Osteoclast-associated immunoglobulin-like receptor	HOSCAR	0.145	0.063	0.615	0.507
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 13B	TNFRSF13B	0.858	0.322	0.344	0.688
Protein-glutamine gamma-glutamyltransferase 2	TGM2	0.003	0.372	0.273	0.758
Leptin	LEP	0.000	0.711	0.442	0.624
Carbonic anhydrase-5A, mitochondrial	CA5A	0.000	0.674	0.931	0.857
Heat shock 27 kDa protein	HSP27	0.145	0.402	0.133	0.852
T-cell surface glycoprotein CD4	CD4	0.003	0.091	0.135	0.715
NF-kappa-B essential modulator	NEMO	0.177	0.518	0.089	0.657
Vascular endothelial growth factor D	VEGFD	<0.001	0.981	0.147	0.742
Poly [ADP-ribose] polymerase 1	PARP1	0.002	0.906	0.180	0.539
Hydroxyacid oxidase 1	HAOX1	0.000	0.431	0.209	0.497
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 14	TNFRSF14	0.014	0.939	0.038	0.928
Low-density lipoprotein receptor	LDL_RC	0.118	0.435	0.438	0.243
Integrin beta-2	ITGB2	0.440	0.955	0.140	0.846

Interleukin-17 receptor A	IL17RA	0.225	0.717	0.061	0.341
Tumor necrosis factor receptor 2	TNFR2	0.006	0.103	0.261	0.571
Matrix metalloproteinase-9	MMP9	0.147	0.139	0.292	0.911
Ephrin type-B receptor 4	EPHB4	0.085	0.473	0.777	0.727
Interleukin-2 receptor subunit alpha	IL2RA	0.001	0.066	0.111	0.667
CD166 antigen	ALCAM	0.000	0.722	0.894	0.890
P-selectin	SELP	0.167	0.631	0.120	0.837
Cystatin-B	CSTB	0.251	0.462	0.069	0.378
Scavenger receptor cysteine-rich type 1 protein M130	CD163	0.002	0.043	0.782	0.811
Granulins	GRN	0.044	0.288	0.739	0.752
N-terminal prohormone brain natriuretic peptide	NT-proBNP	0.000	0.765	0.798	0.686
Perlecan	PLC	0.536	0.280	0.297	0.725
Lymphotoxin-beta receptor	LTBR	0.263	0.710	0.880	0.162
Neurogenic locus notch homolog protein 3	NOTCH3	0.089	0.096	0.159	0.862
Metalloproteinase inhibitor 4	TIMP4	<0.001	0.208	0.461	0.298
Contactin-1	CNTN1	0.000	0.949	0.401	0.336
Cadherin-5	CDH5	0.542	0.374	0.104	0.689
Trem-like transcript 2 protein	TLT2	0.196	0.714	0.820	0.431
Fatty acid-binding protein 4	FABP4	0.000	0.492	0.047	0.818
Tissue factor pathway inhibitor	TFPI	0.413	0.238	0.429	0.023
Plasminogen activator inhibitor 1	PAI	0.069	0.574	0.356	0.605
C-C motif chemokine 24	CCL24	0.008	0.271	0.317	0.679
Transferrin receptor protein 1	TR	0.413	0.205	0.025	0.058
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10C	TNFRSF10C	0.017	0.097	0.720	0.394
Growth/differentiation factor 15	GDF15	<0.001	0.103	0.023	0.313
E-selectin	SELE	<0.001	0.003	0.942	0.253
Protein delta homolog 1	DLK1	0.730	0.656	0.387	0.430
Myeloperoxidase	MPO	0.203	0.035	0.503	0.498
C-X-C motif chemokine 16	CXCL16	0.012	0.625	0.162	0.970
Interleukin-6 receptor subunit alpha	IL6RA	0.609	0.870	0.008	0.323
Resistin	RETN	0.971	0.247	0.023	0.644
Insulin-like growth factor-binding protein 1	IGFBP1	0.000	0.298	0.851	0.896
Chitotriosidase-1	CHIT1	0.827	0.296	0.015	0.703
Tartrate-resistant acid phosphatase type 5	TRAP	0.000	0.062	0.577	0.871
Platelet glycoprotein VI	GP6	0.389	0.244	0.059	0.826
Pulmonary surfactant-associated protein D	PSPD	0.892	0.434	0.196	0.604
Epithelial cell adhesion molecule	EPCAM	0.002	0.442	0.299	0.350
Aminopeptidase N	APN	0.549	0.609	0.657	0.335
Tyrosine-protein kinase receptor UFO	AXL	0.245	0.141	0.296	0.158
Interleukin-1 receptor type 1	IL1RT1	0.592	0.079	0.791	0.333
Matrix metalloproteinase-2	MMP2	0.250	0.667	0.066	0.815
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 6	FAS	0.003	0.872	0.509	0.789
Myoglobin	MB	0.000	0.285	0.013	0.017
Tumor necrosis factor ligand superfamily member 13B	TNFSF13B	0.000	0.280	0.645	0.564
Proprotein convertase subtilisin/kexin type 9	PCSK9	0.003	0.649	0.857	0.184
Urokinase plasminogen activator surface receptor	UPAR	0.855	0.095	0.547	0.345

Osteopontin	OPN	0.117	0.150	0.054	0.852
Peptidoglycan recognition protein 1	PGLYRP1	0.224	0.010	0.151	0.194
Carboxypeptidase A1	CPA1	0.005	0.065	0.952	0.809
Junctional adhesion molecule A	JAMA	0.285	0.350	0.170	0.796
Galectin-4	GAL4	0.948	0.177	0.280	0.069
Interleukin-1 receptor type 2	IL1RT2	<0.001	0.330	0.183	0.157
Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type substrate 1	SHPS1	0.161	0.349	0.251	0.189
C-C motif chemokine 15	CCL15	0.861	0.179	0.540	0.445
Caspase-3	CASP3	0.387	0.247	0.088	0.950
Carboxypeptidase B	CPB1	0.007	0.012	0.838	0.501
Chitinase-3-like protein 1	CHI3L1	0.000	0.069	0.528	0.886
ST2 protein	ST2	0.000	0.081	0.268	0.457
Tissue-type plasminogen activator	TPA	0.000	0.019	0.058	0.662
Secretoglobin family 3A member 2	SCGB3A2	0.141	0.831	0.909	0.289
Epidermal growth factor receptor	EGFR	<0.001	0.870	0.793	0.577
Insulin-like growth factor-binding protein 7	IGFBP7	<0.001	0.054	0.958	0.851
Complement component C1q receptor	CD93	0.327	0.414	0.247	0.474
Interleukin-18-binding protein	IL18BP	<0.001	0.048	0.547	0.843
Collagen alpha-1(I) chain	COL1A1	0.787	0.552	<0.001	0.442
Paraoxonase 3	PON3	<0.001	0.472	0.024	0.046
Cathepsin Z	CTSZ	0.006	0.007	0.137	0.057
Matrix metalloproteinase-3	MMP3	0.000	0.034	0.324	0.935
Retinoic acid receptor responder protein 2	RARRES2	0.002	0.464	0.095	0.269
Intercellular adhesion molecule 2	ICAM2	0.965	0.012	0.592	0.840
Kallikrein-6	KLK6	0.223	0.560	0.293	0.857
Platelet-derived growth factor subunit A	PDGFA	0.983	0.777	0.048	0.471
Tumor necrosis factor receptor 1	TNFR1	0.067	0.223	0.182	0.900
Insulin-like growth factor-binding protein 2	IGFBP2	0.073	0.934	0.278	0.985
von Willebrand factor	VWF	0.085	0.043	0.157	0.731
Platelet endothelial cell adhesion molecule	PECAM1	0.077	0.541	0.145	0.983
Matrix extracellular phosphoglycoprotein	MEPE	<0.001	0.789	0.463	0.506
C-C motif chemokine 16	CCL16	<0.001	0.436	0.400	0.944
Interleukin-8	IL8	0.059	0.788	0.034	0.461
Vascular endothelial growth factor A	VEGFA	0.573	0.844	0.066	0.235
T-cell surface glycoprotein CD8 alpha chain	CD8A	0.257	0.006	0.609	0.103
Monocyte chemotactic protein 3	MCP3	0.345	0.677	0.209	0.625
CUB domain-containing protein 1	CDCP1	0.002	0.085	0.024	0.459
Natural killer cell receptor 2B4	CD244	0.136	0.910	0.023	0.542
Interleukin-7	IL7	0.673	0.783	0.085	0.550
Osteoprotegerin	OPG	0.023	0.419	0.961	0.803
Latency-associated peptide transforming growth factor beta-1	LAP_TGFB1	0.882	0.440	0.140	0.830
Urokinase-type plasminogen activator	UPA	0.056	0.485	0.683	0.452
Interleukin-6	IL6	0.008	0.003	0.073	0.614
Monocyte chemotactic protein 1	MCP1	0.014	0.355	0.996	0.382
C-X-C motif chemokine 11	CXCL11	0.410	0.359	0.023	0.855
Axin-1	AXIN1	0.168	0.482	0.067	0.728

TNF-related apoptosis-inducing ligand	TRAIL	0.109	<0.001	0.548	0.709
C-X-C motif chemokine 9	CXCL9	0.723	0.003	0.062	0.832
Cystatin D	CST5	0.308	0.991	0.326	0.006
Oncostatin-M	OSM	0.023	0.077	0.099	0.941
C-X-C motif chemokine 1	CXCL1	0.605	0.922	0.009	0.336
C-C motif chemokine 4	CCL4	0.011	0.451	0.191	0.126
T cell surface glycoprotein CD6 isoform	CD6	0.529	0.346	0.866	0.489
Transforming growth factor alpha	TGFA	0.380	0.041	0.115	0.663
Monocyte chemotactic protein 4	MCP4	0.340	0.988	0.171	0.398
Eotaxin	CCL11	0.001	0.042	0.830	0.606
Tumor necrosis factor ligand superfamily member 14	TNFSF14	0.285	0.843	0.257	0.836
Matrix metalloproteinase-1	MMP1	0.131	0.787	0.012	0.734
Leukemia inhibitory factor receptor	LIFR	0.263	0.183	0.582	0.189
Fibroblast growth factor 21	FGF21	0.388	0.060	0.167	0.441
C-C motif chemokine 19	CCL19	0.324	0.066	0.308	0.261
Interleukin-15 receptor subunit alpha	IL15RA	0.002	0.021	0.227	0.894
Interleukin-10 receptor subunit beta	IL10RB	0.589	0.147	0.823	0.306
Interleukin-18 receptor 1	IL18R1	0.898	0.004	0.152	0.953
Programmed cell death 1 ligand 1	PDL1	0.000	0.748	0.112	0.960
C-X-C motif chemokine 5	CXCL5	0.023	0.900	0.267	0.546
TNF-related activation-induced cytokine	TRANCE	0.365	0.062	0.321	0.491
Hepatocyte growth factor	HGF	0.136	0.117	0.183	0.341
Interleukin-12 subunit beta	IL12B	<0.001	0.166	0.371	0.472
Matrix metalloproteinase-10	MMP10	0.033	0.021	0.236	0.613
Interleukin-10	IL10	0.238	0.005	0.074	0.145
Tumor necrosis factor	TNF	0.948	0.007	0.007	0.273
C-C motif chemokine 23	CCL23	0.591	0.938	0.175	0.609
T-cell surface glycoprotein CD5	CD5	0.091	0.025	0.370	0.744
C-C motif chemokine 3	CCL3	0.001	0.064	0.085	0.121
Fms-related tyrosine kinase 3 ligand	FLT3L	0.014	0.770	0.598	0.360
C-X-C motif chemokine 6	CXCL6	0.268	0.814	0.004	0.325
C-X-C motif chemokine 10	CXCL10	0.718	0.388	0.045	0.533
Eukaryotic translation initiation factor 4E-binding protein 1	4EBP1	0.018	0.874	0.013	0.324
SIR2-like protein 2	SIRT2	0.834	0.357	0.080	0.776
C-C motif chemokine 28	CCL28	0.792	0.051	0.025	0.342
Delta and Notch-like epidermal growth factor-related receptor	DNER	0.572	0.512	0.004	0.237
Protein S100-A12	ENRAGE	0.007	0.079	0.237	0.744
CD40L receptor	CD40	0.404	0.351	0.088	0.632
Interferon gamma	IFNG	0.808	0.196	0.866	0.832
Fibroblast growth factor-19	FGF19	0.131	0.799	0.390	0.162
Monocyte chemotactic protein 2	MCP2	0.137	0.398	0.001	0.432
Caspase-8	CASP8	0.057	0.933	0.019	0.795
C-C motif chemokine 25	CCL25	0.776	0.002	0.233	0.362
Fractalkine	CX3CL1	0.481	0.404	0.372	0.866
Tumor necrosis factor receptor superfamily member 9	TNFRSF9	0.400	0.003	0.676	0.813
Neurotrophin-3	NT3	0.125	0.712	0.560	0.806

Tumor necrosis factor (Ligand) superfamily, member 12
C-C motif chemokine 20
Sulfotransferase 1A1
STAM-binding protein
Adenosine Deaminase
TNF-beta
Macrophage colony-stimulating factor 1

TWEAK	0.034	0.806	0.868	0.017
CCL20	0.334	0.006	0.119	0.968
ST1A1	0.292	0.457	0.094	0.725
STAMBP	0.375	0.382	0.071	0.560
ADA	0.019	0.656	0.108	0.237
TNFB	<0.001	0.044	0.655	0.109
CSF1	<0.001	0.022	0.192	0.816

P = *p-value*

Glucose-lowering drugs	Non-steroidal anti-inflammatory drugs	Angiotensin antagonists	Angiotensin-converting enzyme inhibitors	Calcium antagonists	Beta-blockers	Smoking status
0.025	0.649	0.961	0.497	0.347	0.205	0.746
0.933	0.186	0.237	0.161	0.324	0.289	0.163
0.823	0.338	0.144	0.112	0.094	0.007	0.652
0.898	0.831	0.804	0.685	0.345	0.085	0.162
0.062	0.135	0.048	0.840	0.129	0.282	0.002
0.444	0.726	0.972	0.561	0.600	0.023	0.269
0.693	0.222	0.116	0.693	0.410	0.852	0.124
0.028	0.146	0.005	0.518	0.886	0.239	0.948
0.257	0.688	0.978	0.781	0.440	0.493	0.730
<0.001	0.756	0.406	0.008	0.068	0.418	0.750
0.011	0.900	0.611	0.200	0.020	0.193	0.269
0.267	0.727	0.469	0.294	0.085	0.512	0.461
0.115	0.491	0.877	0.143	0.572	0.397	0.991
0.378	0.736	0.765	0.116	0.047	0.223	0.357
0.681	0.934	0.494	0.039	0.170	0.525	0.799
0.391	0.067	0.209	0.651	0.006	0.134	0.001
0.515	0.638	0.155	0.856	0.994	0.033	0.249
0.044	0.825	0.108	0.598	0.861	0.345	0.567
0.272	0.639	0.359	0.967	0.570	0.544	0.316
0.844	0.268	0.989	0.027	0.986	0.608	0.038
0.721	0.244	0.545	0.058	0.206	0.599	0.222
0.592	0.450	0.121	0.188	0.464	0.393	0.057
0.320	0.393	0.467	0.923	0.862	0.677	0.163
0.013	0.023	0.542	0.347	0.504	0.389	0.094
0.002	0.543	0.970	0.179	0.063	0.475	0.717
0.015	0.566	0.267	0.963	0.192	0.549	0.051
0.607	0.313	0.393	0.157	0.767	0.066	0.004
0.104	0.503	0.028	0.467	0.067	0.963	0.019
0.616	0.086	0.078	0.160	0.965	0.061	0.003
0.014	0.564	0.622	0.255	0.080	0.661	0.318
0.281	0.370	0.107	0.831	0.487	0.886	0.437
0.674	0.284	0.481	0.188	0.647	0.631	0.099
0.035	0.814	0.978	0.086	0.170	0.014	0.734
0.815	0.273	0.853	0.807	0.919	0.281	0.577
0.010	0.179	0.677	0.609	0.458	0.553	<0.001
0.456	0.489	0.438	0.763	0.106	0.119	0.131
0.878	0.750	0.276	0.141	0.054	0.704	0.239
0.845	0.411	0.746	0.349	0.297	0.345	0.029
0.051	0.738	0.701	0.680	0.818	0.428	0.481
<0.001	0.956	0.868	0.002	0.749	0.047	<0.001
0.353	0.588	0.199	0.428	0.032	0.667	0.143
0.914	0.591	0.208	0.555	0.682	0.867	0.096

0.009	0.139	0.291	0.159	0.011	0.338	0.238
0.031	0.228	0.985	0.848	0.851	0.064	0.526
0.157	0.663	0.379	0.881	0.134	0.499	0.293
0.531	0.773	0.691	0.519	0.172	0.050	0.003
0.005	0.200	0.887	0.246	0.284	0.002	0.023
0.434	0.776	0.701	0.398	0.411	0.069	0.782
0.086	0.972	0.036	0.219	0.118	0.495	0.086
0.300	0.903	0.015	0.911	0.299	0.256	0.019
0.040	0.220	0.987	0.053	0.147	0.304	0.539
0.047	0.692	0.911	0.432	0.633	0.109	0.463
0.039	0.052	0.752	0.080	0.251	0.131	0.030
0.364	0.560	0.632	0.072	0.848	0.388	0.656
0.005	0.728	0.785	0.485	0.478	0.784	<0.001
0.495	0.780	0.510	0.101	0.319	0.815	0.570
0.649	0.235	0.007	0.899	0.120	0.082	0.105
0.532	0.378	0.285	0.068	0.514	0.027	0.997
0.314	0.940	0.538	0.183	0.173	0.436	0.236
0.149	0.133	0.151	0.264	0.472	0.210	0.225
0.753	0.369	0.817	0.151	0.353	0.252	0.149
0.022	0.908	0.601	0.174	0.532	0.742	0.000
0.152	0.563	0.985	0.784	0.402	0.337	0.000
0.130	0.481	0.444	0.406	0.460	0.136	0.199
0.768	0.506	0.233	0.182	0.128	0.629	0.418
0.120	0.631	0.802	0.245	0.817	0.707	0.253
0.465	0.217	0.758	0.678	0.045	0.527	0.100
0.609	0.493	0.292	0.121	0.192	0.269	0.116
0.275	0.613	0.948	0.282	0.584	0.087	0.603
0.003	0.485	0.728	0.500	0.936	0.834	0.415
0.878	0.180	0.019	0.277	0.386	0.074	<0.001
0.003	0.118	0.086	0.751	0.038	0.917	<0.001
0.002	0.146	0.613	0.547	0.135	0.613	0.182
0.198	0.619	0.403	0.011	0.049	0.710	0.858
0.735	0.920	0.218	0.407	0.404	0.679	0.019
0.410	0.388	0.218	0.409	0.148	0.028	0.321
0.229	0.969	0.427	0.500	0.461	0.380	0.190
0.910	0.712	0.231	0.031	0.198	0.023	0.000
0.025	0.394	0.202	0.786	0.028	0.082	0.009
0.090	0.786	0.993	0.530	0.120	0.523	0.126
0.018	0.187	0.834	0.338	0.008	0.136	0.256
0.443	0.502	0.201	0.341	0.083	0.736	0.382
0.448	0.748	0.918	0.815	0.908	0.979	0.004
0.110	0.285	0.847	0.054	0.260	0.700	0.468
0.002	0.964	0.030	0.722	0.891	0.794	0.067
0.082	0.087	0.671	0.278	0.128	0.825	0.917
0.547	0.222	0.665	0.458	0.149	0.266	0.318
0.006	0.302	0.005	0.785	0.920	0.339	0.548

0.140	0.030	0.375	0.040	0.794	0.369	0.607
0.006	0.055	0.360	0.967	0.133	0.425	0.603
0.050	0.025	0.703	0.241	0.899	0.801	0.073
0.154	0.137	0.734	0.430	0.844	0.941	0.546
0.352	0.009	0.798	0.487	0.048	0.528	<0.001
0.828	0.191	0.561	0.319	0.427	0.473	0.083
0.661	0.235	0.924	0.186	0.178	0.466	0.685
0.085	0.462	0.634	0.059	0.042	0.242	0.550
0.153	0.135	0.416	0.651	0.473	0.178	0.478
0.045	0.016	0.840	0.178	0.390	0.278	0.593
0.160	0.023	0.957	0.531	0.269	0.000	0.043
0.735	0.046	0.193	0.313	0.514	0.053	0.087
0.640	0.048	0.664	0.463	0.848	0.392	0.221
0.406	0.042	0.775	0.403	0.393	0.969	0.075
0.601	0.321	0.225	0.129	0.572	0.239	0.291
0.783	0.316	0.163	0.559	0.046	0.436	0.176
0.163	0.721	0.345	0.445	0.714	0.714	0.670
0.408	0.078	0.445	0.540	0.712	0.470	0.122
0.878	0.669	0.185	0.051	0.084	0.006	0.002
0.163	0.508	0.180	0.561	0.438	0.734	0.066
0.480	0.016	0.393	0.189	0.322	0.976	0.894
0.706	0.354	0.667	0.995	0.261	0.934	0.669
0.007	0.330	0.647	<0.001	0.291	0.186	0.036
0.259	0.159	0.826	0.568	0.948	0.131	0.205
<0.001	0.299	0.088	0.219	0.031	0.053	<0.001
0.021	0.118	0.273	0.634	0.208	0.907	0.236
0.737	0.292	0.887	0.333	0.217	0.620	0.052
0.061	0.075	0.053	0.037	0.393	0.189	0.962
0.215	0.181	0.946	0.820	0.392	0.944	0.149
0.557	0.014	0.038	0.278	0.425	0.087	0.600
0.083	0.182	0.657	0.003	0.105	0.102	0.501
<0.001	0.310	0.579	0.081	0.715	0.993	<0.001
0.108	0.006	0.479	0.261	0.893	0.305	0.734
0.335	0.380	0.494	0.583	0.429	0.456	0.002
0.958	0.537	0.655	0.070	0.252	0.500	0.772
0.220	0.035	0.126	0.063	0.380	0.935	0.100
0.168	0.324	0.414	0.702	0.436	0.518	0.942
0.306	0.417	0.468	0.707	0.570	0.879	0.253
0.059	0.007	0.790	0.848	0.332	0.803	0.097
0.021	0.135	0.687	0.416	0.989	0.370	0.196
0.955	0.236	0.860	0.991	0.485	0.704	0.335
0.308	0.053	0.760	0.636	0.815	0.511	0.015
0.416	0.891	0.959	0.054	0.183	0.053	0.013
0.268	0.045	0.094	0.971	0.844	0.176	0.126
0.188	0.567	0.640	0.041	0.925	0.974	0.169
0.063	0.011	0.898	0.650	0.228	0.134	<0.001

0.823	0.011	0.240	0.692	0.230	0.598	0.166
0.079	0.070	0.769	0.109	0.570	0.057	0.223
0.108	0.728	0.051	0.495	0.567	0.237	0.009
0.811	0.234	0.847	0.148	0.206	0.858	0.793
0.036	0.535	0.647	0.930	0.006	0.004	0.045
0.079	0.392	0.252	0.515	0.565	0.322	0.093
0.086	0.024	0.640	0.541	0.996	0.615	0.441
0.820	0.551	0.056	0.950	0.243	0.119	0.008
0.655	0.478	0.972	0.144	0.311	0.474	0.794
0.063	0.863	0.097	0.856	0.945	0.104	0.177
0.003	0.397	0.533	0.174	0.161	0.942	0.002
<0.001	0.015	0.196	0.157	0.016	0.200	0.025
0.284	0.084	0.894	0.059	0.196	0.288	0.007
0.465	0.921	0.076	0.073	0.891	0.442	<0.001
0.614	0.474	0.057	0.756	0.036	0.268	0.110
0.394	0.020	0.121	0.876	0.837	0.044	0.031
0.359	0.053	0.628	0.200	0.513	0.729	0.048
0.008	0.053	0.375	0.516	0.484	0.918	0.137
0.033	0.013	0.186	0.208	0.879	0.085	0.543
0.018	0.621	0.456	0.026	0.030	0.089	0.111
0.003	0.763	0.734	0.189	0.430	0.757	0.006
0.131	0.127	0.430	0.911	0.018	0.160	<0.001
0.332	0.016	0.346	0.003	0.079	0.060	0.772
0.088	0.206	0.864	0.045	0.800	0.160	0.566
0.161	0.317	0.113	0.583	0.488	0.312	0.080
0.571	0.071	0.376	0.131	0.201	0.531	0.207
0.012	0.040	0.732	0.853	0.272	0.200	0.261
0.309	0.298	0.609	0.227	0.670	0.711	0.064
0.010	0.139	0.314	0.025	0.596	0.578	0.198
0.803	0.362	0.939	0.138	0.222	0.865	0.850
0.184	0.705	0.736	0.291	0.671	0.517	0.063
0.612	0.330	0.346	0.532	0.656	0.019	<0.001
0.003	0.084	0.847	0.138	0.247	0.522	0.707
0.010	0.260	0.507	0.063	0.189	0.449	0.856
0.438	0.823	0.225	0.846	0.242	0.477	0.958
0.964	0.029	0.760	0.048	0.136	0.255	0.123
0.020	0.734	0.081	0.010	0.420	0.161	0.565
0.170	0.759	0.337	0.046	0.261	0.978	0.126
0.462	0.599	0.970	0.034	0.308	0.748	0.025
0.004	0.363	0.043	0.253	0.390	0.984	0.448
0.135	0.585	0.526	0.240	0.267	0.193	0.243
0.197	0.431	0.267	0.278	0.149	0.830	0.211
0.012	0.127	0.959	0.084	0.010	0.012	0.164
0.056	0.249	0.779	0.556	0.862	0.696	0.556
0.161	0.528	0.588	0.037	0.195	0.540	0.104
0.555	0.874	0.474	0.169	0.178	0.736	0.749

0.395	0.609	0.496	0.775	0.656	0.059	0.183
0.607	0.463	0.302	0.169	0.316	0.170	0.081
0.063	0.110	0.783	0.223	0.242	0.032	0.029
0.019	0.395	0.864	0.083	0.428	0.802	0.041
0.606	0.344	0.890	0.025	0.029	0.560	0.394
0.236	0.455	0.379	0.156	0.128	0.368	0.084
0.216	0.642	0.855	0.556	0.634	0.914	0.201
0.018	0.505	0.892	0.608	0.254	0.100	0.677
0.902	0.785	0.788	0.101	0.075	0.323	0.270
0.320	0.947	0.233	0.674	0.224	0.980	0.238
0.233	0.432	0.832	0.079	0.487	0.300	0.475
0.750	0.773	0.425	0.052	0.053	0.425	0.974
0.001	0.868	0.030	0.267	0.751	0.985	0.122
0.760	0.984	0.566	0.834	0.732	0.191	<0.001
0.629	0.342	0.957	0.881	0.179	0.936	0.919
0.155	0.758	0.190	0.640	0.290	0.433	0.912
0.591	0.595	0.417	0.552	0.697	0.864	0.885
<0.001	0.255	0.029	0.047	0.452	0.475	0.114
0.008	0.782	0.295	0.211	0.284	0.755	0.506
0.701	0.874	0.868	0.080	0.413	0.928	0.176
0.079	0.064	0.124	0.393	0.190	0.250	0.976
0.008	0.310	0.800	0.046	0.126	0.321	0.139
0.091	0.743	0.018	0.143	0.342	0.433	0.000
0.144	0.142	0.375	0.466	0.329	0.459	0.000
0.722	0.758	0.021	0.096	0.782	0.534	0.330
0.109	0.185	0.250	0.024	0.077	0.056	0.483
0.704	0.202	0.310	0.838	0.929	0.413	0.019
0.181	0.874	0.689	0.172	0.381	0.735	0.056
0.116	0.380	0.446	0.180	0.175	0.566	0.550
0.009	0.354	0.059	0.666	0.055	0.714	0.565
0.266	0.454	0.819	0.008	0.278	0.962	0.113
0.696	0.249	0.129	0.557	0.621	0.374	0.059
0.245	0.695	0.989	0.034	0.192	0.760	0.815
0.940	0.734	0.821	0.135	0.262	0.406	0.502
0.364	0.595	0.282	0.208	0.724	0.661	0.394
0.676	0.231	0.034	0.281	0.601	<0.001	0.830
0.014	0.090	0.137	0.181	0.471	0.408	0.546
0.866	0.789	0.297	0.210	0.129	0.498	0.634
0.018	0.409	0.050	0.956	0.543	0.487	0.485
0.062	0.870	0.537	0.636	0.626	0.784	0.093
0.026	0.406	0.790	0.196	0.283	0.212	0.044
0.023	0.288	0.444	0.029	0.574	0.355	0.862
0.173	0.660	0.796	0.223	0.877	0.286	0.138
0.059	0.841	0.333	0.251	0.656	0.578	0.425
0.750	0.377	0.021	0.737	0.332	0.259	0.398
0.727	0.630	0.355	0.094	0.709	0.288	0.016

0.855	0.516	0.477	0.510	0.171	0.436	<0.001
0.618	0.927	0.832	0.866	0.390	0.565	0.045
0.854	0.847	0.922	0.110	0.373	0.455	0.611
0.890	0.826	0.616	0.105	0.222	0.559	0.596
0.006	0.325	0.366	0.068	0.662	0.410	0.880
0.588	0.331	0.607	0.160	0.183	0.309	0.101
0.036	0.717	0.076	0.362	0.608	0.641	0.783

Glucose tolerance group

0.021
0.849
0.079
0.709
0.017
0.763
0.208
0.575
0.538
<0.001
0.007
0.457
<0.001
0.14
0.811
0.022
0.242
0.013
0.09
0.104
0.705
0.892
0.048
0.006
<0.001
0.137
<0.001
0.003
0.884
<0.001
0.551
0.754
0.194
0.893
0.007
0.263
0.716
0.416
0.276
<0.001
0.752
0.598

0.008
<0.001
0.133
0.611
0.002
0.489
<0.001
0.092
0.082
0.132
0.044
0.567
0.003
0.967
0.76
0.37
0.799
0.494
0.837
<0.001
0.012
0.008
0.501
0.098
0.437
0.299
0.002
0.004
0.569
< 0.001
0.009
0.276
0.062
0.08
0.762
0.116
<0.001
0.288
0.022
0.69
0.003
0.21
<0.001
0.143
0.212
0.021

0.114
0.011
0.074
0.419
0.321
0.839
0.686
0.079
<0.001
0.321
0.02
0.424
0.527
0.593
0.051
0.606
0.243
0.504
0.223
0.162
0.046
0.992
0.029
0.069
0.003
<0.001
0.376
0.135
0.223
0.385
0.116
<0.001
0.501
0.002
0.844
0.473
0.503
0.537
0.141
0.12
0.224
0.415
0.216
0.385
0.49
0.176

0.8
0.662
0.815
0.852
<0.001
0.003
0.044
0.55
0.804
0.746
<0.001
<0.001
0.067
0.002
0.567
0.215
0.043
0.031
0.028
<0.001
<0.001
0.277
0.062
0.125
0.093
0.727
0.004
<0.001
<0.001
0.616
0.015
0.048
<0.001
0.011
0.423
0.031
<0.001
0.284
0.683
0.002
0.223
0.572
<0.001
0.096
0.232
0.795

0.056
0.389
0.537
0.002
0.698
0.028
0.381
0.018
0.721
0.436
0.072
0.617
0.02
<0.001
0.186
0.404
0.512
<0.001
0.047
0.774
0.22
<0.001
0.129
0.068
0.333
0.091
0.329
0.278
0.005
0.051
0.227
0.016
0.386
0.88
0.517
0.229
0.059
0.874
0.043
0.152
0.04
0.016
0.177
0.042
0.994
0.05

<0.001
0.114
0.937
0.873
0.04
0.745
0.216

Table S14: Bivariable association of CAND-HRV indices and categorical covariates of S4-FF4 study sample

Kruskal–Wallis rank-sum test *P*

CAND-HRV indices

Rényi entropy of the histogram with order (alpha) 4, baseline
Total power of the density spectra, baseline
Standard deviation of word sequence, baseline
Standard deviation of the short-term normal-to-normal interval variability, baseline
Compression entropy, baseline
Rényi entropy of the histogram with order (alpha) 4, follow-up
Total power of the density spectra, follow-up
Standard deviation of word sequence, follow-up
Standard deviation of the short-term normal-to-normal interval variability, follow-up
Compression entropy, follow-up

Abbreviations	Sex	Physical activity	Diuretics	Statins	Glucose-lowering drugs
Rényi4, baseline	0.184	0.062	0.179	0.872	0.978
TP, baseline	0.063	0.083	0.6	0.478	0.971
SDWS, baseline	0.08	0.065	0.546	0.554	0.661
SDSA,baseline	0.449	0.433	0.326	0.578	0.573
CE, baseline	0.409	0.515	0.111	0.545	0.387
Rényi4, follow-up	0.616	0.281	0.741	0.409	0.897
TP, follow-up	0.647	0.376	0.948	0.635	0.847
SDWS, follow-up	0.465	0.39	0.731	0.613	0.883
SDSA, follow-up	0.02	0.906	0.144	0.592	0.916
CE, follow-up	0.016	0.713	0.396	0.411	0.794

P = *p-value*

Non-steroidal anti-inflammatory drugs	Angiotensin antagonists	Angiotensin-converting enzyme inhibitors	Calcium antagonists	Beta-blockers	Smoking status	Glucose tolerance group
0.194	0.092	0.54	0.908	0.811	0.27	0.734
0.474	0.096	0.71	0.888	0.259	0.687	0.984
0.399	0.287	0.51	0.981	0.005	0.268	0.968
0.319	0.588	0.808	0.428	0.236	0.471	0.879
0.201	0.311	0.666	0.952	0.998	0.595	0.875
0.413	0.206	0.356	0.456	0.467	0.532	0.17
0.342	0.121	0.449	0.705	0.432	0.84	0.144
0.482	0.21	0.784	0.822	0.174	0.992	0.678
0.63	0.915	0.446	0.646	0.634	0.355	0.565
0.159	0.809	0.718	0.843	0.797	0.231	0.394

Table S15: Robust predictor variables of power in very low frequency, low frequency, and high frequency ranges

S4 study sample

VLF

- 1 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
- 2 LipoCVD II lipase

LF

- 1 Receptor for advanced glycosylation end products
- 2 LipoCVD II lipase
- 3 TNF-related activation-induced cytokine
- 4 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
- 5 Vascular endothelial growth factor D
- 6 Interleukin-2 receptor subunit alpha
- 7 Tyrosine-protein kinase receptor UFO

HF

- 1 Receptor for advanced glycosylation end products
- 2 Vascular endothelial growth factor D
- 3 TNF-related activation-induced cytokine
- 4 Tyrosine-protein kinase receptor UFO
- 5 LipoCVD II lipase
- 6 Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b
- 7 Scavenger receptor cysteine-rich type 1 protein M130

S4-FF4 study sample

VLF

- 1 Myoglobin
- 2 Monocyte chemotactic protein 3
- 3 Thrombospondin-2
- 4 Interleukin-4 receptor subunit alpha

LF

- 1 Monocyte chemotactic protein 3

HF

- 1 Hemoglobin A1c

*Observed in Total power

LVF = Power in the very low frequency range

LF = Power in the low frequency range

HF = Power in the high frequency range

Abbreviations

IGGFC*
LPL*

RAGE
LPL*
TRANCE*
IGGFC*
VEGFD*
IL2RA*
AXL*

RAGE
VEGFD*
TRANCE*
AXL*
LPL*
IGGFC*
CD163

Abbreviations

MB*
MCP3
THBS2
IL4RA

MCP3

HbA1c

Table S16: Effect estimates of the “best” performing models of power in the very low, low, and high frequency range

S4 study sample

Regression coefficients (β) (95% confidence intervals); <i>P</i>.perm	Abbreviations	LVF, ms²	LF, ms²	HF, ms²
Low affinity immunoglobulin gamma Fc region receptor II-b	IGGFC*	-73.05 (-179.58, 33.49); 0.403	-21.35 (-53.72, 11.03); 0.403	14.46 (-45.86, 74.79); 0.706
LipoCVD II lipase	LPL*	3.94 (-102.6, 110.48); 1	10.86 (-24.74, 46.45); 0.961	-7.87 (-74.58, 58.85); 1
Receptor for advanced glycosylation end products	RAGE		-8.49 (-48.94, 32); 0.548	-7.04 (-84.11, 70.03); 1
TNF-related activation-induced cytokine	TRANCE*		-0.22 (-32.67, 32.23); 1	-35.24 (-95.83, 25.35); 0.112
Vascular endothelial growth factor D	VEGFD*		-0.3 (-36.41, 35.8); 1	-13.46 (-82.17, 55.25); 0.941
Interleukin-2 receptor subunit alpha	IL2RA*		5.03 (-31.63, 41.7); 0.941	
Tyrosine-protein kinase receptor UFO	AXL*		-25.77 (-62.25, 10.71); 0.298	-3.02 (-81.2, 75.17); 1
Scavenger receptor cysteine-rich type 1 protein M130	CD163			-43.78 (-121.17, 33.6); 0.114

S4-FF4 study sample

Regression coefficients (β) (95% confidence intervals); <i>p-value</i>.perm	Abbreviations	LVF, ms²	LF, ms²	HF, ms²
Myoglobin	MB*	6.4 (-13.57, 26.36); 0.353		
Monocyte chemotactic protein 3	MCP3	-6.93 (-27.27, 13.42); 0.312	-2.25 (-10.7, 6.21); 0.489	
Thrombospondin-2	THBS2	-12.8 (-34, 8.39); 0.064		
Interleukin-4 receptor subunit alpha	IL4RA	17.2 (-3.69, 38.09); 0.076		
Hemoglobin A1c	HbA1c			-3.78 (-8.42, 0.85); 0.057

*Observed in Total power

LVF = Power in the very low frequency range

LF = Power in the low frequency range

HF = Power in the high frequency range

P.perm = Permutated p-values

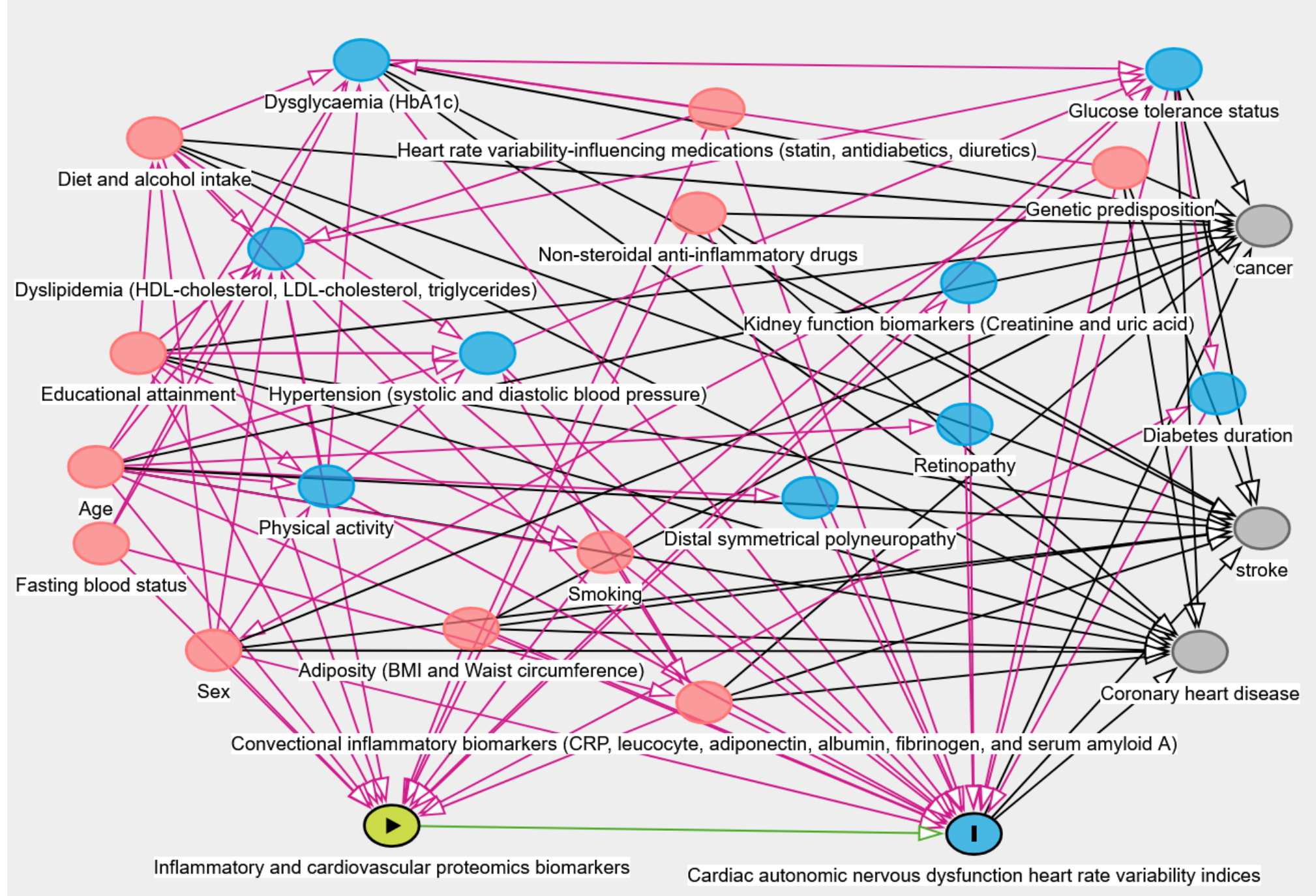


Figure S1: Directed acyclic graph of minimal sufficient adjustment set of confounders